



Full wwPDB EM Validation Report ⓘ

Aug 8, 2026 – 09:51 AM EDT

PDB ID : 11ML / pdb_000011ml
EMDB ID : EMD-75837
Title : Bacteriophage Goslar Empty Capsid Asymmetric Unit
Authors : Basu, D.; Gu, Y.; Corbett, K.D.
Deposited on : 2026-03-05
Resolution : 5.16 Å(reported)

This is a Full wwPDB EM Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/EMValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

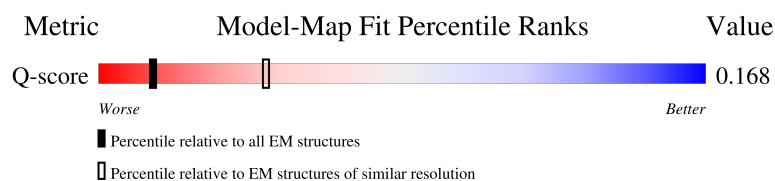
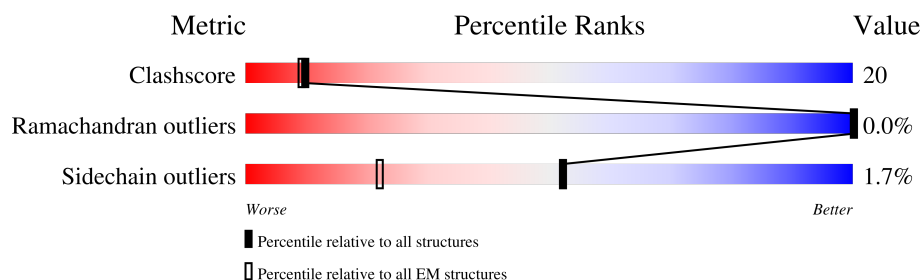
EMDB validation analysis : 0.0.1.dev133
MolProbity : 4-5-2 with Phenix2.0
Percentile statistics : 20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
EM percentile statistics : 202505.v01 (Using data in the EMDB archive up until May 2025)
MapQ : 1.9.13
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.50

1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:
ELECTRON MICROSCOPY

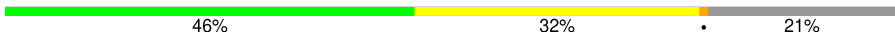
The reported resolution of this entry is 5.16 Å.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



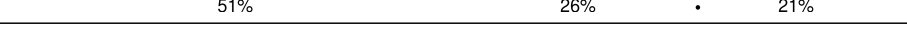
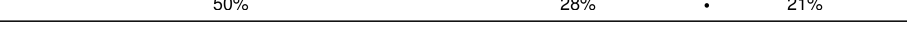
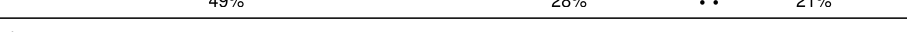
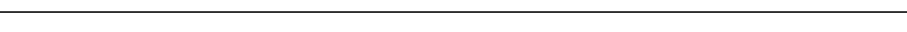
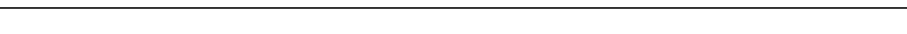
Metric	Whole archive (#Entries)	EM structures (#Entries)	Similar EM resolution (#Entries, resolution range(Å))
Clashscore	229148	23984	-
Ramachandran outliers	224038	23583	-
Sidechain outliers	223484	23102	-
Q-score	-	25397	690 (4.66 - 5.65)

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the map. The red, orange, yellow and green segments of the bar indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria respectively. A grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$. The upper red bar (where present) indicates the fraction of residues that have poor fit to the EM map (all-atom inclusion $< 40\%$). The numeric value is given above the bar.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A0	740	 46% 32% • 21%
1	A1	740	 46% 32% • 21%
1	A2	740	 52% 26% • 21%
1	A3	740	 52% 26% 21%

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A4	740	
1	A5	740	
1	A6	740	
1	A7	740	
1	A8	740	
1	A9	740	
1	Ar	740	
1	As	740	
1	At	740	
1	Au	740	
1	Av	740	
1	Aw	740	
1	Ax	740	
1	Ay	740	
1	Az	740	
1	BA	740	
1	BB	740	
1	BC	740	
1	BD	740	
1	BE	740	
1	BF	740	
1	BG	740	
1	BH	740	
2	B	104	
3	G	212	

2 Entry composition [i](#)

There are 3 unique types of molecules in this entry. The entry contains 127476 atoms, of which 0 are hydrogens and 0 are deuteriums.

In the tables below, the AltConf column contains the number of residues with at least one atom in alternate conformation and the Trace column contains the number of residues modelled with at most 2 atoms.

- Molecule 1 is a protein called Major capsid protein.

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf	Trace
1	A0	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	A1	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	A2	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	A3	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	A4	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	A5	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	A6	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	A7	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	A8	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	A9	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	Ar	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	As	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	At	576	Total	C	N	O	S	0	0
			4593	2902	799	875	17		
1	Au	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	Av	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	Aw	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	Ax	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf	Trace
1	Ay	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	Az	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	BA	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	BB	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	BC	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	BD	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	BE	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	BF	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	BG	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		
1	BH	583	Total	C	N	O	S	0	0
			4651	2939	809	886	17		

- Molecule 2 is a protein called Capsid Latch gp146.

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf	Trace
2	B	96	Total	C	N	O	S	0	0
			759	470	137	150	2		

- Molecule 3 is a protein called Capsid Decorator gp77.

Mol	Chain	Residues	Atoms					AltConf	Trace
3	G	147	Total	C	N	O	S	0	0
			1198	763	212	216	7		

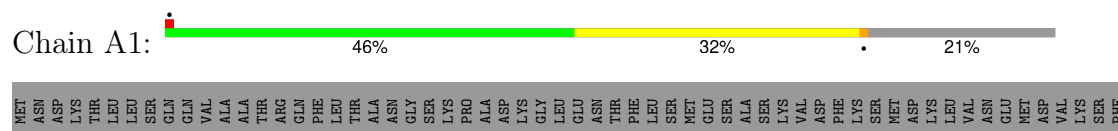
3 Residue-property plots

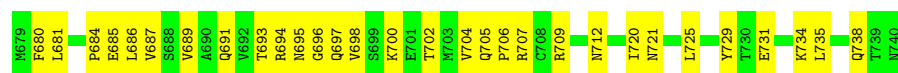
These plots are drawn for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic for a chain summarises the proportions of the various outlier classes displayed in the second graphic. The second graphic shows the sequence view annotated by issues in geometry and atom inclusion in map density. Residues are color-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. A red diamond above a residue indicates a poor fit to the EM map for this residue (all-atom inclusion < 40%). Stretches of 2 or more consecutive residues without any outlier are shown as a green connector. Residues present in the sample, but not in the model, are shown in grey.

• Molecule 1: Major capsid protein



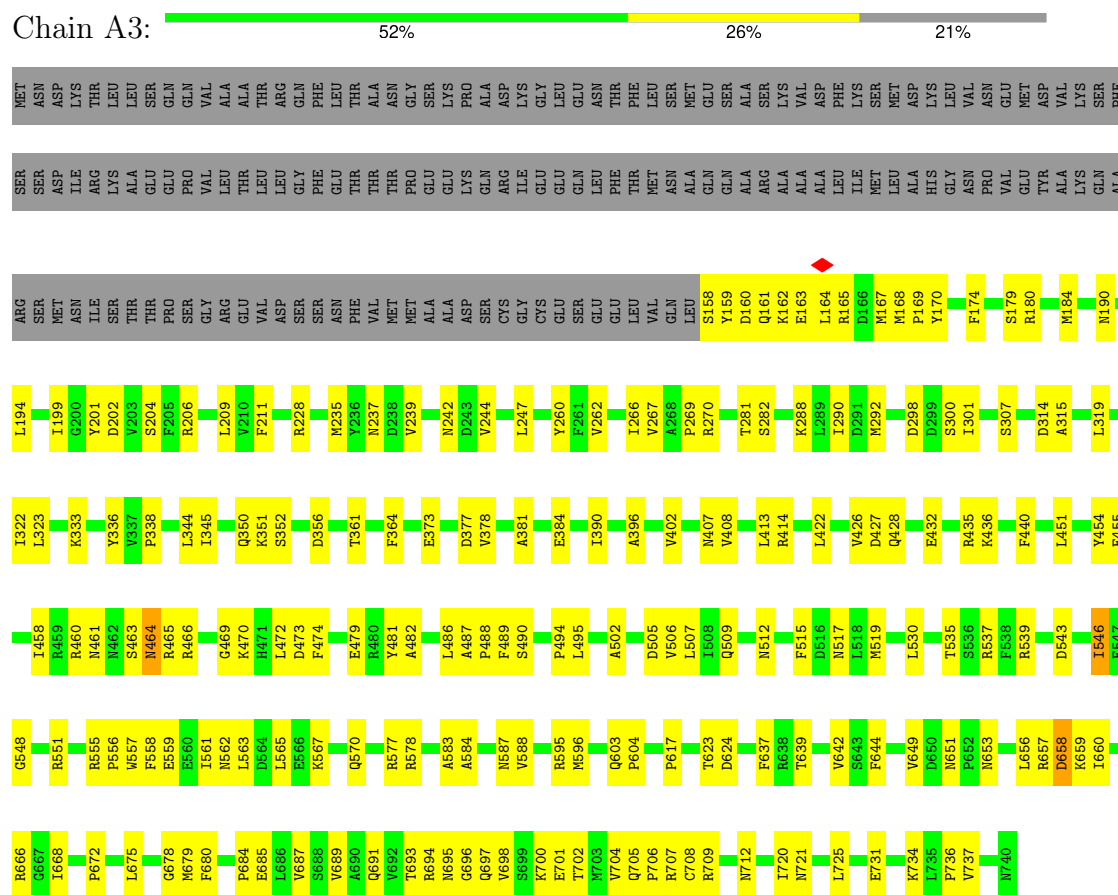
• Molecule 1: Major capsid protein





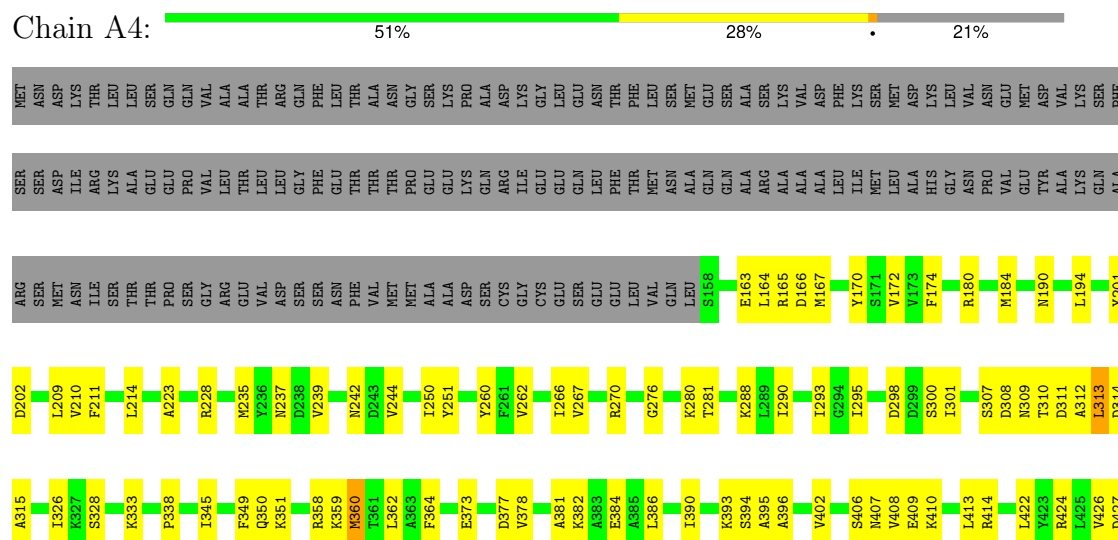
• Molecule 1: Major capsid protein

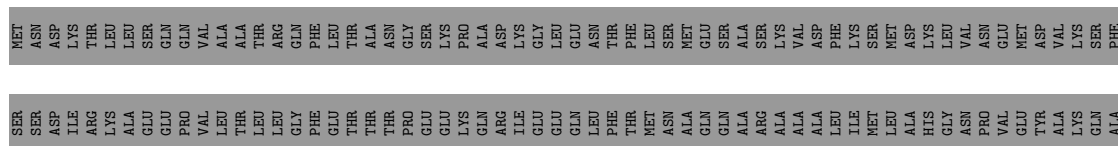
Chain A3:

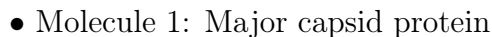


• Molecule 1: Major capsid protein

Chain A4:





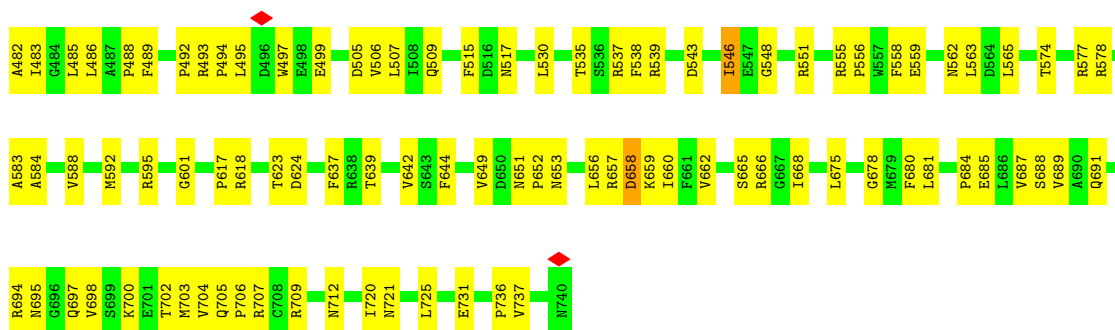


Response	Percentage
Yes	49%
No	29%
Don't know	21%

- Molecule 1: Major capsid protein

Response	Percentage
Yes	47%
No	31%
Don't know	21%

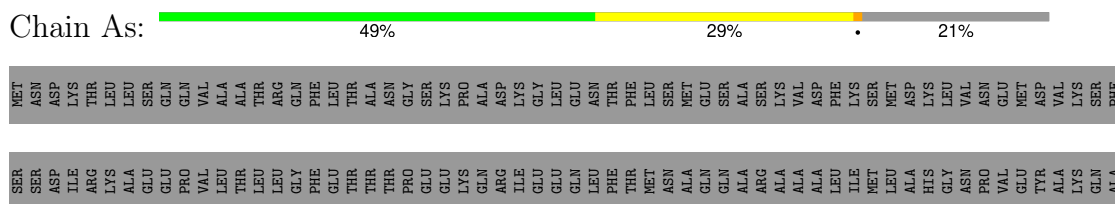


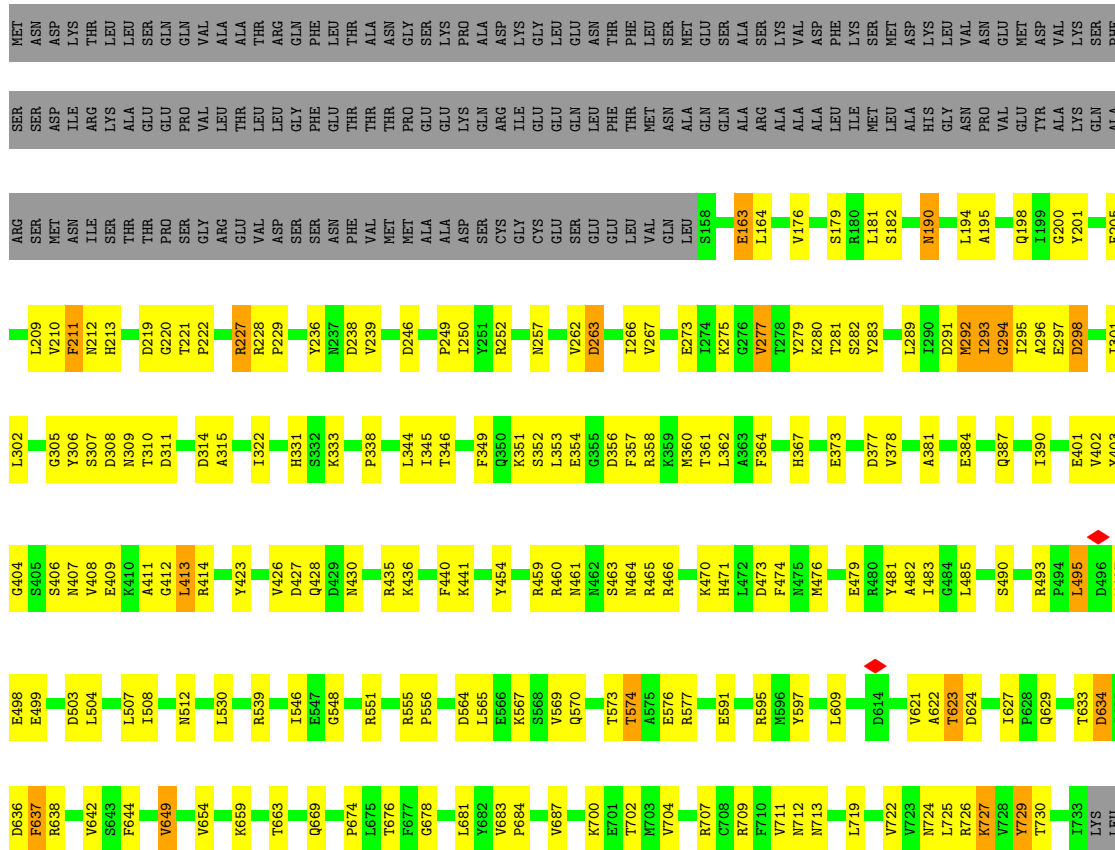


- Molecule 1: Major capsid protein



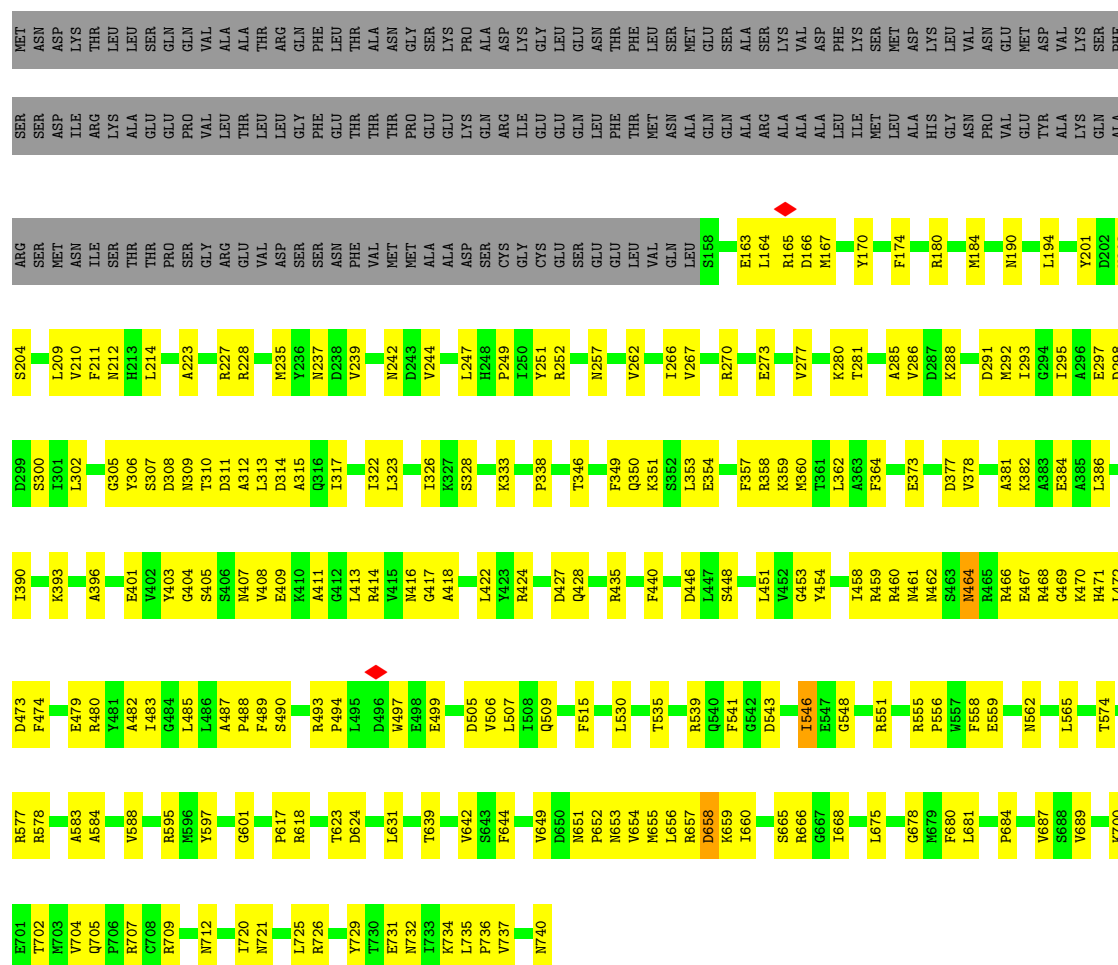
- Molecule 1: Major capsid protein





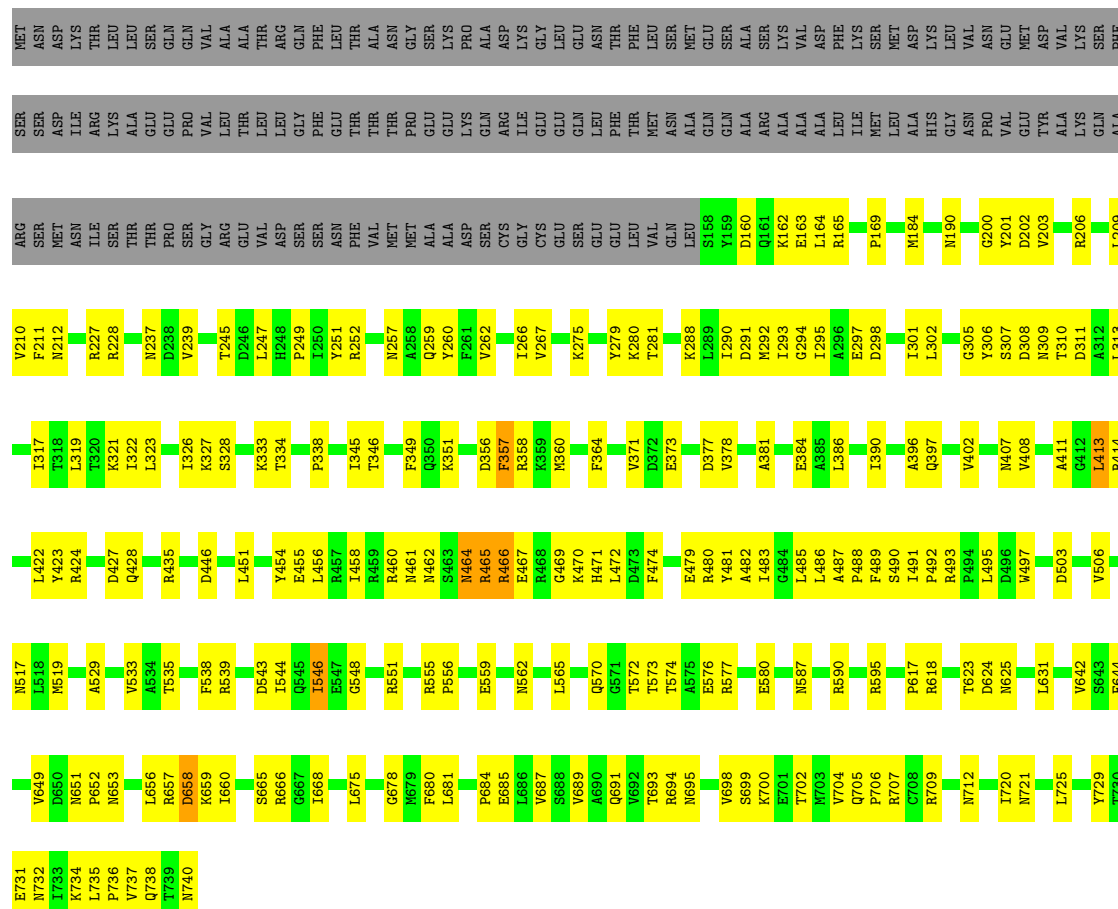


- Molecule 1: Major capsid protein



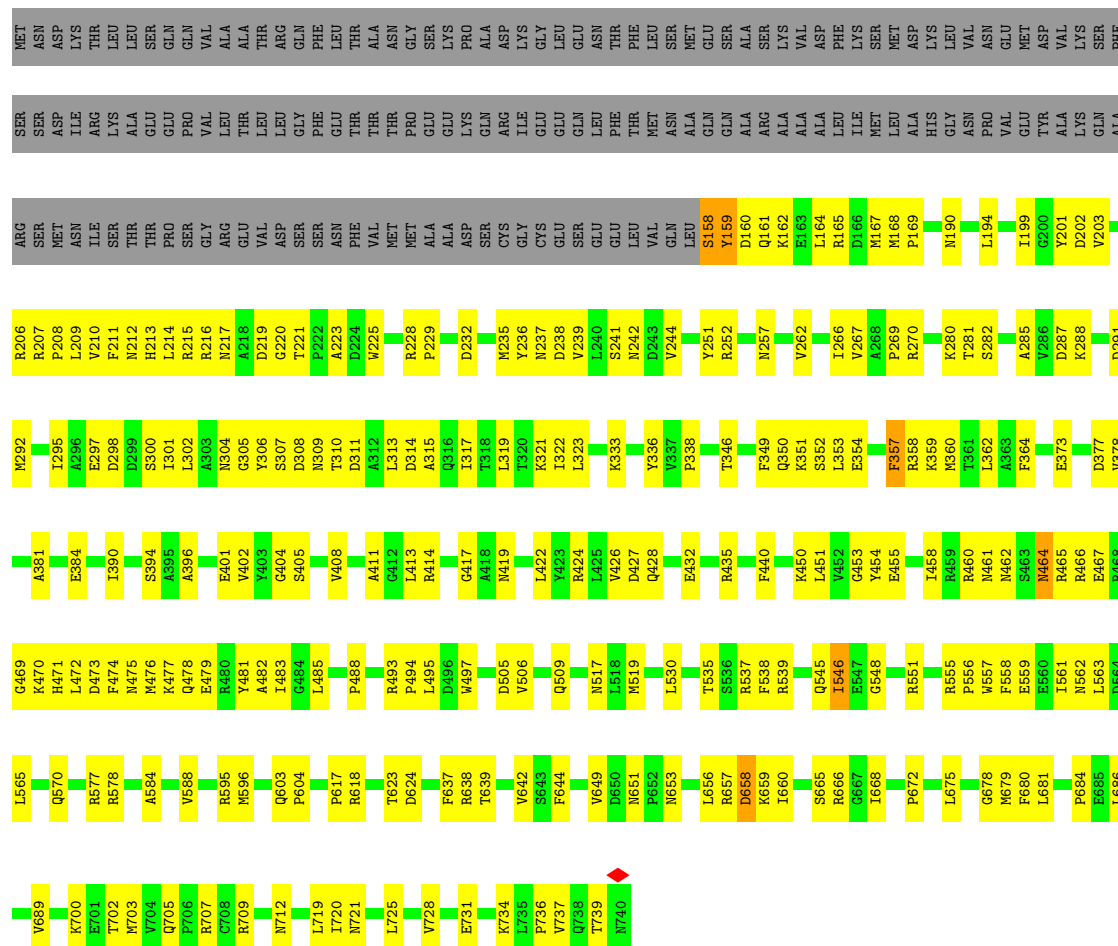
- Molecule 1: Major capsid protein





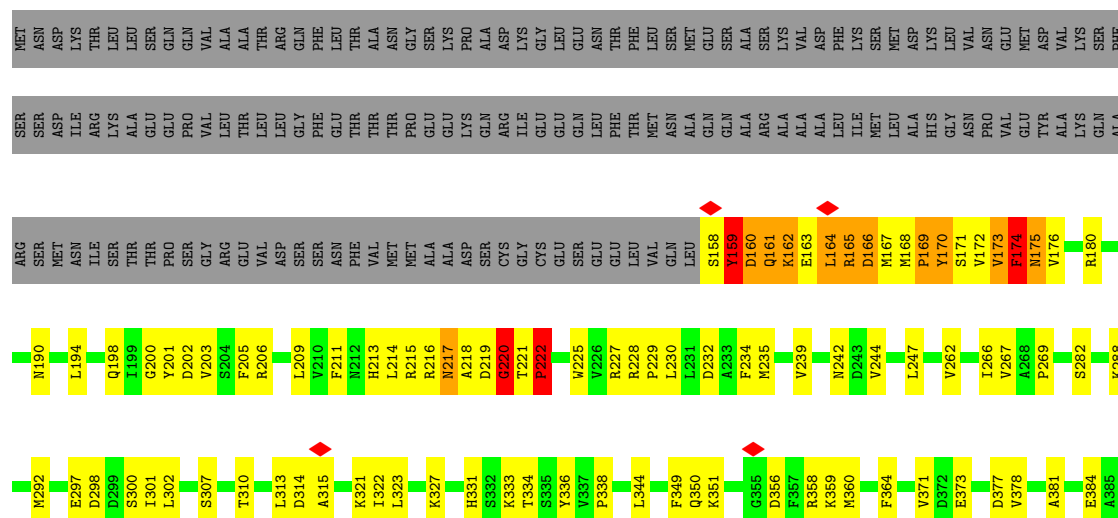
- Molecule 1: Major capsid protein

Chain Az:

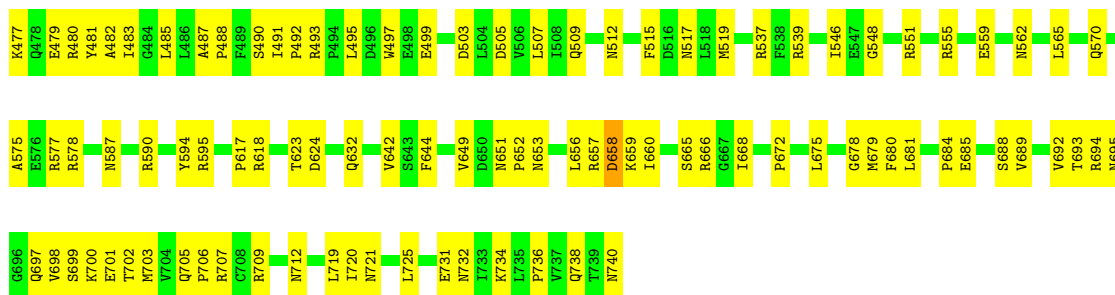


- Molecule 1: Major capsid protein

Chain BA:

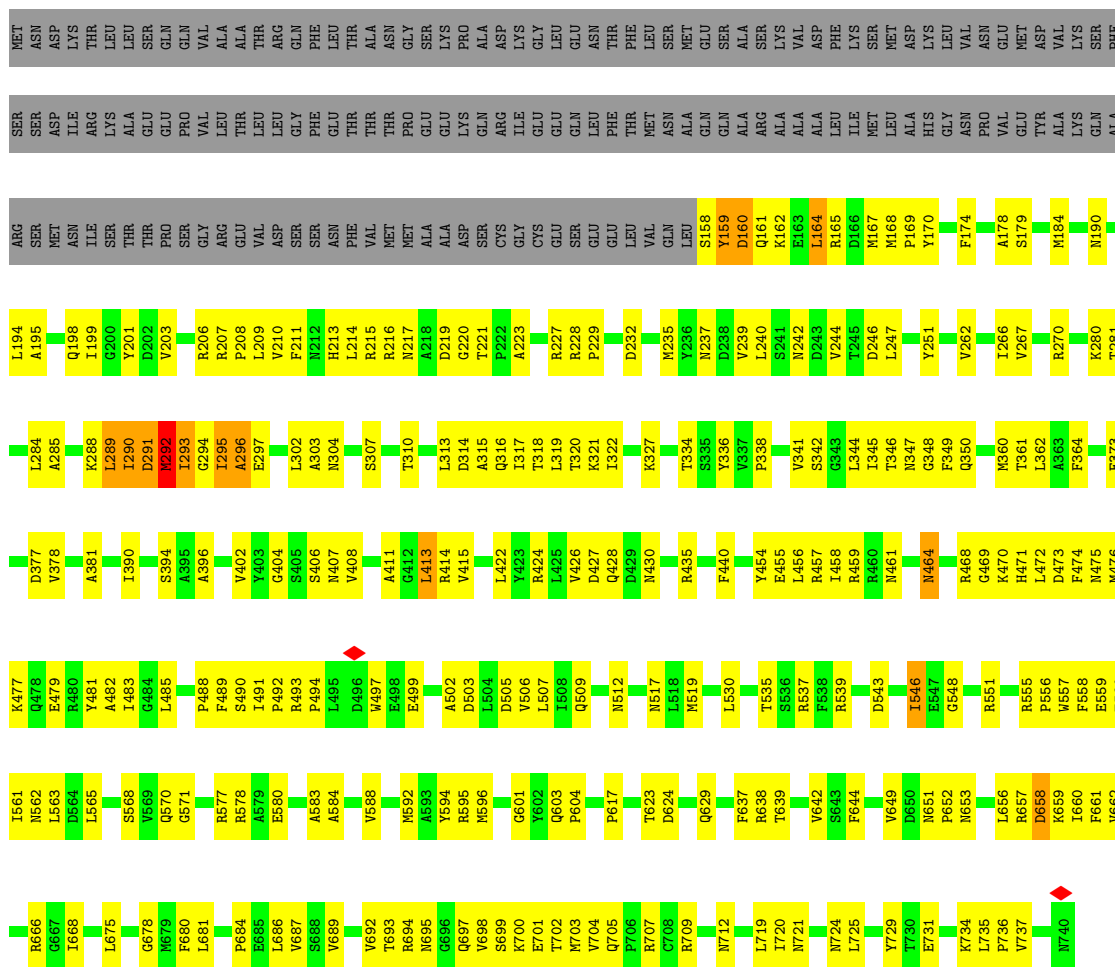






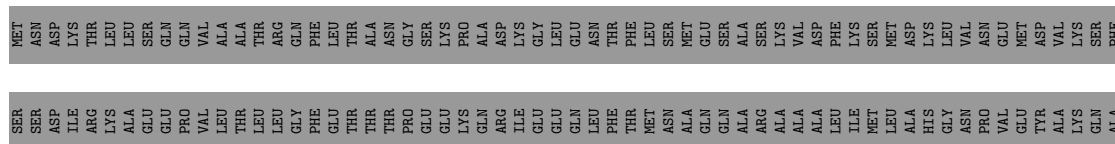
• Molecule 1: Major capsid protein

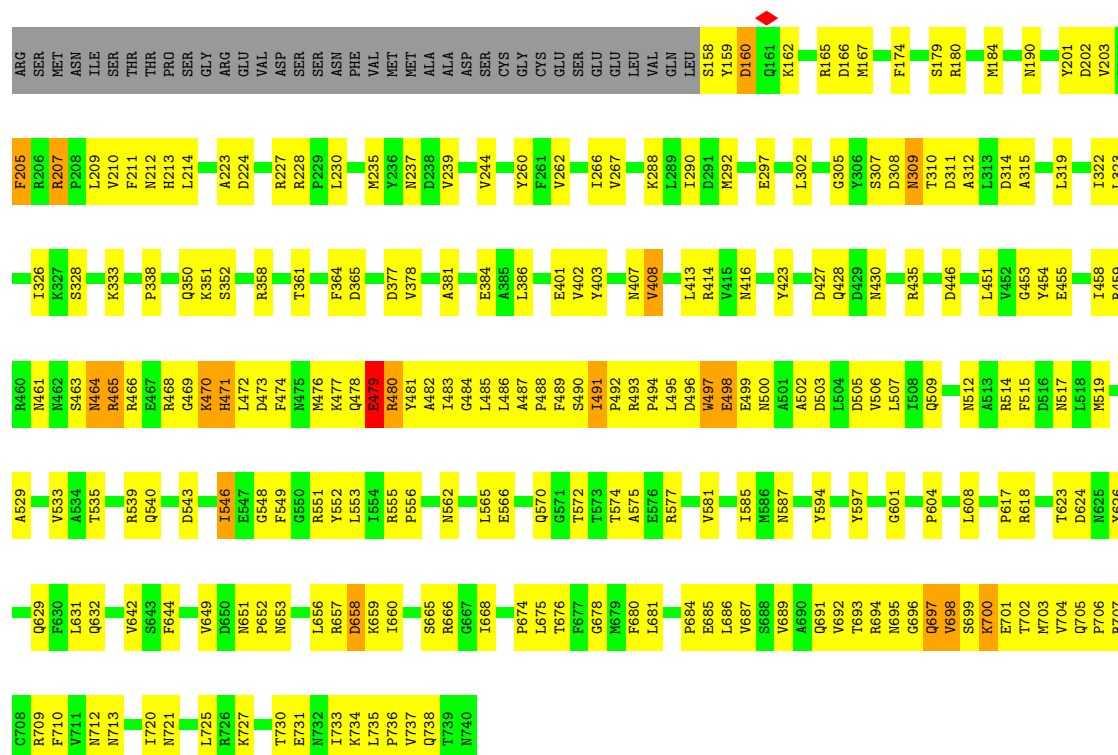
Chain BE: 44% 33% 21%



• Molecule 1: Major capsid protein

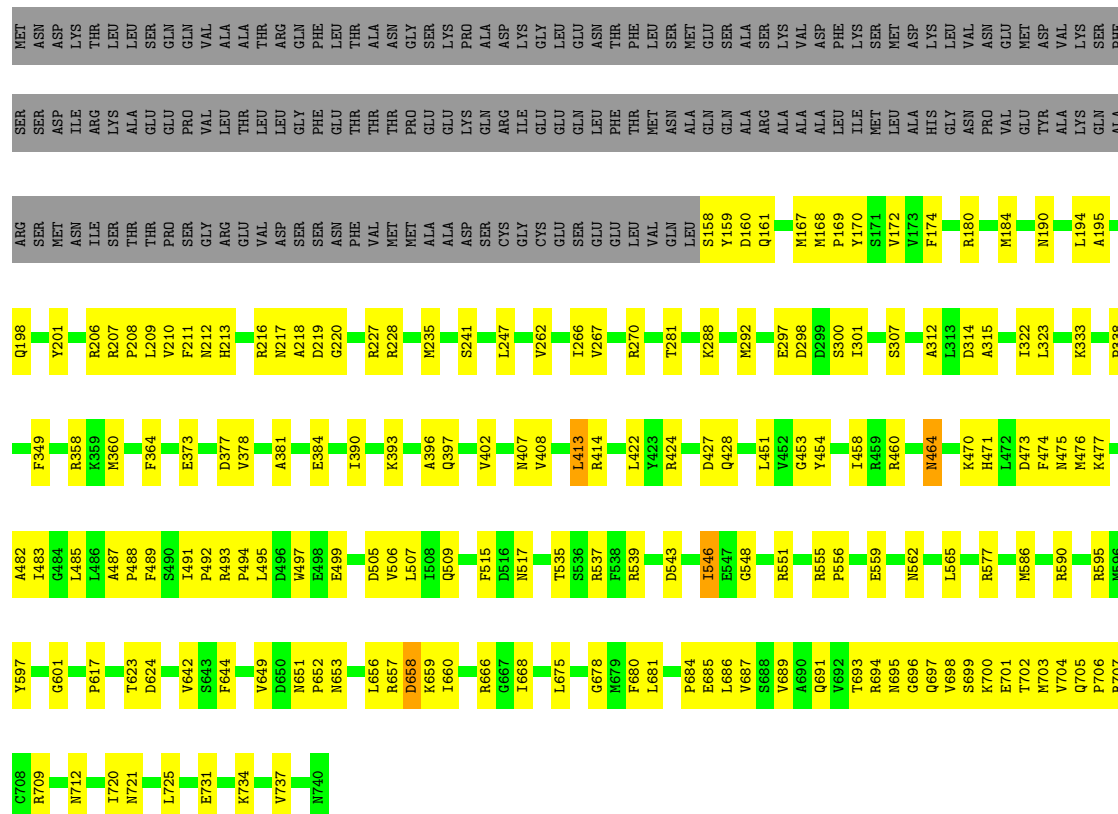
Chain BF: 47% 29% 21%





• Molecule 1: Major capsid protein

Chain BG: 55% 23% 21%



4 Experimental information

Property	Value	Source
EM reconstruction method	SINGLE PARTICLE	Depositor
Imposed symmetry	POINT, Not provided	
Number of particles used	4535	Depositor
Resolution determination method	FSC 0.143 CUT-OFF	Depositor
CTF correction method	PHASE FLIPPING AND AMPLITUDE CORRECTION	Depositor
Microscope	TFS KRIOS	Depositor
Voltage (kV)	300	Depositor
Electron dose ($e^-/\text{\AA}^2$)	50	Depositor
Minimum defocus (nm)	1200	Depositor
Maximum defocus (nm)	2000	Depositor
Magnification	Not provided	
Image detector	GATAN K3 BIOQUANTUM (6k x 4k)	Depositor
Maximum map value	1.562	Depositor
Minimum map value	-0.473	Depositor
Average map value	-0.001	Depositor
Map value standard deviation	0.132	Depositor
Recommended contour level	0.3	Depositor
Map size (Å)	1708.6875, 1708.6875, 1708.6875	wwPDB
Map dimensions	701, 701, 701	wwPDB
Map angles (°)	90.0, 90.0, 90.0	wwPDB
Pixel spacing (Å)	2.4375, 2.4375, 2.4375	Depositor

5 Model quality ⓘ

5.1 Standard geometry ⓘ

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	# Z >5	RMSZ	# Z >5
1	A0	0.28	0/4735	0.55	5/6411 (0.1%)
1	A1	0.27	0/4735	0.61	5/6411 (0.1%)
1	A2	0.20	0/4735	0.45	0/6411
1	A3	0.18	0/4735	0.41	0/6411
1	A4	0.20	0/4735	0.48	2/6411 (0.0%)
1	A5	0.21	0/4735	0.47	1/6411 (0.0%)
1	A6	0.20	0/4735	0.46	0/6411
1	A7	0.19	0/4735	0.41	0/6411
1	A8	0.24	1/4735 (0.0%)	0.52	6/6411 (0.1%)
1	A9	0.25	0/4735	0.53	2/6411 (0.0%)
1	Ar	0.22	0/4735	0.51	2/6411 (0.0%)
1	As	0.22	0/4735	0.47	0/6411
1	At	0.28	2/4676 (0.0%)	0.54	4/6330 (0.1%)
1	Au	0.18	0/4735	0.40	0/6411
1	Av	0.19	0/4735	0.39	0/6411
1	Aw	0.20	0/4735	0.44	1/6411 (0.0%)
1	Ax	0.28	0/4735	0.57	5/6411 (0.1%)
1	Ay	0.26	0/4735	0.58	5/6411 (0.1%)
1	Az	0.24	0/4735	0.51	1/6411 (0.0%)
1	BA	0.41	4/4735 (0.1%)	0.81	31/6411 (0.5%)
1	BB	0.24	0/4735	0.54	0/6411
1	BC	0.94	1/4735 (0.0%)	0.57	3/6411 (0.0%)
1	BD	0.58	6/4735 (0.1%)	0.66	16/6411 (0.2%)
1	BE	0.37	3/4735 (0.1%)	0.77	19/6411 (0.3%)
1	BF	0.31	0/4735	0.76	23/6411 (0.4%)
1	BG	0.18	0/4735	0.40	0/6411
1	BH	0.18	0/4735	0.40	0/6411
2	B	0.18	0/766	0.37	0/1027
3	G	0.11	0/1224	0.30	0/1656
All	All	0.32	17/129776 (0.0%)	0.54	131/175699 (0.1%)

Chiral center outliers are detected by calculating the chiral volume of a chiral center and verifying if the center is modelled as a planar moiety or with the opposite hand. A planarity outlier is detected by checking planarity of atoms in a peptide group, atoms in a mainchain group or atoms of a

sidechain that are expected to be planar.

Mol	Chain	#Chirality outliers	#Planarity outliers
1	A0	0	1
1	A5	0	1
1	Av	0	1
1	Ax	0	1
1	Az	0	1
1	BA	0	3
1	BE	0	1
1	BF	0	2
All	All	0	11

All (17) bond length outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)
1	BC	203	VAL	CB-CG2	62.74	3.59	1.52
1	BD	170	TYR	CD1-CE1	17.96	1.92	1.38
1	BD	170	TYR	CD2-CE2	16.15	1.87	1.38
1	BD	170	TYR	CE2-CZ	14.00	1.71	1.38
1	BD	170	TYR	CE1-CZ	13.83	1.71	1.38
1	BD	170	TYR	CG-CD2	10.69	1.61	1.39
1	BA	160	ASP	C-N	10.38	1.48	1.33
1	BD	170	TYR	CG-CD1	10.21	1.60	1.39
1	BA	161	GLN	N-CA	9.10	1.59	1.46
1	BE	292	MET	CA-C	7.56	1.61	1.52
1	BE	293	ILE	N-CA	6.13	1.53	1.46
1	At	294	GLY	N-CA	5.89	1.53	1.45
1	BA	161	GLN	CA-C	5.79	1.61	1.52
1	At	294	GLY	CA-C	5.77	1.59	1.51
1	BE	292	MET	C-N	5.57	1.40	1.33
1	A8	164	LEU	CG-CD2	5.40	1.70	1.52
1	BA	160	ASP	CA-C	5.18	1.58	1.53

All (131) bond angle outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
1	BA	160	ASP	CA-C-N	14.52	150.57	123.13
1	BA	160	ASP	C-N-CA	14.52	150.57	123.13
1	BD	170	TYR	CA-CB-CG	12.32	136.07	113.90
1	BC	203	VAL	CA-CB-CG2	11.09	129.25	110.40
1	BE	296	ALA	N-CA-C	10.76	127.24	108.52
1	BE	291	ASP	N-CA-CB	-9.68	93.92	110.17
1	BA	166	ASP	N-CA-C	9.38	123.72	108.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
1	BA	159	TYR	CA-CB-CG	8.96	130.03	113.90
1	BA	159	TYR	CA-C-N	8.86	133.73	121.33
1	BA	159	TYR	C-N-CA	8.86	133.73	121.33
1	BE	291	ASP	N-CA-C	8.82	122.98	108.96
1	A4	360	MET	CB-CG-SD	-8.74	86.47	112.70
1	A8	466	ARG	CG-CD-NE	8.53	130.76	112.00
1	BA	160	ASP	N-CA-C	8.03	120.84	107.20
1	Ax	493	ARG	N-CA-C	7.84	120.94	108.23
1	BD	165	ARG	N-CA-C	7.71	121.08	110.06
1	At	294	GLY	N-CA-C	7.63	123.39	114.16
1	BE	293	ILE	CA-C-N	7.60	136.31	121.41
1	BE	293	ILE	C-N-CA	7.60	136.31	121.41
1	BD	170	TYR	N-CA-C	-7.51	96.01	108.32
1	BE	290	ILE	CA-C-N	7.50	132.42	122.30
1	BE	290	ILE	C-N-CA	7.50	132.42	122.30
1	BD	172	VAL	N-CA-C	7.34	118.69	108.12
1	BE	293	ILE	N-CA-C	7.33	118.12	110.72
1	Ar	466	ARG	CB-CG-CD	-7.18	94.78	111.30
1	BE	295	ILE	N-CA-C	7.15	118.10	111.45
1	A0	700	LYS	N-CA-C	-7.09	98.75	110.17
1	BF	497	TRP	CB-CA-C	7.04	122.49	109.54
1	Ay	465	ARG	CA-C-N	-6.93	110.44	120.29
1	Ay	465	ARG	C-N-CA	-6.93	110.44	120.29
1	At	293	ILE	CA-C-N	6.92	133.11	120.79
1	At	293	ILE	C-N-CA	6.92	133.11	120.79
1	BD	466	ARG	CB-CG-CD	-6.89	95.44	111.30
1	BA	217	ASN	N-CA-C	-6.88	101.66	110.53
1	BF	498	GLU	N-CA-C	6.86	122.08	113.43
1	BD	465	ARG	N-CA-C	6.75	120.81	111.90
1	BF	497	TRP	N-CA-C	-6.72	101.02	110.50
1	At	298	ASP	N-CA-C	6.68	120.21	109.79
1	A4	313	LEU	CA-CB-CG	6.65	139.58	116.30
1	BF	497	TRP	CA-CB-CG	6.62	126.19	113.60
1	BF	205	PHE	CB-CA-C	6.57	122.72	109.38
1	BF	465	ARG	CG-CD-NE	6.55	126.42	112.00
1	BC	312	ALA	N-CA-C	6.53	116.48	107.73
1	BA	161	GLN	CA-C-N	6.50	131.15	120.94
1	BA	161	GLN	C-N-CA	6.50	131.15	120.94
1	A1	286	VAL	N-CA-C	-6.49	105.00	111.88
1	BA	173	VAL	CA-C-N	6.48	133.92	121.54
1	BA	173	VAL	C-N-CA	6.48	133.92	121.54
1	BA	220	GLY	N-CA-C	6.40	128.35	113.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
1	BE	164	LEU	CA-CB-CG	6.36	138.58	116.30
1	Ay	466	ARG	CA-CB-CG	-6.35	101.40	114.10
1	Ay	466	ARG	CG-CD-NE	-6.23	98.29	112.00
1	BA	161	GLN	CB-CA-C	-6.23	100.73	111.45
1	BD	466	ARG	CA-CB-CG	6.18	126.45	114.10
1	BF	698	VAL	CA-C-N	-6.17	112.07	122.92
1	BF	698	VAL	C-N-CA	-6.17	112.07	122.92
1	BE	292	MET	CA-C-N	6.16	129.16	120.42
1	BE	292	MET	C-N-CA	6.16	129.16	120.42
1	Az	159	TYR	N-CA-C	-6.13	101.21	110.28
1	BA	161	GLN	N-CA-C	6.10	118.69	110.88
1	A8	465	ARG	N-CA-C	6.09	120.04	112.24
1	A9	310	THR	N-CA-C	6.01	119.66	112.93
1	Ax	700	LYS	N-CA-C	-5.99	100.79	110.32
1	Ax	698	VAL	CG1-CB-CG2	-5.96	97.70	110.80
1	BA	161	GLN	CA-CB-CG	5.93	125.97	114.10
1	BF	471	HIS	N-CA-CB	5.93	121.54	110.87
1	BF	700	LYS	CA-C-N	-5.85	113.49	122.62
1	BF	700	LYS	C-N-CA	-5.85	113.49	122.62
1	BA	169	PRO	CA-C-N	5.83	131.56	121.64
1	BA	169	PRO	C-N-CA	5.83	131.56	121.64
1	A0	491	ILE	CG1-CB-CG2	-5.82	93.25	110.70
1	Ax	492	PRO	N-CA-C	5.80	123.12	111.69
1	A1	698	VAL	CA-C-N	-5.80	111.89	121.80
1	A1	698	VAL	C-N-CA	-5.80	111.89	121.80
1	BF	465	ARG	N-CA-CB	-5.79	103.50	112.30
1	A8	465	ARG	CB-CG-CD	-5.77	98.03	111.30
1	Ar	460	ARG	N-CA-C	-5.77	99.89	109.46
1	A8	460	ARG	N-CA-C	-5.74	99.93	109.46
1	BE	161	GLN	CA-C-N	-5.72	113.70	122.62
1	BE	161	GLN	C-N-CA	-5.72	113.70	122.62
1	Ax	696	GLY	N-CA-C	5.68	126.64	113.18
1	BF	160	ASP	N-CA-C	5.68	118.04	107.99
1	Aw	286	VAL	N-CA-C	-5.60	105.95	111.88
1	BA	170	TYR	CA-C-N	-5.60	113.67	122.73
1	BA	170	TYR	C-N-CA	-5.60	113.67	122.73
1	BA	174	PHE	CA-C-N	-5.57	113.94	122.62
1	BA	174	PHE	C-N-CA	-5.57	113.94	122.62
1	BD	463	SER	CA-C-N	-5.56	111.72	122.06
1	BD	463	SER	C-N-CA	-5.56	111.72	122.06
1	BA	159	TYR	N-CA-CB	-5.54	101.60	109.85
1	BE	291	ASP	CB-CA-C	5.54	119.46	110.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)
1	A8	465	ARG	CB-CA-C	-5.53	102.77	111.51
1	BD	172	VAL	N-CA-CB	-5.48	103.52	111.52
1	A9	311	ASP	N-CA-C	5.45	118.29	109.40
1	A5	159	TYR	CA-CB-CG	5.42	123.67	113.90
1	Ay	466	ARG	N-CA-CB	5.40	118.15	110.16
1	BD	460	ARG	CA-C-N	-5.39	113.47	121.24
1	BD	460	ARG	C-N-CA	-5.39	113.47	121.24
1	A1	696	GLY	N-CA-C	5.38	125.92	113.18
1	BE	159	TYR	N-CA-C	-5.36	102.34	110.28
1	BF	497	TRP	CA-C-N	-5.36	111.49	122.58
1	BF	497	TRP	C-N-CA	-5.36	111.49	122.58
1	BE	289	LEU	N-CA-C	-5.33	101.28	109.76
1	BA	162	LYS	N-CA-C	5.29	117.96	110.50
1	A8	466	ARG	CB-CG-CD	-5.29	99.14	111.30
1	BD	165	ARG	N-CA-CB	-5.28	101.34	111.53
1	BD	467	GLU	N-CA-C	-5.27	101.11	109.76
1	BA	489	PHE	N-CA-C	5.26	117.82	109.50
1	BE	160	ASP	N-CA-C	5.26	118.31	109.95
1	BA	164	LEU	N-CA-C	5.26	121.23	114.56
1	BA	222	PRO	N-CA-C	5.25	119.73	111.38
1	A0	693	THR	N-CA-C	5.24	117.34	108.02
1	BC	203	VAL	CG1-CB-CG2	5.21	122.27	110.80
1	BF	480	ARG	CB-CG-CD	5.18	123.21	111.30
1	BE	291	ASP	CA-CB-CG	5.17	117.77	112.60
1	A1	162	LYS	CA-CB-CG	5.16	124.43	114.10
1	BF	471	HIS	CB-CA-C	-5.16	100.97	113.19
1	BF	479	GLU	CA-C-N	-5.15	112.60	122.08
1	BF	479	GLU	C-N-CA	-5.15	112.60	122.08
1	BD	171	SER	CA-C-N	-5.13	115.86	122.99
1	BD	171	SER	C-N-CA	-5.13	115.86	122.99
1	A0	493	ARG	CG-CD-NE	5.13	123.28	112.00
1	A0	493	ARG	CB-CG-CD	-5.12	99.51	111.30
1	BF	697	GLN	N-CA-CB	-5.11	102.29	110.63
1	BF	207	ARG	CB-CA-C	-5.10	102.06	109.97
1	BA	165	ARG	N-CA-C	5.07	117.31	110.06
1	BA	165	ARG	N-CA-CB	-5.07	101.75	111.53
1	BF	491	ILE	CA-C-N	5.05	126.16	119.84
1	BF	491	ILE	C-N-CA	5.05	126.16	119.84
1	BA	490	SER	CA-C-N	5.01	131.40	122.13
1	BA	490	SER	C-N-CA	5.01	131.40	122.13

There are no chirality outliers.

All (11) planarity outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type	Group
1	A0	158	SER	Peptide
1	A5	159	TYR	Peptide
1	Av	159	TYR	Peptide
1	Ax	158	SER	Peptide
1	Az	158	SER	Peptide
1	BA	174	PHE	Mainchain
1	BA	220	GLY	Peptide
1	BA	222	PRO	Peptide
1	BE	292	MET	Mainchain
1	BF	470	LYS	Peptide
1	BF	479	GLU	Peptide

5.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in the chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes within the asymmetric unit, whereas Symm-Clashes lists symmetry-related clashes.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	A0	4651	0	4633	325	0
1	A1	4651	0	4633	365	0
1	A2	4651	0	4633	227	0
1	A3	4651	0	4633	201	0
1	A4	4651	0	4633	209	0
1	A5	4651	0	4633	252	0
1	A6	4651	0	4633	185	0
1	A7	4651	0	4633	179	0
1	A8	4651	0	4633	261	0
1	A9	4651	0	4633	270	0
1	Ar	4651	0	4633	260	0
1	As	4651	0	4633	245	0
1	At	4593	0	4562	203	0
1	Au	4651	0	4633	159	0
1	Av	4651	0	4633	162	0
1	Aw	4651	0	4633	215	0
1	Ax	4651	0	4633	274	0
1	Ay	4651	0	4633	252	0
1	Az	4651	0	4633	266	0
1	BA	4651	0	4633	393	0
1	BB	4651	0	4633	255	0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	BC	4651	0	4633	293	0
1	BD	4651	0	4633	359	0
1	BE	4651	0	4633	409	0
1	BF	4651	0	4633	338	0
1	BG	4651	0	4633	155	0
1	BH	4651	0	4633	178	0
2	B	759	0	770	12	0
3	G	1198	0	1190	26	0
All	All	127476	0	126980	4996	0

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 20.

All (4996) close contacts within the same asymmetric unit are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BD:170:TYR:CD2	1:BD:170:TYR:CE2	1.87	1.62
1:BD:170:TYR:CE1	1:BD:170:TYR:CD1	1.92	1.55
1:A8:466:ARG:NE	1:Ax:697:GLN:O	1.82	1.12
1:BA:161:GLN:N	1:BE:294:GLY:H	1.49	1.11
1:BC:408:VAL:HG13	1:BE:164:LEU:HG	1.32	1.11
1:BC:203:VAL:CG2	1:BD:170:TYR:CE1	2.34	1.10
1:BC:203:VAL:HB	1:BD:170:TYR:CD2	1.86	1.10
1:As:160:ASP:HB2	1:Aw:312:ALA:HB2	1.34	1.09
1:A5:160:ASP:HB2	1:A9:312:ALA:HB2	1.34	1.09
1:BC:203:VAL:CG2	1:BD:170:TYR:CD1	2.35	1.08
1:Av:165:ARG:NH1	1:Ax:359:LYS:O	1.87	1.08
1:Ay:466:ARG:HB2	1:BF:698:VAL:HG23	1.34	1.07
1:A1:698:VAL:HG23	1:BD:466:ARG:HA	1.37	1.06
1:BC:203:VAL:CG2	1:BD:170:TYR:CZ	2.39	1.06
1:BA:161:GLN:HA	1:BE:291:ASP:HA	1.38	1.06
1:BA:159:TYR:HD1	1:BE:294:GLY:O	1.40	1.04
1:BE:345:ILE:HD11	1:BF:479:GLU:HA	1.39	1.04
1:A3:158:SER:HB2	1:Ar:216:ARG:HE	1.17	1.04
1:BC:310:THR:O	1:BC:464:ASN:ND2	1.92	1.03
1:BA:163:GLU:HB2	1:BE:313:LEU:HD13	1.37	1.03
1:A5:165:ARG:NH1	1:A9:359:LYS:O	1.92	1.02
1:A9:350:GLN:HB3	1:Az:353:LEU:HD12	1.40	1.02
1:Ay:310:THR:HG22	1:BF:492:PRO:HB3	1.36	1.02
1:BF:480:ARG:HG2	1:BF:481:TYR:H	1.20	1.02
1:At:295:ILE:N	1:BA:221:THR:H	1.57	1.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BA:161:GLN:N	1:BE:294:GLY:N	2.08	1.02
1:BA:162:LYS:N	1:BE:293:ILE:H	1.57	1.01
1:BC:203:VAL:CG2	1:BD:170:TYR:CE2	2.43	1.01
1:BA:161:GLN:H	1:BE:294:GLY:N	1.59	1.01
1:A5:158:SER:N	1:A9:308:ASP:O	1.95	1.00
1:At:294:GLY:N	1:BA:221:THR:O	1.92	0.99
1:At:291:ASP:HB3	1:BA:222:PRO:HA	1.43	0.99
1:Ay:464:ASN:HB3	1:BF:698:VAL:O	1.63	0.98
1:At:295:ILE:H	1:BA:221:THR:N	1.61	0.98
1:A1:350:GLN:HB3	1:Aw:353:LEU:HD12	1.41	0.97
1:A4:310:THR:O	1:A4:464:ASN:ND2	1.97	0.97
1:BC:203:VAL:CB	1:BD:170:TYR:CZ	2.47	0.97
1:BC:203:VAL:CB	1:BD:170:TYR:CE1	2.48	0.97
1:BA:702:THR:O	1:BF:471:HIS:NE2	1.98	0.96
1:A0:306:TYR:H	1:BE:695:ASN:HD22	1.10	0.96
1:As:158:SER:OG	1:Aw:308:ASP:O	1.83	0.96
1:A9:695:ASN:ND2	1:BH:306:TYR:O	1.99	0.96
1:BB:349:PHE:HD2	1:BD:165:ARG:HG3	1.30	0.95
1:A6:358:ARG:HD2	1:A6:408:VAL:HG21	1.48	0.95
1:BA:162:LYS:HD3	1:BE:247:LEU:HD13	1.46	0.95
1:BC:203:VAL:CG2	1:BD:170:TYR:CD2	2.49	0.95
1:A4:364:PHE:HB3	1:A4:402:VAL:HB	1.48	0.94
1:BA:174:PHE:O	1:BF:207:ARG:HB3	1.68	0.94
1:As:164:LEU:HD12	1:Aw:408:VAL:HG22	1.47	0.94
1:At:295:ILE:H	1:BA:221:THR:H	1.11	0.94
1:BC:204:SER:HA	1:BD:172:VAL:HA	1.49	0.94
1:A7:252:ARG:HE	1:BG:219:ASP:HA	1.31	0.93
1:A8:466:ARG:HB3	1:Ax:696:GLY:C	1.93	0.93
1:A0:214:LEU:HB3	1:Az:309:ASN:HB3	1.50	0.93
1:BA:160:ASP:HA	1:BE:293:ILE:C	1.93	0.93
1:A9:353:LEU:HD12	1:Az:350:GLN:HB3	1.49	0.92
1:A1:307:SER:HA	1:A1:466:ARG:HH12	1.34	0.92
1:A9:494:PRO:HB3	1:BH:463:SER:HB2	1.51	0.92
1:BF:495:LEU:HA	1:BF:700:LYS:HD3	1.51	0.92
1:A1:308:ASP:O	1:A3:158:SER:N	2.03	0.92
1:A5:219:ASP:HB3	1:BC:252:ARG:HE	1.35	0.92
1:A0:164:LEU:HD11	1:A8:358:ARG:HD3	1.51	0.91
1:BC:203:VAL:HB	1:BD:170:TYR:CG	2.05	0.91
1:Ay:257:ASN:HD22	1:BE:219:ASP:HB3	1.34	0.91
1:A1:697:GLN:HB2	1:BD:464:ASN:HB2	1.53	0.91
1:BC:311:ASP:HB2	1:BE:158:SER:HA	1.52	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BC:203:VAL:CG2	1:BD:170:TYR:CG	2.54	0.91
1:BA:180:ARG:HA	1:BA:512:ASN:HB3	1.51	0.91
1:A1:693:THR:HG23	1:BD:466:ARG:HG2	1.54	0.90
1:A0:305:GLY:HA3	1:BE:695:ASN:HB2	1.53	0.90
1:BA:472:LEU:HD12	1:BB:507:LEU:HD23	1.52	0.90
1:BC:203:VAL:CB	1:BD:170:TYR:CE2	2.55	0.90
1:A0:698:VAL:O	1:Ar:464:ASN:HB3	1.71	0.90
1:A1:161:GLN:HB2	1:BF:499:GLU:HB2	1.53	0.90
1:BA:161:GLN:HG3	1:BE:294:GLY:HA3	1.53	0.90
1:BA:173:VAL:H	1:BF:205:PHE:HB3	1.37	0.90
1:A0:306:TYR:O	1:BE:695:ASN:ND2	2.05	0.90
1:A8:466:ARG:HD3	1:Ax:694:ARG:O	1.71	0.90
1:A1:158:SER:N	1:BF:702:THR:OG1	2.05	0.89
1:Av:158:SER:N	1:Ax:308:ASP:O	2.05	0.89
1:A2:202:ASP:HB3	1:A3:169:PRO:HA	1.54	0.89
1:BA:160:ASP:H	1:BE:294:GLY:C	1.81	0.89
1:BA:161:GLN:CA	1:BE:292:MET:H	1.85	0.89
1:A1:353:LEU:HD12	1:Aw:350:GLN:HB3	1.52	0.89
1:A0:698:VAL:HG23	1:Ar:466:ARG:HB2	1.55	0.89
1:A9:287:ASP:OD2	1:Az:419:ASN:ND2	2.06	0.89
1:Aw:310:THR:O	1:Aw:464:ASN:ND2	2.06	0.89
1:Ax:310:THR:O	1:Ax:464:ASN:ND2	2.05	0.89
1:Ax:364:PHE:HB3	1:Ax:402:VAL:HB	1.55	0.89
1:Ay:466:ARG:HH21	1:BF:698:VAL:HG22	1.38	0.89
1:BA:159:TYR:CD1	1:BE:294:GLY:O	2.26	0.88
1:A1:696:GLY:C	1:BD:466:ARG:HB2	1.97	0.88
1:As:257:ASN:ND2	1:BH:219:ASP:O	2.05	0.88
1:BF:480:ARG:CG	1:BF:481:TYR:H	1.87	0.88
1:At:297:GLU:N	1:BA:219:ASP:O	2.07	0.87
1:BA:732:ASN:HB3	1:BF:736:PRO:HG3	1.56	0.87
1:BA:221:THR:HB	1:BA:222:PRO:HD2	1.56	0.87
1:As:162:LYS:HD3	1:Aw:461:ASN:HD22	1.37	0.87
1:BA:373:GLU:HA	1:BA:390:ILE:HG12	1.56	0.87
1:BE:247:LEU:HD12	1:BE:458:ILE:HG22	1.56	0.87
1:A0:252:ARG:HE	1:BD:219:ASP:HA	1.36	0.87
1:BB:307:SER:HA	1:BB:466:ARG:HH12	1.38	0.87
1:A1:493:ARG:HE	1:BF:160:ASP:HA	1.39	0.87
1:Av:160:ASP:HB2	1:Ax:312:ALA:HB2	1.55	0.87
1:BA:161:GLN:H	1:BE:294:GLY:H	1.10	0.87
1:A0:492:PRO:HG3	1:Ar:310:THR:HG22	1.56	0.86
1:A3:364:PHE:HB3	1:A3:402:VAL:HB	1.57	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:697:GLN:NE2	1:BC:310:THR:OG1	2.08	0.86
1:BA:171:SER:OG	1:BF:477:LYS:O	1.92	0.86
1:BC:206:ARG:H	1:BD:174:PHE:HB3	1.41	0.86
1:A0:473:ASP:OD1	1:A2:161:GLN:NE2	2.08	0.86
1:BA:174:PHE:HB3	1:BF:207:ARG:HD3	1.58	0.86
1:A3:695:ASN:ND2	1:Aw:306:TYR:O	2.09	0.85
1:As:466:ARG:HE	1:BG:697:GLN:HB3	1.41	0.85
1:A6:408:VAL:HG22	1:A8:164:LEU:HG	1.56	0.85
1:BA:198:GLN:HB3	1:BB:168:MET:HB2	1.57	0.85
1:A0:202:ASP:HB3	1:A5:169:PRO:HA	1.59	0.85
1:A5:216:ARG:NH1	1:BC:291:ASP:OD2	2.09	0.85
1:BA:158:SER:HA	1:BE:297:GLU:HB2	1.57	0.85
1:A5:158:SER:HA	1:A9:311:ASP:HB2	1.57	0.84
1:Ay:292:MET:HE2	1:Ay:458:ILE:HD12	1.57	0.84
1:As:158:SER:N	1:Aw:311:ASP:O	2.10	0.84
1:BD:239:VAL:O	1:BD:470:LYS:NZ	2.10	0.84
1:A0:464:ASN:O	1:BE:698:VAL:N	2.09	0.84
1:BE:349:PHE:HB3	1:BE:360:MET:HB3	1.59	0.84
1:A5:364:PHE:HB3	1:A5:402:VAL:HB	1.59	0.84
1:BB:349:PHE:CD2	1:BD:165:ARG:HG3	2.12	0.84
1:A0:493:ARG:HG2	1:Ax:158:SER:HB2	1.60	0.84
1:BC:358:ARG:HB3	1:BC:408:VAL:HB	1.60	0.84
1:A2:219:ASP:O	1:Aw:257:ASN:ND2	2.09	0.84
1:A8:466:ARG:HD2	1:Ax:696:GLY:N	1.93	0.84
1:BF:480:ARG:HG2	1:BF:481:TYR:N	1.93	0.84
1:Ar:309:ASN:O	1:Ax:159:TYR:OH	1.96	0.83
1:A1:292:MET:HE2	1:A1:458:ILE:HD12	1.59	0.83
1:BE:735:LEU:HD22	1:BF:735:LEU:HD12	1.61	0.83
1:A7:736:PRO:HB2	1:A8:734:LYS:HG2	1.60	0.83
1:A2:696:GLY:HA2	1:A9:304:ASN:HB2	1.60	0.83
1:A7:461:ASN:HD22	1:A9:162:LYS:HD3	1.42	0.83
1:At:295:ILE:HB	1:BA:221:THR:HG23	1.59	0.83
1:Az:577:ARG:NH1	1:Az:731:GLU:O	2.12	0.83
1:Aw:577:ARG:NH1	1:Aw:731:GLU:O	2.12	0.83
1:BB:379:LYS:O	3:G:148:ARG:NH1	2.12	0.83
1:A0:219:ASP:O	1:Az:257:ASN:ND2	2.12	0.83
1:A0:333:LYS:HD3	1:A0:384:GLU:HB3	1.61	0.83
1:A4:312:ALA:CB	1:Az:162:LYS:HG3	2.08	0.83
1:As:309:ASN:HB3	1:BH:214:LEU:HB3	1.60	0.83
1:A0:697:GLN:N	1:Ar:466:ARG:HD2	1.94	0.82
1:BF:297:GLU:OE2	1:BF:307:SER:OG	1.97	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ar:734:LYS:HG2	1:Aw:736:PRO:HB2	1.60	0.82
1:Ay:466:ARG:NH2	1:BF:693:THR:HA	1.93	0.82
1:A6:161:GLN:OE1	1:BE:493:ARG:NH1	2.13	0.82
1:BA:693:THR:HG23	1:BA:698:VAL:HG22	1.62	0.82
1:A0:736:PRO:HB2	1:A5:734:LYS:HG2	1.61	0.82
1:BH:292:MET:HE2	1:BH:458:ILE:HD12	1.61	0.82
1:A2:485:LEU:HG	1:A2:707:ARG:HG2	1.60	0.82
1:A8:466:ARG:HB2	1:Ax:697:GLN:C	2.05	0.82
1:At:310:THR:O	1:At:464:ASN:ND2	2.12	0.82
1:BC:203:VAL:HG22	1:BD:170:TYR:CE1	2.15	0.82
1:BA:162:LYS:HB2	1:BE:292:MET:HB2	1.61	0.82
1:BG:364:PHE:HB3	1:BG:402:VAL:HB	1.60	0.82
1:Av:373:GLU:HA	1:Av:390:ILE:HG12	1.62	0.82
1:BA:161:GLN:HA	1:BE:292:MET:H	1.45	0.82
1:A9:311:ASP:OD2	1:A9:466:ARG:NH1	2.13	0.81
1:As:577:ARG:NH1	1:As:731:GLU:O	2.12	0.81
1:Av:577:ARG:NH1	1:Av:731:GLU:O	2.13	0.81
1:BE:577:ARG:NH1	1:BE:731:GLU:O	2.12	0.81
1:A3:373:GLU:HA	1:A3:390:ILE:HG12	1.60	0.81
1:A5:697:GLN:HB3	1:Az:466:ARG:HE	1.42	0.81
1:Ar:292:MET:HE2	1:Ar:458:ILE:HD12	1.62	0.81
1:BA:158:SER:N	1:BE:297:GLU:OE1	2.14	0.81
1:BB:405:SER:HA	1:BD:165:ARG:HH12	1.44	0.81
1:A1:697:GLN:N	1:BD:466:ARG:HD2	1.95	0.81
1:A5:373:GLU:HA	1:A5:390:ILE:HG12	1.61	0.81
1:Ay:295:ILE:HG12	1:BE:220:GLY:HA2	1.61	0.81
1:BB:293:ILE:HD11	1:BD:162:LYS:HE3	1.63	0.81
1:A3:577:ARG:NH1	1:A3:731:GLU:O	2.13	0.81
1:A5:220:GLY:HA2	1:BC:295:ILE:HA	1.60	0.81
1:A4:358:ARG:HD2	1:A4:408:VAL:HG11	1.62	0.81
1:A8:219:ASP:HA	1:BH:252:ARG:HE	1.45	0.81
1:A8:292:MET:HE2	1:A8:458:ILE:HD12	1.63	0.81
1:Ay:260:TYR:CE2	1:BE:221:THR:HG22	2.15	0.81
1:Av:162:LYS:HD3	1:Ax:461:ASN:HD22	1.42	0.81
1:Ay:485:LEU:HG	1:Ay:707:ARG:HG2	1.62	0.81
1:A0:353:LEU:HD12	1:BC:350:GLN:HB3	1.63	0.80
1:Ax:493:ARG:O	1:Ax:700:LYS:N	2.14	0.80
1:A6:577:ARG:NH1	1:A6:731:GLU:O	2.15	0.80
1:BC:471:HIS:ND1	1:BD:490:SER:O	2.12	0.80
1:A1:577:ARG:NH1	1:A1:731:GLU:O	2.14	0.80
1:A5:694:ARG:HB2	1:A5:697:GLN:HG3	1.63	0.80

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BE:341:VAL:HG12	1:BE:344:LEU:HD12	1.63	0.80
1:BC:203:VAL:CB	1:BD:170:TYR:CD1	2.64	0.80
1:BD:373:GLU:HA	1:BD:390:ILE:HG12	1.61	0.80
1:A1:333:LYS:HD3	1:A1:384:GLU:HB3	1.64	0.80
1:Ay:308:ASP:HA	1:BE:214:LEU:O	1.81	0.80
1:BB:350:GLN:OE1	1:BC:480:ARG:NH1	2.15	0.80
1:BB:488:PRO:HB3	1:BB:705:GLN:HB2	1.63	0.80
1:BD:495:LEU:HD21	1:BD:698:VAL:HG12	1.64	0.80
1:BE:190:ASN:ND2	1:BE:668:ILE:O	2.15	0.80
1:A0:476:MET:HB3	1:Az:357:PHE:HB3	1.64	0.80
1:A6:360:MET:HE3	1:A8:164:LEU:HB3	1.63	0.80
1:A2:208:PRO:HA	1:A2:474:PHE:HA	1.64	0.80
1:A4:312:ALA:HB3	1:Az:162:LYS:HG3	1.62	0.80
1:A9:419:ASN:ND2	1:Az:287:ASP:OD2	2.13	0.80
1:At:291:ASP:HB3	1:BA:222:PRO:CA	2.11	0.80
1:A8:257:ASN:ND2	1:As:219:ASP:O	2.15	0.80
1:Az:219:ASP:O	1:BD:257:ASN:ND2	2.14	0.79
1:A8:310:THR:HG22	1:Ax:492:PRO:HG3	1.62	0.79
1:Az:373:GLU:HA	1:Az:390:ILE:HG12	1.62	0.79
1:BA:364:PHE:HB3	1:BA:402:VAL:HB	1.63	0.79
1:A6:364:PHE:HB3	1:A6:402:VAL:HB	1.65	0.79
1:A8:466:ARG:HG3	1:Ax:693:THR:HG23	1.64	0.79
1:BE:660:ILE:HB	1:BE:720:ILE:HB	1.63	0.79
1:Ar:239:VAL:O	1:Ar:470:LYS:NZ	2.15	0.79
1:BC:205:PHE:HA	1:BD:174:PHE:HB2	1.64	0.79
1:BE:373:GLU:HA	1:BE:390:ILE:HG12	1.64	0.79
1:BF:577:ARG:NH1	1:BF:731:GLU:O	2.16	0.79
1:A1:408:VAL:HG22	1:A3:164:LEU:HD12	1.64	0.79
1:A8:466:ARG:HD3	1:Ax:694:ARG:C	2.08	0.79
1:Ax:577:ARG:NH1	1:Ax:731:GLU:O	2.15	0.79
1:BA:577:ARG:NH1	1:BA:731:GLU:O	2.15	0.79
1:A0:292:MET:HE2	1:A0:458:ILE:HD12	1.65	0.79
1:A0:694:ARG:H	1:Ar:466:ARG:NH2	1.80	0.79
1:A2:364:PHE:HB3	1:A2:402:VAL:HB	1.65	0.79
1:Au:734:LYS:HG2	1:Ax:736:PRO:HB2	1.64	0.79
1:Aw:292:MET:HE2	1:Aw:458:ILE:HD12	1.64	0.79
1:BD:292:MET:HE2	1:BD:458:ILE:HD12	1.63	0.79
1:BA:190:ASN:ND2	1:BA:668:ILE:O	2.16	0.79
1:A9:577:ARG:NH1	1:A9:731:GLU:O	2.16	0.79
1:BE:737:VAL:HG21	1:BF:737:VAL:HB	1.65	0.79
1:A1:252:ARG:HE	1:Ar:219:ASP:HA	1.47	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:311:ASP:OD1	1:A1:464:ASN:ND2	2.15	0.79
1:Av:364:PHE:HB3	1:Av:402:VAL:HB	1.63	0.79
1:A0:358:ARG:HD2	1:A6:164:LEU:HD12	1.64	0.78
1:A1:310:THR:O	1:A1:464:ASN:ND2	2.13	0.78
1:At:311:ASP:OD1	1:At:464:ASN:ND2	2.14	0.78
1:At:356:ASP:HA	1:BA:477:LYS:HG2	1.64	0.78
1:At:373:GLU:HA	1:At:390:ILE:HG12	1.65	0.78
1:Ay:466:ARG:HH22	1:BF:694:ARG:H	1.31	0.78
1:A4:190:ASN:ND2	1:A4:668:ILE:O	2.16	0.78
1:BA:490:SER:N	1:BF:470:LYS:O	2.15	0.78
1:BA:660:ILE:HB	1:BA:720:ILE:HB	1.65	0.78
1:BC:203:VAL:CB	1:BD:170:TYR:CD2	2.66	0.78
1:A8:358:ARG:HD2	1:A8:408:VAL:HB	1.66	0.78
1:A0:491:ILE:O	1:Ax:158:SER:OG	2.02	0.78
1:A8:252:ARG:HE	1:As:219:ASP:HA	1.47	0.78
1:BC:333:LYS:HD3	1:BC:384:GLU:HB3	1.63	0.78
1:BD:738:GLN:HB2	1:BE:734:LYS:HB3	1.65	0.78
1:As:364:PHE:HB3	1:As:402:VAL:HB	1.64	0.78
1:A2:695:ASN:OD1	1:A2:697:GLN:NE2	2.16	0.78
1:A9:301:ILE:HD11	1:A9:460:ARG:HH22	1.49	0.78
1:A9:695:ASN:HB2	1:BH:305:GLY:HA3	1.64	0.78
1:A4:577:ARG:NH1	1:A4:731:GLU:O	2.16	0.78
1:A9:312:ALA:O	1:A9:460:ARG:HG3	1.84	0.78
1:BD:590:ARG:HD2	1:BE:578:ARG:HH12	1.49	0.78
1:BF:333:LYS:HD3	1:BF:384:GLU:HB3	1.65	0.78
1:A1:541:PHE:HZ	1:Az:426:VAL:HG21	1.49	0.78
1:A4:333:LYS:HD3	1:A4:384:GLU:HB3	1.66	0.78
1:A5:218:ALA:HA	1:BC:297:GLU:HB2	1.66	0.78
1:A0:160:ASP:HA	1:Ax:493:ARG:CZ	2.13	0.78
1:A6:698:VAL:HB	1:BC:465:ARG:HD3	1.66	0.78
1:Ay:239:VAL:O	1:Ay:470:LYS:NZ	2.17	0.78
1:At:409:GLU:OE2	1:BA:227:ARG:NH2	2.17	0.77
1:BA:158:SER:CA	1:BE:297:GLU:HB2	2.15	0.77
1:BE:472:LEU:HD12	1:BF:507:LEU:HD23	1.67	0.77
1:A8:577:ARG:NH1	1:A8:731:GLU:O	2.17	0.77
1:Aw:307:SER:HA	1:Aw:466:ARG:HH12	1.50	0.77
1:BB:364:PHE:HB3	1:BB:402:VAL:HB	1.65	0.77
1:BC:203:VAL:HG21	1:BD:170:TYR:CE2	2.20	0.77
1:Av:426:VAL:HG21	1:Aw:541:PHE:HZ	1.48	0.77
1:BC:358:ARG:HD2	1:BC:408:VAL:HG11	1.66	0.77
1:BC:495:LEU:HD21	1:BC:698:VAL:HG12	1.67	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A0:351:LYS:NZ	1:A0:356:ASP:O	2.17	0.77
1:A4:351:LYS:HA	1:Az:165:ARG:HD2	1.67	0.77
1:Ar:485:LEU:HG	1:Ar:707:ARG:HG2	1.66	0.77
1:A0:577:ARG:NH1	1:A0:731:GLU:O	2.18	0.77
1:A5:190:ASN:ND2	1:A5:668:ILE:O	2.17	0.77
1:A6:424:ARG:NH1	1:A7:543:ASP:OD2	2.16	0.77
1:As:373:GLU:HA	1:As:390:ILE:HG12	1.66	0.77
1:BA:161:GLN:C	1:BE:293:ILE:H	1.93	0.77
1:BD:577:ARG:NH1	1:BD:731:GLU:O	2.18	0.77
1:Ay:190:ASN:ND2	1:Ay:668:ILE:O	2.18	0.77
1:BA:227:ARG:NH2	1:BA:473:ASP:OD2	2.18	0.77
1:BG:577:ARG:NH1	1:BG:731:GLU:O	2.18	0.77
1:A1:158:SER:N	1:BF:702:THR:HG1	1.81	0.77
1:A5:495:LEU:HD11	1:Az:465:ARG:HD2	1.66	0.77
1:Au:159:TYR:HB2	1:BG:492:PRO:HG2	1.67	0.77
1:Az:660:ILE:HB	1:Az:720:ILE:HB	1.67	0.77
1:BC:204:SER:HB3	1:BD:173:VAL:H	1.50	0.77
1:BC:312:ALA:HB3	1:BE:162:LYS:HD2	1.65	0.77
1:BE:208:PRO:HA	1:BE:474:PHE:HA	1.67	0.77
1:BG:190:ASN:ND2	1:BG:668:ILE:O	2.17	0.77
1:A0:239:VAL:O	1:A0:470:LYS:NZ	2.17	0.77
1:A5:165:ARG:HD3	1:A9:360:MET:HG2	1.66	0.77
1:At:239:VAL:O	1:At:470:LYS:NZ	2.17	0.77
1:BA:162:LYS:N	1:BE:293:ILE:N	2.32	0.77
1:BD:190:ASN:ND2	1:BD:668:ILE:O	2.18	0.77
1:A1:736:PRO:HB2	1:A2:734:LYS:HG2	1.67	0.77
1:At:311:ASP:O	1:BA:216:ARG:NH2	2.17	0.77
1:Av:165:ARG:HB2	1:Ax:360:MET:HE2	1.65	0.77
1:A0:190:ASN:ND2	1:A0:668:ILE:O	2.17	0.76
1:Au:577:ARG:NH1	1:Au:731:GLU:O	2.17	0.76
1:Az:214:LEU:O	1:BD:308:ASP:HA	1.85	0.76
1:At:306:TYR:CZ	1:BA:215:ARG:HD3	2.20	0.76
1:A5:225:TRP:HH2	1:BE:160:ASP:H	1.30	0.76
1:A8:310:THR:OG1	1:Ax:697:GLN:NE2	2.15	0.76
1:BA:162:LYS:HG3	1:BE:292:MET:C	2.10	0.76
1:BB:360:MET:O	1:BD:165:ARG:NH2	2.18	0.76
1:BB:333:LYS:HD3	1:BB:384:GLU:HB3	1.67	0.76
1:BC:206:ARG:H	1:BD:174:PHE:CB	1.98	0.76
1:Av:164:LEU:HB2	1:Ax:360:MET:HE1	1.67	0.76
1:BA:491:ILE:HD12	1:BF:471:HIS:HB2	1.65	0.76
1:A3:660:ILE:HB	1:A3:720:ILE:HB	1.68	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:359:LYS:O	1:A8:165:ARG:HD3	1.86	0.76
1:A9:239:VAL:O	1:A9:470:LYS:NZ	2.19	0.76
1:BA:161:GLN:H	1:BE:293:ILE:N	1.84	0.76
1:BC:427:ASP:O	1:BD:537:ARG:NH2	2.19	0.76
1:BC:482:ALA:O	1:BC:709:ARG:NH1	2.18	0.76
1:A1:239:VAL:O	1:A1:470:LYS:NZ	2.18	0.76
1:A3:301:ILE:HD11	1:A3:460:ARG:HH22	1.51	0.76
1:A4:736:PRO:HB2	1:Ay:734:LYS:HG2	1.68	0.76
1:BA:168:MET:SD	1:BF:480:ARG:NH1	2.59	0.76
1:A1:694:ARG:O	1:BD:466:ARG:HD3	1.86	0.76
1:A8:357:PHE:HE1	1:As:475:ASN:HA	1.50	0.76
1:Ar:373:GLU:HA	1:Ar:390:ILE:HG12	1.68	0.76
1:Az:190:ASN:ND2	1:Az:668:ILE:O	2.18	0.76
1:A5:577:ARG:NH1	1:A5:731:GLU:O	2.19	0.75
1:Ay:293:ILE:HD13	1:Ay:311:ASP:HB3	1.66	0.75
1:Az:493:ARG:O	1:Az:700:LYS:N	2.19	0.75
1:BC:205:PHE:H	1:BD:172:VAL:HB	1.50	0.75
1:BG:208:PRO:HA	1:BG:474:PHE:HA	1.68	0.75
1:A9:698:VAL:N	1:BH:464:ASN:O	2.18	0.75
1:At:497:TRP:O	1:At:700:LYS:NZ	2.17	0.75
1:Ay:495:LEU:HD21	1:Ay:698:VAL:HG12	1.68	0.75
1:A7:482:ALA:O	1:A7:709:ARG:NH1	2.19	0.75
1:Ay:466:ARG:NH1	1:BF:697:GLN:O	2.20	0.75
1:A0:694:ARG:H	1:Ar:466:ARG:CZ	1.99	0.75
1:A7:577:ARG:NH1	1:A7:731:GLU:O	2.20	0.75
1:A9:373:GLU:HA	1:A9:390:ILE:HG12	1.68	0.75
2:B:37:ASN:ND2	1:BA:302:LEU:O	2.20	0.75
1:BA:173:VAL:HG21	1:BF:476:MET:HA	1.68	0.75
1:A0:466:ARG:HB2	1:BE:697:GLN:HB3	1.66	0.75
1:A3:463:SER:OG	1:Ay:160:ASP:OD2	2.03	0.75
1:A6:190:ASN:ND2	1:A6:668:ILE:O	2.19	0.75
1:BA:160:ASP:N	1:BE:294:GLY:C	2.44	0.75
1:A1:409:GLU:HG2	1:A3:159:TYR:CE1	2.22	0.75
1:Av:660:ILE:HB	1:Av:720:ILE:HB	1.67	0.75
1:BA:168:MET:O	1:BF:480:ARG:HB3	1.86	0.75
1:A1:358:ARG:HB3	1:A1:408:VAL:HB	1.69	0.75
1:A6:461:ASN:HD22	1:A8:162:LYS:HD3	1.52	0.75
1:At:209:LEU:HD13	1:At:227:ARG:HG3	1.67	0.75
1:At:295:ILE:H	1:BA:220:GLY:C	1.95	0.75
1:Ar:202:ASP:HB3	1:As:169:PRO:HA	1.67	0.75
1:Ar:293:ILE:HD13	1:Ar:311:ASP:HB3	1.68	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:308:ASP:OD2	1:As:697:GLN:NE2	2.20	0.74
1:A7:295:ILE:HA	1:BG:220:GLY:HA2	1.69	0.74
1:BF:210:VAL:O	1:BF:227:ARG:HA	1.87	0.74
1:BH:577:ARG:NH1	1:BH:731:GLU:O	2.19	0.74
1:A1:310:THR:C	1:A1:464:ASN:HD21	1.93	0.74
1:A3:426:VAL:HG21	1:A4:541:PHE:HZ	1.52	0.74
1:As:239:VAL:O	1:As:470:LYS:NZ	2.20	0.74
1:A1:159:TYR:CG	1:BF:491:ILE:HG21	2.22	0.74
1:At:357:PHE:HE1	1:BA:475:ASN:HA	1.52	0.74
1:BH:208:PRO:HA	1:BH:474:PHE:HA	1.68	0.74
1:A8:190:ASN:ND2	1:A8:668:ILE:O	2.20	0.74
1:BB:313:LEU:HG	1:BD:162:LYS:HB3	1.70	0.74
1:A1:257:ASN:ND2	1:Ar:219:ASP:O	2.19	0.74
1:Au:190:ASN:ND2	1:Au:668:ILE:O	2.21	0.74
1:Az:477:LYS:HG2	1:BD:356:ASP:HA	1.69	0.74
1:A1:202:ASP:HB3	1:A2:169:PRO:HA	1.68	0.74
1:A5:162:LYS:HD3	1:A9:461:ASN:HD22	1.52	0.74
1:A7:333:LYS:HD3	1:A7:384:GLU:HB3	1.69	0.74
1:Ar:351:LYS:NZ	1:Ar:356:ASP:O	2.20	0.74
1:Au:364:PHE:HB3	1:Au:402:VAL:HB	1.70	0.74
1:Ay:356:ASP:HA	1:BE:477:LYS:HG2	1.70	0.74
1:A0:487:ALA:HB1	1:A9:244:VAL:HG22	1.70	0.74
1:A5:165:ARG:HD2	1:A9:351:LYS:HA	1.68	0.74
1:A7:190:ASN:ND2	1:A7:668:ILE:O	2.20	0.74
1:Ax:493:ARG:CD	1:Ax:494:PRO:HD2	2.17	0.74
1:A1:694:ARG:HB2	1:BD:466:ARG:CZ	2.18	0.74
1:A2:695:ASN:ND2	1:A9:306:TYR:O	2.20	0.74
1:As:660:ILE:HB	1:As:720:ILE:HB	1.69	0.74
1:Ay:364:PHE:HB3	1:Ay:402:VAL:HB	1.68	0.74
1:BC:203:VAL:HG23	1:BD:170:TYR:CG	2.21	0.74
1:BE:310:THR:O	1:BE:464:ASN:ND2	2.20	0.74
1:A5:472:LEU:HD12	1:A6:507:LEU:HD23	1.70	0.74
1:A7:292:MET:HE2	1:A7:458:ILE:HD12	1.67	0.74
1:BC:548:GLY:O	1:BC:551:ARG:NH1	2.21	0.74
1:BC:562:ASN:OD1	1:BC:721:ASN:ND2	2.19	0.74
1:At:293:ILE:HG21	1:BA:216:ARG:HB3	1.70	0.73
1:A5:216:ARG:H	1:BC:307:SER:HB2	1.53	0.73
1:Av:190:ASN:ND2	1:Av:668:ILE:O	2.21	0.73
1:Aw:333:LYS:HD3	1:Aw:384:GLU:HB3	1.71	0.73
1:A8:466:ARG:HB2	1:Ax:698:VAL:HG23	1.67	0.73
1:Au:333:LYS:HD3	1:Au:384:GLU:HB3	1.69	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BA:562:ASN:OD1	1:BA:721:ASN:ND2	2.21	0.73
1:BC:203:VAL:N	1:BD:170:TYR:CD1	2.56	0.73
1:A8:239:VAL:O	1:A8:470:LYS:NZ	2.22	0.73
1:Ar:190:ASN:ND2	1:Ar:668:ILE:O	2.21	0.73
1:Aw:190:ASN:ND2	1:Aw:668:ILE:O	2.21	0.73
1:Ay:308:ASP:OD1	1:BF:697:GLN:NE2	2.21	0.73
1:A7:202:ASP:HB3	1:A8:169:PRO:HA	1.69	0.73
1:Au:485:LEU:HG	1:Au:707:ARG:HG2	1.69	0.73
1:Ay:306:TYR:HE1	1:BE:304:ASN:HD21	1.36	0.73
1:A0:350:GLN:HB3	1:BC:353:LEU:HD12	1.70	0.73
1:A1:737:VAL:HB	1:Az:737:VAL:HG13	1.70	0.73
1:As:252:ARG:NH2	1:BH:218:ALA:O	2.22	0.73
1:BA:688:SER:HB2	1:BF:465:ARG:HH21	1.53	0.73
1:BC:480:ARG:HG3	1:BD:168:MET:O	1.89	0.73
1:A5:695:ASN:ND2	1:Az:306:TYR:O	2.22	0.73
1:At:295:ILE:N	1:BA:220:GLY:N	2.37	0.73
1:A0:696:GLY:C	1:Ar:466:ARG:HD2	2.14	0.73
1:Ar:208:PRO:HA	1:Ar:474:PHE:HA	1.70	0.73
1:At:466:ARG:HA	1:BB:697:GLN:HA	1.71	0.73
1:BD:322:ILE:HA	1:BD:454:TYR:HA	1.71	0.73
1:BF:546:ILE:O	1:BF:551:ARG:NH1	2.22	0.73
1:A0:694:ARG:HB2	1:Ar:466:ARG:HH12	1.54	0.73
1:A1:306:TYR:O	1:As:695:ASN:ND2	2.21	0.73
1:A6:161:GLN:NE2	1:BD:473:ASP:OD1	2.22	0.73
1:BA:161:GLN:N	1:BE:293:ILE:N	2.36	0.72
1:BB:405:SER:HA	1:BD:165:ARG:NH1	2.04	0.72
1:BD:200:GLY:O	1:BE:168:MET:HB3	1.89	0.72
1:A1:208:PRO:HA	1:A1:474:PHE:HA	1.71	0.72
1:A1:358:ARG:HD2	1:A1:408:VAL:HG11	1.70	0.72
1:A8:219:ASP:O	1:BH:257:ASN:ND2	2.22	0.72
1:A9:660:ILE:HB	1:A9:720:ILE:HB	1.71	0.72
1:Ax:301:ILE:HD11	1:Ax:460:ARG:HH22	1.55	0.72
1:Ay:301:ILE:HG23	1:BF:695:ASN:C	2.13	0.72
1:A0:493:ARG:HE	1:Ax:160:ASP:HA	1.54	0.72
1:As:207:ARG:O	1:As:475:ASN:N	2.23	0.72
1:Au:373:GLU:HA	1:Au:390:ILE:HG12	1.70	0.72
1:A7:562:ASN:OD1	1:A7:721:ASN:ND2	2.23	0.72
1:Au:482:ALA:O	1:Au:709:ARG:NH1	2.22	0.72
1:Av:737:VAL:HG13	1:Aw:737:VAL:HB	1.72	0.72
1:Ax:190:ASN:ND2	1:Ax:668:ILE:O	2.21	0.72
1:BA:506:VAL:HG12	1:BF:472:LEU:HD13	1.69	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BH:310:THR:O	1:BH:464:ASN:ND2	2.13	0.72
1:A2:159:TYR:HB2	1:A5:492:PRO:HG2	1.72	0.72
1:A3:199:ILE:HB	1:A4:167:MET:HG2	1.71	0.72
1:A3:737:VAL:HG13	1:A4:737:VAL:HB	1.71	0.72
1:A5:214:LEU:HD21	1:A5:223:ALA:HB1	1.72	0.72
1:BH:239:VAL:O	1:BH:470:LYS:NZ	2.21	0.72
1:A4:308:ASP:N	1:Az:158:SER:OG	2.22	0.72
1:A8:466:ARG:CZ	1:Ax:694:ARG:HB2	2.20	0.72
1:A9:310:THR:O	1:A9:464:ASN:ND2	2.22	0.72
1:Au:301:ILE:HD11	1:Au:460:ARG:HH22	1.55	0.72
1:A0:694:ARG:O	1:Ar:466:ARG:HD3	1.90	0.72
1:A2:190:ASN:ND2	1:A2:668:ILE:O	2.23	0.72
1:BA:162:LYS:HG3	1:BE:293:ILE:N	2.04	0.72
1:A1:219:ASP:O	1:A9:257:ASN:ND2	2.22	0.72
1:A1:489:PHE:CE2	1:Az:470:LYS:HB2	2.24	0.72
1:A3:161:GLN:OE1	1:As:493:ARG:NH1	2.23	0.72
1:As:349:PHE:HB3	1:As:360:MET:HB3	1.71	0.72
1:Az:214:LEU:HB3	1:BD:309:ASN:HB3	1.72	0.72
1:BD:482:ALA:O	1:BD:709:ARG:NH1	2.22	0.72
1:BF:190:ASN:ND2	1:BF:668:ILE:O	2.22	0.72
1:BG:694:ARG:HB2	1:BG:697:GLN:HG3	1.70	0.72
1:A9:495:LEU:HD11	1:BH:465:ARG:HD2	1.70	0.72
1:BA:307:SER:HA	1:BA:466:ARG:HH12	1.55	0.72
1:A8:373:GLU:HA	1:A8:390:ILE:HG12	1.72	0.71
1:As:357:PHE:HE1	1:BH:475:ASN:HA	1.54	0.71
1:At:364:PHE:HB3	1:At:402:VAL:HB	1.71	0.71
1:BB:666:ARG:HE	1:BB:675:LEU:HD12	1.55	0.71
1:A9:190:ASN:ND2	1:A9:668:ILE:O	2.23	0.71
1:Ar:577:ARG:NH1	1:Ar:731:GLU:O	2.22	0.71
1:Ay:333:LYS:HD3	1:Ay:384:GLU:HB3	1.72	0.71
1:BA:161:GLN:HA	1:BE:292:MET:N	2.04	0.71
1:BD:364:PHE:HB3	1:BD:402:VAL:HB	1.72	0.71
1:A6:159:TYR:HB3	1:BE:492:PRO:HG2	1.71	0.71
1:A8:466:ARG:CB	1:Ax:698:VAL:HG23	2.20	0.71
1:Az:216:ARG:HH21	1:BD:311:ASP:HB2	1.55	0.71
1:BA:160:ASP:HB2	1:BE:296:ALA:C	2.15	0.71
1:BB:190:ASN:ND2	1:BB:668:ILE:O	2.23	0.71
1:BD:666:ARG:HE	1:BD:675:LEU:HD12	1.55	0.71
1:A0:694:ARG:HB2	1:Ar:466:ARG:NH1	2.05	0.71
1:A9:216:ARG:HH21	1:Ar:311:ASP:HB2	1.55	0.71
1:Av:165:ARG:HD2	1:Ax:351:LYS:HA	1.71	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BD:485:LEU:HG	1:BD:707:ARG:HG2	1.72	0.71
1:A5:691:GLN:HA	1:A5:700:LYS:HA	1.72	0.71
1:A0:493:ARG:CZ	1:Ax:158:SER:O	2.38	0.71
1:A5:216:ARG:HH12	1:BC:291:ASP:CG	1.98	0.71
1:As:292:MET:HE2	1:As:458:ILE:HD12	1.73	0.71
1:BE:322:ILE:HA	1:BE:454:TYR:HA	1.71	0.71
1:A8:351:LYS:NZ	1:A8:356:ASP:O	2.23	0.71
1:A9:208:PRO:HA	1:A9:474:PHE:HA	1.72	0.71
1:A1:485:LEU:HG	1:A1:707:ARG:HG2	1.70	0.71
1:A2:333:LYS:HD3	1:A2:384:GLU:HB3	1.73	0.71
1:BG:497:TRP:NE1	1:BG:499:GLU:O	2.24	0.71
1:As:190:ASN:ND2	1:As:668:ILE:O	2.24	0.71
1:BC:190:ASN:ND2	1:BC:668:ILE:O	2.23	0.71
1:BE:488:PRO:HB3	1:BE:705:GLN:HB2	1.73	0.71
1:A4:493:ARG:O	1:A4:700:LYS:N	2.20	0.71
1:BC:205:PHE:N	1:BD:172:VAL:HB	2.06	0.70
1:A1:698:VAL:HG23	1:BD:466:ARG:CA	2.19	0.70
1:A9:207:ARG:O	1:A9:475:ASN:N	2.24	0.70
1:Ar:482:ALA:O	1:Ar:709:ARG:NH1	2.23	0.70
1:At:548:GLY:O	1:At:551:ARG:NH1	2.23	0.70
1:A0:493:ARG:NH1	1:A0:497:TRP:CD1	2.59	0.70
1:A8:562:ASN:OD1	1:A8:721:ASN:ND2	2.24	0.70
1:Ax:485:LEU:HG	1:Ax:707:ARG:HG2	1.73	0.70
1:BA:170:TYR:N	1:BF:479:GLU:O	2.23	0.70
1:BA:491:ILE:HD13	1:BF:211:PHE:CZ	2.26	0.70
1:A0:216:ARG:HH12	1:Az:411:ALA:HB3	1.54	0.70
1:Aw:482:ALA:O	1:Aw:709:ARG:NH1	2.23	0.70
1:A0:251:TYR:N	1:A0:280:LYS:O	2.24	0.70
1:BC:408:VAL:HG22	1:BE:164:LEU:HD12	1.73	0.70
1:BH:190:ASN:ND2	1:BH:668:ILE:O	2.25	0.70
1:A2:216:ARG:HE	1:As:158:SER:CB	2.04	0.70
1:A4:461:ASN:HD22	1:Az:162:LYS:HD3	1.57	0.70
1:A8:464:ASN:HB3	1:Ax:698:VAL:C	2.15	0.70
1:As:469:GLY:HA3	1:Ax:488:PRO:O	1.92	0.70
1:BA:161:GLN:CA	1:BE:292:MET:N	2.55	0.70
1:BC:312:ALA:HA	1:BE:160:ASP:CG	2.17	0.70
1:A0:697:GLN:N	1:A0:697:GLN:OE1	2.25	0.70
1:A1:161:GLN:NE2	1:BF:503:ASP:OD1	2.24	0.70
1:As:165:ARG:HD3	1:Aw:359:LYS:O	1.91	0.70
1:Ay:275:LYS:NZ	1:Ay:467:GLU:OE2	2.23	0.70
1:BA:688:SER:OG	1:BA:703:MET:HB3	1.92	0.70

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BG:693:THR:HG23	1:BG:698:VAL:HG22	1.72	0.70
1:A5:497:TRP:NE1	1:A5:499:GLU:O	2.25	0.70
1:BD:548:GLY:O	1:BD:551:ARG:NH1	2.24	0.70
1:A5:206:ARG:HA	1:A5:476:MET:HA	1.74	0.70
1:As:270:ARG:HE	1:As:281:THR:HG23	1.56	0.70
1:A1:476:MET:HE2	1:A9:357:PHE:HB3	1.74	0.70
1:A2:373:GLU:HA	1:A2:390:ILE:HG12	1.74	0.70
1:A2:697:GLN:OE1	1:A2:697:GLN:N	2.24	0.70
1:A5:164:LEU:HD12	1:A9:408:VAL:HG22	1.74	0.70
1:A6:158:SER:HB2	1:BE:697:GLN:NE2	2.06	0.70
1:At:570:GLN:NE2	1:At:729:TYR:OH	2.25	0.70
1:Ay:373:GLU:HA	1:Ay:390:ILE:HG12	1.73	0.70
1:Ay:466:ARG:CB	1:BF:698:VAL:HG23	2.18	0.70
1:BA:166:ASP:HA	1:BE:349:PHE:H	1.57	0.70
1:BA:490:SER:HA	1:BF:471:HIS:NE2	2.06	0.70
1:A0:503:ASP:HB3	1:Ax:158:SER:N	2.07	0.69
1:A8:485:LEU:HG	1:A8:707:ARG:HG2	1.73	0.69
1:At:311:ASP:OD2	1:At:466:ARG:NH1	2.25	0.69
1:BC:205:PHE:CE2	1:BC:552:TYR:HB2	2.27	0.69
1:BD:321:LYS:HB2	1:BD:455:GLU:HB3	1.74	0.69
1:As:251:TYR:N	1:As:280:LYS:O	2.25	0.69
1:At:308:ASP:HA	1:BA:216:ARG:H	1.57	0.69
1:Aw:190:ASN:O	1:Aw:680:PHE:N	2.25	0.69
1:Ax:697:GLN:OE1	1:Ax:697:GLN:N	2.24	0.69
1:BB:424:ARG:NH1	1:BC:543:ASP:OD2	2.14	0.69
1:BG:373:GLU:HA	1:BG:390:ILE:HG12	1.73	0.69
1:A0:161:GLN:H	1:Ax:493:ARG:HH21	1.37	0.69
1:A0:309:ASN:HB3	1:BD:214:LEU:HB3	1.74	0.69
1:A1:493:ARG:HD2	1:A1:494:PRO:HD2	1.74	0.69
1:A6:408:VAL:HG22	1:A8:164:LEU:CG	2.21	0.69
1:A9:698:VAL:HB	1:BH:465:ARG:HD3	1.74	0.69
1:Au:699:SER:HG	1:BG:158:SER:N	1.89	0.69
1:Av:562:ASN:OD1	1:Av:721:ASN:ND2	2.25	0.69
1:Ay:562:ASN:OD1	1:Ay:721:ASN:ND2	2.24	0.69
1:A1:225:TRP:CZ2	1:A9:410:LYS:HA	2.27	0.69
1:A6:373:GLU:HA	1:A6:390:ILE:HG12	1.75	0.69
1:A1:360:MET:HA	1:A3:165:ARG:HD3	1.74	0.69
1:A1:373:GLU:HA	1:A1:390:ILE:HG12	1.75	0.69
1:A5:485:LEU:HG	1:A5:707:ARG:HG2	1.74	0.69
1:A7:373:GLU:HA	1:A7:390:ILE:HG12	1.72	0.69
1:A8:466:ARG:HD2	1:Ax:696:GLY:CA	2.21	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A9:475:ASN:HA	1:Ar:357:PHE:HE1	1.56	0.69
1:As:297:GLU:HG3	1:BH:218:ALA:HA	1.72	0.69
1:BA:162:LYS:HG2	1:BE:293:ILE:HG13	1.74	0.69
1:BE:217:ASN:ND2	1:BE:221:THR:OG1	2.26	0.69
1:BG:691:GLN:HA	1:BG:700:LYS:HA	1.73	0.69
1:A3:472:LEU:HD12	1:A4:507:LEU:HD23	1.74	0.69
1:A5:482:ALA:O	1:A5:709:ARG:NH1	2.22	0.69
1:A7:666:ARG:HE	1:A7:675:LEU:HD12	1.57	0.69
1:BA:548:GLY:O	1:BA:551:ARG:NH1	2.24	0.69
1:A0:548:GLY:O	1:A0:551:ARG:NH1	2.26	0.69
1:A0:698:VAL:HB	1:Ar:464:ASN:O	1.93	0.69
1:A8:466:ARG:CZ	1:Ax:697:GLN:O	2.40	0.69
1:Ay:466:ARG:NH1	1:BF:694:ARG:O	2.26	0.69
1:BD:562:ASN:OD1	1:BD:721:ASN:ND2	2.24	0.69
1:BH:546:ILE:O	1:BH:551:ARG:NH1	2.26	0.69
1:A0:546:ILE:O	1:A0:551:ARG:NH1	2.26	0.69
1:A1:159:TYR:OH	1:BE:473:ASP:OD1	2.10	0.69
1:A1:698:VAL:H	1:BD:466:ARG:N	1.91	0.69
1:A2:473:ASP:OD1	1:As:161:GLN:NE2	2.26	0.69
1:A3:190:ASN:ND2	1:A3:668:ILE:O	2.26	0.69
1:Ar:735:LEU:HB2	1:Aw:737:VAL:HG22	1.74	0.69
1:As:562:ASN:OD1	1:As:721:ASN:ND2	2.25	0.69
1:Au:169:PRO:HA	1:Ax:202:ASP:HB3	1.73	0.69
1:Ay:301:ILE:HG23	1:BF:695:ASN:O	1.93	0.69
1:BA:169:PRO:HD3	1:BE:350:GLN:NE2	2.07	0.69
1:BA:482:ALA:O	1:BA:709:ARG:NH1	2.23	0.69
1:BC:203:VAL:CB	1:BD:170:TYR:CG	2.74	0.69
1:BC:480:ARG:HD3	1:BD:167:MET:HB2	1.75	0.69
1:A5:693:THR:HA	1:A5:698:VAL:HA	1.75	0.69
1:Av:493:ARG:O	1:Av:700:LYS:N	2.23	0.69
1:Ay:466:ARG:HD2	1:BF:696:GLY:C	2.17	0.69
1:Ay:548:GLY:O	1:Ay:551:ARG:NH1	2.26	0.69
1:BA:351:LYS:NZ	1:BA:356:ASP:O	2.26	0.69
1:BB:546:ILE:O	1:BB:551:ARG:NH1	2.25	0.69
1:A0:208:PRO:HA	1:A0:474:PHE:HA	1.73	0.69
1:A1:164:LEU:HD21	1:BF:497:TRP:CH2	2.28	0.69
1:A2:482:ALA:O	1:A2:709:ARG:NH1	2.24	0.69
1:A5:736:PRO:HB2	1:A6:734:LYS:HG2	1.75	0.69
1:As:208:PRO:HA	1:As:474:PHE:HA	1.73	0.69
1:At:401:GLU:HG3	1:BF:414:ARG:HH21	1.58	0.69
1:Av:199:ILE:HB	1:Aw:167:MET:HG2	1.74	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ax:358:ARG:HD2	1:Ax:408:VAL:HB	1.75	0.69
1:Ay:466:ARG:HB3	1:BF:696:GLY:O	1.92	0.69
1:BA:162:LYS:H	1:BE:292:MET:CA	2.05	0.69
1:A6:158:SER:N	1:BE:699:SER:HG	1.91	0.68
1:Aw:373:GLU:HA	1:Aw:390:ILE:HG12	1.75	0.68
1:BA:322:ILE:HA	1:BA:454:TYR:HA	1.74	0.68
1:BC:351:LYS:HA	1:BE:165:ARG:HD2	1.75	0.68
1:BE:562:ASN:OD1	1:BE:721:ASN:ND2	2.26	0.68
1:BH:373:GLU:HA	1:BH:390:ILE:HG12	1.75	0.68
1:A0:190:ASN:O	1:A0:680:PHE:N	2.24	0.68
1:A1:546:ILE:O	1:A1:551:ARG:NH1	2.26	0.68
1:Az:666:ARG:HE	1:Az:675:LEU:HD12	1.58	0.68
2:B:79:THR:OG1	2:B:82:GLU:OE1	2.10	0.68
1:A7:548:GLY:O	1:A7:551:ARG:NH1	2.27	0.68
1:A9:666:ARG:HE	1:A9:675:LEU:HD12	1.57	0.68
1:BA:159:TYR:HA	1:BE:294:GLY:O	1.94	0.68
1:BA:161:GLN:H	1:BE:293:ILE:C	2.00	0.68
1:BG:562:ASN:OD1	1:BG:721:ASN:ND2	2.25	0.68
1:A2:697:GLN:HE21	1:A9:308:ASP:CG	2.02	0.68
1:At:291:ASP:HA	1:At:411:ALA:O	1.91	0.68
1:Av:666:ARG:HE	1:Av:675:LEU:HD12	1.59	0.68
1:Ax:373:GLU:HA	1:Ax:390:ILE:HG12	1.75	0.68
1:BB:562:ASN:OD1	1:BB:721:ASN:ND2	2.25	0.68
1:BC:239:VAL:O	1:BC:470:LYS:NZ	2.27	0.68
1:BF:480:ARG:HG2	1:BF:481:TYR:O	1.94	0.68
1:BH:333:LYS:HD3	1:BH:384:GLU:HB3	1.76	0.68
1:A1:167:MET:HG2	1:Az:199:ILE:HB	1.75	0.68
1:A1:473:ASP:CG	1:A5:161:GLN:HE22	2.01	0.68
1:A2:218:ALA:O	1:Aw:252:ARG:NH2	2.25	0.68
1:As:666:ARG:HE	1:As:675:LEU:HD12	1.59	0.68
1:At:195:ALA:HB3	1:At:198:GLN:HG3	1.75	0.68
1:BH:660:ILE:HB	1:BH:720:ILE:HB	1.76	0.68
1:A4:373:GLU:HA	1:A4:390:ILE:HG12	1.75	0.68
1:A9:492:PRO:HG3	1:BH:310:THR:HG22	1.76	0.68
1:BD:488:PRO:HB3	1:BD:705:GLN:HB2	1.73	0.68
1:Az:546:ILE:O	1:Az:551:ARG:NH1	2.27	0.68
1:BC:242:ASN:ND2	1:BD:488:PRO:O	2.26	0.68
1:A2:546:ILE:O	1:A2:551:ARG:NH1	2.27	0.68
1:A4:482:ALA:O	1:A4:709:ARG:NH1	2.26	0.68
1:A7:660:ILE:HB	1:A7:720:ILE:HB	1.75	0.68
1:Ar:464:ASN:N	1:Ar:464:ASN:OD1	2.27	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Av:164:LEU:HD12	1:Ax:408:VAL:HG22	1.76	0.68
1:BB:358:ARG:HD2	1:BB:408:VAL:HG11	1.76	0.68
1:BC:684:PRO:O	1:BC:707:ARG:NH2	2.21	0.68
1:BE:317:ILE:HG23	1:BE:458:ILE:HG12	1.74	0.68
1:BF:548:GLY:O	1:BF:551:ARG:NH1	2.26	0.68
1:A2:577:ARG:NH1	1:A2:731:GLU:O	2.26	0.68
1:Au:666:ARG:HE	1:Au:675:LEU:HD12	1.59	0.68
1:Az:349:PHE:HB3	1:Az:360:MET:HB3	1.76	0.68
1:Az:559:GLU:OE1	1:Az:595:ARG:NH1	2.27	0.68
1:BC:190:ASN:O	1:BC:680:PHE:N	2.24	0.68
1:BC:311:ASP:HB2	1:BE:158:SER:CA	2.24	0.68
1:A4:546:ILE:O	1:A4:551:ARG:NH1	2.27	0.68
1:A5:562:ASN:OD1	1:A5:721:ASN:ND2	2.26	0.68
1:Ar:247:LEU:HD21	1:Ar:460:ARG:HB2	1.75	0.68
1:Aw:239:VAL:O	1:Aw:470:LYS:NZ	2.26	0.68
1:A0:313:LEU:HB2	1:A0:408:VAL:HG13	1.75	0.67
1:At:296:ALA:N	1:BA:220:GLY:HA3	2.08	0.67
1:Av:559:GLU:OE1	1:Av:595:ARG:NH1	2.24	0.67
1:Az:471:HIS:CD2	1:BD:309:ASN:HD21	2.12	0.67
1:A0:242:ASN:ND2	1:A5:488:PRO:O	2.28	0.67
1:A1:190:ASN:O	1:A1:680:PHE:N	2.24	0.67
1:A1:562:ASN:OD1	1:A1:721:ASN:ND2	2.28	0.67
1:A4:308:ASP:O	1:Az:158:SER:OG	2.07	0.67
1:A6:695:ASN:HB3	1:BC:305:GLY:HA3	1.76	0.67
1:At:293:ILE:C	1:BA:220:GLY:CA	2.67	0.67
1:Aw:562:ASN:OD1	1:Aw:721:ASN:ND2	2.28	0.67
1:BA:162:LYS:HB2	1:BE:292:MET:CB	2.24	0.67
1:BC:205:PHE:HE2	1:BC:552:TYR:HB2	1.58	0.67
1:BC:308:ASP:O	1:BE:158:SER:N	2.27	0.67
1:BD:349:PHE:HB3	1:BD:360:MET:HB3	1.75	0.67
1:BD:693:THR:HG23	1:BD:698:VAL:HG22	1.76	0.67
1:BH:210:VAL:N	1:BH:228:ARG:O	2.26	0.67
1:A8:466:ARG:HD2	1:Ax:696:GLY:C	2.20	0.67
1:Ar:562:ASN:OD1	1:Ar:721:ASN:ND2	2.27	0.67
1:Ax:493:ARG:HD2	1:Ax:494:PRO:HD2	1.74	0.67
1:A1:462:ASN:ND2	1:A1:467:GLU:O	2.27	0.67
1:A5:301:ILE:HD11	1:A5:460:ARG:HH22	1.59	0.67
1:At:725:LEU:HA	1:At:727:LYS:HE2	1.75	0.67
1:BE:291:ASP:CG	1:BE:295:ILE:H	2.03	0.67
1:A0:485:LEU:HG	1:A0:707:ARG:HG2	1.77	0.67
1:A2:493:ARG:HH12	1:A5:161:GLN:HB2	1.58	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:190:ASN:O	1:A4:680:PHE:N	2.24	0.67
1:A5:164:LEU:HB2	1:A9:360:MET:SD	2.35	0.67
1:A8:466:ARG:HH11	1:Ax:695:ASN:C	2.02	0.67
1:A8:548:GLY:O	1:A8:551:ARG:NH1	2.28	0.67
1:Av:539:ARG:O	1:Av:555:ARG:NH1	2.28	0.67
1:BA:331:HIS:CE1	1:BA:387:GLN:HB3	2.30	0.67
1:BA:559:GLU:OE1	1:BA:595:ARG:NH1	2.26	0.67
1:A0:358:ARG:CD	1:A6:164:LEU:HD12	2.24	0.67
1:A2:358:ARG:NE	1:A4:164:LEU:HD12	2.10	0.67
1:A3:559:GLU:OE1	1:A3:595:ARG:NH1	2.26	0.67
1:A8:467:GLU:HG2	1:Ax:696:GLY:HA2	1.75	0.67
1:A9:462:ASN:ND2	1:A9:467:GLU:O	2.27	0.67
1:A9:546:ILE:O	1:A9:551:ARG:NH1	2.28	0.67
1:BF:562:ASN:OD1	1:BF:721:ASN:ND2	2.23	0.67
1:A7:297:GLU:OE2	1:A7:307:SER:OG	2.05	0.67
1:Ar:322:ILE:HA	1:Ar:454:TYR:HA	1.77	0.67
1:BB:190:ASN:O	1:BB:680:PHE:N	2.25	0.67
1:BE:666:ARG:HE	1:BE:675:LEU:HD12	1.59	0.67
1:A1:548:GLY:O	1:A1:551:ARG:NH1	2.28	0.67
1:A7:546:ILE:O	1:A7:551:ARG:NH1	2.28	0.67
1:As:313:LEU:HB2	1:As:408:VAL:HG13	1.77	0.67
1:Ay:587:ASN:HA	1:Az:578:ARG:HH21	1.60	0.67
1:BA:242:ASN:ND2	1:BB:487:ALA:HB3	2.09	0.67
1:A1:257:ASN:HD21	1:Ar:219:ASP:C	2.03	0.67
1:A3:562:ASN:OD1	1:A3:721:ASN:ND2	2.27	0.67
1:A4:244:VAL:HG22	1:Ay:487:ALA:HB1	1.77	0.67
1:A7:472:LEU:HD13	1:A8:506:VAL:HG12	1.77	0.67
1:Ar:472:LEU:HD13	1:As:506:VAL:HG12	1.77	0.67
1:BC:485:LEU:HG	1:BC:707:ARG:HG2	1.76	0.67
1:A0:218:ALA:O	1:Az:252:ARG:NH2	2.27	0.66
1:A0:464:ASN:ND2	1:A6:158:SER:O	2.28	0.66
1:A0:562:ASN:OD1	1:A0:721:ASN:ND2	2.26	0.66
1:Aw:310:THR:C	1:Aw:464:ASN:HD21	2.02	0.66
1:Ay:322:ILE:HA	1:Ay:454:TYR:HA	1.77	0.66
1:BA:173:VAL:CG1	1:BF:207:ARG:HG2	2.25	0.66
1:BD:694:ARG:HB2	1:BD:697:GLN:HG3	1.75	0.66
1:BE:578:ARG:HE	1:BE:729:TYR:HH	1.41	0.66
1:A0:482:ALA:O	1:A0:709:ARG:NH1	2.24	0.66
1:A3:158:SER:CB	1:Ar:216:ARG:HE	2.01	0.66
1:A6:333:LYS:HD3	1:A6:384:GLU:HB3	1.78	0.66
1:As:164:LEU:HB3	1:Aw:360:MET:HE3	1.75	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:As:210:VAL:N	1:As:228:ARG:O	2.26	0.66
1:Aw:546:ILE:O	1:Aw:551:ARG:NH1	2.29	0.66
1:BE:284:LEU:HB3	1:BE:290:ILE:HD13	1.77	0.66
1:A1:666:ARG:HE	1:A1:675:LEU:HD12	1.59	0.66
1:A6:660:ILE:HB	1:A6:720:ILE:HB	1.75	0.66
1:A7:471:HIS:ND1	1:A8:490:SER:O	2.28	0.66
1:As:485:LEU:HG	1:As:707:ARG:HG2	1.75	0.66
1:Ax:292:MET:HE2	1:Ax:458:ILE:HD12	1.77	0.66
1:BB:312:ALA:HA	1:BD:162:LYS:HG2	1.76	0.66
1:A2:548:GLY:O	1:A2:551:ARG:NH1	2.28	0.66
1:A5:693:THR:HG23	1:A5:698:VAL:HG22	1.78	0.66
1:Ax:666:ARG:HE	1:Ax:675:LEU:HD12	1.60	0.66
1:Ay:466:ARG:HH11	1:BF:696:GLY:N	1.93	0.66
1:BB:736:PRO:HG2	1:BC:734:LYS:HA	1.77	0.66
1:A0:469:GLY:HA3	1:A5:488:PRO:O	1.96	0.66
1:A2:693:THR:HG23	1:A2:698:VAL:HG22	1.77	0.66
1:A6:159:TYR:CB	1:BE:492:PRO:HG2	2.24	0.66
1:A7:351:LYS:NZ	1:A7:356:ASP:O	2.27	0.66
1:Ar:546:ILE:O	1:Ar:551:ARG:NH1	2.28	0.66
1:Ar:548:GLY:O	1:Ar:551:ARG:NH1	2.28	0.66
1:Ay:684:PRO:O	1:Ay:707:ARG:NH2	2.22	0.66
1:BA:164:LEU:HB2	1:BE:413:LEU:HD13	1.77	0.66
1:BB:660:ILE:HB	1:BB:720:ILE:HB	1.77	0.66
1:BG:488:PRO:O	1:BH:469:GLY:HA3	1.96	0.66
1:A9:559:GLU:OE1	1:A9:595:ARG:NH1	2.25	0.66
1:Ax:333:LYS:HD3	1:Ax:384:GLU:HB3	1.78	0.66
1:BC:292:MET:HE2	1:BC:458:ILE:HD12	1.77	0.66
1:BC:358:ARG:HD2	1:BC:408:VAL:CG1	2.26	0.66
1:BC:469:GLY:HA3	1:BD:488:PRO:O	1.95	0.66
1:BE:284:LEU:HD13	1:BE:290:ILE:HG21	1.76	0.66
1:BF:311:ASP:OD1	1:BF:466:ARG:NH1	2.28	0.66
1:BG:169:PRO:HA	1:BH:202:ASP:HB3	1.76	0.66
1:BH:562:ASN:OD1	1:BH:721:ASN:ND2	2.28	0.66
1:A2:428:GLN:HA	1:A3:537:ARG:HH22	1.61	0.66
1:A4:301:ILE:HD11	1:A4:460:ARG:HH22	1.60	0.66
1:A4:660:ILE:HB	1:A4:720:ILE:HB	1.78	0.66
1:A8:322:ILE:HA	1:A8:454:TYR:HA	1.76	0.66
1:A8:482:ALA:O	1:A8:709:ARG:NH1	2.28	0.66
1:Az:322:ILE:HA	1:Az:454:TYR:HA	1.78	0.66
1:BB:164:LEU:HD13	1:BF:408:VAL:HB	1.76	0.66
1:A0:684:PRO:O	1:A0:707:ARG:NH2	2.24	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:559:GLU:OE2	1:A4:726:ARG:NH1	2.28	0.66
1:A5:660:ILE:HB	1:A5:720:ILE:HB	1.77	0.66
1:A9:214:LEU:O	1:Ar:308:ASP:HA	1.94	0.66
1:Ar:165:ARG:HD3	1:Av:351:LYS:HG2	1.78	0.66
1:As:559:GLU:OE1	1:As:595:ARG:NH1	2.28	0.66
1:Aw:270:ARG:HE	1:Aw:281:THR:HG23	1.61	0.66
1:Ax:190:ASN:O	1:Ax:680:PHE:N	2.24	0.66
1:Ax:546:ILE:O	1:Ax:551:ARG:NH1	2.29	0.66
1:Ay:309:ASN:HD22	1:BE:211:PHE:HE2	1.41	0.66
1:Az:562:ASN:OD1	1:Az:721:ASN:ND2	2.26	0.66
1:BA:164:LEU:HB3	1:BE:456:LEU:HD13	1.78	0.66
1:BD:206:ARG:HA	1:BD:476:MET:HA	1.78	0.66
1:BF:486:LEU:HD12	1:BF:706:PRO:HG2	1.76	0.66
1:A2:562:ASN:OD1	1:A2:721:ASN:ND2	2.26	0.66
1:As:165:ARG:HD2	1:Aw:351:LYS:HA	1.77	0.66
1:Aw:493:ARG:O	1:Aw:700:LYS:N	2.22	0.66
1:Ay:428:GLN:HA	1:Az:537:ARG:HH22	1.61	0.66
1:BB:584:ALA:HB2	1:BC:574:THR:HG21	1.78	0.66
1:BE:539:ARG:O	1:BE:555:ARG:NH1	2.29	0.66
1:BH:548:GLY:O	1:BH:551:ARG:NH1	2.29	0.66
1:A4:666:ARG:HE	1:A4:675:LEU:HD12	1.59	0.66
1:A7:357:PHE:HE1	1:BG:475:ASN:HA	1.61	0.66
1:A9:190:ASN:O	1:A9:680:PHE:N	2.25	0.66
1:As:539:ARG:O	1:As:555:ARG:NH1	2.29	0.66
1:Ay:466:ARG:NH2	1:BF:698:VAL:HG22	2.11	0.66
1:Ay:472:LEU:HD13	1:Az:506:VAL:HG12	1.78	0.66
1:BD:559:GLU:OE1	1:BD:595:ARG:NH1	2.26	0.66
1:BE:491:ILE:N	1:BE:702:THR:O	2.20	0.66
1:BG:660:ILE:HB	1:BG:720:ILE:HB	1.78	0.66
1:A4:488:PRO:HB3	1:A4:705:GLN:HB2	1.78	0.65
1:As:548:GLY:O	1:As:551:ARG:NH1	2.28	0.65
1:BE:228:ARG:HH11	1:BE:239:VAL:HA	1.60	0.65
1:A0:543:ASP:OD2	1:A9:424:ARG:NH1	2.26	0.65
1:A0:698:VAL:HA	1:Ar:466:ARG:NH2	2.11	0.65
1:A5:227:ARG:HH22	1:BC:409:GLU:HG2	1.61	0.65
1:A5:666:ARG:HE	1:A5:675:LEU:HD12	1.60	0.65
1:As:546:ILE:O	1:As:551:ARG:NH1	2.29	0.65
1:BA:161:GLN:N	1:BE:292:MET:N	2.44	0.65
1:BE:319:LEU:HA	1:BE:456:LEU:HD23	1.76	0.65
1:A4:410:LYS:HA	1:Az:159:TYR:CE1	2.31	0.65
1:As:357:PHE:HB3	1:BH:476:MET:HB3	1.77	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:As:357:PHE:CE1	1:BH:475:ASN:HA	2.31	0.65
1:Az:539:ARG:O	1:Az:555:ARG:NH1	2.29	0.65
1:BG:666:ARG:HE	1:BG:675:LEU:HD12	1.61	0.65
1:A2:698:VAL:O	1:A9:464:ASN:HB3	1.97	0.65
1:A3:666:ARG:HE	1:A3:675:LEU:HD12	1.60	0.65
1:A8:208:PRO:HA	1:A8:474:PHE:HA	1.76	0.65
1:A9:364:PHE:HB3	1:A9:402:VAL:HB	1.78	0.65
1:BA:578:ARG:NH2	1:BF:587:ASN:OD1	2.29	0.65
3:G:169:LEU:HD22	3:G:208:MET:HE1	1.78	0.65
1:A0:666:ARG:HE	1:A0:675:LEU:HD12	1.61	0.65
1:A1:207:ARG:O	1:A1:475:ASN:N	2.28	0.65
1:A1:312:ALA:HA	1:A3:160:ASP:OD1	1.95	0.65
1:A1:493:ARG:HE	1:BF:160:ASP:CA	2.10	0.65
1:A2:203:VAL:N	1:A2:479:GLU:O	2.17	0.65
1:A2:495:LEU:HD23	1:A2:700:LYS:HG3	1.78	0.65
1:A4:209:LEU:N	1:A4:473:ASP:O	2.30	0.65
1:A6:345:ILE:HG12	1:A7:479:GLU:HG2	1.77	0.65
1:BA:174:PHE:C	1:BA:175:ASN:HD22	2.05	0.65
1:BB:737:VAL:HG13	1:BC:737:VAL:HB	1.79	0.65
1:A0:210:VAL:N	1:A0:228:ARG:O	2.25	0.65
1:A3:158:SER:HB2	1:Ar:216:ARG:NE	2.01	0.65
1:A6:666:ARG:HE	1:A6:675:LEU:HD12	1.61	0.65
1:A7:190:ASN:O	1:A7:680:PHE:N	2.24	0.65
1:At:427:ASP:OD1	1:At:428:GLN:N	2.29	0.65
1:Av:548:GLY:O	1:Av:551:ARG:NH1	2.29	0.65
1:Ax:687:VAL:HG22	1:Ax:704:VAL:HG22	1.78	0.65
1:Az:209:LEU:N	1:Az:473:ASP:O	2.28	0.65
1:BB:577:ARG:NH1	1:BB:731:GLU:O	2.30	0.65
1:Au:548:GLY:O	1:Au:551:ARG:NH1	2.29	0.65
1:Ay:546:ILE:O	1:Ay:551:ARG:NH1	2.30	0.65
1:BD:180:ARG:HA	1:BD:512:ASN:HB3	1.77	0.65
1:BE:482:ALA:O	1:BE:709:ARG:NH1	2.30	0.65
1:A1:491:ILE:O	1:BF:158:SER:HB2	1.97	0.65
1:A4:313:LEU:O	1:Az:162:LYS:HB2	1.97	0.65
1:A6:546:ILE:O	1:A6:551:ARG:NH1	2.30	0.65
1:A9:216:ARG:HH12	1:Ar:411:ALA:HB3	1.61	0.65
1:A9:322:ILE:HA	1:A9:454:TYR:HA	1.77	0.65
1:BA:491:ILE:HD13	1:BF:211:PHE:CE2	2.32	0.65
1:BD:351:LYS:NZ	1:BD:356:ASP:O	2.29	0.65
1:BE:244:VAL:HG22	1:BF:487:ALA:HB1	1.79	0.65
1:A0:697:GLN:HB2	1:Ar:464:ASN:ND2	2.12	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:190:ASN:ND2	1:A1:668:ILE:O	2.30	0.65
1:A1:357:PHE:HE1	1:Ar:475:ASN:HA	1.62	0.65
1:A8:219:ASP:C	1:BH:257:ASN:HD21	2.05	0.65
1:At:291:ASP:O	1:At:293:ILE:N	2.30	0.65
1:Ay:200:GLY:O	1:Az:168:MET:HB3	1.97	0.65
1:Az:548:GLY:O	1:Az:551:ARG:NH1	2.30	0.65
1:BA:160:ASP:HB2	1:BE:296:ALA:CA	2.26	0.65
1:A1:160:ASP:C	1:BF:497:TRP:HD1	2.05	0.65
1:A2:666:ARG:HE	1:A2:675:LEU:HD12	1.61	0.65
1:Au:497:TRP:NE1	1:Au:499:GLU:O	2.29	0.65
1:BE:214:LEU:HD11	1:BE:223:ALA:HB1	1.79	0.65
1:BE:459:ARG:HH11	1:BF:484:GLY:HA3	1.62	0.65
1:BG:210:VAL:N	1:BG:228:ARG:O	2.30	0.65
1:A0:257:ASN:ND2	1:BD:219:ASP:O	2.30	0.64
1:A1:162:LYS:HG3	1:BF:497:TRP:HA	1.79	0.64
1:A1:251:TYR:N	1:A1:280:LYS:O	2.28	0.64
1:A2:351:LYS:HE2	1:A4:165:ARG:HH11	1.61	0.64
1:A3:697:GLN:NE2	1:Aw:308:ASP:OD2	2.30	0.64
1:A5:548:GLY:O	1:A5:551:ARG:NH1	2.30	0.64
1:Ar:249:PRO:HA	1:Ar:295:ILE:CG2	2.27	0.64
1:Ax:548:GLY:O	1:Ax:551:ARG:NH1	2.29	0.64
1:BA:351:LYS:HG2	1:BC:165:ARG:HD2	1.79	0.64
1:BB:373:GLU:HA	1:BB:390:ILE:HG12	1.79	0.64
1:A5:227:ARG:NH2	1:BC:409:GLU:HG2	2.11	0.64
1:A9:333:LYS:HD3	1:A9:384:GLU:HB3	1.79	0.64
1:At:211:PHE:HB3	1:At:227:ARG:HB3	1.79	0.64
1:Au:167:MET:SD	1:Ax:480:ARG:HD3	2.37	0.64
1:Av:546:ILE:O	1:Av:551:ARG:NH1	2.29	0.64
1:A0:304:ASN:OD1	1:A5:695:ASN:HB3	1.97	0.64
1:A0:493:ARG:CG	1:Ax:158:SER:HB2	2.28	0.64
1:A0:737:VAL:HB	1:A9:737:VAL:HG13	1.77	0.64
1:A5:692:VAL:O	1:A5:699:SER:N	2.27	0.64
1:A7:244:VAL:HG22	1:A8:487:ALA:HB1	1.79	0.64
1:BC:546:ILE:O	1:BC:551:ARG:NH1	2.29	0.64
1:BD:472:LEU:HD13	1:BE:506:VAL:HG12	1.79	0.64
1:A0:311:ASP:OD2	1:A0:466:ARG:NH1	2.31	0.64
1:Ar:364:PHE:HB3	1:Ar:402:VAL:HB	1.79	0.64
1:Aw:251:TYR:N	1:Aw:280:LYS:O	2.30	0.64
1:BF:310:THR:HB	1:BF:464:ASN:ND2	2.13	0.64
1:A1:209:LEU:N	1:A1:473:ASP:O	2.26	0.64
1:A3:546:ILE:O	1:A3:551:ARG:NH1	2.30	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:At:678:GLY:HA2	1:At:712:ASN:HA	1.79	0.64
1:Az:488:PRO:HB3	1:Az:705:GLN:HB2	1.78	0.64
1:BA:164:LEU:HB3	1:BE:456:LEU:CD1	2.28	0.64
1:A5:215:ARG:HH21	1:BC:302:LEU:HD22	1.62	0.64
1:Ax:660:ILE:HB	1:Ax:720:ILE:HB	1.77	0.64
1:Ay:257:ASN:HD22	1:BE:219:ASP:CB	2.09	0.64
1:BA:211:PHE:HB3	1:BA:227:ARG:HG2	1.78	0.64
1:BE:207:ARG:O	1:BE:475:ASN:N	2.31	0.64
1:BG:546:ILE:O	1:BG:551:ARG:NH1	2.30	0.64
1:A0:703:MET:HE3	1:A9:465:ARG:HE	1.62	0.64
1:A3:539:ARG:O	1:A3:555:ARG:NH1	2.31	0.64
1:Ar:270:ARG:HE	1:Ar:281:THR:HG23	1.61	0.64
1:At:609:LEU:HD21	1:At:674:PRO:HD2	1.80	0.64
1:Au:202:ASP:HB3	1:Av:169:PRO:HA	1.80	0.64
1:Aw:417:GLY:HA2	1:Aw:451:LEU:HD23	1.80	0.64
1:BB:687:VAL:HG22	1:BB:704:VAL:HG22	1.79	0.64
1:BE:289:LEU:HD12	1:BE:413:LEU:O	1.98	0.64
1:BG:482:ALA:O	1:BG:709:ARG:NH1	2.31	0.64
1:A1:694:ARG:HB2	1:BD:466:ARG:NH1	2.11	0.64
1:Au:472:LEU:HD13	1:Av:506:VAL:HG12	1.78	0.64
1:BA:489:PHE:HB3	1:BF:470:LYS:O	1.98	0.64
1:BG:333:LYS:HD3	1:BG:384:GLU:HB3	1.78	0.64
1:A0:416:ASN:HD21	1:BC:401:GLU:HB2	1.61	0.64
1:A1:174:PHE:HB3	1:Az:206:ARG:O	1.98	0.64
1:A8:257:ASN:HD21	1:As:219:ASP:C	2.06	0.64
1:Ar:209:LEU:HD13	1:Ar:227:ARG:HD3	1.79	0.64
1:Au:546:ILE:O	1:Au:551:ARG:NH1	2.31	0.64
1:BG:190:ASN:O	1:BG:680:PHE:N	2.26	0.64
1:BH:482:ALA:O	1:BH:709:ARG:NH1	2.30	0.64
1:A1:476:MET:O	1:A9:356:ASP:HA	1.98	0.64
1:A1:488:PRO:O	1:Az:469:GLY:HA3	1.98	0.64
1:A1:697:GLN:CB	1:BD:464:ASN:HB2	2.27	0.64
1:A6:562:ASN:OD1	1:A6:721:ASN:ND2	2.29	0.64
1:Au:358:ARG:NE	1:Aw:164:LEU:HD12	2.12	0.64
1:At:464:ASN:O	1:BB:698:VAL:N	2.30	0.63
1:BC:666:ARG:HE	1:BC:675:LEU:HD12	1.62	0.63
1:BD:472:LEU:HB2	1:BE:491:ILE:HD11	1.81	0.63
1:BG:207:ARG:O	1:BG:475:ASN:N	2.30	0.63
1:A1:242:ASN:ND2	1:A2:488:PRO:O	2.27	0.63
1:A1:574:THR:OG1	1:Az:570:GLN:N	2.27	0.63
1:A2:210:VAL:N	1:A2:228:ARG:O	2.27	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:695:ASN:C	1:Az:305:GLY:HA3	2.24	0.63
1:Ax:462:ASN:ND2	1:Ax:467:GLU:O	2.31	0.63
1:Az:485:LEU:HG	1:Az:707:ARG:HG2	1.80	0.63
1:BA:162:LYS:CD	1:BE:247:LEU:HD13	2.26	0.63
1:BE:548:GLY:O	1:BE:551:ARG:NH1	2.31	0.63
1:A4:548:GLY:O	1:A4:551:ARG:NH1	2.31	0.63
1:A5:203:VAL:N	1:A5:479:GLU:O	2.18	0.63
1:A5:228:ARG:HH11	1:A5:239:VAL:HA	1.64	0.63
1:A9:228:ARG:HH11	1:A9:239:VAL:HA	1.62	0.63
1:BF:209:LEU:N	1:BF:473:ASP:O	2.31	0.63
1:Ar:666:ARG:HE	1:Ar:675:LEU:HD12	1.63	0.63
1:As:159:TYR:CD1	1:Aw:409:GLU:HG2	2.33	0.63
1:At:567:LYS:HD3	1:At:567:LYS:H	1.63	0.63
1:Az:292:MET:HE2	1:Az:458:ILE:HD12	1.81	0.63
1:BD:684:PRO:O	1:BD:707:ARG:NH2	2.24	0.63
1:BH:251:TYR:N	1:BH:280:LYS:O	2.29	0.63
1:A0:158:SER:OG	1:Ax:491:ILE:HG22	1.98	0.63
1:A4:462:ASN:ND2	1:A4:467:GLU:O	2.31	0.63
1:A8:546:ILE:O	1:A8:551:ARG:NH1	2.31	0.63
1:Az:208:PRO:HA	1:Az:474:PHE:HA	1.79	0.63
1:BB:485:LEU:HG	1:BB:707:ARG:HG2	1.80	0.63
1:BC:309:ASN:HA	1:BE:159:TYR:HB3	1.80	0.63
1:BC:314:ASP:OD2	1:BD:485:LEU:N	2.31	0.63
1:A0:158:SER:HB2	1:Ax:493:ARG:HB2	1.80	0.63
1:Ar:461:ASN:HD21	1:Ax:162:LYS:NZ	1.96	0.63
1:Ay:351:LYS:NZ	1:Ay:356:ASP:O	2.31	0.63
1:BB:313:LEU:HD12	1:BD:164:LEU:HD23	1.80	0.63
1:A0:257:ASN:HD21	1:BD:219:ASP:C	2.05	0.63
1:A1:684:PRO:O	1:A1:707:ARG:NH2	2.26	0.63
1:A5:559:GLU:OE1	1:A5:595:ARG:NH1	2.30	0.63
1:A8:475:ASN:HA	1:BH:357:PHE:HE1	1.61	0.63
1:A0:489:PHE:CE2	1:A9:470:LYS:HB2	2.34	0.63
1:A2:209:LEU:N	1:A2:473:ASP:O	2.26	0.63
1:A9:562:ASN:OD1	1:A9:721:ASN:ND2	2.32	0.63
1:At:295:ILE:H	1:BA:220:GLY:CA	2.12	0.63
1:BH:351:LYS:NZ	1:BH:356:ASP:O	2.32	0.63
1:BH:666:ARG:HE	1:BH:675:LEU:HD12	1.64	0.63
1:A1:416:ASN:HD21	1:Aw:401:GLU:HB2	1.64	0.63
1:A9:292:MET:HE2	1:A9:458:ILE:HD12	1.80	0.63
1:A9:694:ARG:HB2	1:A9:697:GLN:HG3	1.80	0.63
1:Ay:466:ARG:HD2	1:BF:696:GLY:CA	2.29	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BA:269:PRO:HA	1:BA:282:SER:HB2	1.80	0.63
1:BC:364:PHE:HB3	1:BC:402:VAL:HB	1.79	0.63
1:BH:358:ARG:HD2	1:BH:408:VAL:HB	1.79	0.63
1:A4:237:ASN:HA	1:Ay:517:ASN:ND2	2.14	0.62
1:Au:488:PRO:HB3	1:Au:705:GLN:HB2	1.80	0.62
1:Aw:666:ARG:HE	1:Aw:675:LEU:HD12	1.64	0.62
1:Ax:163:GLU:HG2	1:Ax:166:ASP:HB3	1.81	0.62
1:Ay:466:ARG:NE	1:BF:693:THR:HG23	2.14	0.62
1:BA:165:ARG:HD2	1:BE:362:LEU:HD22	1.81	0.62
1:BC:309:ASN:HA	1:BE:159:TYR:CB	2.29	0.62
1:BE:206:ARG:HA	1:BE:476:MET:HA	1.81	0.62
1:A1:417:GLY:HA2	1:A1:451:LEU:HD23	1.81	0.62
1:A2:684:PRO:O	1:A2:707:ARG:NH2	2.28	0.62
1:A4:312:ALA:HA	1:Az:160:ASP:CG	2.24	0.62
1:A4:349:PHE:CE2	1:A4:362:LEU:HB2	2.34	0.62
1:A5:692:VAL:N	1:A5:699:SER:O	2.19	0.62
1:As:322:ILE:HA	1:As:454:TYR:HA	1.79	0.62
1:As:488:PRO:HB3	1:As:705:GLN:HB2	1.81	0.62
1:At:252:ARG:HG2	1:At:257:ASN:ND2	2.14	0.62
1:Ay:311:ASP:HB2	1:BE:216:ARG:NH2	2.14	0.62
1:Ay:666:ARG:HE	1:Ay:675:LEU:HD12	1.64	0.62
1:BA:164:LEU:H	1:BE:413:LEU:HD12	1.64	0.62
1:BC:206:ARG:HB3	1:BD:174:PHE:H	1.63	0.62
1:A0:485:LEU:HD22	1:A9:461:ASN:OD1	1.98	0.62
1:A1:216:ARG:HE	1:A5:158:SER:CB	2.12	0.62
1:A6:301:ILE:HD11	1:A6:460:ARG:HH22	1.64	0.62
1:Ar:506:VAL:HG12	1:Aw:472:LEU:HD13	1.81	0.62
1:As:351:LYS:HG3	1:Au:165:ARG:HD2	1.80	0.62
1:At:356:ASP:OD1	1:At:357:PHE:N	2.33	0.62
1:Av:190:ASN:O	1:Av:680:PHE:N	2.30	0.62
1:BB:559:GLU:OE1	1:BB:595:ARG:NH1	2.27	0.62
1:A1:697:GLN:N	1:BD:466:ARG:HB2	2.15	0.62
1:A4:358:ARG:HD2	1:A4:408:VAL:CG1	2.29	0.62
1:A8:206:ARG:HA	1:A8:476:MET:HA	1.81	0.62
1:At:684:PRO:O	1:At:707:ARG:NH2	2.18	0.62
1:Ax:562:ASN:OD1	1:Ax:721:ASN:ND2	2.30	0.62
1:Ay:349:PHE:CZ	1:Ay:413:LEU:HD21	2.34	0.62
1:BA:216:ARG:NH1	1:BA:225:TRP:HE1	1.97	0.62
1:BA:490:SER:OG	1:BF:468:ARG:HB2	2.00	0.62
1:BB:360:MET:C	1:BD:165:ARG:HE	2.07	0.62
1:BH:349:PHE:HB3	1:BH:360:MET:HB3	1.80	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Au:487:ALA:HB1	1:Ax:244:VAL:HG22	1.80	0.62
1:Aw:488:PRO:HB3	1:Aw:705:GLN:HB2	1.80	0.62
1:BA:221:THR:HB	1:BA:222:PRO:CD	2.29	0.62
1:BA:244:VAL:HG22	1:BB:487:ALA:HB2	1.80	0.62
1:BB:244:VAL:HG22	1:BC:487:ALA:HB1	1.79	0.62
1:BB:362:LEU:HB2	1:BD:165:ARG:HD2	1.81	0.62
1:BC:314:ASP:O	1:BE:164:LEU:HD22	1.99	0.62
1:BH:270:ARG:HE	1:BH:281:THR:HG23	1.64	0.62
1:A2:695:ASN:C	1:A9:305:GLY:HA3	2.24	0.62
1:A3:158:SER:O	1:Ar:216:ARG:NH2	2.28	0.62
1:A9:419:ASN:HD22	1:Az:287:ASP:CG	2.07	0.62
1:Ar:162:LYS:HD3	1:Av:461:ASN:HD22	1.65	0.62
1:Ay:247:LEU:HD21	1:Ay:460:ARG:HB2	1.81	0.62
1:Ay:308:ASP:H	1:BF:697:GLN:HE22	1.47	0.62
2:B:36:LEU:HD11	2:B:67:LEU:HD21	1.82	0.62
1:BA:489:PHE:HD2	1:BF:470:LYS:HB2	1.64	0.62
1:BA:657:ARG:O	1:BA:659:LYS:N	2.32	0.62
1:BE:559:GLU:OE1	1:BE:595:ARG:NH1	2.32	0.62
1:BF:235:MET:HE1	1:BF:601:GLY:HA2	1.81	0.62
1:BG:488:PRO:O	1:BH:242:ASN:ND2	2.31	0.62
1:A1:494:PRO:HB3	1:BD:463:SER:O	1.99	0.62
1:A3:548:GLY:O	1:A3:551:ARG:NH1	2.31	0.62
1:A4:312:ALA:HB1	1:Az:162:LYS:HG3	1.82	0.62
1:As:358:ARG:HH21	1:Au:161:GLN:C	2.07	0.62
1:Av:472:LEU:HD12	1:Aw:507:LEU:HD23	1.81	0.62
1:BC:203:VAL:CG1	1:BD:170:TYR:CZ	2.83	0.62
1:BC:312:ALA:O	1:BC:460:ARG:HG3	2.00	0.62
1:BE:584:ALA:HB2	1:BF:574:THR:HG21	1.82	0.62
1:BG:548:GLY:O	1:BG:551:ARG:NH1	2.32	0.62
1:A0:295:ILE:HA	1:BD:220:GLY:HA2	1.81	0.62
1:A1:660:ILE:HB	1:A1:720:ILE:HB	1.82	0.62
1:A5:201:TYR:O	1:A5:481:TYR:N	2.20	0.62
1:A8:297:GLU:OE2	1:A8:307:SER:OG	2.17	0.62
1:A8:666:ARG:HE	1:A8:675:LEU:HD12	1.63	0.62
1:A9:488:PRO:HB3	1:A9:705:GLN:HB2	1.81	0.62
1:Az:207:ARG:O	1:Az:475:ASN:N	2.31	0.62
1:BF:350:GLN:O	1:BF:361:THR:N	2.27	0.62
1:A3:351:LYS:HG2	1:Ay:165:ARG:CD	2.30	0.62
1:A3:570:GLN:H	1:A4:574:THR:HG1	1.45	0.62
1:A4:562:ASN:OD1	1:A4:721:ASN:ND2	2.30	0.62
1:A7:251:TYR:N	1:A7:280:LYS:O	2.30	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:220:GLY:HA2	1:BH:295:ILE:HA	1.82	0.62
1:BB:293:ILE:HB	1:BD:160:ASP:OD2	1.99	0.62
1:BH:493:ARG:O	1:BH:700:LYS:N	2.27	0.62
1:A1:491:ILE:HD13	1:BF:159:TYR:CE1	2.35	0.62
1:A7:411:ALA:HB3	1:BG:216:ARG:HH12	1.65	0.62
1:As:482:ALA:O	1:As:709:ARG:NH1	2.30	0.62
1:At:293:ILE:HD13	1:BA:216:ARG:HD2	1.81	0.62
1:Ay:190:ASN:O	1:Ay:680:PHE:N	2.29	0.62
1:Az:471:HIS:HD2	1:BD:309:ASN:HD21	1.46	0.62
1:A0:461:ASN:HB3	1:A6:162:LYS:HZ2	1.65	0.61
1:A1:206:ARG:HA	1:A1:476:MET:HA	1.80	0.61
1:A1:461:ASN:HD22	1:A3:162:LYS:HD3	1.64	0.61
1:A1:472:LEU:HD13	1:A2:506:VAL:HG12	1.80	0.61
1:A2:694:ARG:HB2	1:A2:697:GLN:HG2	1.81	0.61
1:A8:465:ARG:HH21	1:A9:703:MET:HE3	1.65	0.61
1:At:249:PRO:HA	1:At:296:ALA:CB	2.29	0.61
1:At:482:ALA:O	1:At:709:ARG:NH1	2.33	0.61
1:Aw:660:ILE:HB	1:Aw:720:ILE:HB	1.81	0.61
1:Ay:488:PRO:HB3	1:Ay:705:GLN:HB2	1.81	0.61
1:BC:206:ARG:O	1:BD:174:PHE:HB3	2.00	0.61
1:BD:321:LYS:O	1:BD:455:GLU:N	2.33	0.61
1:BF:666:ARG:HE	1:BF:675:LEU:HD12	1.65	0.61
1:BH:207:ARG:O	1:BH:475:ASN:N	2.30	0.61
1:Ar:487:ALA:HB1	1:Aw:244:VAL:HG22	1.81	0.61
1:As:244:VAL:HG22	1:Ax:487:ALA:HB1	1.82	0.61
1:Au:161:GLN:HB2	1:BG:497:TRP:CH2	2.35	0.61
1:BA:333:LYS:HD3	1:BA:384:GLU:HB3	1.81	0.61
1:BC:206:ARG:N	1:BD:174:PHE:HB3	2.13	0.61
1:A1:270:ARG:HE	1:A1:281:THR:HG23	1.63	0.61
1:A9:695:ASN:OD1	1:A9:695:ASN:N	2.32	0.61
1:Aw:358:ARG:HD2	1:Aw:408:VAL:HG11	1.82	0.61
1:Aw:548:GLY:O	1:Aw:551:ARG:NH1	2.33	0.61
1:BD:657:ARG:O	1:BD:659:LYS:N	2.32	0.61
1:BH:311:ASP:OD2	1:BH:466:ARG:NH1	2.33	0.61
1:A3:237:ASN:ND2	1:A4:655:MET:SD	2.74	0.61
1:A6:559:GLU:OE1	1:A6:595:ARG:NH1	2.30	0.61
1:A8:660:ILE:HB	1:A8:720:ILE:HB	1.82	0.61
1:BD:689:VAL:HG22	1:BD:702:THR:HG23	1.82	0.61
1:BE:546:ILE:O	1:BE:551:ARG:NH1	2.34	0.61
1:BG:703:MET:HE3	1:BH:465:ARG:HH21	1.66	0.61
1:A5:206:ARG:O	1:A6:174:PHE:HB3	2.00	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:297:GLU:HB2	1:BG:218:ALA:HA	1.82	0.61
1:Ar:488:PRO:O	1:Aw:242:ASN:ND2	2.31	0.61
1:Aw:358:ARG:HB3	1:Aw:408:VAL:HB	1.82	0.61
1:Ay:249:PRO:HA	1:Ay:295:ILE:CG2	2.30	0.61
1:BA:203:VAL:HB	1:BA:479:GLU:HB2	1.82	0.61
1:BB:407:ASN:OD1	1:BB:408:VAL:N	2.33	0.61
1:BH:322:ILE:HA	1:BH:454:TYR:HA	1.81	0.61
1:A0:158:SER:HB2	1:Ax:493:ARG:CG	2.31	0.61
1:A0:207:ARG:O	1:A0:475:ASN:N	2.31	0.61
1:A5:164:LEU:HB2	1:A9:360:MET:HE1	1.81	0.61
1:A6:312:ALA:HB3	1:A8:162:LYS:HD2	1.82	0.61
1:A6:488:PRO:HB3	1:A6:705:GLN:HB2	1.80	0.61
1:A8:411:ALA:HB3	1:As:216:ARG:HH12	1.65	0.61
1:A9:695:ASN:CB	1:BH:305:GLY:HA3	2.31	0.61
1:Ar:190:ASN:O	1:Ar:680:PHE:N	2.27	0.61
1:At:257:ASN:CG	1:At:295:ILE:HD13	2.25	0.61
1:At:296:ALA:C	1:BA:219:ASP:O	2.43	0.61
1:Au:562:ASN:OD1	1:Au:721:ASN:ND2	2.30	0.61
1:Az:228:ARG:HH11	1:Az:239:VAL:HA	1.64	0.61
1:A5:165:ARG:CD	1:A9:351:LYS:HA	2.31	0.61
1:A5:546:ILE:O	1:A5:551:ARG:NH1	2.33	0.61
1:A8:466:ARG:CD	1:Ax:696:GLY:N	2.62	0.61
1:Ax:209:LEU:N	1:Ax:473:ASP:O	2.30	0.61
1:Ax:482:ALA:O	1:Ax:709:ARG:NH1	2.28	0.61
1:BA:559:GLU:CD	1:BA:595:ARG:HH12	2.08	0.61
1:BB:360:MET:HB3	1:BD:165:ARG:O	2.01	0.61
1:BB:530:LEU:HD22	1:BB:558:PHE:HB2	1.83	0.61
1:BC:203:VAL:HG23	1:BD:170:TYR:CD1	2.33	0.61
1:BC:322:ILE:HA	1:BC:454:TYR:HA	1.82	0.61
1:BE:206:ARG:O	1:BF:174:PHE:HB3	2.01	0.61
1:A0:428:GLN:HA	1:A5:537:ARG:HH22	1.64	0.61
1:A0:472:LEU:HD13	1:A5:506:VAL:HG12	1.83	0.61
1:A8:190:ASN:O	1:A8:680:PHE:N	2.30	0.61
1:Ar:517:ASN:ND2	1:Aw:237:ASN:HA	2.15	0.61
1:Av:162:LYS:HD3	1:Ax:461:ASN:ND2	2.15	0.61
1:Aw:312:ALA:O	1:Aw:460:ARG:HG3	2.00	0.61
1:Ax:493:ARG:HD3	1:Ax:494:PRO:HD2	1.81	0.61
1:BA:490:SER:CB	1:BF:468:ARG:HB2	2.30	0.61
1:A1:698:VAL:O	1:BD:464:ASN:HB3	2.00	0.61
1:A1:737:VAL:HG22	1:A2:735:LEU:HB2	1.81	0.61
1:A2:225:TRP:HZ3	1:As:159:TYR:CD2	2.19	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:475:ASN:HA	1:Aw:357:PHE:HE1	1.66	0.61
1:A6:408:VAL:HG11	1:A8:162:LYS:O	2.00	0.61
1:Ar:539:ARG:O	1:Ar:555:ARG:NH1	2.34	0.61
1:As:305:GLY:HA3	1:BG:695:ASN:C	2.26	0.61
1:Ay:466:ARG:NH2	1:BF:697:GLN:O	2.34	0.61
1:Az:217:ASN:ND2	1:Az:221:THR:OG1	2.34	0.61
1:BA:490:SER:H	1:BF:469:GLY:C	2.08	0.61
1:BB:162:LYS:HG2	1:BF:463:SER:OG	2.00	0.61
1:BB:678:GLY:HA2	1:BB:712:ASN:HA	1.82	0.61
1:BH:190:ASN:O	1:BH:680:PHE:N	2.29	0.61
1:A0:488:PRO:HB3	1:A0:705:GLN:HB2	1.83	0.61
1:A0:493:ARG:HH11	1:A0:493:ARG:HG3	1.64	0.61
1:A1:237:ASN:HA	1:A2:517:ASN:ND2	2.16	0.61
1:A2:695:ASN:OD1	1:A2:695:ASN:N	2.34	0.61
1:A8:308:ASP:HA	1:As:214:LEU:O	2.01	0.61
1:Ar:333:LYS:HD3	1:Ar:384:GLU:HB3	1.81	0.61
1:Av:307:SER:HA	1:Av:466:ARG:HH12	1.65	0.61
1:Az:190:ASN:O	1:Az:680:PHE:N	2.28	0.61
1:BA:492:PRO:HD3	1:BF:213:HIS:CD2	2.36	0.61
1:BE:247:LEU:HB2	1:BE:458:ILE:HB	1.81	0.61
1:BF:350:GLN:N	1:BF:361:THR:O	2.29	0.61
1:BG:734:LYS:HG2	1:BH:736:PRO:HB2	1.83	0.61
1:A4:689:VAL:HG22	1:A4:702:THR:HG23	1.83	0.60
1:A5:477:LYS:HG2	1:BC:356:ASP:HA	1.82	0.60
1:A6:548:GLY:O	1:A6:551:ARG:NH1	2.33	0.60
1:A8:466:ARG:HB3	1:Ax:696:GLY:O	2.00	0.60
1:Ar:251:TYR:N	1:Ar:280:LYS:O	2.33	0.60
1:As:206:ARG:O	1:Ax:174:PHE:HB3	2.01	0.60
1:As:291:ASP:HB2	1:BH:222:PRO:HA	1.82	0.60
1:Au:684:PRO:O	1:Au:707:ARG:NH2	2.29	0.60
1:BA:472:LEU:O	1:BB:491:ILE:HG12	2.01	0.60
1:BA:694:ARG:HG3	1:BF:468:ARG:HH12	1.65	0.60
1:BC:311:ASP:O	1:BE:160:ASP:HA	2.00	0.60
1:BE:689:VAL:HG22	1:BE:702:THR:HG23	1.82	0.60
3:G:176:GLU:HA	3:G:179:ARG:HB2	1.83	0.60
1:A0:414:ARG:HH21	1:BC:401:GLU:HG3	1.65	0.60
1:A0:464:ASN:HB3	1:BE:697:GLN:HB2	1.83	0.60
1:A0:491:ILE:C	1:Ax:158:SER:OG	2.44	0.60
1:A1:160:ASP:CB	1:BF:497:TRP:HB3	2.31	0.60
1:A8:306:TYR:HE2	1:As:213:HIS:HE1	1.47	0.60
1:At:309:ASN:HB3	1:BA:214:LEU:HB3	1.83	0.60

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:At:687:VAL:HG22	1:At:704:VAL:HG22	1.83	0.60
1:BC:205:PHE:H	1:BD:172:VAL:CB	2.14	0.60
1:BG:559:GLU:OE1	1:BG:595:ARG:NH1	2.32	0.60
1:BH:684:PRO:O	1:BH:707:ARG:NH2	2.30	0.60
1:A2:165:ARG:HD3	1:Az:359:LYS:O	2.00	0.60
1:A4:471:HIS:ND1	1:Ay:490:SER:O	2.35	0.60
1:A6:190:ASN:O	1:A6:680:PHE:N	2.29	0.60
1:A6:737:VAL:HG13	1:A7:737:VAL:HB	1.84	0.60
1:A9:548:GLY:O	1:A9:551:ARG:NH1	2.33	0.60
1:As:237:ASN:ND2	1:Ax:655:MET:SD	2.74	0.60
1:Ay:349:PHE:HB3	1:Ay:360:MET:HB3	1.82	0.60
1:BA:158:SER:HB3	1:BE:302:LEU:HD11	1.83	0.60
1:BB:235:MET:HB3	1:BC:654:VAL:HG13	1.81	0.60
1:BC:486:LEU:HB2	1:BC:706:PRO:HG2	1.83	0.60
1:BF:689:VAL:HA	1:BF:701:GLU:O	2.01	0.60
1:A2:190:ASN:O	1:A2:680:PHE:N	2.27	0.60
1:A6:694:ARG:HB2	1:A6:697:GLN:HE21	1.66	0.60
1:A8:247:LEU:HD21	1:A8:460:ARG:HB2	1.84	0.60
1:A9:270:ARG:HE	1:A9:281:THR:HG23	1.65	0.60
1:Au:517:ASN:ND2	1:Ax:237:ASN:HA	2.17	0.60
1:Az:684:PRO:O	1:Az:707:ARG:NH2	2.29	0.60
1:BA:161:GLN:H	1:BE:293:ILE:CA	2.13	0.60
1:BA:689:VAL:HG22	1:BA:702:THR:HG23	1.83	0.60
1:BA:736:PRO:HB2	1:BB:734:LYS:HG2	1.83	0.60
1:BE:288:LYS:C	1:BE:414:ARG:HG3	2.27	0.60
1:BG:487:ALA:HB1	1:BH:244:VAL:HG22	1.84	0.60
1:A1:244:VAL:HG22	1:A2:487:ALA:HB1	1.82	0.60
1:A1:489:PHE:O	1:A1:703:MET:HA	2.01	0.60
1:A3:350:GLN:N	1:A3:361:THR:O	2.29	0.60
1:A9:362:LEU:N	1:A9:404:GLY:O	2.25	0.60
1:Ar:488:PRO:HB3	1:Ar:705:GLN:HB2	1.83	0.60
1:As:190:ASN:O	1:As:680:PHE:N	2.32	0.60
1:Ay:483:ILE:HD11	1:Ay:681:LEU:HB3	1.83	0.60
1:BD:333:LYS:HD3	1:BD:384:GLU:HB3	1.83	0.60
1:A5:208:PRO:HA	1:A5:474:PHE:HA	1.83	0.60
1:A7:354:GLU:HB2	1:BH:346:THR:HG22	1.83	0.60
1:A8:270:ARG:HE	1:A8:281:THR:HG23	1.65	0.60
1:At:302:LEU:HA	1:At:305:GLY:O	2.01	0.60
1:Au:689:VAL:HG22	1:Au:702:THR:HG23	1.82	0.60
1:Ay:559:GLU:OE1	1:Ay:595:ARG:NH1	2.33	0.60
1:BG:488:PRO:HB3	1:BG:705:GLN:HB2	1.82	0.60

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BH:559:GLU:OE1	1:BH:595:ARG:NH1	2.34	0.60
1:A0:222:PRO:HA	1:Az:291:ASP:HB2	1.83	0.60
1:A5:160:ASP:CB	1:A9:312:ALA:HB2	2.20	0.60
1:A6:244:VAL:HG22	1:A7:487:ALA:HB1	1.84	0.60
1:A7:488:PRO:HB3	1:A7:705:GLN:HB2	1.83	0.60
1:A9:360:MET:N	1:A9:406:SER:O	2.34	0.60
1:At:407:ASN:OD1	1:At:408:VAL:N	2.34	0.60
1:BA:173:VAL:HB	1:BF:205:PHE:O	2.02	0.60
1:BB:411:ALA:HB2	1:BD:162:LYS:N	2.17	0.60
1:BB:469:GLY:HA3	1:BC:488:PRO:O	2.01	0.60
1:BD:208:PRO:HA	1:BD:474:PHE:HA	1.82	0.60
1:BE:396:ALA:HB1	1:BE:422:LEU:HD11	1.84	0.60
1:BG:517:ASN:ND2	1:BH:237:ASN:HA	2.17	0.60
1:A0:322:ILE:HA	1:A0:454:TYR:HA	1.83	0.60
1:A5:684:PRO:O	1:A5:707:ARG:NH2	2.29	0.60
1:A6:160:ASP:HB3	1:A6:162:LYS:HG3	1.84	0.60
1:At:190:ASN:N	1:At:190:ASN:OD1	2.34	0.60
1:Ay:685:GLU:HG2	1:Ay:706:PRO:HA	1.83	0.60
1:BB:360:MET:SD	1:BD:166:ASP:HB2	2.42	0.60
1:BE:678:GLY:HA2	1:BE:712:ASN:HA	1.82	0.60
1:A1:482:ALA:O	1:A1:709:ARG:NH1	2.29	0.60
1:A2:472:LEU:HD13	1:A3:506:VAL:HG12	1.84	0.60
1:A8:313:LEU:HD11	1:A8:411:ALA:HA	1.84	0.60
1:A9:216:ARG:H	1:Ar:307:SER:HB2	1.66	0.60
1:Aw:494:PRO:O	1:Aw:700:LYS:HE2	2.02	0.60
1:Ay:202:ASP:HB3	1:Az:169:PRO:HA	1.84	0.60
1:BA:468:ARG:NH1	1:BB:694:ARG:HD2	2.17	0.60
1:A2:488:PRO:HB3	1:A2:705:GLN:HB2	1.84	0.60
1:A2:697:GLN:OE1	1:A9:466:ARG:NH2	2.35	0.60
1:A4:494:PRO:O	1:A4:700:LYS:HE2	2.02	0.60
1:A7:678:GLY:HA2	1:A7:712:ASN:HA	1.84	0.60
1:Au:161:GLN:NE2	1:BH:473:ASP:OD1	2.35	0.60
1:Av:350:GLN:N	1:Av:361:THR:O	2.24	0.60
1:Ax:483:ILE:HD11	1:Ax:681:LEU:HB3	1.83	0.60
1:Az:479:GLU:OE1	1:Az:481:TYR:OH	2.18	0.60
1:BA:488:PRO:O	1:BF:469:GLY:HA3	2.02	0.60
1:A0:488:PRO:O	1:A9:469:GLY:HA3	2.01	0.59
1:A0:698:VAL:HG23	1:Ar:466:ARG:CB	2.29	0.59
1:A4:373:GLU:OE1	1:A4:393:LYS:HG2	2.02	0.59
1:A8:218:ALA:O	1:BH:252:ARG:NH2	2.28	0.59
1:A8:488:PRO:HB3	1:A8:705:GLN:HB2	1.83	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:As:333:LYS:HD3	1:As:384:GLU:HB3	1.83	0.59
1:BC:203:VAL:HB	1:BD:170:TYR:CE2	2.36	0.59
1:BD:202:ASP:HB3	1:BE:169:PRO:HA	1.84	0.59
1:A0:310:THR:HB	1:A6:158:SER:C	2.28	0.59
1:A9:218:ALA:HB1	1:Ar:252:ARG:HH21	1.67	0.59
1:Ar:684:PRO:O	1:Ar:707:ARG:NH2	2.29	0.59
1:At:546:ILE:O	1:At:551:ARG:NH1	2.35	0.59
1:Au:587:ASN:OD1	1:Av:578:ARG:NH2	2.35	0.59
1:BA:163:GLU:CB	1:BE:313:LEU:HD13	2.24	0.59
1:BA:164:LEU:H	1:BE:413:LEU:CD1	2.15	0.59
1:BC:205:PHE:HZ	1:BC:553:LEU:HG	1.68	0.59
1:BC:736:PRO:HB2	1:BD:734:LYS:HG2	1.84	0.59
1:BE:237:ASN:HA	1:BF:517:ASN:HD22	1.67	0.59
1:BE:469:GLY:HA3	1:BF:488:PRO:O	2.01	0.59
1:BE:530:LEU:HD22	1:BE:558:PHE:HB2	1.83	0.59
1:A1:351:LYS:HA	1:A3:165:ARG:CD	2.32	0.59
1:A6:459:ARG:NH1	1:A7:485:LEU:O	2.34	0.59
1:A8:333:LYS:HD3	1:A8:384:GLU:HB3	1.82	0.59
1:Ar:587:ASN:HA	1:As:578:ARG:HH21	1.66	0.59
1:At:257:ASN:ND2	1:At:295:ILE:HG23	2.17	0.59
1:At:464:ASN:ND2	1:BB:697:GLN:OE1	2.35	0.59
1:BE:199:ILE:HB	1:BF:167:MET:HG2	1.85	0.59
1:BE:293:ILE:HD11	1:BE:313:LEU:HD21	1.83	0.59
1:BF:190:ASN:O	1:BF:680:PHE:N	2.26	0.59
1:A7:209:LEU:N	1:A7:473:ASP:O	2.34	0.59
1:A8:357:PHE:CE1	1:As:475:ASN:HA	2.35	0.59
1:A8:483:ILE:HD11	1:A8:681:LEU:HB3	1.85	0.59
1:A9:217:ASN:ND2	1:A9:221:THR:OG1	2.35	0.59
1:A9:697:GLN:HB3	1:BH:466:ARG:HB2	1.84	0.59
1:Ay:466:ARG:NH2	1:BF:694:ARG:H	1.99	0.59
1:A0:373:GLU:HA	1:A0:390:ILE:HG12	1.84	0.59
1:A1:687:VAL:HA	1:A1:703:MET:O	2.02	0.59
1:A3:307:SER:HA	1:A3:466:ARG:HH12	1.67	0.59
1:A9:678:GLY:HA2	1:A9:712:ASN:HA	1.85	0.59
1:BA:160:ASP:C	1:BE:294:GLY:N	2.60	0.59
1:BA:172:VAL:HG11	1:BF:549:PHE:HD2	1.66	0.59
1:BA:173:VAL:HG12	1:BF:207:ARG:HG2	1.83	0.59
1:BE:638:ARG:O	1:BF:632:GLN:HA	2.02	0.59
1:A2:158:SER:HB3	1:A5:699:SER:CB	2.32	0.59
1:A2:216:ARG:HH21	1:As:158:SER:HA	1.68	0.59
1:A2:216:ARG:NH2	1:As:158:SER:O	2.34	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:237:ASN:HA	1:A8:517:ASN:ND2	2.17	0.59
1:A7:351:LYS:HG2	1:A9:165:ARG:HG3	1.83	0.59
1:A8:464:ASN:HB3	1:Ax:698:VAL:O	2.03	0.59
1:A9:220:GLY:HA2	1:Ar:295:ILE:HG12	1.84	0.59
1:At:295:ILE:HG13	1:BA:221:THR:OG1	2.03	0.59
1:Au:506:VAL:HG12	1:Ax:472:LEU:HD13	1.84	0.59
1:BA:242:ASN:HD21	1:BB:487:ALA:HB3	1.66	0.59
1:A4:235:MET:HE1	1:A4:601:GLY:HA2	1.85	0.59
1:A9:211:PHE:HZ	1:Ax:159:TYR:HE2	1.49	0.59
1:Ay:466:ARG:CZ	1:BF:693:THR:HG23	2.33	0.59
1:Az:213:HIS:HE1	1:BD:306:TYR:HE2	1.50	0.59
1:BA:162:LYS:CB	1:BE:292:MET:HB2	2.31	0.59
1:BG:678:GLY:HA2	1:BG:712:ASN:HA	1.83	0.59
1:A0:480:ARG:HD3	1:A5:167:MET:SD	2.43	0.59
1:A1:488:PRO:HB3	1:A1:705:GLN:HB2	1.83	0.59
1:A2:202:ASP:HB2	1:A2:480:ARG:HE	1.68	0.59
1:A5:687:VAL:HG22	1:A5:704:VAL:HG22	1.84	0.59
1:A6:698:VAL:N	1:BC:464:ASN:O	2.30	0.59
1:At:293:ILE:C	1:BA:220:GLY:HA2	2.27	0.59
1:Au:237:ASN:HA	1:Av:517:ASN:ND2	2.17	0.59
1:Au:488:PRO:O	1:Ax:242:ASN:ND2	2.34	0.59
1:Aw:689:VAL:HG22	1:Aw:702:THR:HG23	1.83	0.59
1:Az:689:VAL:HG22	1:Az:702:THR:HG23	1.85	0.59
1:BA:160:ASP:CA	1:BE:293:ILE:C	2.74	0.59
1:BA:490:SER:HB3	1:BF:468:ARG:HB2	1.85	0.59
1:BB:684:PRO:O	1:BB:707:ARG:NH2	2.31	0.59
1:BE:190:ASN:O	1:BE:680:PHE:N	2.28	0.59
1:A2:358:ARG:HE	1:A4:164:LEU:HD12	1.68	0.59
1:Au:495:LEU:HD21	1:Au:698:VAL:HG12	1.85	0.59
1:Ay:245:THR:HG22	1:Ay:462:ASN:HB2	1.84	0.59
1:BA:160:ASP:N	1:BE:294:GLY:O	2.35	0.59
1:BD:660:ILE:HB	1:BD:720:ILE:HB	1.83	0.59
1:A0:159:TYR:HD1	1:A0:160:ASP:H	1.49	0.59
1:A0:459:ARG:NH1	1:A5:485:LEU:O	2.36	0.59
1:A0:493:ARG:HE	1:Ax:160:ASP:CA	2.15	0.59
1:A1:493:ARG:HB2	1:BF:158:SER:HA	1.85	0.59
1:A2:206:ARG:HA	1:A2:476:MET:HA	1.84	0.59
1:A4:465:ARG:HH12	1:Ay:689:VAL:C	2.11	0.59
1:A5:307:SER:HA	1:A5:466:ARG:HH12	1.68	0.59
1:A5:678:GLY:HA2	1:A5:712:ASN:HA	1.84	0.59
1:As:689:VAL:HG22	1:As:702:THR:HG23	1.85	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:At:623:THR:OG1	1:At:624:ASP:N	2.34	0.59
1:Aw:684:PRO:O	1:Aw:707:ARG:NH2	2.30	0.59
1:BA:559:GLU:OE2	1:BB:726:ARG:NH1	2.36	0.59
1:BB:494:PRO:O	1:BB:700:LYS:HE2	2.03	0.59
1:BD:190:ASN:O	1:BD:680:PHE:N	2.29	0.59
1:BD:740:ASN:HB3	1:BE:737:VAL:O	2.02	0.59
1:BF:686:LEU:O	1:BF:704:VAL:HA	2.03	0.59
1:A4:472:LEU:HD13	1:Ay:506:VAL:HG12	1.84	0.58
1:A6:360:MET:CE	1:A8:164:LEU:HB3	2.31	0.58
1:A7:737:VAL:HG22	1:A8:735:LEU:HB2	1.85	0.58
1:A8:293:ILE:HD13	1:A8:311:ASP:HB3	1.85	0.58
1:A8:321:LYS:HB2	1:A8:455:GLU:HB3	1.85	0.58
1:At:362:LEU:N	1:At:404:GLY:O	2.32	0.58
1:Au:190:ASN:O	1:Au:680:PHE:N	2.30	0.58
1:Ay:306:TYR:HE2	1:BE:213:HIS:CE1	2.21	0.58
1:BB:313:LEU:HG	1:BD:162:LYS:HD3	1.84	0.58
1:BB:588:VAL:HA	1:BC:730:THR:HG22	1.84	0.58
1:BC:480:ARG:HD3	1:BD:167:MET:CB	2.32	0.58
1:BF:489:PHE:O	1:BF:703:MET:HA	2.03	0.58
1:A0:174:PHE:HB3	1:A9:206:ARG:O	2.02	0.58
1:A8:207:ARG:O	1:A8:475:ASN:N	2.34	0.58
1:Ar:350:GLN:N	1:Ar:361:THR:O	2.32	0.58
1:Av:482:ALA:O	1:Av:709:ARG:NH1	2.34	0.58
1:Av:559:GLU:OE2	1:Aw:726:ARG:NH1	2.35	0.58
1:Az:239:VAL:O	1:Az:470:LYS:NZ	2.36	0.58
1:BA:161:GLN:CA	1:BE:294:GLY:H	2.15	0.58
1:BA:732:ASN:CB	1:BF:736:PRO:HG3	2.31	0.58
1:A0:237:ASN:HA	1:A5:517:ASN:ND2	2.17	0.58
1:A0:541:PHE:HZ	1:A9:426:VAL:HG21	1.68	0.58
1:A1:303:ALA:HB1	1:A9:306:TYR:CE1	2.39	0.58
1:A2:470:LYS:HB2	1:A3:489:PHE:CD2	2.38	0.58
1:A8:216:ARG:HB2	1:BH:307:SER:HB2	1.85	0.58
1:Ar:207:ARG:O	1:Ar:475:ASN:N	2.35	0.58
1:BC:349:PHE:HB3	1:BC:360:MET:HB3	1.85	0.58
1:BD:423:TYR:O	1:BD:435:ARG:NH2	2.36	0.58
1:BE:364:PHE:HB3	1:BE:402:VAL:HB	1.83	0.58
1:A0:206:ARG:HA	1:A0:476:MET:HA	1.83	0.58
1:A0:480:ARG:NH1	1:Az:353:LEU:HD13	2.18	0.58
1:A1:726:ARG:NH1	1:Az:559:GLU:OE2	2.37	0.58
1:A7:469:GLY:HA3	1:A8:488:PRO:O	2.04	0.58
1:Ar:206:ARG:HA	1:Ar:476:MET:HA	1.85	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ar:351:LYS:HG2	1:Ax:165:ARG:HG3	1.85	0.58
1:As:295:ILE:HG12	1:BH:220:GLY:HA3	1.86	0.58
1:BB:298:ASP:OD2	1:BB:300:SER:OG	2.19	0.58
1:A0:695:ASN:HB2	1:Ar:301:ILE:CG2	2.34	0.58
1:A2:292:MET:HE2	1:A2:458:ILE:HD12	1.85	0.58
1:A3:657:ARG:O	1:A3:659:LYS:N	2.37	0.58
1:At:333:LYS:HD3	1:At:384:GLU:HB3	1.85	0.58
1:Az:678:GLY:HA2	1:Az:712:ASN:HA	1.84	0.58
1:BC:377:ASP:OD1	1:BC:381:ALA:N	2.37	0.58
1:BE:657:ARG:O	1:BE:659:LYS:N	2.35	0.58
1:BH:206:ARG:HA	1:BH:476:MET:HA	1.85	0.58
1:A1:216:ARG:HD2	1:A9:291:ASP:OD2	2.03	0.58
1:A2:697:GLN:H	1:A2:697:GLN:CD	2.09	0.58
1:A6:373:GLU:OE1	1:A6:393:LYS:HG2	2.03	0.58
1:A8:464:ASN:CB	1:Ax:698:VAL:H	2.17	0.58
1:As:678:GLY:HA2	1:As:712:ASN:HA	1.85	0.58
1:Ax:270:ARG:HE	1:Ax:281:THR:HG23	1.69	0.58
1:BC:472:LEU:HD23	1:BD:507:LEU:HD23	1.83	0.58
1:A1:401:GLU:OE2	1:Aw:405:SER:OG	2.21	0.58
1:A2:164:LEU:HD22	1:Az:408:VAL:HG21	1.84	0.58
1:A4:345:ILE:HG12	1:Ay:479:GLU:HG2	1.85	0.58
1:Ay:309:ASN:HD21	1:BE:471:HIS:CG	2.22	0.58
1:BB:207:ARG:NH1	1:BB:552:TYR:O	2.37	0.58
1:BC:203:VAL:O	1:BD:171:SER:O	2.22	0.58
1:BH:494:PRO:O	1:BH:700:LYS:HE2	2.04	0.58
1:Au:158:SER:N	1:BG:492:PRO:HB2	2.18	0.58
1:Az:301:ILE:HD11	1:Az:460:ARG:HH22	1.69	0.58
1:A0:698:VAL:HG12	1:A0:699:SER:N	2.19	0.58
1:A1:697:GLN:NE2	1:BD:310:THR:OG1	2.37	0.58
1:A4:577:ARG:HH12	1:A4:732:ASN:HA	1.68	0.58
1:A5:164:LEU:CD1	1:A9:408:VAL:HG22	2.33	0.58
1:Au:469:GLY:HA3	1:Av:488:PRO:O	2.04	0.58
1:BB:373:GLU:OE1	1:BB:393:LYS:HG2	2.04	0.58
1:BB:489:PHE:O	1:BB:703:MET:HA	2.03	0.58
1:A0:165:ARG:HG3	1:A8:351:LYS:HG2	1.84	0.58
1:A5:207:ARG:O	1:A5:475:ASN:N	2.35	0.58
1:A5:351:LYS:HG2	1:A7:165:ARG:HD2	1.84	0.58
1:A6:350:GLN:OE1	1:A7:480:ARG:NH1	2.36	0.58
1:As:424:ARG:NH1	1:Ax:543:ASP:OD2	2.36	0.58
1:At:634:ASP:N	1:At:634:ASP:OD1	2.34	0.58
1:Ay:565:LEU:HD12	1:Ay:725:LEU:HA	1.86	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Az:476:MET:O	1:BD:357:PHE:N	2.35	0.58
1:BA:190:ASN:O	1:BA:680:PHE:N	2.32	0.58
1:BB:251:TYR:N	1:BB:280:LYS:O	2.33	0.58
1:BF:533:VAL:HG21	1:BF:546:ILE:HD13	1.86	0.58
1:A1:464:ASN:HB3	1:As:697:GLN:HB2	1.84	0.57
1:A2:237:ASN:HA	1:A3:517:ASN:ND2	2.18	0.57
1:A4:737:VAL:HG22	1:Ay:735:LEU:HB2	1.86	0.57
1:A8:472:LEU:HD13	1:A9:506:VAL:HG12	1.84	0.57
1:A8:678:GLY:HA2	1:A8:712:ASN:HA	1.86	0.57
1:Ar:463:SER:HB3	1:Ax:162:LYS:HZ2	1.69	0.57
1:As:465:ARG:HE	1:Ax:703:MET:HE3	1.67	0.57
1:Av:678:GLY:HA2	1:Av:712:ASN:HA	1.85	0.57
1:BC:204:SER:HB3	1:BD:173:VAL:HG13	1.86	0.57
1:BE:490:SER:HA	1:BE:703:MET:HA	1.85	0.57
1:BG:693:THR:HA	1:BG:698:VAL:HA	1.86	0.57
1:A1:225:TRP:CD2	1:A9:410:LYS:HG2	2.39	0.57
1:A1:405:SER:OG	1:Aw:401:GLU:OE2	2.22	0.57
1:A1:480:ARG:HD3	1:A2:167:MET:SD	2.44	0.57
1:A2:216:ARG:HE	1:As:158:SER:HB2	1.70	0.57
1:A9:697:GLN:HB2	1:BH:464:ASN:HB3	1.87	0.57
1:Ar:480:ARG:HD3	1:As:167:MET:SD	2.44	0.57
1:As:338:PRO:HD3	1:As:378:VAL:HG22	1.86	0.57
1:Au:735:LEU:HB2	1:Ax:737:VAL:HG22	1.86	0.57
1:Av:350:GLN:OE1	1:Aw:480:ARG:NH1	2.37	0.57
1:Aw:462:ASN:ND2	1:Aw:467:GLU:O	2.37	0.57
1:Ax:227:ARG:NH2	1:BG:159:TYR:OH	2.37	0.57
1:Ax:678:GLY:HA2	1:Ax:712:ASN:HA	1.86	0.57
1:BA:176:VAL:HG11	1:BF:230:LEU:HB3	1.84	0.57
1:BC:244:VAL:HG22	1:BD:487:ALA:HB1	1.84	0.57
1:BG:539:ARG:O	1:BG:555:ARG:NH1	2.37	0.57
1:A1:311:ASP:H	1:A3:158:SER:N	2.01	0.57
1:A4:359:LYS:O	1:Az:165:ARG:NH1	2.37	0.57
1:A8:184:MET:HE1	1:A8:656:LEU:HD11	1.85	0.57
1:A8:308:ASP:OD1	1:Ax:697:GLN:NE2	2.38	0.57
1:At:294:GLY:O	1:BA:219:ASP:HB2	2.05	0.57
1:At:570:GLN:HA	1:At:729:TYR:HE2	1.69	0.57
1:Au:244:VAL:HG22	1:Av:487:ALA:HB1	1.86	0.57
1:Av:228:ARG:HH11	1:Av:239:VAL:HA	1.69	0.57
1:Ax:210:VAL:N	1:Ax:228:ARG:O	2.37	0.57
1:Ay:293:ILE:HG21	1:Ay:311:ASP:HB3	1.85	0.57
1:BA:678:GLY:HA2	1:BA:712:ASN:HA	1.85	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A0:201:TYR:O	1:A0:481:TYR:N	2.19	0.57
1:A2:244:VAL:HG22	1:A3:487:ALA:HB1	1.85	0.57
1:A4:338:PRO:HD3	1:A4:378:VAL:HG22	1.86	0.57
1:A5:164:LEU:HD22	1:A9:314:ASP:O	2.04	0.57
1:A5:657:ARG:O	1:A5:659:LYS:N	2.38	0.57
1:A6:482:ALA:O	1:A6:709:ARG:NH1	2.34	0.57
1:A7:306:TYR:HE2	1:BG:213:HIS:HE1	1.53	0.57
1:Ar:249:PRO:HA	1:Ar:295:ILE:HG22	1.86	0.57
1:Aw:539:ARG:O	1:Aw:555:ARG:NH1	2.37	0.57
1:Ay:313:LEU:HD11	1:Ay:411:ALA:HA	1.84	0.57
1:Ay:321:LYS:HB2	1:Ay:455:GLU:HB3	1.87	0.57
1:Ay:466:ARG:CZ	1:BF:697:GLN:O	2.51	0.57
1:BA:489:PHE:HA	1:BF:469:GLY:HA3	1.87	0.57
1:BB:338:PRO:HD3	1:BB:378:VAL:HG22	1.86	0.57
1:BB:507:LEU:HD13	1:BB:704:VAL:HG23	1.86	0.57
1:BB:548:GLY:O	1:BB:551:ARG:NH1	2.37	0.57
1:BE:430:ASN:HB3	1:BF:540:GLN:NE2	2.19	0.57
1:BH:247:LEU:HD21	1:BH:460:ARG:HB2	1.85	0.57
1:A8:466:ARG:NH2	1:Ax:694:ARG:HB2	2.19	0.57
1:Ar:203:VAL:N	1:Ar:479:GLU:O	2.19	0.57
1:As:301:ILE:HD11	1:As:460:ARG:HH22	1.69	0.57
1:At:345:ILE:HG13	1:At:346:THR:HG23	1.86	0.57
1:Ax:184:MET:HE1	1:Ax:656:LEU:HD11	1.87	0.57
1:BA:159:TYR:CA	1:BE:294:GLY:O	2.52	0.57
1:BA:165:ARG:CZ	1:BE:404:GLY:HA3	2.34	0.57
1:BA:684:PRO:O	1:BA:707:ARG:NH2	2.23	0.57
1:BG:167:MET:SD	1:BH:480:ARG:HD3	2.44	0.57
1:BG:694:ARG:NE	1:BG:701:GLU:OE2	2.31	0.57
3:G:175:ASP:OD1	3:G:176:GLU:N	2.35	0.57
1:A0:244:VAL:HG22	1:A5:487:ALA:HB1	1.85	0.57
1:A1:210:VAL:N	1:A1:228:ARG:O	2.34	0.57
1:A1:695:ASN:HB2	1:BD:301:ILE:HG23	1.86	0.57
1:A2:202:ASP:HA	1:A2:480:ARG:HA	1.85	0.57
1:A4:251:TYR:N	1:A4:280:LYS:O	2.37	0.57
1:A6:338:PRO:HD3	1:A6:378:VAL:HG22	1.85	0.57
1:A7:577:ARG:HH12	1:A7:732:ASN:HA	1.69	0.57
1:Ar:495:LEU:HD21	1:Ar:698:VAL:HG12	1.85	0.57
1:Au:408:VAL:HG11	1:Aw:164:LEU:HD13	1.87	0.57
1:Av:494:PRO:O	1:Av:700:LYS:HE2	2.05	0.57
1:BA:486:LEU:HB2	1:BA:706:PRO:HG2	1.87	0.57
1:BC:565:LEU:HD12	1:BC:725:LEU:HA	1.87	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BD:297:GLU:OE2	1:BD:307:SER:OG	2.10	0.57
1:A1:678:GLY:HA2	1:A1:712:ASN:HA	1.84	0.57
1:A6:270:ARG:HE	1:A6:281:THR:HG23	1.69	0.57
1:A6:736:PRO:HG2	1:A7:734:LYS:HA	1.85	0.57
1:A9:482:ALA:O	1:A9:709:ARG:NH1	2.35	0.57
1:Az:482:ALA:O	1:Az:709:ARG:NH1	2.37	0.57
1:BA:732:ASN:OD1	1:BF:570:GLN:HB2	2.05	0.57
1:BC:480:ARG:HH21	1:BD:169:PRO:HB3	1.70	0.57
1:BE:319:LEU:HD12	1:BE:455:GLU:O	2.04	0.57
1:BE:624:ASP:HB3	1:BE:656:LEU:O	2.04	0.57
1:A1:695:ASN:HD21	1:BD:307:SER:HA	1.70	0.57
1:A5:292:MET:HE2	1:A5:458:ILE:HD12	1.87	0.57
1:BA:565:LEU:HD12	1:BA:725:LEU:HA	1.87	0.57
1:BB:180:ARG:HG3	1:BB:515:PHE:HD2	1.70	0.57
1:BB:483:ILE:HD11	1:BB:681:LEU:HB3	1.86	0.57
1:BB:624:ASP:HB3	1:BB:656:LEU:O	2.05	0.57
1:BC:203:VAL:HG11	1:BD:170:TYR:CE2	2.39	0.57
1:BF:565:LEU:HD12	1:BF:725:LEU:HA	1.87	0.57
1:A1:703:MET:HE3	1:Az:465:ARG:HH21	1.68	0.57
1:At:293:ILE:O	1:BA:220:GLY:N	2.38	0.57
1:Ay:297:GLU:OE2	1:Ay:307:SER:OG	2.22	0.57
1:BA:537:ARG:NH2	1:BF:427:ASP:O	2.38	0.57
1:BB:491:ILE:HD12	1:BB:503:ASP:HB3	1.86	0.57
3:G:206:GLY:O	3:G:210:ARG:HG3	2.05	0.57
1:A0:160:ASP:HA	1:Ax:493:ARG:NH2	2.19	0.57
1:A2:660:ILE:HB	1:A2:720:ILE:HB	1.87	0.57
1:A3:244:VAL:HG22	1:A4:487:ALA:HB2	1.85	0.57
1:A3:322:ILE:HA	1:A3:454:TYR:HA	1.86	0.57
1:A3:678:GLY:HA2	1:A3:712:ASN:HA	1.87	0.57
1:A5:216:ARG:HG3	1:BE:158:SER:HB3	1.87	0.57
1:A5:298:ASP:OD2	1:A5:300:SER:OG	2.21	0.57
1:A8:539:ARG:O	1:A8:555:ARG:NH1	2.38	0.57
1:A9:530:LEU:HD22	1:A9:558:PHE:HB2	1.86	0.57
1:Ar:237:ASN:HA	1:As:517:ASN:ND2	2.19	0.57
1:Av:350:GLN:O	1:Av:361:THR:N	2.28	0.57
1:Av:488:PRO:HB3	1:Av:705:GLN:HB2	1.87	0.57
1:BA:351:LYS:HE2	1:BC:165:ARG:HH11	1.69	0.57
1:BD:210:VAL:N	1:BD:228:ARG:O	2.37	0.57
1:BF:159:TYR:HD1	1:BF:160:ASP:H	1.52	0.57
1:A1:734:LYS:HA	1:Az:736:PRO:HG2	1.87	0.56
1:A3:408:VAL:HG21	1:Ay:164:LEU:HD13	1.87	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:424:ARG:HH12	1:Ay:543:ASP:CG	2.13	0.56
1:A9:687:VAL:HG22	1:A9:704:VAL:HG22	1.87	0.56
1:Aw:209:LEU:N	1:Aw:473:ASP:O	2.37	0.56
1:Ay:678:GLY:HA2	1:Ay:712:ASN:HA	1.86	0.56
1:BA:167:MET:HE2	1:BE:318:THR:HG22	1.87	0.56
1:BA:331:HIS:CE1	3:G:72:ARG:HE	2.21	0.56
1:BA:470:LYS:O	1:BB:489:PHE:HA	2.05	0.56
1:BF:214:LEU:HD11	1:BF:223:ALA:HB1	1.87	0.56
1:BG:301:ILE:HD11	1:BG:460:ARG:HH22	1.70	0.56
1:A2:207:ARG:O	1:A2:475:ASN:N	2.33	0.56
1:A4:311:ASP:H	1:Az:158:SER:N	2.03	0.56
1:A7:559:GLU:OE1	1:A7:595:ARG:NH1	2.38	0.56
1:A9:539:ARG:O	1:A9:555:ARG:NH1	2.38	0.56
1:Au:479:GLU:HG2	1:Ax:345:ILE:HG12	1.87	0.56
1:Av:424:ARG:NH1	1:Aw:543:ASP:OD2	2.38	0.56
1:Ax:314:ASP:OD1	1:Ax:315:ALA:N	2.32	0.56
1:Az:494:PRO:O	1:Az:700:LYS:HE2	2.04	0.56
1:Az:657:ARG:O	1:Az:659:LYS:N	2.38	0.56
1:A0:220:GLY:HA3	1:Az:295:ILE:HG12	1.86	0.56
1:A0:657:ARG:O	1:A0:659:LYS:N	2.39	0.56
1:A0:695:ASN:HB2	1:Ar:301:ILE:HG22	1.88	0.56
1:A1:469:GLY:HA3	1:A2:488:PRO:O	2.06	0.56
1:A2:495:LEU:HA	1:A2:700:LYS:HE2	1.88	0.56
1:A5:190:ASN:O	1:A5:680:PHE:N	2.28	0.56
1:A5:216:ARG:CG	1:BE:158:SER:HB3	2.36	0.56
1:A5:350:GLN:N	1:A5:361:THR:O	2.30	0.56
1:A8:364:PHE:HB3	1:A8:402:VAL:HB	1.85	0.56
1:A8:689:VAL:HG22	1:A8:702:THR:HG23	1.86	0.56
1:Ay:212:ASN:OD1	1:Ay:470:LYS:HG2	2.05	0.56
1:Ay:311:ASP:HB2	1:BE:216:ARG:HH21	1.69	0.56
1:Ay:321:LYS:O	1:Ay:455:GLU:N	2.38	0.56
1:Az:210:VAL:N	1:Az:228:ARG:O	2.35	0.56
1:Az:220:GLY:HA2	1:BD:295:ILE:HG12	1.87	0.56
2:B:29:GLN:NE2	2:B:33:PRO:O	2.37	0.56
1:BA:161:GLN:N	1:BE:292:MET:C	2.63	0.56
1:BB:250:ILE:H	1:BB:295:ILE:HG22	1.70	0.56
1:BC:471:HIS:CE1	1:BD:492:PRO:HD3	2.40	0.56
1:BD:577:ARG:HH12	1:BD:732:ASN:HA	1.70	0.56
1:BE:413:LEU:HD23	1:BE:414:ARG:H	1.70	0.56
1:BE:497:TRP:HE1	1:BE:499:GLU:HB2	1.70	0.56
1:BF:377:ASP:OD1	1:BF:381:ALA:N	2.39	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:461:ASN:HB3	1:A3:162:LYS:HZ2	1.69	0.56
1:A3:530:LEU:HD22	1:A3:558:PHE:HB2	1.86	0.56
1:A4:237:ASN:HA	1:Ay:517:ASN:HD22	1.69	0.56
1:As:358:ARG:NH2	1:Au:161:GLN:O	2.38	0.56
1:Aw:577:ARG:HH12	1:Aw:732:ASN:HA	1.70	0.56
1:Ay:482:ALA:O	1:Ay:709:ARG:NH1	2.30	0.56
1:BA:203:VAL:O	1:BA:479:GLU:N	2.29	0.56
1:BE:247:LEU:N	1:BE:458:ILE:O	2.39	0.56
1:A3:687:VAL:HG22	1:A3:704:VAL:HG22	1.88	0.56
1:A5:539:ARG:O	1:A5:555:ARG:NH1	2.39	0.56
1:A8:495:LEU:HD21	1:A8:698:VAL:HG12	1.87	0.56
1:At:377:ASP:OD1	1:At:381:ALA:N	2.38	0.56
1:Av:206:ARG:O	1:Aw:174:PHE:HB3	2.04	0.56
1:Aw:307:SER:HA	1:Aw:466:ARG:NH1	2.20	0.56
1:Ay:308:ASP:OD1	1:Ay:308:ASP:N	2.37	0.56
1:BA:162:LYS:HG2	1:BE:293:ILE:CG1	2.36	0.56
1:BC:687:VAL:HG22	1:BC:704:VAL:HG22	1.87	0.56
1:BE:349:PHE:CE1	1:BE:362:LEU:HB2	2.41	0.56
1:BG:506:VAL:HG12	1:BH:472:LEU:HD13	1.87	0.56
1:A0:574:THR:HG21	1:A9:584:ALA:HB2	1.86	0.56
1:Au:689:VAL:C	1:Ax:465:ARG:HH12	2.13	0.56
1:BA:160:ASP:C	1:BE:291:ASP:OD1	2.49	0.56
1:BB:237:ASN:ND2	1:BC:655:MET:SD	2.78	0.56
1:BD:465:ARG:HH21	1:BE:703:MET:HE3	1.71	0.56
1:BE:338:PRO:HD3	1:BE:378:VAL:HG22	1.88	0.56
1:A1:418:ALA:H	1:A1:451:LEU:HB3	1.70	0.56
1:A4:657:ARG:O	1:A4:659:LYS:N	2.39	0.56
1:A8:559:GLU:OE1	1:A8:595:ARG:NH1	2.39	0.56
1:Au:694:ARG:HB2	1:Au:697:GLN:HG3	1.87	0.56
1:Av:338:PRO:HD3	1:Av:378:VAL:HG22	1.87	0.56
1:BA:489:PHE:HA	1:BF:469:GLY:CA	2.36	0.56
1:BC:249:PRO:HA	1:BC:295:ILE:CG2	2.36	0.56
1:A0:483:ILE:HD11	1:A0:681:LEU:HB3	1.88	0.56
1:A1:164:LEU:HD12	1:Ay:358:ARG:CZ	2.35	0.56
1:A3:190:ASN:O	1:A3:680:PHE:N	2.31	0.56
1:A5:220:GLY:HA2	1:BC:295:ILE:HG12	1.88	0.56
1:At:310:THR:HG22	1:BB:492:PRO:HG3	1.88	0.56
1:Au:307:SER:HA	1:Au:466:ARG:HH12	1.69	0.56
1:Av:530:LEU:HD22	1:Av:558:PHE:HB2	1.88	0.56
1:Ax:338:PRO:HD3	1:Ax:378:VAL:HG22	1.88	0.56
1:Ay:291:ASP:O	1:Ay:295:ILE:HG13	2.06	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ay:294:GLY:HA2	1:BE:216:ARG:HB3	1.88	0.56
1:BC:678:GLY:HA2	1:BC:712:ASN:HA	1.88	0.56
1:BE:291:ASP:OD1	1:BE:295:ILE:N	2.38	0.56
1:BE:427:ASP:OD1	1:BE:428:GLN:N	2.37	0.56
1:BE:493:ARG:HD2	1:BE:497:TRP:CD1	2.41	0.56
1:A0:655:MET:SD	1:A9:237:ASN:ND2	2.78	0.56
1:A1:461:ASN:OD1	1:A2:485:LEU:HD22	2.06	0.56
1:A3:235:MET:HB3	1:A4:654:VAL:HG13	1.88	0.56
1:A6:407:ASN:OD1	1:A6:408:VAL:N	2.39	0.56
1:As:470:LYS:HB2	1:Ax:489:PHE:CE2	2.40	0.56
1:At:293:ILE:C	1:BA:220:GLY:H	2.13	0.56
1:Ax:577:ARG:HH12	1:Ax:732:ASN:HA	1.71	0.56
1:BA:160:ASP:O	1:BE:291:ASP:OD1	2.24	0.56
1:BC:488:PRO:HB3	1:BC:705:GLN:HB2	1.87	0.56
1:BF:687:VAL:HA	1:BF:703:MET:O	2.06	0.56
1:A0:235:MET:HE1	1:A0:601:GLY:HA2	1.88	0.56
1:A0:703:MET:CE	1:A9:465:ARG:HE	2.19	0.56
1:A1:184:MET:HE1	1:A1:656:LEU:HD11	1.87	0.56
1:A1:736:PRO:HG2	1:A2:734:LYS:HA	1.87	0.56
1:A2:408:VAL:HG11	1:A4:164:LEU:HD13	1.87	0.56
1:A7:687:VAL:HG22	1:A7:704:VAL:HG22	1.88	0.56
1:As:162:LYS:HD2	1:Aw:312:ALA:HB3	1.88	0.56
1:Au:292:MET:HE2	1:Au:458:ILE:HD12	1.87	0.56
1:Av:209:LEU:N	1:Av:473:ASP:O	2.37	0.56
1:Aw:180:ARG:HG3	1:Aw:515:PHE:HD2	1.71	0.56
1:BD:672:PRO:HG2	1:BE:170:TYR:CZ	2.41	0.56
1:A1:353:LEU:HD13	1:Ar:480:ARG:NH1	2.21	0.55
1:A2:657:ARG:O	1:A2:659:LYS:N	2.39	0.55
1:A3:482:ALA:O	1:A3:709:ARG:NH1	2.35	0.55
1:A3:689:VAL:HG22	1:A3:702:THR:HG23	1.87	0.55
1:A4:678:GLY:HA2	1:A4:712:ASN:HA	1.88	0.55
1:At:293:ILE:C	1:BA:220:GLY:N	2.63	0.55
1:Av:689:VAL:HG22	1:Av:702:THR:HG23	1.87	0.55
1:Aw:497:TRP:NE1	1:Aw:499:GLU:O	2.36	0.55
1:Ay:308:ASP:OD2	1:BE:468:ARG:NH1	2.38	0.55
1:BA:171:SER:HB2	1:BF:478:GLN:HG2	1.86	0.55
1:BA:209:LEU:HD23	1:BA:229:PRO:HA	1.88	0.55
1:A1:297:GLU:OE2	1:A1:307:SER:OG	2.22	0.55
1:A1:507:LEU:HD23	1:Az:472:LEU:HD12	1.87	0.55
1:A2:587:ASN:HA	1:A3:578:ARG:HH21	1.71	0.55
1:A8:201:TYR:O	1:A8:481:TYR:N	2.24	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:476:MET:HB3	1:BH:357:PHE:HB3	1.87	0.55
1:A8:684:PRO:O	1:A8:707:ARG:NH2	2.29	0.55
1:As:737:VAL:HG13	1:Ax:737:VAL:HB	1.87	0.55
1:BC:587:ASN:HA	1:BD:578:ARG:HH21	1.70	0.55
1:BD:237:ASN:HA	1:BE:517:ASN:ND2	2.20	0.55
1:BE:493:ARG:NH2	1:BE:503:ASP:OD1	2.39	0.55
1:BH:211:PHE:CZ	1:BH:471:HIS:HB2	2.41	0.55
1:A0:184:MET:HE1	1:A0:656:LEU:HD11	1.88	0.55
1:A1:362:LEU:N	1:A1:404:GLY:O	2.31	0.55
1:A6:736:PRO:HB2	1:A7:734:LYS:HG2	1.87	0.55
1:Ar:559:GLU:OE1	1:Ar:595:ARG:NH1	2.40	0.55
1:At:212:ASN:OD1	1:At:213:HIS:N	2.32	0.55
1:At:307:SER:HA	1:At:466:ARG:NH1	2.21	0.55
1:Au:577:ARG:HH12	1:Au:732:ASN:HA	1.71	0.55
1:Av:235:MET:HB3	1:Aw:654:VAL:HG13	1.88	0.55
1:BA:688:SER:CB	1:BF:465:ARG:HH21	2.19	0.55
1:BD:251:TYR:N	1:BD:280:LYS:O	2.32	0.55
1:BD:539:ARG:O	1:BD:555:ARG:NH1	2.39	0.55
1:BE:251:TYR:N	1:BE:280:LYS:O	2.30	0.55
1:BE:584:ALA:O	1:BE:588:VAL:HG23	2.07	0.55
1:BF:308:ASP:OD1	1:BF:310:THR:OG1	2.25	0.55
1:A0:461:ASN:HD22	1:A6:162:LYS:HD3	1.71	0.55
1:A1:697:GLN:HA	1:BD:466:ARG:H	1.71	0.55
1:A3:461:ASN:HD21	1:Ay:162:LYS:HD2	1.70	0.55
1:A4:684:PRO:O	1:A4:707:ARG:NH2	2.32	0.55
1:Ar:689:VAL:HG22	1:Ar:702:THR:HG23	1.89	0.55
1:At:633:THR:H	1:At:638:ARG:HH11	1.54	0.55
1:Ax:565:LEU:HD12	1:Ax:725:LEU:HA	1.87	0.55
1:Az:313:LEU:HB2	1:Az:408:VAL:HG13	1.88	0.55
1:BA:666:ARG:HE	1:BA:675:LEU:HD12	1.71	0.55
1:BB:482:ALA:O	1:BB:709:ARG:NH1	2.33	0.55
1:BC:307:SER:HB3	1:BE:158:SER:HB2	1.87	0.55
1:BF:427:ASP:OD1	1:BF:428:GLN:N	2.37	0.55
1:A2:678:GLY:HA2	1:A2:712:ASN:HA	1.88	0.55
1:A4:311:ASP:HB2	1:Az:158:SER:N	2.22	0.55
1:A5:351:LYS:HG2	1:A7:165:ARG:CD	2.37	0.55
1:A7:497:TRP:NE1	1:A7:499:GLU:O	2.37	0.55
1:Ar:577:ARG:HH12	1:Ar:732:ASN:HA	1.72	0.55
1:As:163:GLU:O	1:As:164:LEU:HD23	2.07	0.55
1:As:209:LEU:N	1:As:473:ASP:O	2.32	0.55
1:At:291:ASP:O	1:BA:221:THR:C	2.49	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Av:164:LEU:CB	1:Ax:360:MET:HE1	2.36	0.55
1:Ax:686:LEU:O	1:Ax:704:VAL:HA	2.06	0.55
1:Az:559:GLU:CD	1:Az:595:ARG:HH12	2.15	0.55
1:BB:301:ILE:HD11	1:BB:460:ARG:HH22	1.72	0.55
1:BC:249:PRO:HA	1:BC:295:ILE:HG21	1.88	0.55
1:BD:247:LEU:HD21	1:BD:460:ARG:HB2	1.88	0.55
1:A2:161:GLN:HB2	1:A5:497:TRP:CH2	2.42	0.55
1:Ar:165:ARG:CD	1:Av:351:LYS:HG2	2.36	0.55
1:Av:270:ARG:HE	1:Av:281:THR:HG23	1.70	0.55
1:Ax:373:GLU:OE1	1:Ax:393:LYS:HG2	2.06	0.55
1:Ax:559:GLU:OE1	1:Ax:595:ARG:NH1	2.33	0.55
1:Ay:377:ASP:OD1	1:Ay:381:ALA:N	2.39	0.55
1:A1:351:LYS:NZ	1:A3:165:ARG:HH21	2.05	0.55
1:A2:201:TYR:O	1:A2:481:TYR:N	2.19	0.55
1:A2:685:GLU:HG2	1:A2:706:PRO:HA	1.89	0.55
1:A6:209:LEU:N	1:A6:473:ASP:O	2.38	0.55
1:A6:237:ASN:HA	1:A7:517:ASN:ND2	2.22	0.55
1:At:228:ARG:HD2	1:At:229:PRO:HD2	1.89	0.55
1:Aw:373:GLU:OE1	1:Aw:393:LYS:HG2	2.06	0.55
1:Aw:657:ARG:O	1:Aw:659:LYS:N	2.39	0.55
1:Ax:657:ARG:O	1:Ax:659:LYS:N	2.40	0.55
1:Ay:465:ARG:HH21	1:Az:703:MET:HE3	1.72	0.55
1:BB:270:ARG:HE	1:BB:281:THR:HG23	1.71	0.55
1:BG:691:GLN:HB2	1:BG:700:LYS:HG2	1.88	0.55
1:BG:737:VAL:O	1:BH:740:ASN:N	2.39	0.55
1:A0:377:ASP:OD1	1:A0:381:ALA:N	2.40	0.55
1:A1:535:THR:HG21	1:A1:556:PRO:HB2	1.89	0.55
1:A4:373:GLU:HB2	1:A4:390:ILE:HG23	1.89	0.55
1:A8:338:PRO:HD3	1:A8:378:VAL:HG22	1.89	0.55
1:Ar:349:PHE:CZ	1:Ar:413:LEU:HD21	2.41	0.55
1:At:295:ILE:N	1:BA:221:THR:N	2.29	0.55
1:Au:543:ASP:CG	1:Ax:424:ARG:HH12	2.14	0.55
1:Az:220:GLY:CA	1:BD:295:ILE:HG12	2.37	0.55
1:Az:530:LEU:HD22	1:Az:558:PHE:HB2	1.87	0.55
1:BC:657:ARG:O	1:BC:659:LYS:N	2.39	0.55
1:BD:202:ASP:O	1:BE:170:TYR:N	2.40	0.55
1:BH:338:PRO:HD3	1:BH:378:VAL:HG22	1.89	0.55
1:A1:351:LYS:HZ3	1:A3:165:ARG:HH21	1.54	0.55
1:A3:338:PRO:HD3	1:A3:378:VAL:HG22	1.88	0.55
1:A3:351:LYS:HG2	1:Ay:165:ARG:HD2	1.89	0.55
1:A3:488:PRO:HB3	1:A3:705:GLN:HB2	1.89	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:312:ALA:HB1	1:Az:162:LYS:H	1.72	0.55
1:A4:535:THR:HG21	1:A4:556:PRO:HB2	1.88	0.55
1:A6:584:ALA:HB2	1:A7:574:THR:HG21	1.89	0.55
1:As:298:ASP:OD2	1:As:300:SER:OG	2.21	0.55
1:As:657:ARG:O	1:As:659:LYS:N	2.40	0.55
1:At:597:TYR:HB2	1:At:644:PHE:HZ	1.72	0.55
1:Az:338:PRO:HD3	1:Az:378:VAL:HG22	1.88	0.55
1:BA:492:PRO:HG3	1:BF:214:LEU:O	2.07	0.55
1:BB:377:ASP:OD1	1:BB:381:ALA:N	2.40	0.55
1:BH:184:MET:HE1	1:BH:656:LEU:HD11	1.88	0.55
1:A0:249:PRO:HA	1:A0:295:ILE:CG2	2.37	0.55
1:A0:489:PHE:CD2	1:A9:470:LYS:HB2	2.42	0.55
1:A1:298:ASP:OD2	1:A1:300:SER:OG	2.20	0.55
1:A6:165:ARG:HH22	1:BD:476:MET:HE1	1.70	0.55
1:A8:306:TYR:CE2	1:As:213:HIS:HE1	2.24	0.55
1:As:162:LYS:HD3	1:Aw:461:ASN:ND2	2.17	0.55
1:Au:168:MET:O	1:Ax:202:ASP:N	2.40	0.55
1:BA:235:MET:HG2	1:BB:652:PRO:O	2.06	0.55
1:BA:310:THR:O	1:BA:464:ASN:ND2	2.22	0.55
1:BA:350:GLN:OE1	1:BB:480:ARG:NH1	2.41	0.55
1:BC:685:GLU:HG2	1:BC:706:PRO:HA	1.89	0.55
1:BF:260:TYR:CD1	1:BF:290:ILE:HG12	2.42	0.55
3:G:199:ASP:N	3:G:199:ASP:OD1	2.39	0.55
1:A1:695:ASN:HB2	1:BD:301:ILE:CG2	2.37	0.54
1:A2:200:GLY:O	1:A3:168:MET:HB3	2.08	0.54
1:A4:359:LYS:O	1:Az:165:ARG:HD3	2.07	0.54
1:A6:678:GLY:HA2	1:A6:712:ASN:HA	1.87	0.54
1:Ar:678:GLY:HA2	1:Ar:712:ASN:HA	1.88	0.54
1:BA:184:MET:HE3	1:BA:519:MET:HE1	1.88	0.54
1:BD:211:PHE:CZ	1:BD:471:HIS:HB2	2.42	0.54
1:BD:470:LYS:HB2	1:BE:489:PHE:CE2	2.42	0.54
1:BF:338:PRO:HD3	1:BF:378:VAL:HG22	1.88	0.54
1:A0:464:ASN:N	1:A0:464:ASN:OD1	2.40	0.54
1:A1:312:ALA:O	1:A1:460:ARG:HG3	2.07	0.54
1:A2:160:ASP:OD2	1:A2:162:LYS:HE3	2.08	0.54
1:A2:165:ARG:HD2	1:Az:352:SER:H	1.72	0.54
1:A3:206:ARG:O	1:A4:174:PHE:HB3	2.08	0.54
1:A4:382:LYS:HE3	1:A4:390:ILE:HG21	1.90	0.54
1:A6:302:LEU:HA	1:A6:305:GLY:O	2.07	0.54
1:A6:308:ASP:OD1	1:A6:310:THR:OG1	2.24	0.54
1:A6:469:GLY:HA3	1:A7:488:PRO:O	2.06	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A8:180:ARG:HG3	1:A8:515:PHE:HD2	1.71	0.54
1:Av:165:ARG:HD3	1:Ax:360:MET:HG2	1.89	0.54
1:Av:657:ARG:O	1:Av:659:LYS:N	2.39	0.54
1:Aw:184:MET:HE1	1:Aw:656:LEU:HD11	1.89	0.54
1:BA:162:LYS:H	1:BE:292:MET:C	2.16	0.54
1:A2:483:ILE:HD11	1:A2:681:LEU:HB3	1.89	0.54
1:A4:497:TRP:NE1	1:A4:499:GLU:O	2.39	0.54
1:A6:251:TYR:N	1:A6:280:LYS:O	2.39	0.54
1:A6:483:ILE:HD11	1:A6:681:LEU:HB3	1.89	0.54
1:A7:657:ARG:O	1:A7:659:LYS:N	2.40	0.54
1:A8:657:ARG:O	1:A8:659:LYS:N	2.40	0.54
1:A9:485:LEU:HG	1:A9:707:ARG:HG2	1.87	0.54
1:Ar:657:ARG:O	1:Ar:659:LYS:N	2.41	0.54
1:Au:657:ARG:O	1:Au:659:LYS:N	2.40	0.54
1:Au:678:GLY:HA2	1:Au:712:ASN:HA	1.88	0.54
1:BB:313:LEU:HD23	1:BB:460:ARG:HA	1.89	0.54
1:BD:313:LEU:HD11	1:BD:411:ALA:HA	1.90	0.54
1:A0:312:ALA:O	1:A0:460:ARG:HG3	2.07	0.54
1:A1:495:LEU:HD11	1:BD:465:ARG:NH1	2.22	0.54
1:A2:377:ASP:OD1	1:A2:381:ALA:N	2.41	0.54
1:A2:559:GLU:OE1	1:A2:595:ARG:NH1	2.35	0.54
1:A4:377:ASP:OD1	1:A4:381:ALA:N	2.41	0.54
1:A5:158:SER:O	1:A9:311:ASP:O	2.25	0.54
1:A5:220:GLY:CA	1:BC:295:ILE:HG12	2.37	0.54
1:A5:303:ALA:O	1:BC:305:GLY:HA2	2.08	0.54
1:A7:298:ASP:OD2	1:A7:300:SER:OG	2.21	0.54
1:At:435:ARG:HA	1:At:440:PHE:CD2	2.42	0.54
1:Aw:373:GLU:HB2	1:Aw:390:ILE:HG23	1.89	0.54
1:BA:159:TYR:HB3	1:BE:307:SER:HB2	1.90	0.54
1:BB:657:ARG:O	1:BB:659:LYS:N	2.39	0.54
1:BC:204:SER:HA	1:BD:172:VAL:CA	2.31	0.54
1:BD:207:ARG:O	1:BD:475:ASN:N	2.39	0.54
1:BD:314:ASP:HA	1:BD:461:ASN:HB2	1.89	0.54
1:BE:317:ILE:CG2	1:BE:458:ILE:HG12	2.38	0.54
1:BE:424:ARG:NH1	1:BF:543:ASP:OD2	2.39	0.54
1:BE:494:PRO:HG2	1:BE:497:TRP:HB2	1.89	0.54
1:A0:202:ASP:N	1:A5:168:MET:O	2.39	0.54
1:A0:297:GLU:OE2	1:A0:307:SER:OG	2.20	0.54
1:A0:697:GLN:O	1:A0:697:GLN:HG2	2.07	0.54
1:A1:288:LYS:O	1:A1:414:ARG:HG3	2.07	0.54
1:A1:541:PHE:CZ	1:Az:426:VAL:HG21	2.36	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:577:ARG:HH12	1:A1:732:ASN:HA	1.71	0.54
1:A2:266:ILE:HG22	1:A2:267:VAL:HG23	1.89	0.54
1:A4:469:GLY:HA3	1:Ay:488:PRO:O	2.08	0.54
1:A5:217:ASN:ND2	1:A5:221:THR:OG1	2.39	0.54
1:A5:698:VAL:O	1:Az:464:ASN:O	2.25	0.54
1:A6:351:LYS:HA	1:A8:165:ARG:HD2	1.89	0.54
1:A8:211:PHE:HE2	1:BH:309:ASN:HD22	1.56	0.54
1:A8:321:LYS:O	1:A8:455:GLU:N	2.40	0.54
1:A8:349:PHE:HB3	1:A8:360:MET:HB3	1.89	0.54
1:A8:475:ASN:HA	1:BH:357:PHE:CE1	2.41	0.54
1:Az:427:ASP:OD1	1:Az:428:GLN:N	2.39	0.54
1:BE:345:ILE:HG13	1:BE:346:THR:HG23	1.88	0.54
1:BH:417:GLY:HA2	1:BH:451:LEU:HD23	1.89	0.54
1:BH:678:GLY:HA2	1:BH:712:ASN:HA	1.89	0.54
1:A0:493:ARG:NE	1:Ax:160:ASP:HA	2.22	0.54
1:A1:160:ASP:HB2	1:BF:497:TRP:HB3	1.89	0.54
1:A1:162:LYS:HE3	1:BF:496:ASP:O	2.06	0.54
1:A1:310:THR:OG1	1:As:697:GLN:OE1	2.25	0.54
1:A1:493:ARG:CD	1:A1:494:PRO:HD2	2.36	0.54
1:A1:651:ASN:HD22	1:A1:653:ASN:HB2	1.73	0.54
1:A4:214:LEU:HD11	1:A4:223:ALA:HB1	1.90	0.54
1:A5:202:ASP:HA	1:A5:480:ARG:HA	1.90	0.54
1:At:275:LYS:HD3	2:B:74:GLY:O	2.08	0.54
1:At:293:ILE:CG2	1:BA:216:ARG:HB3	2.35	0.54
1:Aw:382:LYS:HE3	1:Aw:390:ILE:HG21	1.90	0.54
1:Ay:306:TYR:C	1:BF:695:ASN:OD1	2.51	0.54
1:Ay:657:ARG:O	1:Ay:659:LYS:N	2.40	0.54
1:Az:251:TYR:N	1:Az:280:LYS:O	2.34	0.54
1:BA:167:MET:HB2	1:BE:348:GLY:HA3	1.89	0.54
1:BB:517:ASN:N	1:BB:517:ASN:OD1	2.40	0.54
1:BE:320:THR:HA	1:BE:342:SER:HB3	1.90	0.54
1:BF:482:ALA:H	1:BF:709:ARG:NH1	2.05	0.54
1:BG:322:ILE:HA	1:BG:454:TYR:HA	1.90	0.54
1:A2:158:SER:N	1:A5:492:PRO:HB2	2.23	0.54
1:A3:247:LEU:HD21	1:A3:460:ARG:HB2	1.89	0.54
1:A3:695:ASN:OD1	1:A3:695:ASN:N	2.37	0.54
1:A4:424:ARG:NH1	1:Ay:543:ASP:OD2	2.36	0.54
1:A7:307:SER:HA	1:A7:466:ARG:NH1	2.22	0.54
1:A8:228:ARG:HH11	1:A8:239:VAL:HA	1.72	0.54
1:A9:211:PHE:HZ	1:Ax:159:TYR:CE2	2.24	0.54
1:Au:543:ASP:OD2	1:Ax:424:ARG:NH1	2.36	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ax:493:ARG:N	1:Ax:699:SER:HB2	2.23	0.54
1:BA:169:PRO:HD3	1:BE:350:GLN:CD	2.33	0.54
1:BC:312:ALA:HA	1:BE:160:ASP:OD1	2.08	0.54
1:A0:349:PHE:HB3	1:A0:360:MET:HB3	1.90	0.54
1:A0:678:GLY:HA2	1:A0:712:ASN:HA	1.90	0.54
1:A3:377:ASP:OD1	1:A3:381:ALA:N	2.41	0.54
1:A7:184:MET:HE1	1:A7:656:LEU:HD11	1.88	0.54
1:As:306:TYR:O	1:BG:695:ASN:ND2	2.41	0.54
1:As:530:LEU:HD22	1:As:558:PHE:HB2	1.90	0.54
1:At:633:THR:O	1:At:638:ARG:NH1	2.40	0.54
1:Au:377:ASP:OD1	1:Au:381:ALA:N	2.41	0.54
1:Ax:684:PRO:O	1:Ax:707:ARG:NH2	2.27	0.54
1:Az:417:GLY:HA2	1:Az:451:LEU:HD23	1.89	0.54
1:BC:301:ILE:HD11	1:BC:460:ARG:HH22	1.71	0.54
1:BD:288:LYS:O	1:BD:414:ARG:HG3	2.07	0.54
1:BE:559:GLU:CD	1:BE:595:ARG:HH12	2.16	0.54
1:BE:571:GLY:HA2	1:BF:572:THR:O	2.07	0.54
1:A0:302:LEU:HA	1:A0:305:GLY:O	2.08	0.54
1:A0:734:LYS:HA	1:A9:736:PRO:HG2	1.89	0.54
1:A4:349:PHE:HB3	1:A4:360:MET:SD	2.48	0.54
1:A6:697:GLN:HB3	1:BC:466:ARG:HB2	1.89	0.54
1:At:292:MET:HA	1:BA:220:GLY:O	2.08	0.54
1:At:401:GLU:HB2	1:BF:416:ASN:HD21	1.73	0.54
1:Aw:311:ASP:OD1	1:Aw:464:ASN:ND2	2.41	0.54
1:Ay:288:LYS:O	1:Ay:414:ARG:HG3	2.08	0.54
1:Ay:577:ARG:NH1	1:Ay:731:GLU:O	2.40	0.54
1:Az:362:LEU:N	1:Az:404:GLY:O	2.31	0.54
1:BA:624:ASP:HB3	1:BA:656:LEU:O	2.08	0.54
1:A0:252:ARG:NE	1:BD:219:ASP:HA	2.16	0.54
1:A2:161:GLN:C	1:Az:358:ARG:HH21	2.16	0.54
1:A2:696:GLY:HA2	1:A9:304:ASN:CB	2.34	0.54
1:A6:535:THR:HG21	1:A6:556:PRO:HB2	1.90	0.54
1:A8:464:ASN:N	1:A8:464:ASN:OD1	2.41	0.54
1:Ar:194:LEU:HD21	1:Ar:201:TYR:HE1	1.73	0.54
1:As:687:VAL:HG22	1:As:704:VAL:HG22	1.90	0.54
1:At:314:ASP:OD1	1:At:315:ALA:N	2.38	0.54
1:At:357:PHE:CE1	1:BA:475:ASN:HA	2.37	0.54
1:Ax:180:ARG:HG3	1:Ax:515:PHE:CD2	2.43	0.54
1:Ax:473:ASP:OD1	1:BG:161:GLN:NE2	2.41	0.54
1:Ay:464:ASN:OD1	1:Ay:464:ASN:N	2.40	0.54
1:BB:184:MET:HE1	1:BB:656:LEU:HD11	1.88	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BB:651:ASN:HD22	1:BB:653:ASN:HB2	1.72	0.54
1:BE:695:ASN:OD1	1:BE:695:ASN:N	2.39	0.54
1:BF:288:LYS:O	1:BF:414:ARG:HG3	2.07	0.54
1:BG:180:ARG:HG3	1:BG:515:PHE:HD2	1.73	0.54
1:BG:657:ARG:O	1:BG:659:LYS:N	2.41	0.54
1:A0:356:ASP:HA	1:BD:477:LYS:HG2	1.89	0.53
1:A0:461:ASN:O	1:A6:162:LYS:NZ	2.42	0.53
1:A1:657:ARG:O	1:A1:659:LYS:N	2.41	0.53
1:A2:165:ARG:CG	1:Az:351:LYS:HA	2.38	0.53
1:A2:270:ARG:HE	1:A2:281:THR:HG23	1.73	0.53
1:A2:338:PRO:HD3	1:A2:378:VAL:HG22	1.90	0.53
1:A5:469:GLY:HA3	1:A6:488:PRO:O	2.08	0.53
1:A5:693:THR:H	1:BE:693:THR:HG21	1.73	0.53
1:A6:349:PHE:HB3	1:A6:360:MET:HB3	1.90	0.53
1:A7:377:ASP:OD1	1:A7:381:ALA:N	2.41	0.53
1:A8:480:ARG:HB3	1:BH:354:GLU:OE2	2.08	0.53
1:Ar:164:LEU:HD22	1:Av:408:VAL:HG21	1.89	0.53
1:Ar:202:ASP:HA	1:Ar:480:ARG:HA	1.90	0.53
1:Ar:266:ILE:HG22	1:Ar:267:VAL:HG23	1.90	0.53
1:Ar:288:LYS:O	1:Ar:414:ARG:HG3	2.08	0.53
1:Ar:463:SER:HB3	1:Ax:162:LYS:NZ	2.23	0.53
1:At:293:ILE:HG22	1:BA:217:ASN:O	2.08	0.53
1:At:308:ASP:C	1:BA:216:ARG:HG2	2.34	0.53
1:Aw:314:ASP:OD1	1:Aw:315:ALA:N	2.38	0.53
1:Aw:377:ASP:OD1	1:Aw:381:ALA:N	2.41	0.53
1:Ax:211:PHE:HE1	1:Ax:473:ASP:HB2	1.74	0.53
1:Ax:312:ALA:O	1:Ax:460:ARG:HG3	2.08	0.53
1:BB:427:ASP:OD1	1:BB:428:GLN:N	2.40	0.53
1:BD:241:SER:O	1:BD:470:LYS:HE3	2.07	0.53
1:BF:657:ARG:O	1:BF:659:LYS:N	2.41	0.53
1:BG:489:PHE:CD2	1:BH:470:LYS:HB2	2.43	0.53
1:A0:317:ILE:HG23	1:A0:458:ILE:HG12	1.89	0.53
1:A1:409:GLU:HB3	1:Ar:227:ARG:HH21	1.72	0.53
1:A1:559:GLU:OE1	1:A1:595:ARG:NH1	2.39	0.53
1:A4:311:ASP:OD1	1:A4:464:ASN:ND2	2.41	0.53
1:A8:252:ARG:NH2	1:As:218:ALA:O	2.31	0.53
1:At:349:PHE:HB3	1:At:360:MET:HB3	1.90	0.53
1:Au:423:TYR:O	1:Au:435:ARG:NH2	2.41	0.53
1:BC:270:ARG:HE	1:BC:281:THR:HG23	1.73	0.53
1:BE:694:ARG:HB2	1:BE:697:GLN:HG3	1.89	0.53
1:BF:302:LEU:HA	1:BF:305:GLY:O	2.08	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BH:288:LYS:O	1:BH:414:ARG:HG3	2.09	0.53
1:A0:493:ARG:NH1	1:Ax:158:SER:O	2.41	0.53
1:A1:217:ASN:ND2	1:A1:221:THR:OG1	2.41	0.53
1:A1:480:ARG:HB3	1:A9:354:GLU:OE2	2.09	0.53
1:A2:469:GLY:HA3	1:A3:488:PRO:O	2.08	0.53
1:A3:470:LYS:HB2	1:A4:489:PHE:CE2	2.43	0.53
1:A3:697:GLN:OE1	1:Aw:310:THR:OG1	2.26	0.53
1:A4:584:ALA:HB2	1:Ay:574:THR:HG21	1.90	0.53
1:A7:684:PRO:O	1:A7:707:ARG:NH2	2.33	0.53
1:As:411:ALA:HB3	1:BH:216:ARG:HH12	1.71	0.53
1:Av:474:PHE:CZ	1:Aw:506:VAL:HG21	2.44	0.53
1:BA:426:VAL:HG21	1:BB:541:PHE:HZ	1.73	0.53
1:BF:691:GLN:HG3	1:BF:698:VAL:HG11	1.91	0.53
1:A1:159:TYR:CD2	1:BF:491:ILE:HD13	2.44	0.53
1:A4:470:LYS:HB2	1:Ay:489:PHE:CD2	2.43	0.53
1:A4:471:HIS:ND1	1:Ay:492:PRO:HD3	2.22	0.53
1:A5:338:PRO:HD3	1:A5:378:VAL:HG22	1.89	0.53
1:A6:373:GLU:HB2	1:A6:390:ILE:HG23	1.89	0.53
1:A6:657:ARG:O	1:A6:659:LYS:N	2.40	0.53
1:A7:358:ARG:HH21	1:A9:161:GLN:C	2.16	0.53
1:A9:377:ASP:OD1	1:A9:381:ALA:N	2.41	0.53
1:At:306:TYR:CE2	1:BA:215:ARG:HB3	2.44	0.53
1:At:406:SER:OG	1:At:412:GLY:O	2.15	0.53
1:BA:161:GLN:HA	1:BE:291:ASP:CA	2.24	0.53
1:BA:173:VAL:N	1:BF:205:PHE:HB3	2.17	0.53
1:BC:288:LYS:O	1:BC:414:ARG:HG3	2.08	0.53
1:BE:318:THR:OG1	1:BE:457:ARG:HB3	2.09	0.53
1:BE:687:VAL:HG22	1:BE:704:VAL:HG22	1.91	0.53
1:BH:657:ARG:O	1:BH:659:LYS:N	2.42	0.53
1:A1:311:ASP:HB2	1:A3:158:SER:N	2.24	0.53
1:A1:691:GLN:NE2	1:BE:692:VAL:HG12	2.24	0.53
1:A1:734:LYS:HG2	1:Az:736:PRO:HB2	1.89	0.53
1:A2:689:VAL:HG22	1:A2:702:THR:HG23	1.91	0.53
1:A3:559:GLU:CD	1:A3:595:ARG:HH12	2.15	0.53
1:A6:687:VAL:HG22	1:A6:704:VAL:HG22	1.89	0.53
1:A7:203:VAL:O	1:A7:479:GLU:N	2.28	0.53
1:A7:310:THR:HG22	1:A9:158:SER:O	2.08	0.53
1:A9:684:PRO:O	1:A9:707:ARG:NH2	2.35	0.53
1:Ar:459:ARG:NH1	1:As:485:LEU:O	2.41	0.53
1:Ar:488:PRO:O	1:Aw:469:GLY:HA3	2.07	0.53
1:As:206:ARG:HA	1:As:476:MET:HA	1.91	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:AU:266:ILE:HG22	1:AU:267:VAL:HG23	1.90	0.53
1:AY:307:SER:N	1:BF:695:ASN:OD1	2.42	0.53
1:BC:203:VAL:CG1	1:BD:170:TYR:CE2	2.92	0.53
1:BC:321:LYS:HB2	1:BC:455:GLU:HB3	1.90	0.53
1:BD:464:ASN:OD1	1:BD:464:ASN:N	2.42	0.53
1:A1:475:ASN:HA	1:A9:357:PHE:HE1	1.73	0.53
1:A1:483:ILE:HD11	1:A1:681:LEU:HB3	1.90	0.53
1:A2:216:ARG:HH22	1:AW:411:ALA:HB3	1.74	0.53
1:A4:409:GLU:HG3	1:AZ:161:GLN:HG2	1.89	0.53
1:A5:427:ASP:OD1	1:A5:428:GLN:N	2.40	0.53
1:A9:396:ALA:HB1	1:A9:422:LEU:HD11	1.90	0.53
1:AS:162:LYS:HZ2	1:AW:461:ASN:HB3	1.74	0.53
1:AU:161:GLN:HG3	1:BG:493:ARG:HH12	1.74	0.53
1:AU:539:ARG:O	1:AU:555:ARG:NH1	2.42	0.53
1:AZ:194:LEU:HD21	1:AZ:201:TYR:HE1	1.74	0.53
1:BA:489:PHE:O	1:BA:703:MET:HA	2.09	0.53
1:BA:506:VAL:HG12	1:BF:472:LEU:CD1	2.36	0.53
1:BF:464:ASN:OD1	1:BF:464:ASN:N	2.42	0.53
1:BG:168:MET:O	1:BH:202:ASP:N	2.41	0.53
3:G:118:PRO:HB3	3:G:203:TYR:HE1	1.73	0.53
1:A0:202:ASP:HA	1:A0:480:ARG:HA	1.91	0.53
1:A0:507:LEU:HD13	1:A0:704:VAL:HG23	1.90	0.53
1:A1:464:ASN:O	1:AS:698:VAL:N	2.28	0.53
1:A2:298:ASP:OD2	1:A2:300:SER:OG	2.22	0.53
1:A5:470:LYS:HB2	1:A6:489:PHE:CE2	2.44	0.53
1:A9:210:VAL:N	1:A9:228:ARG:O	2.42	0.53
1:A9:464:ASN:OD1	1:A9:464:ASN:N	2.39	0.53
1:AS:159:TYR:HD1	1:AW:409:GLU:HG2	1.73	0.53
1:AU:483:ILE:HD11	1:AU:681:LEU:HB3	1.90	0.53
1:AU:559:GLU:OE1	1:AU:595:ARG:NH1	2.39	0.53
1:AV:237:ASN:ND2	1:AW:655:MET:SD	2.81	0.53
1:AW:180:ARG:HG3	1:AW:515:PHE:CD2	2.44	0.53
1:BB:293:ILE:O	1:BB:297:GLU:HG2	2.09	0.53
1:BC:237:ASN:HA	1:BD:517:ASN:ND2	2.24	0.53
1:BC:477:LYS:O	1:BD:172:VAL:HG22	2.08	0.53
1:BF:660:ILE:HB	1:BF:720:ILE:HB	1.90	0.53
1:BG:495:LEU:HA	1:BG:700:LYS:HE2	1.90	0.53
1:BG:685:GLU:HG2	1:BG:706:PRO:HA	1.91	0.53
1:A0:158:SER:N	1:AX:503:ASP:OD2	2.42	0.53
1:A2:194:LEU:HD21	1:A2:201:TYR:HE1	1.74	0.53
1:A3:624:ASP:HB3	1:A3:656:LEU:O	2.09	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:As:377:ASP:OD1	1:As:381:ALA:N	2.41	0.53
1:Av:322:ILE:HA	1:Av:454:TYR:HA	1.90	0.53
1:Ay:293:ILE:HG21	1:Ay:311:ASP:CB	2.39	0.53
1:BA:234:PHE:CZ	1:BB:178:ALA:HB1	2.44	0.53
1:A0:194:LEU:HD21	1:A0:201:TYR:HE1	1.74	0.53
1:A0:494:PRO:O	1:A0:700:LYS:HE2	2.09	0.53
1:A1:237:ASN:HA	1:A2:517:ASN:HD22	1.72	0.53
1:A1:373:GLU:OE1	1:A1:393:LYS:HG2	2.09	0.53
1:A2:164:LEU:HB3	1:Az:360:MET:HE3	1.91	0.53
1:A4:270:ARG:HE	1:A4:281:THR:HG23	1.74	0.53
1:A5:377:ASP:OD1	1:A5:381:ALA:N	2.42	0.53
1:A7:464:ASN:OD1	1:A7:464:ASN:N	2.42	0.53
1:A8:427:ASP:OD1	1:A8:428:GLN:N	2.39	0.53
1:At:473:ASP:OD1	1:At:474:PHE:N	2.42	0.53
1:At:724:ASN:OD1	1:At:727:LYS:NZ	2.37	0.53
1:Av:684:PRO:O	1:Av:707:ARG:NH2	2.29	0.53
1:Ax:492:PRO:HA	1:Ax:700:LYS:O	2.09	0.53
1:Ax:539:ARG:O	1:Ax:555:ARG:NH1	2.42	0.53
1:BA:162:LYS:H	1:BE:293:ILE:N	2.04	0.53
1:BA:213:HIS:HD2	1:BA:471:HIS:NE2	2.07	0.53
1:BA:349:PHE:HB3	1:BA:360:MET:HB3	1.91	0.53
1:A0:215:ARG:HA	1:Az:308:ASP:HA	1.91	0.53
1:A0:461:ASN:OD1	1:A5:485:LEU:HD22	2.08	0.53
1:A2:301:ILE:HD11	1:A2:460:ARG:HH22	1.74	0.53
1:A9:213:HIS:HE1	1:Ar:306:TYR:HE2	1.57	0.53
1:Ay:738:GLN:HB2	1:Az:734:LYS:HD3	1.91	0.53
1:Az:270:ARG:HE	1:Az:281:THR:HG23	1.73	0.53
1:Az:396:ALA:HB1	1:Az:422:LEU:HD11	1.89	0.53
1:BA:313:LEU:HD11	1:BA:411:ALA:HA	1.91	0.53
1:BC:206:ARG:HB2	1:BD:173:VAL:HA	1.91	0.53
1:BE:565:LEU:HB2	1:BE:724:ASN:O	2.09	0.53
1:BF:322:ILE:HA	1:BF:454:TYR:HA	1.90	0.53
1:A1:351:LYS:HA	1:A3:165:ARG:HD2	1.91	0.52
1:A1:470:LYS:HB2	1:A2:489:PHE:CD2	2.44	0.52
1:A1:473:ASP:OD1	1:A1:474:PHE:N	2.42	0.52
1:A2:565:LEU:HD12	1:A2:725:LEU:HA	1.91	0.52
1:A4:180:ARG:HG3	1:A4:515:PHE:HD2	1.74	0.52
1:A4:539:ARG:O	1:A4:555:ARG:NH1	2.42	0.52
1:At:574:THR:H	1:At:577:ARG:NH1	2.07	0.52
1:Av:298:ASP:OD2	1:Av:300:SER:OG	2.23	0.52
1:Ay:310:THR:HG22	1:BF:492:PRO:CB	2.26	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ay:480:ARG:HD3	1:Az:167:MET:SD	2.49	0.52
1:BA:160:ASP:OD1	1:BE:297:GLU:HG3	2.08	0.52
1:BA:396:ALA:HB1	1:BA:422:LEU:HD11	1.91	0.52
1:BB:492:PRO:HA	1:BB:700:LYS:O	2.10	0.52
1:BD:482:ALA:HB2	1:BE:167:MET:HE2	1.90	0.52
1:BD:685:GLU:HG2	1:BD:706:PRO:HA	1.91	0.52
1:BF:210:VAL:HG22	1:BF:472:LEU:HD22	1.90	0.52
1:A0:306:TYR:N	1:BE:695:ASN:HD22	1.94	0.52
1:A0:486:LEU:HD12	1:A0:706:PRO:HG2	1.91	0.52
1:A0:694:ARG:N	1:Ar:466:ARG:CZ	2.69	0.52
1:A2:539:ARG:O	1:A2:555:ARG:NH1	2.43	0.52
1:A6:408:VAL:HG22	1:A8:164:LEU:CD1	2.39	0.52
1:A7:483:ILE:HD11	1:A7:681:LEU:HB3	1.90	0.52
1:A8:464:ASN:HB2	1:Ax:697:GLN:HB2	1.90	0.52
1:At:465:ARG:HB2	1:BB:698:VAL:HB	1.91	0.52
1:Av:159:TYR:O	1:Ax:309:ASN:O	2.27	0.52
1:Av:377:ASP:OD1	1:Av:381:ALA:N	2.42	0.52
1:Aw:565:LEU:HD12	1:Aw:725:LEU:HA	1.92	0.52
1:Ay:260:TYR:HE2	1:BE:221:THR:HG22	1.68	0.52
1:BE:290:ILE:HD12	1:BE:454:TYR:OH	2.09	0.52
1:BE:580:GLU:HG2	1:BF:574:THR:H	1.74	0.52
1:A6:539:ARG:O	1:A6:555:ARG:NH1	2.42	0.52
1:A7:270:ARG:HE	1:A7:281:THR:HG23	1.74	0.52
1:A7:313:LEU:HB2	1:A7:408:VAL:HG13	1.91	0.52
1:A7:494:PRO:O	1:A7:700:LYS:HE2	2.10	0.52
1:A9:288:LYS:O	1:A9:414:ARG:HG3	2.09	0.52
1:A9:373:GLU:OE1	1:A9:393:LYS:HG2	2.09	0.52
1:As:217:ASN:ND2	1:As:221:THR:OG1	2.42	0.52
1:As:461:ASN:OD1	1:Ax:485:LEU:HD22	2.08	0.52
1:As:472:LEU:HD13	1:Ax:506:VAL:HG12	1.90	0.52
1:Ay:427:ASP:OD1	1:Ay:428:GLN:N	2.40	0.52
1:BB:314:ASP:OD2	1:BC:485:LEU:N	2.43	0.52
1:BE:314:ASP:OD1	1:BE:315:ALA:N	2.42	0.52
1:BG:184:MET:HE1	1:BG:656:LEU:HD11	1.89	0.52
1:A0:493:ARG:HD2	1:A0:494:PRO:HD2	1.91	0.52
1:A0:695:ASN:HA	1:Ar:304:ASN:HB2	1.91	0.52
1:A1:213:HIS:NE2	1:A9:308:ASP:HB2	2.24	0.52
1:A1:689:VAL:HA	1:A1:701:GLU:O	2.10	0.52
1:A4:736:PRO:HG2	1:Ay:734:LYS:HA	1.90	0.52
1:A7:242:ASN:ND2	1:A8:488:PRO:O	2.37	0.52
1:A8:251:TYR:N	1:A8:280:LYS:O	2.32	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ar:517:ASN:HD22	1:Aw:237:ASN:HA	1.74	0.52
1:At:331:HIS:CE1	1:At:387:GLN:HB3	2.43	0.52
1:Au:338:PRO:HD3	1:Au:378:VAL:HG22	1.92	0.52
1:Ax:322:ILE:HA	1:Ax:454:TYR:HA	1.91	0.52
1:Ax:489:PHE:O	1:Ax:703:MET:HA	2.09	0.52
1:Ay:298:ASP:O	1:Ay:302:LEU:HG	2.09	0.52
1:BA:162:LYS:H	1:BE:292:MET:HB2	1.74	0.52
1:BC:205:PHE:O	1:BD:172:VAL:HB	2.10	0.52
1:BD:469:GLY:HA3	1:BE:488:PRO:O	2.09	0.52
1:BG:396:ALA:HB1	1:BG:422:LEU:HD11	1.91	0.52
1:BG:687:VAL:HG22	1:BG:704:VAL:HG22	1.91	0.52
1:BH:497:TRP:NE1	1:BH:499:GLU:O	2.40	0.52
1:A0:252:ARG:NH2	1:BD:218:ALA:O	2.38	0.52
1:A1:326:ILE:HG21	1:A1:386:LEU:HD21	1.91	0.52
1:A1:338:PRO:HD3	1:A1:378:VAL:HG22	1.92	0.52
1:A1:356:ASP:HB3	1:A1:359:LYS:HB2	1.91	0.52
1:A2:213:HIS:NE2	1:Aw:308:ASP:HB2	2.25	0.52
1:A3:202:ASP:O	1:A4:170:TYR:HB3	2.10	0.52
1:A3:298:ASP:OD2	1:A3:300:SER:OG	2.21	0.52
1:A3:333:LYS:HD3	1:A3:384:GLU:HB3	1.91	0.52
1:A5:164:LEU:HB2	1:A9:360:MET:CE	2.39	0.52
1:A6:651:ASN:HD22	1:A6:653:ASN:HB2	1.75	0.52
1:A8:740:ASN:N	1:A9:737:VAL:O	2.43	0.52
1:A9:184:MET:HE1	1:A9:656:LEU:HD11	1.92	0.52
1:Ar:356:ASP:OD1	1:Ar:357:PHE:N	2.42	0.52
1:At:249:PRO:HA	1:At:296:ALA:HB1	1.91	0.52
1:At:482:ALA:H	1:At:709:ARG:HH12	1.58	0.52
1:At:485:LEU:HG	1:At:707:ARG:HG2	1.91	0.52
1:Au:209:LEU:N	1:Au:473:ASP:O	2.40	0.52
1:Aw:485:LEU:HG	1:Aw:707:ARG:HG2	1.91	0.52
1:BA:174:PHE:O	1:BF:207:ARG:CB	2.50	0.52
1:BA:408:VAL:HG11	1:BC:164:LEU:HD13	1.89	0.52
1:BA:688:SER:O	1:BA:703:MET:N	2.29	0.52
1:BB:164:LEU:HB2	1:BF:358:ARG:NE	2.25	0.52
1:BB:373:GLU:HB2	1:BB:390:ILE:HG23	1.91	0.52
1:BG:373:GLU:HB2	1:BG:390:ILE:HG23	1.92	0.52
1:A0:354:GLU:OE2	1:BC:350:GLN:NE2	2.43	0.52
1:A0:494:PRO:HD3	1:Ax:160:ASP:OD1	2.09	0.52
1:A1:317:ILE:HG23	1:A1:458:ILE:HG12	1.91	0.52
1:A2:697:GLN:NE2	1:A9:308:ASP:CG	2.67	0.52
1:A3:474:PHE:CZ	1:A4:506:VAL:HG21	2.44	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:694:ARG:HB2	1:A3:697:GLN:HG3	1.90	0.52
1:A6:493:ARG:HD2	1:A6:497:TRP:CD2	2.45	0.52
1:A6:530:LEU:HD22	1:A6:558:PHE:HB2	1.90	0.52
1:A7:351:LYS:HE2	1:A9:165:ARG:HD3	1.91	0.52
1:A8:237:ASN:HA	1:A9:517:ASN:ND2	2.24	0.52
1:A8:356:ASP:OD1	1:A8:357:PHE:N	2.42	0.52
1:A9:314:ASP:OD1	1:A9:315:ALA:N	2.37	0.52
1:A9:338:PRO:HD3	1:A9:378:VAL:HG22	1.91	0.52
1:At:293:ILE:CA	1:BA:220:GLY:HA2	2.40	0.52
1:Au:424:ARG:HH12	1:Av:543:ASP:CG	2.17	0.52
1:Ay:237:ASN:HA	1:Az:517:ASN:ND2	2.25	0.52
1:Ay:266:ILE:HG22	1:Ay:267:VAL:HG23	1.92	0.52
1:Az:213:HIS:HE1	1:BD:306:TYR:CE2	2.27	0.52
1:BA:170:TYR:O	1:BF:479:GLU:O	2.28	0.52
1:BB:694:ARG:HB2	1:BB:697:GLN:CG	2.39	0.52
1:BD:247:LEU:HD11	1:BD:460:ARG:HB2	1.91	0.52
1:BD:672:PRO:HG2	1:BE:170:TYR:CE2	2.44	0.52
1:A0:159:TYR:HB2	1:Ax:491:ILE:HG23	1.91	0.52
1:A0:492:PRO:HA	1:A0:700:LYS:O	2.10	0.52
1:A0:696:GLY:C	1:Ar:466:ARG:HB3	2.35	0.52
1:A3:463:SER:HB3	1:Ay:162:LYS:HZ2	1.74	0.52
1:Av:469:GLY:HA3	1:Aw:488:PRO:O	2.09	0.52
1:Av:687:VAL:HG22	1:Av:704:VAL:HG22	1.92	0.52
1:Aw:302:LEU:HA	1:Aw:305:GLY:O	2.10	0.52
1:Az:298:ASP:OD2	1:Az:300:SER:OG	2.21	0.52
1:BA:428:GLN:NE2	3:G:107:SER:OG	2.35	0.52
1:BC:463:SER:OG	1:BE:162:LYS:NZ	2.32	0.52
1:BC:464:ASN:OD1	1:BC:464:ASN:N	2.40	0.52
1:BD:377:ASP:OD1	1:BD:381:ALA:N	2.43	0.52
1:BD:678:GLY:HA2	1:BD:712:ASN:HA	1.91	0.52
3:G:175:ASP:OD2	3:G:178:ARG:NH1	2.42	0.52
1:A0:159:TYR:CB	1:Ax:491:ILE:HG23	2.40	0.52
1:A0:357:PHE:HE1	1:BD:475:ASN:HA	1.73	0.52
1:A1:252:ARG:NE	1:Ar:219:ASP:HA	2.22	0.52
1:A1:491:ILE:HG21	1:BF:159:TYR:HA	1.91	0.52
1:A1:632:GLN:HB2	1:Az:637:PHE:CZ	2.45	0.52
1:A1:698:VAL:O	1:BD:464:ASN:O	2.28	0.52
1:A4:260:TYR:HD1	1:A4:290:ILE:HG12	1.74	0.52
1:A4:410:LYS:HA	1:Az:159:TYR:HE1	1.74	0.52
1:A4:530:LEU:HD22	1:A4:558:PHE:HB2	1.92	0.52
1:A5:488:PRO:HB3	1:A5:705:GLN:HB2	1.91	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A6:494:PRO:O	1:A6:700:LYS:HE2	2.10	0.52
1:A8:565:LEU:HD12	1:A8:725:LEU:HA	1.92	0.52
1:As:479:GLU:OE1	1:As:481:TYR:OH	2.27	0.52
1:Au:565:LEU:HD12	1:Au:725:LEU:HA	1.92	0.52
1:Aw:288:LYS:O	1:Aw:414:ARG:HG3	2.09	0.52
1:Ay:310:THR:CG2	1:BF:492:PRO:HB3	2.26	0.52
1:Ay:693:THR:HG23	1:Ay:698:VAL:HG22	1.90	0.52
1:A0:493:ARG:HH21	1:Ax:161:GLN:HG3	1.75	0.52
1:A1:235:MET:HE1	1:A1:601:GLY:HA2	1.92	0.52
1:A1:309:ASN:HA	1:A3:159:TYR:H	1.74	0.52
1:A1:424:ARG:HH12	1:A2:543:ASP:CG	2.18	0.52
1:A4:651:ASN:HD22	1:A4:653:ASN:HB2	1.74	0.52
1:A8:685:GLU:HG2	1:A8:706:PRO:HA	1.90	0.52
1:A9:497:TRP:NE1	1:A9:499:GLU:O	2.42	0.52
1:Ar:160:ASP:OD2	1:Ar:162:LYS:HE3	2.09	0.52
1:As:559:GLU:CD	1:As:595:ARG:HH12	2.17	0.52
1:At:296:ALA:N	1:BA:220:GLY:CA	2.73	0.52
1:Aw:535:THR:HG21	1:Aw:556:PRO:HB2	1.92	0.52
1:BA:158:SER:C	1:BE:297:GLU:HB2	2.35	0.52
1:BA:206:ARG:HA	1:BA:476:MET:HA	1.92	0.52
1:BB:293:ILE:HD11	1:BD:162:LYS:CE	2.39	0.52
1:BB:584:ALA:O	1:BB:588:VAL:HG23	2.10	0.52
1:BB:653:ASN:HB3	1:BB:656:LEU:HB2	1.91	0.52
1:BF:483:ILE:HD11	1:BF:681:LEU:HB3	1.92	0.52
1:BG:483:ILE:HD11	1:BG:681:LEU:HB3	1.92	0.52
1:A0:565:LEU:HD12	1:A0:725:LEU:HA	1.92	0.52
1:A1:473:ASP:OD2	1:A5:161:GLN:NE2	2.43	0.52
1:A3:163:GLU:O	1:A3:164:LEU:HD23	2.09	0.52
1:A3:292:MET:HE2	1:A3:458:ILE:HD12	1.92	0.52
1:A5:691:GLN:HB2	1:A5:700:LYS:HG2	1.92	0.52
1:A7:249:PRO:HA	1:A7:295:ILE:CG2	2.40	0.52
1:A7:495:LEU:HD21	1:A7:698:VAL:HG12	1.90	0.52
1:Ar:209:LEU:N	1:Ar:473:ASP:O	2.35	0.52
1:Ar:651:ASN:HD22	1:Ar:653:ASN:HB2	1.75	0.52
1:As:466:ARG:NE	1:BG:697:GLN:HB3	2.18	0.52
1:Az:475:ASN:HA	1:BD:357:PHE:CE1	2.45	0.52
1:BB:228:ARG:HH11	1:BB:239:VAL:HA	1.75	0.52
1:BB:307:SER:HA	1:BB:466:ARG:NH1	2.16	0.52
1:BC:693:THR:HG23	1:BC:698:VAL:HG22	1.91	0.52
1:A0:373:GLU:OE1	1:A0:393:LYS:HG2	2.10	0.51
1:A1:493:ARG:NH2	1:BF:162:LYS:H	2.06	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:655:MET:SD	1:Az:237:ASN:ND2	2.82	0.51
1:A4:461:ASN:ND2	1:Az:162:LYS:HZ3	2.07	0.51
1:A6:472:LEU:HD13	1:A7:506:VAL:HG12	1.92	0.51
1:A7:689:VAL:HG22	1:A7:702:THR:HG23	1.91	0.51
1:A8:206:ARG:O	1:A9:174:PHE:HB3	2.10	0.51
1:A9:483:ILE:HD11	1:A9:681:LEU:HB3	1.93	0.51
1:As:736:PRO:HB2	1:Ax:734:LYS:HG2	1.91	0.51
1:BD:206:ARG:O	1:BE:174:PHE:HB3	2.10	0.51
1:BG:373:GLU:OE1	1:BG:393:LYS:HG2	2.10	0.51
1:A1:377:ASP:OD1	1:A1:381:ALA:N	2.43	0.51
1:A1:653:ASN:HB3	1:A1:656:LEU:HB2	1.91	0.51
1:A2:219:ASP:HA	1:Aw:252:ARG:HE	1.75	0.51
1:A3:693:THR:HG23	1:A3:698:VAL:HG22	1.91	0.51
1:A4:464:ASN:OD1	1:A4:464:ASN:N	2.43	0.51
1:A5:267:VAL:HG22	1:A5:378:VAL:HG11	1.92	0.51
1:A5:695:ASN:OD1	1:A5:695:ASN:N	2.42	0.51
1:A6:497:TRP:NE1	1:A6:499:GLU:O	2.41	0.51
1:A7:350:GLN:N	1:A7:361:THR:O	2.27	0.51
1:Ar:485:LEU:HD22	1:Aw:461:ASN:OD1	2.09	0.51
1:At:725:LEU:HD23	1:At:727:LYS:HE2	1.91	0.51
1:Ay:288:LYS:C	1:Ay:414:ARG:HG3	2.35	0.51
1:BA:298:ASP:OD2	1:BA:300:SER:OG	2.24	0.51
1:BA:488:PRO:HB2	1:BA:703:MET:CG	2.40	0.51
1:BB:689:VAL:HG22	1:BB:702:THR:HA	1.93	0.51
1:A0:414:ARG:NH2	1:BC:401:GLU:HG3	2.25	0.51
1:A1:206:ARG:HD3	1:A2:173:VAL:HG13	1.93	0.51
1:A5:210:VAL:N	1:A5:228:ARG:O	2.38	0.51
1:A8:469:GLY:HA3	1:A9:488:PRO:O	2.10	0.51
1:Au:428:GLN:HA	1:Av:537:ARG:NH2	2.26	0.51
1:Aw:293:ILE:HG12	1:Aw:313:LEU:HD21	1.93	0.51
1:Ax:689:VAL:HA	1:Ax:701:GLU:O	2.10	0.51
1:Ay:306:TYR:HB3	1:BE:303:ALA:HB1	1.92	0.51
1:Ay:466:ARG:HH11	1:BF:696:GLY:C	2.18	0.51
1:Az:377:ASP:OD1	1:Az:381:ALA:N	2.43	0.51
1:BA:169:PRO:HD3	1:BE:350:GLN:HE22	1.75	0.51
1:BA:653:ASN:HD21	1:BF:237:ASN:HD21	1.59	0.51
1:BB:289:LEU:HA	1:BB:413:LEU:O	2.09	0.51
1:BB:490:SER:HA	1:BB:702:THR:O	2.10	0.51
1:BE:194:LEU:HD21	1:BE:201:TYR:HE1	1.75	0.51
1:BE:583:ALA:CB	1:BF:575:ALA:HA	2.40	0.51
1:BF:483:ILE:HD11	1:BF:681:LEU:CB	2.40	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BF:678:GLY:HA2	1:BF:712:ASN:HA	1.92	0.51
1:BH:317:ILE:HG23	1:BH:458:ILE:HG12	1.93	0.51
1:A0:288:LYS:O	1:A0:414:ARG:HG3	2.10	0.51
1:A0:338:PRO:HD3	1:A0:378:VAL:HG22	1.91	0.51
1:A1:211:PHE:HE1	1:A1:473:ASP:HB2	1.76	0.51
1:A2:587:ASN:OD1	1:A3:578:ARG:NH2	2.43	0.51
1:A4:211:PHE:HE1	1:A4:473:ASP:HB2	1.76	0.51
1:A5:202:ASP:O	1:A6:170:TYR:HB3	2.11	0.51
1:A9:535:THR:HG21	1:A9:556:PRO:HB2	1.92	0.51
1:A9:657:ARG:O	1:A9:659:LYS:N	2.42	0.51
1:Ar:685:GLU:HG2	1:Ar:706:PRO:HA	1.92	0.51
1:At:308:ASP:CA	1:BA:216:ARG:HG2	2.41	0.51
1:Ay:310:THR:HB	1:BF:699:SER:HB2	1.91	0.51
1:BB:396:ALA:HB1	1:BB:422:LEU:HD11	1.92	0.51
1:BB:686:LEU:HB2	1:BB:705:GLN:HB3	1.93	0.51
1:BD:428:GLN:HA	1:BE:537:ARG:HH22	1.75	0.51
1:BE:244:VAL:H	1:BF:487:ALA:HB2	1.76	0.51
1:BE:479:GLU:OE1	1:BE:481:TYR:OH	2.26	0.51
1:BG:695:ASN:HB3	1:BH:304:ASN:OD1	2.10	0.51
3:G:209:ARG:HA	3:G:212:ALA:HB3	1.92	0.51
1:A0:358:ARG:NE	1:A6:164:LEU:HD12	2.25	0.51
1:A1:565:LEU:HD12	1:A1:725:LEU:HA	1.92	0.51
1:A1:572:THR:HG23	1:A2:572:THR:HB	1.92	0.51
1:A1:697:GLN:C	1:BD:464:ASN:HB2	2.35	0.51
1:A2:158:SER:HB3	1:A5:699:SER:HB3	1.91	0.51
1:A4:408:VAL:HG22	1:Az:164:LEU:HD12	1.92	0.51
1:A5:559:GLU:OE2	1:A6:726:ARG:NH1	2.43	0.51
1:At:493:ARG:HG3	1:At:497:TRP:CD1	2.45	0.51
1:Au:574:THR:HG21	1:Ax:584:ALA:HB2	1.92	0.51
1:Av:624:ASP:HB3	1:Av:656:LEU:O	2.10	0.51
1:Ay:295:ILE:HG12	1:BE:220:GLY:CA	2.35	0.51
1:BA:297:GLU:OE2	1:BA:307:SER:OG	2.27	0.51
1:BD:202:ASP:HA	1:BD:480:ARG:HA	1.91	0.51
1:A0:654:VAL:HG13	1:A9:235:MET:HB3	1.92	0.51
1:A1:202:ASP:N	1:A2:168:MET:O	2.44	0.51
1:A1:314:ASP:OD1	1:A1:315:ALA:N	2.41	0.51
1:A3:242:ASN:CG	1:A4:487:ALA:HB3	2.35	0.51
1:A4:483:ILE:HD11	1:A4:681:LEU:HB3	1.93	0.51
1:A5:266:ILE:HG22	1:A5:267:VAL:HG23	1.92	0.51
1:A6:377:ASP:OD1	1:A6:381:ALA:N	2.44	0.51
1:A7:266:ILE:HG22	1:A7:267:VAL:HG23	1.93	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:As:535:THR:HG21	1:As:556:PRO:HB2	1.93	0.51
1:Ay:203:VAL:O	1:Ay:479:GLU:N	2.31	0.51
1:Az:495:LEU:HA	1:Az:700:LYS:HG3	1.92	0.51
1:BB:206:ARG:HE	1:BB:474:PHE:HB3	1.76	0.51
1:BC:493:ARG:O	1:BC:699:SER:HB2	2.11	0.51
1:BH:194:LEU:HD21	1:BH:201:TYR:HE1	1.75	0.51
1:A2:328:SER:HA	1:A2:446:ASP:O	2.10	0.51
1:A5:213:HIS:CE1	1:BC:306:TYR:HE2	2.29	0.51
1:A6:298:ASP:OD2	1:A6:300:SER:OG	2.24	0.51
1:A6:693:THR:HG21	1:BD:692:VAL:HB	1.93	0.51
1:A9:219:ASP:HA	1:Ar:257:ASN:ND2	2.26	0.51
1:As:695:ASN:OD1	1:As:695:ASN:N	2.44	0.51
1:Au:494:PRO:O	1:Au:700:LYS:HE2	2.10	0.51
1:Az:426:VAL:HG22	1:Az:432:GLU:HA	1.93	0.51
1:BC:314:ASP:OD1	1:BC:315:ALA:N	2.41	0.51
1:A1:492:PRO:HG3	1:BD:310:THR:HB	1.93	0.51
1:A2:202:ASP:O	1:A3:170:TYR:N	2.44	0.51
1:A2:470:LYS:HB2	1:A3:489:PHE:HD2	1.76	0.51
1:A4:485:LEU:HG	1:A4:707:ARG:HG2	1.92	0.51
1:A5:333:LYS:HD3	1:A5:384:GLU:HB3	1.92	0.51
1:A5:408:VAL:HG21	1:A7:164:LEU:HD13	1.92	0.51
1:A8:423:TYR:O	1:A8:435:ARG:NH2	2.44	0.51
1:As:694:ARG:HB2	1:As:697:GLN:HE21	1.74	0.51
1:Ax:180:ARG:HG3	1:Ax:515:PHE:HD2	1.75	0.51
1:Ay:491:ILE:HD12	1:Ay:503:ASP:HB3	1.91	0.51
1:Ay:689:VAL:HG22	1:Ay:702:THR:HG23	1.92	0.51
1:BC:228:ARG:HH11	1:BC:239:VAL:HA	1.76	0.51
1:BD:373:GLU:HB2	1:BD:390:ILE:HG23	1.92	0.51
1:A0:470:LYS:HB2	1:A5:489:PHE:CD2	2.46	0.51
1:A0:485:LEU:O	1:A9:459:ARG:NH1	2.44	0.51
1:A3:242:ASN:ND2	1:A4:487:ALA:HB3	2.25	0.51
1:A4:184:MET:HE1	1:A4:656:LEU:HD11	1.91	0.51
1:A8:486:LEU:HB2	1:A8:706:PRO:HG2	1.93	0.51
1:Ar:351:LYS:HG2	1:Ax:165:ARG:CD	2.41	0.51
1:At:179:SER:O	1:At:512:ASN:ND2	2.44	0.51
1:At:238:ASP:OD1	1:At:238:ASP:N	2.44	0.51
1:Aw:678:GLY:HA2	1:Aw:712:ASN:HA	1.92	0.51
1:Ay:328:SER:HA	1:Ay:446:ASP:O	2.11	0.51
1:Ay:357:PHE:CG	1:BE:476:MET:HB3	2.46	0.51
1:Ay:687:VAL:HG22	1:Ay:704:VAL:HG22	1.92	0.51
1:BB:242:ASN:ND2	1:BC:488:PRO:O	2.39	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BE:209:LEU:N	1:BE:473:ASP:O	2.34	0.51
1:BE:686:LEU:N	1:BE:705:GLN:O	2.37	0.51
1:BH:373:GLU:OE1	1:BH:393:LYS:HG2	2.11	0.51
1:A1:306:TYR:HE2	1:Ar:213:HIS:HE1	1.59	0.51
1:A2:494:PRO:HG2	1:A2:497:TRP:HB2	1.93	0.51
1:A9:245:THR:HB	1:A9:460:ARG:O	2.11	0.51
1:As:685:GLU:HG2	1:As:706:PRO:HA	1.92	0.51
1:Au:158:SER:HB3	1:BG:699:SER:CB	2.41	0.51
1:Au:685:GLU:HG2	1:Au:706:PRO:HA	1.93	0.51
1:Ay:486:LEU:HB2	1:Ay:706:PRO:HG2	1.93	0.51
1:BA:242:ASN:HB2	1:BA:470:LYS:HE3	1.93	0.51
1:BC:328:SER:HA	1:BC:446:ASP:O	2.11	0.51
1:BD:184:MET:HE3	1:BD:519:MET:HE1	1.93	0.51
1:BD:266:ILE:HG22	1:BD:267:VAL:HG23	1.92	0.51
1:BE:469:GLY:HA3	1:BF:488:PRO:C	2.36	0.51
1:BG:695:ASN:OD1	1:BG:695:ASN:N	2.44	0.51
1:A1:211:PHE:CE2	1:A5:159:TYR:HE2	2.29	0.50
1:A2:693:THR:HA	1:A2:698:VAL:HA	1.92	0.50
1:A4:242:ASN:ND2	1:Ay:488:PRO:O	2.39	0.50
1:A4:298:ASP:OD2	1:A4:300:SER:OG	2.22	0.50
1:A5:396:ALA:HB1	1:A5:422:LEU:HD11	1.93	0.50
1:A8:494:PRO:O	1:A8:700:LYS:HE2	2.11	0.50
1:A9:217:ASN:O	1:Ar:294:GLY:O	2.29	0.50
1:Ar:244:VAL:HG22	1:As:487:ALA:HB1	1.92	0.50
1:At:306:TYR:O	1:BB:695:ASN:ND2	2.44	0.50
1:At:357:PHE:HD1	1:BA:476:MET:H	1.59	0.50
1:Au:427:ASP:OD1	1:Au:428:GLN:N	2.38	0.50
1:Aw:464:ASN:OD1	1:Aw:464:ASN:N	2.45	0.50
1:Az:266:ILE:HG22	1:Az:267:VAL:HG23	1.94	0.50
1:BA:474:PHE:CE2	1:BB:506:VAL:HG21	2.46	0.50
1:BB:350:GLN:O	1:BB:361:THR:N	2.40	0.50
1:BB:576:GLU:OE1	1:BC:573:THR:HG21	2.10	0.50
1:BG:427:ASP:OD1	1:BG:428:GLN:N	2.40	0.50
1:A0:202:ASP:O	1:A5:170:TYR:N	2.44	0.50
1:A0:396:ALA:HB1	1:A0:422:LEU:HD11	1.93	0.50
1:A1:505:ASP:O	1:A1:509:GLN:HG2	2.10	0.50
1:A1:694:ARG:HB2	1:BD:466:ARG:NH2	2.26	0.50
1:A3:350:GLN:O	1:A3:361:THR:N	2.31	0.50
1:A5:475:ASN:HA	1:BC:357:PHE:CE1	2.45	0.50
1:A8:464:ASN:CB	1:Ax:698:VAL:N	2.75	0.50
1:A8:497:TRP:NE1	1:A8:499:GLU:O	2.41	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ar:321:LYS:HB2	1:Ar:455:GLU:HB3	1.93	0.50
1:Ar:490:SER:O	1:Aw:471:HIS:ND1	2.44	0.50
1:Ay:357:PHE:CD2	1:BE:476:MET:HB3	2.47	0.50
1:Az:212:ASN:O	1:BD:309:ASN:ND2	2.44	0.50
1:Az:317:ILE:HG23	1:Az:458:ILE:HG12	1.92	0.50
1:BA:165:ARG:HH21	1:BE:349:PHE:HZ	1.58	0.50
1:BA:170:TYR:HD1	1:BF:202:ASP:HA	1.76	0.50
1:BA:234:PHE:HZ	1:BB:178:ALA:HB1	1.75	0.50
1:BB:583:ALA:CB	1:BC:575:ALA:HA	2.41	0.50
1:BD:491:ILE:HD12	1:BD:503:ASP:HB3	1.94	0.50
1:BE:435:ARG:HA	1:BE:440:PHE:CD2	2.46	0.50
1:A1:503:ASP:HB3	1:BF:159:TYR:HD2	1.77	0.50
1:A2:228:ARG:HH11	1:A2:239:VAL:HA	1.77	0.50
1:A2:697:GLN:NE2	1:A9:308:ASP:OD1	2.44	0.50
1:A6:464:ASN:OD1	1:A6:464:ASN:N	2.45	0.50
1:Ar:483:ILE:HD11	1:Ar:681:LEU:HB3	1.92	0.50
1:Au:184:MET:HE1	1:Au:656:LEU:HD11	1.92	0.50
1:Aw:338:PRO:HD3	1:Aw:378:VAL:HG22	1.94	0.50
1:BA:470:LYS:HB2	1:BB:489:PHE:CE2	2.47	0.50
1:BC:266:ILE:HG22	1:BC:267:VAL:HG23	1.92	0.50
1:BD:249:PRO:HA	1:BD:295:ILE:CG2	2.41	0.50
1:BD:314:ASP:OD1	1:BD:315:ALA:N	2.42	0.50
1:BD:349:PHE:CZ	1:BD:413:LEU:HD21	2.47	0.50
1:BE:228:ARG:HD3	1:BE:239:VAL:HG22	1.93	0.50
1:BF:423:TYR:O	1:BF:435:ARG:NH2	2.44	0.50
1:A0:160:ASP:HA	1:Ax:493:ARG:NE	2.26	0.50
1:A0:249:PRO:HA	1:A0:295:ILE:HG21	1.93	0.50
1:A0:692:VAL:O	1:A0:698:VAL:HG13	2.11	0.50
1:A1:211:PHE:CE1	1:A1:473:ASP:HB2	2.47	0.50
1:A1:487:ALA:HB3	1:Az:242:ASN:CG	2.37	0.50
1:A3:427:ASP:OD1	1:A3:428:GLN:N	2.39	0.50
1:A4:565:LEU:HD12	1:A4:725:LEU:HA	1.93	0.50
1:A6:184:MET:HE1	1:A6:656:LEU:HD11	1.94	0.50
1:A7:203:VAL:N	1:A7:479:GLU:O	2.22	0.50
1:A7:408:VAL:HG21	1:A9:164:LEU:HD22	1.92	0.50
1:A8:349:PHE:CZ	1:A8:413:LEU:HD21	2.47	0.50
1:Ar:241:SER:O	1:Ar:470:LYS:HE3	2.11	0.50
1:Ar:321:LYS:O	1:Ar:455:GLU:N	2.43	0.50
1:Ar:543:ASP:OD2	1:Aw:424:ARG:NH2	2.44	0.50
1:BA:301:ILE:HD11	1:BA:460:ARG:HH22	1.76	0.50
1:BB:350:GLN:OE1	1:BC:480:ARG:CZ	2.59	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BC:559:GLU:OE1	1:BC:595:ARG:NH1	2.41	0.50
1:BD:228:ARG:HH11	1:BD:239:VAL:HA	1.77	0.50
1:BD:317:ILE:HG23	1:BD:458:ILE:HG12	1.93	0.50
1:BD:651:ASN:HD22	1:BD:653:ASN:HB2	1.77	0.50
1:BE:736:PRO:HB2	1:BF:734:LYS:HD3	1.93	0.50
1:A0:158:SER:HB2	1:Ax:493:ARG:CB	2.42	0.50
1:A1:651:ASN:ND2	1:A1:653:ASN:HB2	2.27	0.50
1:A5:162:LYS:HZ2	1:A9:461:ASN:HB3	1.77	0.50
1:A5:491:ILE:N	1:A5:702:THR:O	2.33	0.50
1:A6:696:GLY:C	1:BC:466:ARG:HA	2.36	0.50
1:A7:465:ARG:HH12	1:A8:689:VAL:C	2.19	0.50
1:A8:295:ILE:HA	1:As:220:GLY:HA2	1.94	0.50
1:A8:464:ASN:HB3	1:Ax:698:VAL:N	2.27	0.50
1:A8:466:ARG:CD	1:Ax:696:GLY:H	2.24	0.50
1:A9:304:ASN:HD21	1:Ar:306:TYR:HE1	1.59	0.50
1:Ar:377:ASP:OD1	1:Ar:381:ALA:N	2.43	0.50
1:At:565:LEU:O	1:At:569:VAL:HG23	2.12	0.50
1:Au:493:ARG:HD2	1:Au:497:TRP:CG	2.46	0.50
1:Ax:358:ARG:HD2	1:Ax:408:VAL:CB	2.41	0.50
1:BA:228:ARG:HD3	1:BA:239:VAL:HG22	1.94	0.50
1:BB:310:THR:O	1:BB:464:ASN:ND2	2.39	0.50
1:BB:470:LYS:HB2	1:BC:489:PHE:CD2	2.46	0.50
1:BC:235:MET:HE1	1:BC:601:GLY:HA2	1.92	0.50
1:BC:651:ASN:HD22	1:BC:653:ASN:HB2	1.77	0.50
1:BD:493:ARG:O	1:BD:699:SER:HB2	2.12	0.50
1:BG:338:PRO:HD3	1:BG:378:VAL:HG22	1.93	0.50
1:A0:493:ARG:HA	1:Ax:160:ASP:OD1	2.12	0.50
1:A0:703:MET:HB2	1:A9:465:ARG:NH2	2.27	0.50
1:A1:358:ARG:HD2	1:A1:408:VAL:CG1	2.40	0.50
1:A4:407:ASN:OD1	1:A4:408:VAL:N	2.44	0.50
1:A5:235:MET:HG2	1:A6:652:PRO:O	2.11	0.50
1:A5:694:ARG:HB2	1:A5:697:GLN:CG	2.36	0.50
1:A6:396:ALA:HB1	1:A6:422:LEU:HD11	1.92	0.50
1:A7:651:ASN:HD22	1:A7:653:ASN:HB2	1.77	0.50
1:A8:301:ILE:HG22	1:Ax:695:ASN:HD22	1.77	0.50
1:Ar:160:ASP:OD2	1:Av:463:SER:OG	2.30	0.50
1:Ar:465:ARG:HD2	1:As:688:SER:OG	2.12	0.50
1:As:427:ASP:OD1	1:As:428:GLN:N	2.41	0.50
1:At:292:MET:C	1:At:293:ILE:HG13	2.36	0.50
1:Au:488:PRO:O	1:Ax:469:GLY:HA3	2.12	0.50
1:Av:211:PHE:HE1	1:Av:473:ASP:HB2	1.76	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ax:211:PHE:CE1	1:Ax:473:ASP:HB2	2.46	0.50
1:Ax:651:ASN:HD22	1:Ax:653:ASN:HB2	1.76	0.50
1:BA:174:PHE:C	1:BF:207:ARG:HB3	2.35	0.50
1:BA:174:PHE:CD1	1:BF:553:LEU:HD23	2.47	0.50
1:BC:204:SER:CB	1:BD:173:VAL:H	2.20	0.50
1:BC:205:PHE:HZ	1:BC:553:LEU:CG	2.25	0.50
1:BD:427:ASP:OD1	1:BD:428:GLN:N	2.39	0.50
1:BE:346:THR:O	1:BE:364:PHE:HA	2.12	0.50
1:A0:577:ARG:HH12	1:A0:732:ASN:HA	1.77	0.50
1:A2:480:ARG:NH1	1:Aw:353:LEU:HD13	2.26	0.50
1:A4:559:GLU:OE1	1:A4:595:ARG:NH1	2.40	0.50
1:A5:495:LEU:HA	1:A5:700:LYS:HE2	1.93	0.50
1:A5:530:LEU:HD22	1:A5:558:PHE:HB2	1.94	0.50
1:A6:684:PRO:O	1:A6:707:ARG:NH2	2.36	0.50
1:A8:306:TYR:HB2	1:As:215:ARG:NE	2.27	0.50
1:Au:322:ILE:HA	1:Au:454:TYR:HA	1.94	0.50
1:Ax:298:ASP:OD2	1:Ax:300:SER:OG	2.19	0.50
1:Ax:535:THR:HG21	1:Ax:556:PRO:HB2	1.93	0.50
1:Ax:687:VAL:HA	1:Ax:703:MET:O	2.11	0.50
1:A0:307:SER:HB3	1:BD:216:ARG:HG3	1.93	0.50
1:A0:698:VAL:N	1:Ar:466:ARG:HB2	2.27	0.50
1:A1:160:ASP:HB3	1:BF:497:TRP:C	2.37	0.50
1:A1:461:ASN:HD22	1:A3:162:LYS:CD	2.24	0.50
1:A1:696:GLY:C	1:BD:466:ARG:HD2	2.34	0.50
1:A2:247:LEU:HD12	1:A2:458:ILE:HG22	1.93	0.50
1:A5:159:TYR:CD2	1:A9:309:ASN:HB2	2.47	0.50
1:Av:266:ILE:HG22	1:Av:267:VAL:HG23	1.94	0.50
1:BA:483:ILE:HD11	1:BA:681:LEU:HB3	1.93	0.50
1:BA:489:PHE:CD2	1:BF:470:LYS:HB2	2.46	0.50
1:BA:570:GLN:H	1:BB:574:THR:HG1	1.53	0.50
1:BB:237:ASN:HA	1:BC:517:ASN:ND2	2.27	0.50
1:BC:590:ARG:HD2	1:BD:578:ARG:CZ	2.41	0.50
1:BE:473:ASP:OD1	1:BE:474:PHE:N	2.40	0.50
1:BF:495:LEU:HD23	1:BF:700:LYS:HG2	1.94	0.50
1:A0:427:ASP:O	1:A5:537:ARG:NH2	2.45	0.50
1:A1:159:TYR:HB3	1:BF:503:ASP:CB	2.41	0.50
1:A5:461:ASN:HD21	1:A7:162:LYS:HD2	1.76	0.50
1:A6:194:LEU:HD21	1:A6:201:TYR:HE1	1.77	0.50
1:A8:288:LYS:O	1:A8:414:ARG:HG3	2.11	0.50
1:A9:298:ASP:OD2	1:A9:300:SER:OG	2.26	0.50
1:A9:346:THR:HG22	1:Az:354:GLU:HB2	1.92	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:As:465:ARG:HE	1:Ax:703:MET:CE	2.25	0.50
1:Au:485:LEU:O	1:Ax:459:ARG:NH1	2.44	0.50
1:Ay:307:SER:HB2	1:BE:216:ARG:H	1.77	0.50
1:Ay:539:ARG:O	1:Ay:555:ARG:NH1	2.45	0.50
1:BA:530:LEU:HD22	1:BA:558:PHE:HB2	1.93	0.50
1:BA:637:PHE:CZ	1:BB:632:GLN:HB2	2.47	0.50
1:BH:488:PRO:HB3	1:BH:705:GLN:HB2	1.94	0.50
1:A0:350:GLN:N	1:A0:361:THR:O	2.40	0.49
1:A1:293:ILE:HG12	1:A1:313:LEU:HD21	1.94	0.49
1:A1:295:ILE:HA	1:Ar:220:GLY:HA2	1.93	0.49
1:A1:503:ASP:HB3	1:BF:159:TYR:CB	2.41	0.49
1:A2:697:GLN:HG3	1:A9:310:THR:OG1	2.12	0.49
1:A9:251:TYR:N	1:A9:280:LYS:O	2.35	0.49
1:Au:160:ASP:OD2	1:Au:162:LYS:HE3	2.12	0.49
1:Aw:651:ASN:HD22	1:Aw:653:ASN:HB2	1.76	0.49
1:Ay:338:PRO:HD3	1:Ay:378:VAL:HG22	1.93	0.49
1:Ay:423:TYR:O	1:Ay:435:ARG:NH2	2.45	0.49
1:BC:623:THR:OG1	1:BC:624:ASP:N	2.45	0.49
1:BE:229:PRO:HG2	1:BE:232:ASP:CG	2.37	0.49
1:BE:492:PRO:HA	1:BE:701:GLU:HA	1.93	0.49
1:BG:266:ILE:HG22	1:BG:267:VAL:HG23	1.92	0.49
1:BG:624:ASP:HB3	1:BG:656:LEU:O	2.12	0.49
1:A1:260:TYR:HE2	1:Ar:221:THR:HG22	1.77	0.49
1:A1:503:ASP:HB3	1:BF:159:TYR:CD2	2.47	0.49
1:A2:535:THR:O	1:A2:539:ARG:HB2	2.12	0.49
1:A4:180:ARG:HG3	1:A4:515:PHE:CD2	2.47	0.49
1:A4:470:LYS:HB2	1:Ay:489:PHE:HD2	1.75	0.49
1:A5:565:LEU:HD12	1:A5:725:LEU:HA	1.95	0.49
1:A5:685:GLU:HG2	1:A5:706:PRO:HA	1.93	0.49
1:A9:209:LEU:N	1:A9:473:ASP:O	2.33	0.49
1:Ar:338:PRO:HD3	1:Ar:378:VAL:HG22	1.94	0.49
1:At:464:ASN:HB2	1:BB:697:GLN:HB2	1.93	0.49
1:Ax:235:MET:HE1	1:Ax:601:GLY:HA2	1.94	0.49
1:BA:734:LYS:HG2	1:BF:736:PRO:HB2	1.94	0.49
1:BB:209:LEU:N	1:BB:473:ASP:O	2.45	0.49
1:BD:203:VAL:N	1:BD:479:GLU:O	2.22	0.49
1:BD:565:LEU:HD12	1:BD:725:LEU:HA	1.94	0.49
1:A0:180:ARG:HG3	1:A0:515:PHE:CD2	2.47	0.49
1:A0:652:PRO:O	1:A9:235:MET:HG2	2.13	0.49
1:A1:698:VAL:CG2	1:BD:466:ARG:HG3	2.42	0.49
1:A2:219:ASP:C	1:Aw:257:ASN:HD21	2.13	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A5:559:GLU:CD	1:A5:595:ARG:HH12	2.20	0.49
1:A6:696:GLY:HA2	1:BD:694:ARG:HH12	1.75	0.49
1:A8:241:SER:O	1:A8:470:LYS:HE3	2.12	0.49
1:A8:377:ASP:OD1	1:A8:381:ALA:N	2.46	0.49
1:A8:587:ASN:HA	1:A9:578:ARG:HH21	1.76	0.49
1:Av:159:TYR:HA	1:Ax:409:GLU:O	2.12	0.49
1:Az:323:LEU:O	1:Az:451:LEU:HD12	2.12	0.49
1:Az:624:ASP:HB3	1:Az:656:LEU:O	2.12	0.49
1:BA:491:ILE:HB	1:BF:471:HIS:ND1	2.27	0.49
1:BE:219:ASP:OD2	1:BE:221:THR:HG23	2.12	0.49
1:A0:559:GLU:OE1	1:A0:595:ARG:NH1	2.44	0.49
1:A1:530:LEU:HD22	1:A1:558:PHE:HB2	1.94	0.49
1:A1:698:VAL:HB	1:BD:465:ARG:HD3	1.94	0.49
1:A2:427:ASP:OD1	1:A2:428:GLN:N	2.39	0.49
1:A5:229:PRO:HG2	1:A5:232:ASP:CG	2.37	0.49
1:A6:211:PHE:HE1	1:A6:473:ASP:HB2	1.76	0.49
1:A9:219:ASP:N	1:A9:219:ASP:OD1	2.45	0.49
1:A9:658:ASP:OD1	1:A9:658:ASP:N	2.45	0.49
1:Ar:214:LEU:HD23	1:Ar:225:TRP:CE2	2.47	0.49
1:As:306:TYR:H	1:BG:695:ASN:HB2	1.77	0.49
1:At:302:LEU:HD21	1:BA:218:ALA:CB	2.41	0.49
1:Av:427:ASP:OD1	1:Av:428:GLN:N	2.40	0.49
1:Aw:235:MET:HE1	1:Aw:601:GLY:HA2	1.93	0.49
1:Ax:658:ASP:N	1:Ax:658:ASP:OD1	2.45	0.49
1:A0:161:GLN:H	1:Ax:493:ARG:NH2	2.06	0.49
1:A1:164:LEU:HD21	1:BF:497:TRP:HH2	1.78	0.49
1:A1:204:SER:O	1:A2:172:VAL:N	2.42	0.49
1:A1:291:ASP:OD1	1:Ar:216:ARG:NH1	2.45	0.49
1:A2:314:ASP:OD1	1:A2:315:ALA:N	2.43	0.49
1:A2:322:ILE:HA	1:A2:454:TYR:HA	1.93	0.49
1:A6:180:ARG:HG3	1:A6:515:PHE:CD2	2.47	0.49
1:A6:492:PRO:HG3	1:BC:310:THR:HG22	1.93	0.49
1:A8:301:ILE:HG23	1:Ax:695:ASN:HB2	1.94	0.49
1:A8:535:THR:HG21	1:A8:556:PRO:HB2	1.95	0.49
1:A9:163:GLU:O	1:A9:164:LEU:HD23	2.12	0.49
1:A9:180:ARG:HG3	1:A9:515:PHE:CD2	2.47	0.49
1:A9:494:PRO:O	1:A9:700:LYS:HE2	2.12	0.49
1:Au:464:ASN:N	1:Au:464:ASN:OD1	2.45	0.49
1:Ay:257:ASN:ND2	1:BE:219:ASP:OD2	2.46	0.49
1:Az:229:PRO:HG2	1:Az:232:ASP:CG	2.38	0.49
1:Az:321:LYS:HB2	1:Az:455:GLU:HB3	1.95	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BD:163:GLU:O	1:BD:164:LEU:HD23	2.12	0.49
1:BE:270:ARG:HE	1:BE:281:THR:HG23	1.78	0.49
1:A0:587:ASN:HA	1:A5:578:ARG:HH21	1.78	0.49
1:A1:357:PHE:HB3	1:Ar:476:MET:HE2	1.94	0.49
1:A2:247:LEU:HD21	1:A2:460:ARG:HB2	1.93	0.49
1:A4:624:ASP:HB3	1:A4:656:LEU:O	2.12	0.49
1:A5:205:PHE:O	1:A5:477:LYS:N	2.32	0.49
1:A5:624:ASP:HB3	1:A5:656:LEU:O	2.12	0.49
1:A6:310:THR:HG22	1:A8:158:SER:O	2.13	0.49
1:A6:507:LEU:HD13	1:A6:704:VAL:HG23	1.95	0.49
1:A7:295:ILE:HG12	1:BG:220:GLY:CA	2.42	0.49
1:A7:322:ILE:HA	1:A7:454:TYR:HA	1.94	0.49
1:A7:356:ASP:HA	1:BG:477:LYS:HG2	1.93	0.49
1:A7:427:ASP:OD1	1:A7:428:GLN:N	2.40	0.49
1:At:401:GLU:HG3	1:BF:414:ARG:NH2	2.25	0.49
1:Au:517:ASN:HD22	1:Ax:237:ASN:HA	1.78	0.49
1:Aw:211:PHE:HE1	1:Aw:473:ASP:HB2	1.77	0.49
1:Az:473:ASP:OD1	1:Az:474:PHE:N	2.40	0.49
1:Az:565:LEU:HD12	1:Az:725:LEU:HA	1.94	0.49
1:BA:162:LYS:H	1:BE:292:MET:CB	2.25	0.49
1:BA:174:PHE:HB3	1:BF:207:ARG:CD	2.36	0.49
1:BA:373:GLU:HB2	1:BA:390:ILE:HG23	1.94	0.49
1:BA:564:ASP:OD1	1:BA:724:ASN:ND2	2.46	0.49
1:BB:247:LEU:HD11	1:BB:313:LEU:HD21	1.94	0.49
1:BD:672:PRO:HB3	1:BD:679:MET:SD	2.52	0.49
1:BE:314:ASP:HA	1:BE:461:ASN:HB2	1.94	0.49
1:BF:485:LEU:HG	1:BF:707:ARG:HG2	1.94	0.49
1:BG:298:ASP:OD2	1:BG:300:SER:OG	2.24	0.49
1:A1:249:PRO:HA	1:A1:295:ILE:CG2	2.43	0.49
1:A1:266:ILE:HG22	1:A1:267:VAL:HG23	1.95	0.49
1:A1:697:GLN:C	1:BD:466:ARG:NE	2.71	0.49
1:A2:691:GLN:HA	1:A2:700:LYS:HA	1.94	0.49
1:A5:505:ASP:O	1:A5:509:GLN:HG2	2.13	0.49
1:A6:427:ASP:OD1	1:A6:428:GLN:N	2.41	0.49
1:A6:490:SER:HA	1:A6:702:THR:O	2.13	0.49
1:A6:617:PRO:HG2	1:A6:644:PHE:CD1	2.48	0.49
1:A7:228:ARG:HH11	1:A7:239:VAL:HA	1.78	0.49
1:Ar:461:ASN:HD21	1:Ax:162:LYS:HZ2	1.58	0.49
1:As:209:LEU:HD13	1:As:227:ARG:HD3	1.95	0.49
1:As:252:ARG:HE	1:BH:219:ASP:HA	1.77	0.49
1:Aw:297:GLU:OE2	1:Aw:307:SER:OG	2.22	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Aw:658:ASP:N	1:Aw:658:ASP:OD1	2.46	0.49
1:Az:313:LEU:H	1:Az:408:VAL:HG13	1.77	0.49
1:BA:473:ASP:OD1	1:BA:474:PHE:N	2.45	0.49
1:BB:260:TYR:CD1	1:BB:290:ILE:HG12	2.48	0.49
1:BB:587:ASN:HB3	1:BC:729:TYR:O	2.12	0.49
1:BC:468:ARG:HB2	1:BD:490:SER:OG	2.12	0.49
1:BF:624:ASP:HB3	1:BF:656:LEU:O	2.13	0.49
1:BF:684:PRO:O	1:BF:707:ARG:NH2	2.29	0.49
1:BG:180:ARG:HG3	1:BG:515:PHE:CD2	2.48	0.49
1:BG:485:LEU:HG	1:BG:707:ARG:HG2	1.94	0.49
1:BG:491:ILE:N	1:BG:702:THR:O	2.35	0.49
1:BG:494:PRO:HG2	1:BG:497:TRP:HB2	1.95	0.49
1:A2:159:TYR:CB	1:A5:492:PRO:HG2	2.43	0.49
1:A5:184:MET:HE1	1:A5:656:LEU:HD11	1.94	0.49
1:A6:352:SER:H	1:A8:165:ARG:HD2	1.77	0.49
1:A6:485:LEU:HG	1:A6:707:ARG:HG2	1.95	0.49
1:A9:194:LEU:HD21	1:A9:201:TYR:HE1	1.78	0.49
1:Ar:349:PHE:HB3	1:Ar:360:MET:HB3	1.94	0.49
1:At:490:SER:HA	1:At:702:THR:O	2.13	0.49
1:Aw:362:LEU:N	1:Aw:404:GLY:O	2.35	0.49
1:Ax:396:ALA:HB1	1:Ax:422:LEU:HD11	1.95	0.49
1:Ax:427:ASP:OD1	1:Ax:428:GLN:N	2.42	0.49
1:Ay:323:LEU:O	1:Ay:451:LEU:HD12	2.12	0.49
1:BA:161:GLN:C	1:BE:293:ILE:N	2.68	0.49
1:BB:235:MET:O	1:BC:654:VAL:HG22	2.13	0.49
1:BB:319:LEU:HD12	1:BB:455:GLU:O	2.12	0.49
1:BC:288:LYS:C	1:BC:414:ARG:HG3	2.37	0.49
1:BD:587:ASN:O	1:BE:578:ARG:NH2	2.45	0.49
1:BE:316:GLN:OE1	1:BF:484:GLY:N	2.46	0.49
1:BG:658:ASP:N	1:BG:658:ASP:OD1	2.46	0.49
1:A2:480:ARG:HD3	1:A3:167:MET:SD	2.53	0.49
1:A4:360:MET:HE2	1:Az:165:ARG:HB2	1.95	0.49
1:A5:242:ASN:CG	1:A6:487:ALA:HB3	2.38	0.49
1:A5:247:LEU:HD21	1:A5:460:ARG:HB2	1.94	0.49
1:A6:180:ARG:HG3	1:A6:515:PHE:HD2	1.77	0.49
1:A8:470:LYS:HB2	1:A9:489:PHE:CE2	2.48	0.49
1:A9:563:LEU:HB3	1:A9:721:ASN:O	2.12	0.49
1:A9:565:LEU:HD12	1:A9:725:LEU:HA	1.93	0.49
1:Ar:249:PRO:HA	1:Ar:295:ILE:HG21	1.94	0.49
1:As:306:TYR:CD2	1:BH:215:ARG:HG3	2.48	0.49
1:Au:202:ASP:O	1:Av:170:TYR:N	2.46	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Aw:483:ILE:HD11	1:Aw:681:LEU:HB3	1.94	0.49
1:BD:694:ARG:NH2	1:BD:701:GLU:OE2	2.31	0.49
1:BE:179:SER:O	1:BE:512:ASN:HB3	2.13	0.49
1:BE:377:ASP:OD1	1:BE:381:ALA:N	2.45	0.49
1:BF:212:ASN:OD1	1:BF:470:LYS:HE2	2.13	0.49
1:BG:211:PHE:CZ	1:BG:471:HIS:HB2	2.47	0.49
1:BH:687:VAL:HG22	1:BH:704:VAL:HG22	1.94	0.49
1:A1:162:LYS:H	1:BF:497:TRP:CD1	2.31	0.49
1:A3:235:MET:O	1:A4:654:VAL:HG22	2.13	0.49
1:A4:309:ASN:HA	1:Az:159:TYR:HB3	1.95	0.49
1:A4:435:ARG:HA	1:A4:440:PHE:CD2	2.48	0.49
1:A4:658:ASP:N	1:A4:658:ASP:OD1	2.45	0.49
1:A5:322:ILE:HA	1:A5:454:TYR:HA	1.94	0.49
1:A6:658:ASP:OD1	1:A6:658:ASP:N	2.45	0.49
1:A8:350:GLN:N	1:A8:361:THR:O	2.38	0.49
1:Av:535:THR:O	1:Av:539:ARG:HB2	2.13	0.49
1:BA:160:ASP:HB2	1:BE:296:ALA:N	2.27	0.49
1:BA:216:ARG:HH12	1:BA:225:TRP:HE1	1.60	0.49
1:BA:623:THR:OG1	1:BA:624:ASP:N	2.46	0.49
1:BE:488:PRO:HB3	1:BE:705:GLN:CB	2.41	0.49
1:A0:307:SER:HA	1:A0:466:ARG:HH12	1.78	0.48
1:A0:686:LEU:O	1:A0:704:VAL:HA	2.13	0.48
1:A0:697:GLN:C	1:Ar:466:ARG:CZ	2.86	0.48
1:A2:202:ASP:N	1:A3:168:MET:O	2.46	0.48
1:A3:684:PRO:O	1:A3:707:ARG:NH2	2.30	0.48
1:A4:314:ASP:OD1	1:A4:315:ALA:N	2.41	0.48
1:A4:493:ARG:HD2	1:A4:497:TRP:CD2	2.48	0.48
1:A4:686:LEU:N	1:A4:705:GLN:O	2.36	0.48
1:A5:216:ARG:H	1:BC:307:SER:CB	2.25	0.48
1:A8:393:LYS:O	1:A9:537:ARG:NH2	2.46	0.48
1:A9:180:ARG:HG3	1:A9:515:PHE:HD2	1.78	0.48
1:Av:470:LYS:HB2	1:Aw:489:PHE:CE2	2.48	0.48
1:Av:658:ASP:OD1	1:Av:658:ASP:N	2.46	0.48
1:Ax:373:GLU:HB2	1:Ax:390:ILE:HG23	1.95	0.48
1:Ax:623:THR:OG1	1:Ax:624:ASP:N	2.46	0.48
1:BA:242:ASN:CG	1:BB:487:ALA:HB3	2.38	0.48
1:BA:267:VAL:HG22	1:BA:378:VAL:HG11	1.95	0.48
1:BE:242:ASN:CG	1:BE:470:LYS:HG3	2.38	0.48
1:BE:470:LYS:HB2	1:BF:489:PHE:CD2	2.48	0.48
1:BE:563:LEU:HB3	1:BE:721:ASN:O	2.12	0.48
1:BG:565:LEU:HD12	1:BG:725:LEU:HA	1.94	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A0:696:GLY:H	1:Ar:466:ARG:HD3	1.78	0.48
1:A1:409:GLU:HB3	1:Ar:227:ARG:NH2	2.28	0.48
1:A2:623:THR:OG1	1:A2:624:ASP:N	2.45	0.48
1:A3:396:ALA:HB1	1:A3:422:LEU:HD11	1.93	0.48
1:A4:468:ARG:HH12	1:Ay:694:ARG:HG3	1.77	0.48
1:A4:623:THR:OG1	1:A4:624:ASP:N	2.46	0.48
1:A8:249:PRO:HA	1:A8:295:ILE:HG21	1.96	0.48
1:Ar:297:GLU:OE2	1:Ar:307:SER:OG	2.31	0.48
1:Ar:424:ARG:HH12	1:As:543:ASP:CG	2.21	0.48
1:As:164:LEU:HD22	1:Aw:315:ALA:HA	1.95	0.48
1:Av:734:LYS:NZ	1:Ax:740:ASN:HB3	2.29	0.48
1:Ay:466:ARG:NH2	1:BF:694:ARG:N	2.61	0.48
1:Ay:738:GLN:HB2	1:Az:734:LYS:HB3	1.95	0.48
1:BB:362:LEU:N	1:BD:165:ARG:HD2	2.28	0.48
1:BB:617:PRO:HG2	1:BB:644:PHE:CD1	2.48	0.48
1:BB:651:ASN:ND2	1:BB:653:ASN:HB2	2.28	0.48
1:BB:666:ARG:NE	1:BB:675:LEU:HD12	2.27	0.48
1:BE:592:MET:SD	1:BE:662:VAL:HB	2.53	0.48
1:BE:684:PRO:O	1:BE:707:ARG:NH2	2.35	0.48
3:G:121:PHE:CE2	3:G:203:TYR:HB3	2.48	0.48
1:A0:475:ASN:HA	1:Az:357:PHE:CE1	2.47	0.48
1:A1:159:TYR:HE1	1:BF:493:ARG:HE	1.60	0.48
1:A2:351:LYS:HG2	1:A4:165:ARG:HD2	1.95	0.48
1:A5:165:ARG:HB2	1:A9:360:MET:HE2	1.94	0.48
1:A5:658:ASP:OD1	1:A5:658:ASP:N	2.46	0.48
1:A7:293:ILE:HD12	1:BG:216:ARG:NH2	2.27	0.48
1:A8:210:VAL:N	1:A8:228:ARG:O	2.42	0.48
1:Ar:469:GLY:HA3	1:As:488:PRO:O	2.14	0.48
1:Ar:660:ILE:HB	1:Ar:720:ILE:HB	1.94	0.48
1:At:354:GLU:HA	1:BA:478:GLN:O	2.13	0.48
1:Au:160:ASP:HB3	1:Au:162:LYS:HG3	1.94	0.48
1:Au:298:ASP:OD2	1:Au:300:SER:OG	2.22	0.48
1:Av:623:THR:OG1	1:Av:624:ASP:N	2.46	0.48
1:Ax:497:TRP:NE1	1:Ax:499:GLU:O	2.44	0.48
1:BA:464:ASN:OD1	1:BA:464:ASN:N	2.47	0.48
1:BB:164:LEU:HD12	1:BF:358:ARG:HE	1.78	0.48
1:BB:358:ARG:HD2	1:BB:408:VAL:CG1	2.42	0.48
1:BC:423:TYR:O	1:BC:435:ARG:NH2	2.46	0.48
1:BC:666:ARG:NE	1:BC:675:LEU:HD12	2.29	0.48
1:BF:535:THR:O	1:BF:539:ARG:HB2	2.14	0.48
1:A0:159:TYR:O	1:A0:161:GLN:HG3	2.13	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A0:216:ARG:NH1	1:Az:411:ALA:HB3	2.24	0.48
1:A0:266:ILE:HG22	1:A0:267:VAL:HG23	1.95	0.48
1:A0:307:SER:HB2	1:BD:216:ARG:HB2	1.95	0.48
1:A0:654:VAL:HG22	1:A9:235:MET:O	2.13	0.48
1:A1:228:ARG:HH11	1:A1:239:VAL:HA	1.77	0.48
1:A1:698:VAL:HB	1:BD:464:ASN:O	2.12	0.48
1:A5:695:ASN:HB2	1:Az:306:TYR:H	1.77	0.48
1:A6:160:ASP:OD2	1:A6:162:LYS:HE3	2.13	0.48
1:A6:314:ASP:HB2	1:A6:459:ARG:O	2.13	0.48
1:A7:535:THR:HG21	1:A7:556:PRO:HB2	1.94	0.48
1:A9:216:ARG:HB3	1:Ar:294:GLY:HA2	1.96	0.48
1:Ar:210:VAL:N	1:Ar:228:ARG:O	2.39	0.48
1:As:158:SER:N	1:Aw:311:ASP:HB2	2.29	0.48
1:As:360:MET:HE3	1:Au:164:LEU:HB3	1.96	0.48
1:As:464:ASN:O	1:BG:698:VAL:O	2.31	0.48
1:Av:164:LEU:HB2	1:Ax:360:MET:CE	2.38	0.48
1:Ay:306:TYR:O	1:BF:694:ARG:HB3	2.13	0.48
1:BB:404:GLY:HA2	1:BB:415:VAL:HA	1.95	0.48
1:BD:267:VAL:HG22	1:BD:378:VAL:HG11	1.94	0.48
1:BD:590:ARG:HB2	1:BE:578:ARG:HH22	1.78	0.48
1:A0:461:ASN:ND2	1:A6:162:LYS:HD3	2.28	0.48
1:A4:351:LYS:HA	1:Az:165:ARG:CD	2.40	0.48
1:A5:623:THR:OG1	1:A5:624:ASP:N	2.46	0.48
1:A6:163:GLU:O	1:A6:164:LEU:HD23	2.12	0.48
1:A8:219:ASP:HA	1:BH:252:ARG:NE	2.20	0.48
1:A8:651:ASN:HD22	1:A8:653:ASN:HB2	1.77	0.48
1:A9:407:ASN:OD1	1:A9:408:VAL:N	2.47	0.48
1:At:338:PRO:HD3	1:At:378:VAL:HG22	1.94	0.48
1:At:358:ARG:HD2	1:At:408:VAL:HB	1.94	0.48
1:Av:351:LYS:HG3	1:Av:352:SER:O	2.14	0.48
1:Aw:427:ASP:OD1	1:Aw:428:GLN:N	2.41	0.48
1:Aw:559:GLU:OE1	1:Aw:595:ARG:NH1	2.43	0.48
1:Ay:294:GLY:O	1:BE:217:ASN:O	2.31	0.48
1:Az:285:ALA:O	1:Az:454:TYR:HE1	1.97	0.48
1:BA:562:ASN:HA	1:BA:721:ASN:HB2	1.95	0.48
1:BB:312:ALA:CA	1:BD:162:LYS:HG2	2.43	0.48
1:BB:464:ASN:N	1:BB:464:ASN:OD1	2.45	0.48
1:BB:535:THR:HG21	1:BB:556:PRO:HB2	1.95	0.48
1:BC:321:LYS:O	1:BC:455:GLU:N	2.46	0.48
1:A0:357:PHE:CE1	1:BD:475:ASN:HA	2.48	0.48
1:A1:160:ASP:HA	1:BF:500:ASN:OD1	2.13	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:535:THR:O	1:A3:539:ARG:HB2	2.12	0.48
1:A7:471:HIS:ND1	1:A8:492:PRO:HD3	2.29	0.48
1:A9:159:TYR:HD1	1:A9:160:ASP:H	1.62	0.48
1:A9:373:GLU:HB2	1:A9:390:ILE:HG23	1.94	0.48
1:Ar:472:LEU:HB2	1:As:491:ILE:HD11	1.94	0.48
1:Au:734:LYS:HA	1:Ax:736:PRO:HG2	1.96	0.48
1:Av:160:ASP:CB	1:Ax:312:ALA:HB2	2.36	0.48
1:Av:559:GLU:CD	1:Av:595:ARG:HH12	2.18	0.48
1:Ax:251:TYR:N	1:Ax:280:LYS:O	2.41	0.48
1:Az:623:THR:OG1	1:Az:624:ASP:N	2.46	0.48
1:Az:658:ASP:N	1:Az:658:ASP:OD1	2.46	0.48
1:BA:159:TYR:O	1:BA:160:ASP:OD1	2.32	0.48
1:BA:336:TYR:O	1:BA:378:VAL:HG23	2.14	0.48
1:BC:312:ALA:HB3	1:BE:162:LYS:CD	2.40	0.48
1:BD:298:ASP:OD2	1:BD:300:SER:OG	2.26	0.48
1:BD:323:LEU:O	1:BD:451:LEU:HD12	2.12	0.48
1:BE:209:LEU:HD23	1:BE:229:PRO:HA	1.95	0.48
1:BG:292:MET:HE2	1:BG:458:ILE:HD12	1.96	0.48
1:BH:321:LYS:HB2	1:BH:455:GLU:HB3	1.96	0.48
1:BH:689:VAL:HG22	1:BH:702:THR:HG23	1.95	0.48
1:A1:408:VAL:O	1:A3:160:ASP:HB2	2.12	0.48
1:A1:491:ILE:HG21	1:BF:159:TYR:CD1	2.48	0.48
1:A1:654:VAL:HG13	1:Az:235:MET:HB3	1.96	0.48
1:A1:697:GLN:H	1:BD:466:ARG:NH1	2.12	0.48
1:A4:578:ARG:HG3	1:A4:729:TYR:OH	2.13	0.48
1:A6:461:ASN:HB3	1:A8:162:LYS:HZ2	1.78	0.48
1:A7:314:ASP:OD1	1:A7:315:ALA:N	2.44	0.48
1:A7:565:LEU:HD12	1:A7:725:LEU:HA	1.95	0.48
1:A8:295:ILE:HG12	1:As:220:GLY:CA	2.44	0.48
1:A8:298:ASP:OD2	1:A8:300:SER:OG	2.29	0.48
1:At:564:ASP:O	1:At:567:LYS:NZ	2.37	0.48
1:Au:314:ASP:OD1	1:Au:315:ALA:N	2.43	0.48
1:Ay:462:ASN:ND2	1:Ay:467:GLU:O	2.43	0.48
1:Ay:483:ILE:HD11	1:Ay:681:LEU:CB	2.44	0.48
1:BA:173:VAL:O	1:BF:205:PHE:CD2	2.66	0.48
1:BB:162:LYS:NZ	1:BF:461:ASN:O	2.39	0.48
1:BB:460:ARG:HD3	1:BD:162:LYS:NZ	2.29	0.48
1:BC:338:PRO:HD3	1:BC:378:VAL:HG22	1.94	0.48
1:BD:235:MET:HG2	1:BE:652:PRO:O	2.14	0.48
1:BD:242:ASN:HD21	1:BD:469:GLY:HA3	1.79	0.48
1:BD:624:ASP:HB3	1:BD:656:LEU:O	2.13	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BE:246:ASP:O	1:BE:247:LEU:HD23	2.13	0.48
1:BE:284:LEU:HB2	1:BE:454:TYR:CE1	2.49	0.48
1:BE:535:THR:HG21	1:BE:556:PRO:HB2	1.95	0.48
1:BF:658:ASP:OD1	1:BF:658:ASP:N	2.46	0.48
1:A0:180:ARG:HG3	1:A0:515:PHE:HD2	1.79	0.48
1:A1:314:ASP:O	1:A3:164:LEU:HD22	2.14	0.48
1:A1:658:ASP:N	1:A1:658:ASP:OD1	2.45	0.48
1:A2:160:ASP:HB3	1:A2:162:LYS:HG3	1.94	0.48
1:A2:307:SER:HA	1:A2:466:ARG:HH12	1.78	0.48
1:A4:260:TYR:CD1	1:A4:290:ILE:HG12	2.49	0.48
1:A4:740:ASN:HB3	1:Az:734:LYS:NZ	2.28	0.48
1:A5:577:ARG:HH12	1:A5:732:ASN:HA	1.79	0.48
1:A7:539:ARG:O	1:A7:555:ARG:NH1	2.47	0.48
1:A8:266:ILE:HG22	1:A8:267:VAL:HG23	1.96	0.48
1:A9:427:ASP:OD1	1:A9:428:GLN:N	2.41	0.48
1:Ar:327:LYS:HB2	1:Ar:448:SER:HB2	1.95	0.48
1:As:658:ASP:OD1	1:As:658:ASP:N	2.46	0.48
1:As:693:THR:HG23	1:As:698:VAL:HG22	1.95	0.48
1:At:295:ILE:C	1:BA:219:ASP:C	2.81	0.48
1:Aw:687:VAL:HG22	1:Aw:704:VAL:HG22	1.95	0.48
1:Ax:407:ASN:OD1	1:Ax:408:VAL:N	2.46	0.48
1:Ay:493:ARG:O	1:Ay:699:SER:HB2	2.14	0.48
1:BA:160:ASP:H	1:BE:295:ILE:N	2.11	0.48
1:BB:408:VAL:HG13	1:BD:163:GLU:CD	2.39	0.48
1:BC:471:HIS:ND1	1:BD:492:PRO:HD3	2.28	0.48
1:BC:651:ASN:ND2	1:BC:653:ASN:HB2	2.29	0.48
1:BD:194:LEU:HD22	1:BE:168:MET:SD	2.53	0.48
1:BE:570:GLN:OE1	1:BF:577:ARG:NH2	2.47	0.48
1:BF:364:PHE:HB3	1:BF:402:VAL:HB	1.95	0.48
1:BH:302:LEU:HA	1:BH:305:GLY:O	2.14	0.48
1:A0:203:VAL:N	1:A0:479:GLU:O	2.22	0.48
1:A0:241:SER:O	1:A0:470:LYS:HE3	2.14	0.48
1:A0:490:SER:HB3	1:A0:703:MET:HE2	1.95	0.48
1:A2:464:ASN:N	1:A2:464:ASN:OD1	2.46	0.48
1:A2:505:ASP:O	1:A2:509:GLN:HG2	2.14	0.48
1:A3:158:SER:C	1:Ar:216:ARG:HH21	2.19	0.48
1:A3:270:ARG:HE	1:A3:281:THR:HG23	1.79	0.48
1:A3:464:ASN:N	1:A3:464:ASN:OD1	2.47	0.48
1:Ar:162:LYS:HZ2	1:Av:461:ASN:HB3	1.78	0.48
1:As:617:PRO:HG2	1:As:644:PHE:CD1	2.49	0.48
1:At:210:VAL:O	1:At:228:ARG:N	2.37	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:At:294:GLY:H	1:BA:221:THR:C	2.05	0.48
1:Av:242:ASN:CG	1:Aw:487:ALA:HB3	2.39	0.48
1:Aw:322:ILE:HA	1:Aw:454:TYR:HA	1.96	0.48
1:Ax:464:ASN:N	1:Ax:464:ASN:OD1	2.46	0.48
1:Ax:685:GLU:HG2	1:Ax:706:PRO:HA	1.96	0.48
1:Ay:291:ASP:OD2	1:BE:216:ARG:NH1	2.41	0.48
1:Az:462:ASN:ND2	1:Az:467:GLU:O	2.43	0.48
1:BB:184:MET:HE3	1:BB:519:MET:HE1	1.94	0.48
1:BB:250:ILE:HD12	1:BB:297:GLU:H	1.78	0.48
1:BB:317:ILE:H	1:BD:167:MET:HE2	1.79	0.48
1:BC:319:LEU:HA	1:BC:456:LEU:HD23	1.96	0.48
1:BC:638:ARG:O	1:BD:632:GLN:HG3	2.13	0.48
1:BG:651:ASN:HD22	1:BG:653:ASN:HB2	1.79	0.48
1:BG:694:ARG:HB2	1:BG:697:GLN:CG	2.41	0.48
1:BH:565:LEU:HD12	1:BH:725:LEU:HA	1.96	0.48
1:A0:541:PHE:CZ	1:A9:426:VAL:HG21	2.48	0.48
1:A0:698:VAL:HA	1:Ar:466:ARG:HH21	1.77	0.48
1:A1:414:ARG:HH21	1:Aw:401:GLU:HG3	1.79	0.48
1:A2:209:LEU:HD13	1:A2:227:ARG:HD3	1.96	0.48
1:A3:351:LYS:NZ	1:A3:356:ASP:O	2.47	0.48
1:A4:202:ASP:HB3	1:Ay:169:PRO:HA	1.95	0.48
1:A4:617:PRO:HG2	1:A4:644:PHE:CD1	2.49	0.48
1:A6:695:ASN:OD1	1:BC:466:ARG:NH2	2.47	0.48
1:A9:584:ALA:O	1:A9:588:VAL:HG23	2.14	0.48
1:As:266:ILE:HG22	1:As:267:VAL:HG23	1.96	0.48
1:Ax:578:ARG:HG3	1:Ax:729:TYR:OH	2.14	0.48
1:Ay:211:PHE:O	1:Ay:471:HIS:N	2.39	0.48
1:Ay:307:SER:CB	1:BE:216:ARG:H	2.27	0.48
1:BA:488:PRO:HB3	1:BA:705:GLN:HB2	1.96	0.48
1:BB:505:ASP:O	1:BB:509:GLN:HG2	2.14	0.48
1:BC:205:PHE:H	1:BD:172:VAL:CA	2.27	0.48
1:BC:205:PHE:C	1:BD:172:VAL:HB	2.38	0.48
1:BF:266:ILE:HG22	1:BF:267:VAL:HG23	1.96	0.48
1:BF:314:ASP:OD1	1:BF:315:ALA:N	2.41	0.48
1:A0:211:PHE:HE1	1:A0:473:ASP:HB2	1.79	0.47
1:A0:631:LEU:O	1:A9:639:THR:HA	2.14	0.47
1:A1:160:ASP:CB	1:BF:497:TRP:HD1	2.27	0.47
1:A1:464:ASN:OD1	1:A1:464:ASN:N	2.47	0.47
1:A1:666:ARG:NE	1:A1:675:LEU:HD12	2.29	0.47
1:A3:436:LYS:NZ	1:A4:276:GLY:O	2.47	0.47
1:A3:697:GLN:CD	1:Aw:310:THR:OG1	2.57	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:584:ALA:O	1:A4:588:VAL:HG23	2.14	0.47
1:A5:314:ASP:OD1	1:A5:315:ALA:N	2.44	0.47
1:At:236:TYR:OH	2:B:91:GLU:OE2	2.32	0.47
1:At:681:LEU:N	1:At:709:ARG:O	2.46	0.47
1:Au:351:LYS:HG2	1:Aw:165:ARG:HD2	1.95	0.47
1:Au:428:GLN:HA	1:Av:537:ARG:HH22	1.78	0.47
1:Au:666:ARG:NE	1:Au:675:LEU:HD12	2.28	0.47
1:Aw:298:ASP:OD2	1:Aw:300:SER:OG	2.19	0.47
1:Aw:530:LEU:HD22	1:Aw:558:PHE:HB2	1.95	0.47
1:Ay:317:ILE:HG23	1:Ay:458:ILE:HG12	1.96	0.47
1:Az:686:LEU:O	1:Az:705:GLN:N	2.33	0.47
1:BA:160:ASP:CG	1:BE:297:GLU:HG3	2.39	0.47
1:BA:479:GLU:OE1	1:BA:481:TYR:OH	2.25	0.47
1:BB:322:ILE:HA	1:BB:454:TYR:HA	1.95	0.47
1:BD:323:LEU:N	1:BD:453:GLY:O	2.43	0.47
1:BD:493:ARG:HD2	1:BD:497:TRP:CD2	2.49	0.47
1:BE:570:GLN:NE2	1:BF:733:ILE:O	2.47	0.47
1:BG:684:PRO:O	1:BG:707:ARG:NH2	2.33	0.47
1:A0:505:ASP:O	1:A0:509:GLN:HG2	2.14	0.47
1:A0:506:VAL:HG21	1:A9:474:PHE:CZ	2.49	0.47
1:A1:247:LEU:HD21	1:A1:460:ARG:HB2	1.96	0.47
1:A1:652:PRO:O	1:Az:235:MET:HG2	2.14	0.47
1:A6:639:THR:HA	1:A7:631:LEU:O	2.14	0.47
1:A9:473:ASP:OD1	1:A9:474:PHE:N	2.44	0.47
1:Ar:184:MET:HE1	1:Ar:656:LEU:HD11	1.95	0.47
1:Ar:351:LYS:HG2	1:Ax:165:ARG:CG	2.44	0.47
1:As:180:ARG:HG3	1:As:515:PHE:CD2	2.49	0.47
1:At:403:TYR:CD2	1:BF:403:TYR:HB3	2.50	0.47
1:Av:202:ASP:O	1:Aw:170:TYR:HB3	2.13	0.47
1:Av:535:THR:HG21	1:Av:556:PRO:HB2	1.96	0.47
1:BA:487:ALA:HB1	1:BF:244:VAL:HG22	1.95	0.47
1:BB:211:PHE:HE1	1:BB:473:ASP:HB2	1.78	0.47
1:BB:345:ILE:HG12	1:BC:479:GLU:HG2	1.95	0.47
1:BB:658:ASP:OD1	1:BB:658:ASP:N	2.45	0.47
1:BC:210:VAL:HG22	1:BC:472:LEU:HD12	1.95	0.47
1:BF:228:ARG:HH11	1:BF:239:VAL:HA	1.79	0.47
1:BF:260:TYR:HD1	1:BF:290:ILE:HG12	1.79	0.47
1:A0:623:THR:OG1	1:A0:624:ASP:N	2.45	0.47
1:A1:260:TYR:OH	1:Ar:222:PRO:HD2	2.14	0.47
1:A1:470:LYS:HB2	1:A2:489:PHE:HD2	1.79	0.47
1:A1:687:VAL:HG22	1:A1:704:VAL:HG22	1.96	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:180:ARG:HG3	1:A3:515:PHE:CD2	2.49	0.47
1:A6:470:LYS:HB2	1:A7:489:PHE:CD2	2.49	0.47
1:A6:565:LEU:HD12	1:A6:725:LEU:HA	1.96	0.47
1:A7:373:GLU:OE1	1:A7:393:LYS:HG2	2.14	0.47
1:A8:216:ARG:HG3	1:BH:307:SER:HB3	1.96	0.47
1:A8:252:ARG:HD3	1:A8:252:ARG:HA	1.64	0.47
1:A9:213:HIS:CE1	1:Ar:306:TYR:HE2	2.33	0.47
1:Ar:427:ASP:OD1	1:Ar:428:GLN:N	2.40	0.47
1:Ar:623:THR:OG1	1:Ar:624:ASP:N	2.46	0.47
1:As:559:GLU:OE2	1:Ax:726:ARG:NH1	2.47	0.47
1:At:200:GLY:HA3	1:At:481:TYR:O	2.14	0.47
1:At:211:PHE:O	1:At:471:HIS:HB3	2.14	0.47
1:Au:492:PRO:HD3	1:Ax:471:HIS:ND1	2.29	0.47
1:Av:565:LEU:HD12	1:Av:725:LEU:HA	1.96	0.47
1:Ay:307:SER:O	1:BE:215:ARG:HA	2.14	0.47
1:Az:323:LEU:HB3	1:Az:453:GLY:H	1.79	0.47
1:Az:333:LYS:HD3	1:Az:384:GLU:HB3	1.95	0.47
1:BA:407:ASN:OD1	1:BA:408:VAL:N	2.48	0.47
1:BB:686:LEU:O	1:BB:705:GLN:N	2.41	0.47
1:BE:637:PHE:CE1	1:BF:632:GLN:HB2	2.49	0.47
1:BE:658:ASP:OD1	1:BE:658:ASP:N	2.46	0.47
1:BF:401:GLU:HB3	1:BF:403:TYR:CE2	2.48	0.47
1:A0:660:ILE:HB	1:A0:720:ILE:HB	1.96	0.47
1:A3:228:ARG:HH11	1:A3:239:VAL:HA	1.79	0.47
1:A3:565:LEU:HD12	1:A3:725:LEU:HA	1.96	0.47
1:A4:211:PHE:CE1	1:A4:473:ASP:HB2	2.49	0.47
1:A7:288:LYS:O	1:A7:414:ARG:HG3	2.14	0.47
1:A7:468:ARG:HH12	1:A8:694:ARG:HG3	1.79	0.47
1:Ar:249:PRO:O	1:Ar:281:THR:HB	2.14	0.47
1:As:159:TYR:CE1	1:Aw:409:GLU:HG2	2.48	0.47
1:As:694:ARG:HB2	1:As:697:GLN:HG3	1.96	0.47
1:Au:180:ARG:HG3	1:Au:515:PHE:HD2	1.80	0.47
1:Ax:310:THR:HB	1:Ax:464:ASN:ND2	2.29	0.47
1:Ay:466:ARG:HH11	1:BF:696:GLY:CA	2.28	0.47
1:Az:194:LEU:HD21	1:Az:201:TYR:CE1	2.49	0.47
1:BB:235:MET:HG2	1:BC:652:PRO:O	2.14	0.47
1:BD:201:TYR:O	1:BD:481:TYR:N	2.20	0.47
1:BD:203:VAL:HA	1:BE:170:TYR:O	2.15	0.47
1:BE:651:ASN:HD22	1:BE:653:ASN:HB2	1.78	0.47
1:BF:490:SER:HA	1:BF:702:THR:O	2.14	0.47
1:BF:692:VAL:O	1:BF:698:VAL:HG13	2.15	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BH:314:ASP:OD1	1:BH:315:ALA:N	2.45	0.47
1:BH:623:THR:OG1	1:BH:624:ASP:N	2.46	0.47
1:A0:435:ARG:HA	1:A0:440:PHE:CD2	2.49	0.47
1:A0:535:THR:HG21	1:A0:556:PRO:HB2	1.95	0.47
1:A0:587:ASN:OD1	1:A5:578:ARG:NH2	2.47	0.47
1:A1:401:GLU:HB2	1:Aw:416:ASN:HD21	1.79	0.47
1:A1:543:ASP:OD2	1:Az:424:ARG:NH1	2.47	0.47
1:A3:266:ILE:HG22	1:A3:267:VAL:HG23	1.95	0.47
1:A3:694:ARG:HB2	1:A3:697:GLN:CG	2.43	0.47
1:A4:311:ASP:HB2	1:Az:158:SER:CA	2.45	0.47
1:A4:687:VAL:HG22	1:A4:704:VAL:HG22	1.95	0.47
1:A5:697:GLN:HB3	1:Az:466:ARG:NE	2.19	0.47
1:A7:291:ASP:HA	1:A7:411:ALA:O	2.15	0.47
1:A7:459:ARG:NH1	1:A8:485:LEU:O	2.47	0.47
1:A9:435:ARG:HA	1:A9:440:PHE:CD2	2.49	0.47
1:A9:697:GLN:HA	1:BH:466:ARG:HA	1.95	0.47
1:As:464:ASN:N	1:As:464:ASN:OD1	2.47	0.47
1:As:483:ILE:HD11	1:As:681:LEU:HB3	1.96	0.47
1:At:295:ILE:C	1:BA:219:ASP:O	2.58	0.47
1:At:479:GLU:OE1	1:At:481:TYR:OH	2.20	0.47
1:Au:658:ASP:N	1:Au:658:ASP:OD1	2.46	0.47
1:Av:426:VAL:HG22	1:Av:432:GLU:HA	1.97	0.47
1:Ax:624:ASP:HB3	1:Ax:656:LEU:O	2.15	0.47
1:Ax:692:VAL:O	1:Ax:698:VAL:HG13	2.15	0.47
1:Az:464:ASN:OD1	1:Az:464:ASN:N	2.45	0.47
1:Az:617:PRO:HG2	1:Az:644:PHE:CD1	2.50	0.47
1:BA:200:GLY:O	1:BB:168:MET:HB3	2.13	0.47
1:BB:311:ASP:OD1	1:BB:464:ASN:ND2	2.48	0.47
1:BD:319:LEU:HA	1:BD:456:LEU:HD23	1.95	0.47
1:BD:590:ARG:HD2	1:BE:578:ARG:NH1	2.24	0.47
1:BE:194:LEU:HD21	1:BE:201:TYR:CE1	2.50	0.47
1:BE:321:LYS:O	1:BE:455:GLU:N	2.47	0.47
1:BF:505:ASP:O	1:BF:509:GLN:HG2	2.15	0.47
1:BG:505:ASP:O	1:BG:509:GLN:HG2	2.15	0.47
1:A0:216:ARG:HG3	1:Az:307:SER:HB3	1.97	0.47
1:A1:574:THR:HG1	1:Az:570:GLN:H	1.54	0.47
1:A1:686:LEU:O	1:A1:704:VAL:HA	2.15	0.47
1:A5:617:PRO:HG2	1:A5:644:PHE:CD1	2.50	0.47
1:A9:266:ILE:HG22	1:A9:267:VAL:HG23	1.95	0.47
1:Ar:565:LEU:HD12	1:Ar:725:LEU:HA	1.96	0.47
1:As:194:LEU:HD21	1:As:201:TYR:HE1	1.79	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:At:190:ASN:HB3	1:At:669:GLN:OE1	2.15	0.47
1:At:495:LEU:HA	1:At:700:LYS:HG3	1.95	0.47
1:Ax:208:PRO:HA	1:Ax:474:PHE:HA	1.96	0.47
1:Ay:306:TYR:HE1	1:BE:304:ASN:ND2	2.07	0.47
1:BA:160:ASP:O	1:BE:291:ASP:C	2.57	0.47
1:BA:163:GLU:OE2	1:BE:349:PHE:HE2	1.97	0.47
1:BB:379:LYS:HD3	3:G:89:PRO:O	2.14	0.47
1:A0:211:PHE:CE2	1:A2:159:TYR:HE2	2.32	0.47
1:A0:351:LYS:HE2	1:A6:165:ARG:HD3	1.97	0.47
1:A0:489:PHE:O	1:A0:703:MET:HG3	2.15	0.47
1:A0:492:PRO:O	1:Ax:159:TYR:HA	2.15	0.47
1:A0:651:ASN:HD22	1:A0:653:ASN:HB2	1.79	0.47
1:A0:698:VAL:C	1:Ar:464:ASN:HB3	2.37	0.47
1:A1:158:SER:HB2	1:BF:700:LYS:HB2	1.96	0.47
1:A1:249:PRO:HA	1:A1:295:ILE:HG21	1.96	0.47
1:A1:252:ARG:NH2	1:Ar:218:ALA:O	2.36	0.47
1:A1:322:ILE:HA	1:A1:454:TYR:HA	1.96	0.47
1:A1:373:GLU:HB2	1:A1:390:ILE:HG23	1.95	0.47
1:A1:480:ARG:NH1	1:A9:353:LEU:HD13	2.30	0.47
1:A2:423:TYR:O	1:A2:435:ARG:NH2	2.48	0.47
1:A2:666:ARG:NH1	1:A2:668:ILE:HD11	2.30	0.47
1:A5:692:VAL:HB	1:BE:693:THR:HG21	1.96	0.47
1:A7:480:ARG:HD3	1:A8:167:MET:SD	2.55	0.47
1:A9:323:LEU:O	1:A9:451:LEU:HD12	2.15	0.47
1:A9:623:THR:OG1	1:A9:624:ASP:N	2.47	0.47
1:As:317:ILE:HG23	1:As:458:ILE:HG12	1.95	0.47
1:As:321:LYS:O	1:As:455:GLU:N	2.48	0.47
1:As:461:ASN:HD22	1:Au:162:LYS:HD3	1.80	0.47
1:As:565:LEU:HD12	1:As:725:LEU:HA	1.96	0.47
1:At:351:LYS:NZ	1:At:356:ASP:O	2.47	0.47
1:At:503:ASP:O	1:At:507:LEU:HG	2.14	0.47
1:Au:368:SER:HB2	1:Av:544:ILE:HG23	1.97	0.47
1:Au:483:ILE:HD11	1:Au:681:LEU:CB	2.43	0.47
1:Au:545:GLN:OE1	1:Ax:366:THR:OG1	2.16	0.47
1:Av:235:MET:O	1:Aw:654:VAL:HG22	2.14	0.47
1:Aw:163:GLU:O	1:Aw:164:LEU:HD23	2.15	0.47
1:Aw:266:ILE:HG22	1:Aw:267:VAL:HG23	1.97	0.47
1:Aw:401:GLU:HB3	1:Aw:403:TYR:CE2	2.50	0.47
1:Ax:377:ASP:OD1	1:Ax:381:ALA:N	2.48	0.47
1:Ax:507:LEU:HD13	1:Ax:704:VAL:HG23	1.95	0.47
1:BA:166:ASP:CG	1:BE:349:PHE:HB2	2.39	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BA:175:ASN:HD22	1:BA:175:ASN:N	2.12	0.47
1:BA:202:ASP:H	1:BB:170:TYR:HB3	1.79	0.47
1:BA:327:LYS:HG2	1:BA:334:THR:HG23	1.96	0.47
1:BA:338:PRO:HD3	1:BA:378:VAL:HG22	1.96	0.47
1:BA:427:ASP:OD1	1:BA:428:GLN:N	2.41	0.47
1:BA:482:ALA:O	1:BA:709:ARG:HD2	2.15	0.47
1:BA:535:THR:O	1:BA:539:ARG:HB2	2.15	0.47
1:BB:235:MET:HA	1:BC:653:ASN:HA	1.97	0.47
1:BB:252:ARG:HH22	1:BB:297:GLU:HB2	1.79	0.47
1:BB:518:LEU:HB3	1:BB:710:PHE:CE1	2.50	0.47
1:BB:571:GLY:HA2	1:BC:572:THR:O	2.15	0.47
1:BC:462:ASN:HD22	1:BD:488:PRO:HG3	1.79	0.47
1:BC:617:PRO:HG2	1:BC:644:PHE:CD1	2.50	0.47
1:BD:203:VAL:O	1:BD:479:GLU:N	2.34	0.47
1:BD:338:PRO:HD3	1:BD:378:VAL:HG22	1.96	0.47
1:BE:207:ARG:N	1:BE:475:ASN:O	2.34	0.47
1:BE:407:ASN:OD1	1:BE:408:VAL:N	2.47	0.47
1:BE:560:GLU:HG3	1:BE:719:LEU:HD23	1.96	0.47
1:BG:170:TYR:N	1:BH:202:ASP:O	2.47	0.47
1:BG:377:ASP:OD1	1:BG:381:ALA:N	2.47	0.47
1:BG:537:ARG:NH2	1:BH:428:GLN:HA	2.30	0.47
1:BH:249:PRO:HA	1:BH:295:ILE:CG2	2.44	0.47
1:BH:266:ILE:HG22	1:BH:267:VAL:HG23	1.96	0.47
1:A0:427:ASP:OD1	1:A0:428:GLN:N	2.41	0.47
1:A0:493:ARG:CG	1:A0:493:ARG:HH11	2.27	0.47
1:A1:578:ARG:HG3	1:A1:729:TYR:OH	2.15	0.47
1:A1:623:THR:OG1	1:A1:624:ASP:N	2.47	0.47
1:A2:211:PHE:HE1	1:A2:473:ASP:HB2	1.79	0.47
1:A3:351:LYS:HG3	1:A3:352:SER:O	2.14	0.47
1:A6:435:ARG:HA	1:A6:440:PHE:CD2	2.50	0.47
1:A7:287:ASP:OD2	1:BH:419:ASN:ND2	2.42	0.47
1:A7:323:LEU:HB3	1:A7:453:GLY:H	1.79	0.47
1:As:373:GLU:HB2	1:As:390:ILE:HG23	1.96	0.47
1:Au:180:ARG:HG3	1:Au:515:PHE:CD2	2.50	0.47
1:Ay:267:VAL:HG22	1:Ay:378:VAL:HG11	1.97	0.47
1:BA:162:LYS:NZ	1:BE:247:LEU:HD22	2.29	0.47
1:BA:170:TYR:HD1	1:BF:201:TYR:O	1.97	0.47
1:BA:577:ARG:HH12	1:BA:732:ASN:HA	1.80	0.47
1:BD:235:MET:HE2	1:BE:652:PRO:HB2	1.95	0.47
1:BE:289:LEU:HD12	1:BE:413:LEU:C	2.40	0.47
1:BF:288:LYS:C	1:BF:414:ARG:HG3	2.39	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BF:494:PRO:HG2	1:BF:497:TRP:HB2	1.96	0.47
1:BG:689:VAL:HG22	1:BG:702:THR:HG23	1.96	0.47
1:BH:617:PRO:HG2	1:BH:644:PHE:CD1	2.50	0.47
1:A0:493:ARG:HG2	1:Ax:158:SER:CB	2.40	0.47
1:A0:493:ARG:HA	1:A0:493:ARG:HD3	1.76	0.47
1:A1:241:SER:O	1:A1:470:LYS:HE3	2.15	0.47
1:A2:473:ASP:OD1	1:A2:474:PHE:N	2.45	0.47
1:A2:658:ASP:N	1:A2:658:ASP:OD1	2.46	0.47
1:A3:211:PHE:HE1	1:A3:473:ASP:HB2	1.79	0.47
1:A3:235:MET:HA	1:A4:653:ASN:HA	1.97	0.47
1:A8:194:LEU:HD21	1:A8:201:TYR:HE1	1.77	0.47
1:A8:307:SER:N	1:Ax:695:ASN:HD21	2.13	0.47
1:A9:321:LYS:O	1:A9:455:GLU:N	2.47	0.47
1:A9:617:PRO:HG2	1:A9:644:PHE:CD1	2.50	0.47
1:Ar:275:LYS:NZ	1:Ar:467:GLU:OE1	2.48	0.47
1:As:158:SER:N	1:Aw:311:ASP:C	2.72	0.47
1:As:466:ARG:HG3	1:BG:696:GLY:O	2.14	0.47
1:At:591:GLU:CD	1:At:595:ARG:HH21	2.22	0.47
1:Au:170:TYR:N	1:Ax:202:ASP:O	2.48	0.47
1:Av:199:ILE:HG13	1:Aw:166:ASP:O	2.15	0.47
1:Ay:493:ARG:HD2	1:Ay:497:TRP:CD2	2.50	0.47
1:Az:201:TYR:O	1:Az:481:TYR:N	2.32	0.47
1:Az:206:ARG:HA	1:Az:476:MET:HA	1.96	0.47
1:BF:184:MET:HE3	1:BF:519:MET:HE1	1.97	0.47
1:BG:623:THR:OG1	1:BG:624:ASP:N	2.46	0.47
1:A1:164:LEU:HD12	1:Ay:358:ARG:NH2	2.31	0.47
1:A1:382:LYS:HE3	1:A1:390:ILE:HG21	1.96	0.47
1:A3:179:SER:O	1:A3:512:ASN:HB3	2.14	0.47
1:A4:639:THR:HA	1:Ay:631:LEU:O	2.14	0.47
1:A4:686:LEU:O	1:A4:705:GLN:N	2.33	0.47
1:A5:184:MET:HE3	1:A5:519:MET:HE1	1.97	0.47
1:A7:208:PRO:HA	1:A7:474:PHE:HA	1.97	0.47
1:A7:338:PRO:HD3	1:A7:378:VAL:HG22	1.96	0.47
1:A8:666:ARG:NE	1:A8:675:LEU:HD12	2.30	0.47
1:A9:216:ARG:NH2	1:Ar:311:ASP:HB2	2.27	0.47
1:As:396:ALA:HB1	1:As:422:LEU:HD11	1.97	0.47
1:At:726:ARG:O	1:At:730:THR:HG23	2.15	0.47
1:Ay:658:ASP:OD1	1:Ay:658:ASP:N	2.46	0.47
1:BA:247:LEU:HD21	1:BA:460:ARG:HB2	1.95	0.47
1:BB:347:ASN:HA	1:BB:364:PHE:HD1	1.80	0.47
1:BB:493:ARG:HD2	1:BB:497:TRP:CD2	2.50	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BB:565:LEU:HD12	1:BB:725:LEU:HA	1.97	0.47
1:BD:623:THR:OG1	1:BD:624:ASP:N	2.47	0.47
1:BD:659:LYS:HB3	1:BD:719:LEU:HD11	1.96	0.47
1:BE:203:VAL:HB	1:BE:479:GLU:HB2	1.97	0.47
1:BE:203:VAL:O	1:BE:479:GLU:N	2.35	0.47
1:BF:184:MET:HE1	1:BF:656:LEU:HD11	1.97	0.47
1:BF:314:ASP:HB2	1:BF:459:ARG:O	2.14	0.47
1:BG:209:LEU:HD13	1:BG:227:ARG:HD3	1.97	0.47
1:BG:485:LEU:O	1:BH:459:ARG:NH1	2.48	0.47
1:A1:491:ILE:HD13	1:BF:159:TYR:CD1	2.50	0.46
1:A1:492:PRO:CG	1:BD:310:THR:HB	2.45	0.46
1:A1:699:SER:HB3	1:BD:464:ASN:HB3	1.96	0.46
1:A2:203:VAL:O	1:A2:479:GLU:N	2.29	0.46
1:A4:358:ARG:HB3	1:A4:408:VAL:HB	1.96	0.46
1:A5:194:LEU:HD21	1:A5:201:TYR:HE1	1.80	0.46
1:A7:249:PRO:HA	1:A7:295:ILE:HG21	1.97	0.46
1:A8:202:ASP:HA	1:A8:480:ARG:HA	1.95	0.46
1:A8:493:ARG:HD2	1:A8:497:TRP:CD2	2.50	0.46
1:A9:241:SER:O	1:A9:470:LYS:HE3	2.15	0.46
1:A9:694:ARG:HB2	1:A9:697:GLN:CG	2.43	0.46
1:Ar:201:TYR:O	1:Ar:481:TYR:N	2.25	0.46
1:Ar:350:GLN:O	1:Ar:361:THR:N	2.32	0.46
1:At:257:ASN:HD22	1:At:295:ILE:HG23	1.79	0.46
1:Ax:266:ILE:HG22	1:Ax:267:VAL:HG23	1.96	0.46
1:Az:476:MET:HB3	1:BD:357:PHE:CG	2.50	0.46
1:BA:158:SER:N	1:BE:302:LEU:HD21	2.29	0.46
1:BB:289:LEU:HD12	1:BB:413:LEU:H	1.79	0.46
1:BB:409:GLU:O	1:BD:161:GLN:HB3	2.14	0.46
1:BB:565:LEU:HB2	1:BB:724:ASN:O	2.14	0.46
1:BC:195:ALA:HB3	1:BC:198:GLN:HG3	1.96	0.46
1:BC:235:MET:HA	1:BD:652:PRO:O	2.15	0.46
1:BE:178:ALA:N	1:BE:509:GLN:OE1	2.31	0.46
1:BE:235:MET:HG2	1:BF:652:PRO:O	2.14	0.46
1:BE:291:ASP:OD2	1:BE:295:ILE:HG13	2.15	0.46
1:BG:537:ARG:NH2	1:BH:393:LYS:O	2.49	0.46
1:A0:373:GLU:HB2	1:A0:390:ILE:HG23	1.98	0.46
1:A0:489:PHE:O	1:A0:703:MET:HA	2.15	0.46
1:A1:328:SER:HA	1:A1:446:ASP:O	2.15	0.46
1:A1:435:ARG:HA	1:A1:440:PHE:CD2	2.51	0.46
1:A3:651:ASN:HD22	1:A3:653:ASN:HB2	1.81	0.46
1:A3:691:GLN:HA	1:A3:700:LYS:HA	1.97	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A4:312:ALA:HA	1:Az:160:ASP:CB	2.44	0.46
1:A5:651:ASN:HD22	1:A5:653:ASN:HB2	1.79	0.46
1:Ar:323:LEU:O	1:Ar:451:LEU:HD12	2.14	0.46
1:At:295:ILE:HA	1:BA:219:ASP:HB2	1.96	0.46
1:At:461:ASN:HD21	1:At:463:SER:HB3	1.80	0.46
1:Au:211:PHE:HE1	1:Au:473:ASP:HB2	1.78	0.46
1:Au:687:VAL:HG22	1:Au:704:VAL:HG22	1.96	0.46
1:Av:563:LEU:HB3	1:Av:721:ASN:O	2.14	0.46
1:BA:557:TRP:CZ3	1:BA:596:MET:HG2	2.50	0.46
1:BC:493:ARG:HD2	1:BC:497:TRP:CD2	2.50	0.46
1:BD:288:LYS:C	1:BD:414:ARG:HG3	2.40	0.46
1:BE:336:TYR:O	1:BE:378:VAL:HG23	2.16	0.46
1:BG:247:LEU:HD12	1:BG:458:ILE:HG22	1.97	0.46
1:A2:535:THR:HG21	1:A2:556:PRO:HB2	1.97	0.46
1:A2:651:ASN:HD22	1:A2:653:ASN:HB2	1.79	0.46
1:A3:199:ILE:HG13	1:A4:166:ASP:O	2.14	0.46
1:A3:465:ARG:NH2	1:A4:688:SER:OG	2.48	0.46
1:A5:470:LYS:HB2	1:A6:489:PHE:CD2	2.50	0.46
1:A5:483:ILE:HD11	1:A5:681:LEU:HB3	1.96	0.46
1:A6:235:MET:HG2	1:A7:652:PRO:O	2.15	0.46
1:A7:180:ARG:HG3	1:A7:515:PHE:CD2	2.50	0.46
1:A7:658:ASP:N	1:A7:658:ASP:OD1	2.46	0.46
1:A8:205:PHE:O	1:A8:477:LYS:N	2.37	0.46
1:Ar:497:TRP:NE1	1:Ar:499:GLU:O	2.46	0.46
1:Ar:651:ASN:ND2	1:Ar:653:ASN:HB2	2.29	0.46
1:As:373:GLU:OE1	1:As:393:LYS:HG2	2.16	0.46
1:As:736:PRO:HG2	1:Ax:734:LYS:HA	1.98	0.46
1:Av:651:ASN:HD22	1:Av:653:ASN:HB2	1.80	0.46
1:Ax:544:ILE:O	1:Ax:551:ARG:HD2	2.16	0.46
1:BA:174:PHE:O	1:BA:175:ASN:ND2	2.48	0.46
1:BA:736:PRO:HG2	1:BB:734:LYS:HA	1.98	0.46
1:BB:317:ILE:O	1:BD:167:MET:HE1	2.16	0.46
1:BE:267:VAL:HG22	1:BE:378:VAL:HG11	1.97	0.46
1:BE:580:GLU:HG2	1:BF:574:THR:N	2.30	0.46
1:BF:207:ARG:O	1:BF:474:PHE:HA	2.15	0.46
1:BG:473:ASP:OD1	1:BG:474:PHE:N	2.48	0.46
3:G:157:TYR:O	3:G:161:MET:HG2	2.16	0.46
1:A0:570:GLN:HB2	1:A5:732:ASN:OD1	2.15	0.46
1:A0:653:ASN:HA	1:A9:235:MET:HA	1.98	0.46
1:A1:159:TYR:HD1	1:BF:493:ARG:HG3	1.79	0.46
1:A1:310:THR:OG1	1:As:697:GLN:CD	2.59	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:495:LEU:HD23	1:A3:700:LYS:HG3	1.96	0.46
1:A6:159:TYR:HD1	1:A6:160:ASP:H	1.62	0.46
1:A7:202:ASP:HA	1:A7:480:ARG:HA	1.97	0.46
1:A7:308:ASP:OD1	1:A7:310:THR:OG1	2.31	0.46
1:A9:213:HIS:HE1	1:Ar:306:TYR:CE2	2.33	0.46
1:Ar:180:ARG:HG3	1:Ar:515:PHE:CD2	2.51	0.46
1:At:250:ILE:HA	1:At:280:LYS:O	2.16	0.46
1:Aw:578:ARG:HG3	1:Aw:729:TYR:OH	2.16	0.46
1:BA:161:GLN:N	1:BE:291:ASP:OD1	2.48	0.46
1:BA:565:LEU:HB2	1:BA:724:ASN:O	2.15	0.46
1:BB:214:LEU:HD11	1:BB:223:ALA:HB1	1.98	0.46
1:BC:206:ARG:HG3	1:BC:475:ASN:O	2.16	0.46
1:BD:658:ASP:N	1:BD:658:ASP:OD1	2.46	0.46
1:BF:328:SER:HA	1:BF:446:ASP:O	2.14	0.46
3:G:96:GLN:OE1	3:G:96:GLN:N	2.37	0.46
3:G:151:ASP:OD1	3:G:151:ASP:N	2.48	0.46
1:A0:310:THR:HG21	1:A6:158:SER:OG	2.16	0.46
1:A0:493:ARG:CD	1:A0:494:PRO:HD2	2.45	0.46
1:A0:575:ALA:HA	1:A9:583:ALA:CB	2.46	0.46
1:A0:597:TYR:CE1	1:A0:617:PRO:HG3	2.50	0.46
1:A1:205:PHE:O	1:A1:477:LYS:N	2.39	0.46
1:A1:740:ASN:HB3	1:A3:734:LYS:NZ	2.31	0.46
1:A2:180:ARG:HG3	1:A2:515:PHE:CD2	2.51	0.46
1:A2:472:LEU:HD12	1:A3:507:LEU:HD23	1.98	0.46
1:A3:209:LEU:N	1:A3:473:ASP:O	2.45	0.46
1:A3:617:PRO:HG2	1:A3:644:PHE:CD1	2.51	0.46
1:A4:461:ASN:HB3	1:Az:162:LYS:HD2	1.98	0.46
1:Ar:373:GLU:HB2	1:Ar:390:ILE:HG23	1.97	0.46
1:Av:584:ALA:HB2	1:Aw:574:THR:HG21	1.97	0.46
1:Aw:349:PHE:HB3	1:Aw:360:MET:HB3	1.97	0.46
1:Ax:382:LYS:HE3	1:Ax:390:ILE:HG21	1.97	0.46
1:Ay:666:ARG:NH1	1:Ay:668:ILE:HD11	2.31	0.46
1:Az:435:ARG:HA	1:Az:440:PHE:CD2	2.51	0.46
1:BA:292:MET:HE2	1:BA:458:ILE:HD12	1.97	0.46
1:BA:539:ARG:O	1:BA:555:ARG:NH1	2.49	0.46
1:BB:687:VAL:HA	1:BB:703:MET:O	2.16	0.46
1:BC:479:GLU:O	1:BD:170:TYR:HB3	2.16	0.46
1:BC:539:ARG:O	1:BC:555:ARG:HD3	2.15	0.46
1:A0:218:ALA:HA	1:Az:297:GLU:HG3	1.98	0.46
1:A0:492:PRO:HG2	1:Ax:159:TYR:CE1	2.51	0.46
1:A1:180:ARG:HG3	1:A1:515:PHE:CD2	2.51	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:738:GLN:HB2	1:A3:734:LYS:HD3	1.98	0.46
1:A3:658:ASP:OD1	1:A3:658:ASP:N	2.46	0.46
1:A3:736:PRO:HB2	1:A4:734:LYS:HG2	1.98	0.46
1:A4:350:GLN:OE1	1:Ay:480:ARG:NH1	2.49	0.46
1:A5:323:LEU:O	1:A5:451:LEU:HD12	2.15	0.46
1:A7:358:ARG:HA	1:A9:164:LEU:HD12	1.96	0.46
1:A8:180:ARG:HG3	1:A8:515:PHE:CD2	2.49	0.46
1:As:637:PHE:CZ	1:Ax:632:GLN:HB2	2.50	0.46
1:Au:235:MET:HE1	1:Au:601:GLY:HA2	1.98	0.46
1:Av:464:ASN:N	1:Av:464:ASN:OD1	2.48	0.46
1:Ax:203:VAL:O	1:Ax:479:GLU:N	2.30	0.46
1:Az:321:LYS:O	1:Az:455:GLU:N	2.46	0.46
1:Az:535:THR:HG21	1:Az:556:PRO:HB2	1.96	0.46
1:BA:161:GLN:C	1:BE:292:MET:H	2.22	0.46
1:BA:471:HIS:ND1	1:BB:490:SER:OG	2.47	0.46
1:BB:497:TRP:NE1	1:BB:499:GLU:O	2.46	0.46
1:BB:637:PHE:CZ	1:BC:632:GLN:HB2	2.51	0.46
1:BD:688:SER:OG	1:BD:703:MET:HB3	2.16	0.46
1:BE:349:PHE:HA	1:BE:361:THR:O	2.16	0.46
1:BE:639:THR:HA	1:BF:631:LEU:O	2.16	0.46
3:G:190:ILE:O	3:G:194:GLU:HG3	2.15	0.46
1:A0:165:ARG:CG	1:A8:351:LYS:HG2	2.45	0.46
1:A1:159:TYR:CB	1:BF:491:ILE:HG21	2.44	0.46
1:A2:220:GLY:CA	1:Aw:295:ILE:HG12	2.46	0.46
1:A4:163:GLU:O	1:A4:164:LEU:HD23	2.15	0.46
1:A4:360:MET:O	1:A4:406:SER:N	2.38	0.46
1:A4:572:THR:HG23	1:Ay:572:THR:HB	1.97	0.46
1:A5:350:GLN:O	1:A5:361:THR:N	2.29	0.46
1:A8:464:ASN:HB2	1:Ax:698:VAL:H	1.81	0.46
1:A8:465:ARG:NH1	1:A9:688:SER:OG	2.48	0.46
1:A9:401:GLU:OE2	1:Az:405:SER:OG	2.33	0.46
1:A9:624:ASP:HB3	1:A9:656:LEU:O	2.16	0.46
1:A9:695:ASN:HD22	1:BH:306:TYR:N	2.13	0.46
1:Ar:328:SER:HA	1:Ar:446:ASP:O	2.15	0.46
1:At:194:LEU:HD21	1:At:201:TYR:HE2	1.81	0.46
1:Aw:666:ARG:NH1	1:Aw:668:ILE:HD11	2.31	0.46
1:Ay:202:ASP:HA	1:Ay:480:ARG:HA	1.97	0.46
1:Az:686:LEU:N	1:Az:705:GLN:O	2.35	0.46
1:BE:464:ASN:N	1:BE:464:ASN:OD1	2.48	0.46
1:BF:623:THR:OG1	1:BF:624:ASP:N	2.48	0.46
1:BF:709:ARG:HG2	1:BF:710:PHE:H	1.81	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
3:G:69:VAL:HG13	3:G:120:VAL:HG22	1.98	0.46
3:G:165:THR:HA	3:G:168:ARG:HD2	1.96	0.46
1:A0:203:VAL:O	1:A0:479:GLU:N	2.32	0.46
1:A1:491:ILE:CG2	1:BF:159:TYR:HA	2.46	0.46
1:A1:493:ARG:HG2	1:BF:158:SER:O	2.15	0.46
1:A1:696:GLY:C	1:BD:466:ARG:CB	2.80	0.46
1:A2:323:LEU:O	1:A2:451:LEU:HD12	2.16	0.46
1:A8:314:ASP:OD1	1:A8:315:ALA:N	2.47	0.46
1:A8:666:ARG:NH1	1:A8:668:ILE:HD11	2.31	0.46
1:A9:216:ARG:H	1:Ar:307:SER:CB	2.29	0.46
1:As:435:ARG:HA	1:As:440:PHE:CD2	2.51	0.46
1:At:497:TRP:NE1	1:At:499:GLU:O	2.49	0.46
1:Au:159:TYR:H	1:BG:492:PRO:HG2	1.80	0.46
1:Au:492:PRO:HB2	1:BG:158:SER:N	2.29	0.46
1:Aw:493:ARG:HD2	1:Aw:497:TRP:CD2	2.50	0.46
1:Ay:623:THR:OG1	1:Ay:624:ASP:N	2.45	0.46
1:Az:493:ARG:HD2	1:Az:497:TRP:CD2	2.51	0.46
1:BA:170:TYR:HB2	1:BF:480:ARG:HE	1.80	0.46
1:BC:204:SER:CB	1:BD:173:VAL:HG13	2.46	0.46
1:BC:298:ASP:OD2	1:BC:300:SER:OG	2.30	0.46
1:BG:464:ASN:N	1:BG:464:ASN:OD1	2.47	0.46
1:A0:321:LYS:HB2	1:A0:455:GLU:HB3	1.98	0.46
1:A1:584:ALA:HB2	1:A2:574:THR:HG21	1.98	0.46
1:A1:657:ARG:HD3	1:A1:657:ARG:HA	1.80	0.46
1:A1:685:GLU:HG2	1:A1:706:PRO:HA	1.97	0.46
1:A2:161:GLN:O	1:Az:358:ARG:NH2	2.49	0.46
1:A2:407:ASN:OD1	1:A2:408:VAL:N	2.49	0.46
1:A4:473:ASP:OD1	1:A4:474:PHE:N	2.49	0.46
1:A5:180:ARG:HG3	1:A5:515:PHE:HD2	1.81	0.46
1:A7:351:LYS:HG3	1:A7:352:SER:O	2.16	0.46
1:A8:319:LEU:HA	1:A8:456:LEU:HD23	1.98	0.46
1:A9:657:ARG:HD3	1:A9:657:ARG:HA	1.79	0.46
1:Au:617:PRO:HG2	1:Au:644:PHE:CD1	2.51	0.46
1:Av:260:TYR:CD1	1:Av:290:ILE:HG12	2.50	0.46
1:Ay:305:GLY:HA2	1:BE:303:ALA:O	2.16	0.46
1:Az:563:LEU:HB3	1:Az:721:ASN:O	2.15	0.46
1:BA:160:ASP:C	1:BE:292:MET:C	2.83	0.46
1:BB:435:ARG:HA	1:BB:440:PHE:CD2	2.51	0.46
1:BB:482:ALA:O	1:BB:709:ARG:HD2	2.15	0.46
1:BB:580:GLU:HG2	1:BC:574:THR:H	1.79	0.46
1:BC:210:VAL:O	1:BC:227:ARG:HA	2.15	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BC:658:ASP:OD1	1:BC:658:ASP:N	2.47	0.46
1:BF:535:THR:HG21	1:BF:556:PRO:HB2	1.97	0.46
1:BH:235:MET:HE1	1:BH:601:GLY:HA2	1.97	0.46
1:BH:249:PRO:HA	1:BH:295:ILE:HG21	1.98	0.46
1:BH:377:ASP:OD1	1:BH:381:ALA:N	2.49	0.46
1:A0:464:ASN:CB	1:BE:697:GLN:HB2	2.46	0.46
1:A5:297:GLU:OE2	1:A5:307:SER:OG	2.27	0.46
1:A7:328:SER:HA	1:A7:446:ASP:O	2.16	0.46
1:A7:651:ASN:ND2	1:A7:653:ASN:HB2	2.31	0.46
1:A9:303:ALA:HB1	1:Ar:306:TYR:HB3	1.99	0.46
1:Ar:658:ASP:N	1:Ar:658:ASP:OD1	2.46	0.46
1:Ar:687:VAL:HG22	1:Ar:704:VAL:HG22	1.98	0.46
1:Av:333:LYS:HD3	1:Av:384:GLU:HB3	1.97	0.46
1:Av:483:ILE:HD11	1:Av:681:LEU:HB3	1.97	0.46
2:B:77:ASP:OD1	2:B:77:ASP:N	2.46	0.46
1:BD:396:ALA:HB1	1:BD:422:LEU:HD11	1.98	0.46
1:BG:686:LEU:O	1:BG:704:VAL:HA	2.16	0.46
1:BH:321:LYS:O	1:BH:455:GLU:N	2.49	0.46
1:BH:373:GLU:HB2	1:BH:390:ILE:HG23	1.98	0.46
1:BH:493:ARG:HD2	1:BH:497:TRP:CD2	2.51	0.46
1:A0:658:ASP:OD1	1:A0:658:ASP:N	2.46	0.45
1:A0:696:GLY:N	1:Ar:466:ARG:CD	2.79	0.45
1:A0:696:GLY:N	1:Ar:466:ARG:HD3	2.31	0.45
1:A1:216:ARG:HB2	1:A9:307:SER:HB2	1.98	0.45
1:A1:401:GLU:HB3	1:A1:403:TYR:CE2	2.51	0.45
1:A1:597:TYR:CE1	1:A1:617:PRO:HG3	2.50	0.45
1:A6:583:ALA:CB	1:A7:575:ALA:HA	2.46	0.45
1:A6:653:ASN:HB3	1:A6:656:LEU:HB2	1.99	0.45
1:A7:473:ASP:OD1	1:A7:474:PHE:N	2.49	0.45
1:A8:288:LYS:C	1:A8:414:ARG:HG3	2.41	0.45
1:A8:306:TYR:C	1:Ax:695:ASN:HD21	2.24	0.45
1:A8:658:ASP:OD1	1:A8:658:ASP:N	2.46	0.45
1:A9:209:LEU:HD13	1:A9:227:ARG:HD3	1.98	0.45
1:As:164:LEU:HB3	1:Aw:360:MET:CE	2.43	0.45
1:As:345:ILE:HG12	1:Ax:479:GLU:HG2	1.98	0.45
1:As:624:ASP:HB3	1:As:656:LEU:O	2.16	0.45
1:Au:435:ARG:HA	1:Au:440:PHE:CD2	2.51	0.45
1:BA:160:ASP:HA	1:BE:293:ILE:CA	2.45	0.45
1:BA:162:LYS:N	1:BE:292:MET:HB2	2.32	0.45
1:BA:247:LEU:HD12	1:BA:458:ILE:HG22	1.98	0.45
1:BA:314:ASP:OD1	1:BA:315:ALA:N	2.42	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BB:360:MET:O	1:BD:165:ARG:CZ	2.63	0.45
1:BD:483:ILE:HD11	1:BD:681:LEU:CB	2.46	0.45
1:BF:657:ARG:HD3	1:BF:657:ARG:HA	1.82	0.45
1:A0:308:ASP:O	1:BD:216:ARG:NE	2.44	0.45
1:A0:497:TRP:CH2	1:Ax:161:GLN:HB2	2.51	0.45
1:A1:160:ASP:CB	1:BF:497:TRP:CD1	2.99	0.45
1:A1:162:LYS:HE3	1:BF:497:TRP:HA	1.98	0.45
1:A2:235:MET:HE1	1:A2:601:GLY:HA2	1.99	0.45
1:A3:660:ILE:N	1:A3:720:ILE:O	2.46	0.45
1:A6:651:ASN:ND2	1:A6:653:ASN:HB2	2.32	0.45
1:A9:356:ASP:OD1	1:A9:357:PHE:N	2.49	0.45
1:As:235:MET:HG2	1:Ax:652:PRO:O	2.15	0.45
1:As:302:LEU:HA	1:As:305:GLY:O	2.16	0.45
1:As:311:ASP:O	1:BH:216:ARG:NH2	2.50	0.45
1:As:397:GLN:OE1	1:As:424:ARG:HD2	2.16	0.45
1:As:474:PHE:CZ	1:Ax:506:VAL:HG21	2.51	0.45
1:At:297:GLU:OE1	1:At:298:ASP:O	2.35	0.45
1:At:659:LYS:HG3	1:At:719:LEU:HD11	1.98	0.45
1:Av:493:ARG:HD2	1:Av:497:TRP:CD2	2.51	0.45
1:BC:317:ILE:HG23	1:BC:458:ILE:HG12	1.97	0.45
1:BC:427:ASP:OD1	1:BC:428:GLN:N	2.41	0.45
1:BD:474:PHE:CZ	1:BE:502:ALA:HB1	2.50	0.45
1:BE:288:LYS:O	1:BE:414:ARG:HG3	2.16	0.45
1:BE:588:VAL:HA	1:BF:730:THR:HG22	1.97	0.45
1:BG:194:LEU:HD21	1:BG:201:TYR:HE1	1.81	0.45
1:A0:349:PHE:CZ	1:A0:413:LEU:HD21	2.52	0.45
1:A0:353:LEU:HD13	1:BD:480:ARG:NH1	2.31	0.45
1:A1:164:LEU:HD12	1:Ay:358:ARG:NE	2.31	0.45
1:A3:469:GLY:HA3	1:A4:488:PRO:O	2.16	0.45
1:A3:535:THR:HG21	1:A3:556:PRO:HB2	1.99	0.45
1:A4:235:MET:HE2	1:Ay:652:PRO:HB2	1.98	0.45
1:A4:235:MET:HG2	1:Ay:652:PRO:O	2.16	0.45
1:A5:476:MET:HB3	1:BC:357:PHE:HB3	1.99	0.45
1:A7:657:ARG:HD3	1:A7:657:ARG:HA	1.81	0.45
1:A7:685:GLU:HG2	1:A7:706:PRO:HA	1.98	0.45
1:A8:306:TYR:HE1	1:As:304:ASN:HD21	1.64	0.45
1:A8:317:ILE:HG23	1:A8:458:ILE:HG12	1.98	0.45
1:Au:396:ALA:HB1	1:Au:422:LEU:HD11	1.98	0.45
1:Av:617:PRO:HG2	1:Av:644:PHE:CD1	2.51	0.45
1:Aw:435:ARG:HA	1:Aw:440:PHE:CD2	2.51	0.45
1:Aw:623:THR:OG1	1:Aw:624:ASP:N	2.47	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ax:319:LEU:HD12	1:Ax:455:GLU:O	2.16	0.45
1:Az:216:ARG:NH2	1:BD:311:ASP:HB2	2.29	0.45
1:BA:586:MET:O	1:BA:590:ARG:HG3	2.16	0.45
1:BE:318:THR:O	1:BE:457:ARG:N	2.43	0.45
1:BF:179:SER:O	1:BF:512:ASN:HB3	2.17	0.45
1:BF:651:ASN:ND2	1:BF:653:ASN:HB2	2.31	0.45
1:BF:666:ARG:NE	1:BF:675:LEU:HD12	2.31	0.45
1:BG:270:ARG:HE	1:BG:281:THR:HG23	1.82	0.45
1:BG:407:ASN:OD1	1:BG:408:VAL:N	2.49	0.45
1:BG:543:ASP:OD2	1:BH:424:ARG:NH1	2.49	0.45
1:BH:252:ARG:HD3	1:BH:252:ARG:HA	1.68	0.45
1:BH:464:ASN:N	1:BH:464:ASN:OD1	2.49	0.45
1:BH:658:ASP:OD1	1:BH:658:ASP:N	2.47	0.45
1:A0:617:PRO:HG2	1:A0:644:PHE:CD1	2.52	0.45
1:A0:666:ARG:NE	1:A0:675:LEU:HD12	2.30	0.45
1:A1:160:ASP:OD2	1:BF:700:LYS:NZ	2.35	0.45
1:A1:312:ALA:HB3	1:A3:162:LYS:HE3	1.98	0.45
1:A2:220:GLY:HA3	1:Aw:295:ILE:HG12	1.98	0.45
1:A3:314:ASP:OD1	1:A3:315:ALA:N	2.44	0.45
1:A3:435:ARG:HA	1:A3:440:PHE:CD2	2.50	0.45
1:A5:203:VAL:O	1:A5:479:GLU:N	2.30	0.45
1:A5:301:ILE:CD1	1:A5:460:ARG:HH22	2.29	0.45
1:A6:697:GLN:HA	1:BC:466:ARG:HA	1.98	0.45
1:A7:310:THR:OG1	1:A7:464:ASN:ND2	2.49	0.45
1:A8:247:LEU:HD12	1:A8:458:ILE:HG22	1.98	0.45
1:A8:301:ILE:CG2	1:Ax:695:ASN:HB2	2.46	0.45
1:A9:270:ARG:HG2	1:A9:281:THR:O	2.17	0.45
1:At:294:GLY:C	1:BA:219:ASP:HB2	2.42	0.45
1:At:351:LYS:HG3	1:At:352:SER:O	2.17	0.45
1:Au:247:LEU:HD21	1:Au:460:ARG:HB2	1.98	0.45
1:Au:666:ARG:NH1	1:Au:668:ILE:HD11	2.31	0.45
1:Av:165:ARG:CD	1:Ax:351:LYS:HA	2.42	0.45
1:Av:657:ARG:HD3	1:Av:657:ARG:HA	1.77	0.45
1:Ax:657:ARG:HD3	1:Ax:657:ARG:HA	1.81	0.45
1:Az:267:VAL:HG22	1:Az:378:VAL:HG11	1.99	0.45
1:BA:629:GLN:HB3	1:BF:594:TYR:CD2	2.51	0.45
1:BB:349:PHE:HB3	1:BD:165:ARG:HG3	1.98	0.45
1:BD:424:ARG:HH12	1:BE:543:ASP:CG	2.25	0.45
1:BE:413:LEU:HD23	1:BE:414:ARG:N	2.32	0.45
1:BE:474:PHE:CE2	1:BF:506:VAL:HG21	2.51	0.45
1:BG:488:PRO:HB3	1:BG:705:GLN:CB	2.46	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BG:597:TYR:CE1	1:BG:617:PRO:HG3	2.52	0.45
1:BG:666:ARG:NH1	1:BG:668:ILE:HD11	2.31	0.45
1:BH:362:LEU:N	1:BH:404:GLY:O	2.32	0.45
1:BH:597:TYR:CE1	1:BH:617:PRO:HG3	2.52	0.45
1:BH:651:ASN:HD22	1:BH:653:ASN:HB2	1.80	0.45
1:A0:321:LYS:O	1:A0:455:GLU:N	2.50	0.45
1:A0:357:PHE:HD1	1:BD:476:MET:H	1.64	0.45
1:A3:563:LEU:HB3	1:A3:721:ASN:O	2.16	0.45
1:A4:360:MET:HE2	1:Az:165:ARG:CB	2.47	0.45
1:A5:159:TYR:HB3	1:A9:409:GLU:HG3	1.98	0.45
1:A5:465:ARG:NH2	1:A6:688:SER:OG	2.50	0.45
1:A6:505:ASP:O	1:A6:509:GLN:HG2	2.16	0.45
1:A9:229:PRO:HG2	1:A9:232:ASP:CG	2.42	0.45
1:A9:489:PHE:O	1:A9:703:MET:HA	2.16	0.45
1:Ar:351:LYS:HG2	1:Ax:165:ARG:HD3	1.98	0.45
1:As:162:LYS:CD	1:Aw:312:ALA:HB3	2.45	0.45
1:As:493:ARG:HD2	1:As:497:TRP:CG	2.51	0.45
1:Au:203:VAL:O	1:Au:479:GLU:N	2.32	0.45
1:Au:323:LEU:O	1:Au:451:LEU:HD12	2.17	0.45
1:Av:435:ARG:HA	1:Av:440:PHE:CD2	2.52	0.45
1:Aw:653:ASN:HB3	1:Aw:656:LEU:HB2	1.98	0.45
1:Ax:493:ARG:HH11	1:Ax:494:PRO:HD2	1.81	0.45
1:Ax:617:PRO:HG2	1:Ax:644:PHE:CD1	2.51	0.45
1:Ay:535:THR:HG21	1:Ay:556:PRO:HB2	1.97	0.45
1:Ay:691:GLN:HA	1:Ay:700:LYS:HA	1.97	0.45
1:Az:336:TYR:O	1:Az:378:VAL:HG23	2.17	0.45
1:BA:485:LEU:HG	1:BA:707:ARG:HG2	1.97	0.45
1:BC:326:ILE:HG21	1:BC:386:LEU:HD21	1.98	0.45
1:BE:483:ILE:HD11	1:BE:681:LEU:HB3	1.99	0.45
1:BE:623:THR:OG1	1:BE:624:ASP:N	2.49	0.45
1:BG:535:THR:HG21	1:BG:556:PRO:HB2	1.98	0.45
1:BH:356:ASP:OD1	1:BH:357:PHE:N	2.49	0.45
1:BH:666:ARG:NH1	1:BH:668:ILE:HD11	2.32	0.45
1:A1:160:ASP:H	1:BF:493:ARG:HG3	1.81	0.45
1:A1:491:ILE:HG22	1:BF:158:SER:O	2.16	0.45
1:A3:426:VAL:HG22	1:A3:432:GLU:HA	1.98	0.45
1:A3:479:GLU:OE1	1:A3:481:TYR:OH	2.30	0.45
1:A5:464:ASN:N	1:A5:464:ASN:OD1	2.47	0.45
1:A7:396:ALA:HB1	1:A7:422:LEU:HD11	1.99	0.45
1:A8:483:ILE:HD11	1:A8:681:LEU:CB	2.47	0.45
1:A9:235:MET:HE1	1:A9:601:GLY:HA2	1.99	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ar:200:GLY:O	1:As:168:MET:HB3	2.17	0.45
1:Ar:408:VAL:HG21	1:Ax:164:LEU:HD13	1.99	0.45
1:As:497:TRP:NE1	1:As:499:GLU:O	2.48	0.45
1:At:504:LEU:O	1:At:508:ILE:HG13	2.16	0.45
1:Au:691:GLN:HA	1:Au:700:LYS:HA	1.98	0.45
1:Av:407:ASN:OD1	1:Av:408:VAL:N	2.50	0.45
1:Av:639:THR:HA	1:Aw:631:LEU:O	2.16	0.45
1:Ax:435:ARG:HA	1:Ax:440:PHE:CD2	2.51	0.45
1:Ax:473:ASP:OD1	1:Ax:474:PHE:N	2.45	0.45
1:Ay:490:SER:HA	1:Ay:702:THR:O	2.17	0.45
1:Ay:617:PRO:HG2	1:Ay:644:PHE:CD1	2.51	0.45
1:Ay:666:ARG:NE	1:Ay:675:LEU:HD12	2.31	0.45
1:Az:314:ASP:OD1	1:Az:315:ALA:N	2.46	0.45
1:BA:344:LEU:HD22	1:BB:545:GLN:HB2	1.97	0.45
1:BA:658:ASP:N	1:BA:658:ASP:OD1	2.46	0.45
1:BB:360:MET:O	1:BD:165:ARG:NE	2.49	0.45
1:BB:471:HIS:ND1	1:BC:492:PRO:HD3	2.32	0.45
1:BB:539:ARG:HG2	1:BB:555:ARG:HD3	1.98	0.45
1:BB:588:VAL:HG22	1:BC:730:THR:HB	1.97	0.45
1:BD:456:LEU:HD13	1:BD:458:ILE:HD11	1.97	0.45
1:BD:488:PRO:HB3	1:BD:705:GLN:CB	2.46	0.45
1:A0:497:TRP:CZ2	1:Ax:161:GLN:HB2	2.51	0.45
1:A1:211:PHE:HE2	1:A5:159:TYR:HE2	1.65	0.45
1:A1:360:MET:HE3	1:A3:164:LEU:HB3	1.99	0.45
1:A1:424:ARG:NH1	1:A2:543:ASP:OD2	2.48	0.45
1:A1:492:PRO:HB2	1:BD:464:ASN:ND2	2.32	0.45
1:A2:475:ASN:HA	1:Aw:357:PHE:CE1	2.51	0.45
1:A2:483:ILE:HD11	1:A2:681:LEU:CB	2.46	0.45
1:A3:194:LEU:HD21	1:A3:201:TYR:HE1	1.82	0.45
1:A3:588:VAL:HG22	1:A4:730:THR:HG22	1.98	0.45
1:A4:651:ASN:ND2	1:A4:653:ASN:HB2	2.32	0.45
1:A5:194:LEU:HD21	1:A5:201:TYR:CE1	2.51	0.45
1:A6:489:PHE:O	1:A6:703:MET:HA	2.16	0.45
1:A8:252:ARG:NE	1:As:219:ASP:HA	2.24	0.45
1:A8:306:TYR:C	1:Ax:695:ASN:ND2	2.75	0.45
1:As:184:MET:HE1	1:As:656:LEU:HD11	1.98	0.45
1:At:464:ASN:O	1:BB:697:GLN:HB2	2.16	0.45
1:At:567:LYS:O	1:At:570:GLN:HB3	2.16	0.45
1:Au:623:THR:OG1	1:Au:624:ASP:N	2.46	0.45
1:Av:235:MET:HA	1:Aw:653:ASN:HA	1.98	0.45
1:Av:396:ALA:HB1	1:Av:422:LEU:HD11	1.99	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Aw:418:ALA:H	1:Aw:451:LEU:HB3	1.81	0.45
1:Ay:249:PRO:O	1:Ay:281:THR:HB	2.16	0.45
1:Ay:308:ASP:HB3	1:BE:213:HIS:NE2	2.32	0.45
1:Ay:466:ARG:NH1	1:BF:696:GLY:N	2.64	0.45
1:BA:491:ILE:HG13	1:BF:471:HIS:N	2.32	0.45
1:BA:517:ASN:N	1:BA:517:ASN:OD1	2.50	0.45
1:BB:162:LYS:HD2	1:BF:312:ALA:CB	2.47	0.45
1:BB:293:ILE:HG21	1:BB:307:SER:OG	2.17	0.45
1:BB:689:VAL:HG22	1:BB:702:THR:HG23	1.99	0.45
1:BD:594:TYR:CD2	1:BE:629:GLN:HB3	2.52	0.45
1:BE:266:ILE:HG22	1:BE:267:VAL:HG23	1.99	0.45
1:BE:493:ARG:HD2	1:BE:497:TRP:CG	2.52	0.45
1:BE:737:VAL:CG2	1:BF:737:VAL:HB	2.42	0.45
1:BF:529:ALA:O	1:BF:533:VAL:HG23	2.16	0.45
1:BG:489:PHE:HD2	1:BH:470:LYS:HB2	1.79	0.45
1:BH:364:PHE:HB3	1:BH:402:VAL:HB	1.97	0.45
1:BH:427:ASP:OD1	1:BH:428:GLN:N	2.41	0.45
1:A0:463:SER:OG	1:A6:162:LYS:HE2	2.17	0.45
1:A1:225:TRP:CH2	1:A5:159:TYR:CD1	3.05	0.45
1:A1:409:GLU:O	1:A3:159:TYR:HD1	2.00	0.45
1:A4:597:TYR:CE1	1:A4:617:PRO:HG3	2.51	0.45
1:A5:351:LYS:HG3	1:A5:352:SER:O	2.17	0.45
1:A7:428:GLN:HA	1:A8:537:ARG:NH2	2.31	0.45
1:A9:215:ARG:HA	1:Ar:307:SER:O	2.17	0.45
1:Ar:493:ARG:O	1:Ar:699:SER:HB2	2.17	0.45
1:At:236:TYR:HB2	1:At:239:VAL:HG23	1.98	0.45
1:At:322:ILE:HA	1:At:454:TYR:HA	1.99	0.45
1:At:539:ARG:HD3	1:At:556:PRO:O	2.17	0.45
1:At:569:VAL:HG12	1:At:729:TYR:CD2	2.52	0.45
1:At:621:VAL:O	1:At:649:VAL:N	2.36	0.45
1:Au:482:ALA:HB2	1:Av:167:MET:HE2	1.98	0.45
1:Au:657:ARG:HD3	1:Au:657:ARG:HA	1.80	0.45
1:Av:373:GLU:HB2	1:Av:390:ILE:HG23	1.98	0.45
1:Av:479:GLU:OE1	1:Av:481:TYR:OH	2.29	0.45
1:Av:486:LEU:HB2	1:Av:706:PRO:HG2	1.99	0.45
1:Ay:466:ARG:NH1	1:BF:697:GLN:N	2.65	0.45
1:Ay:740:ASN:HB3	1:Az:737:VAL:O	2.16	0.45
1:Az:660:ILE:N	1:Az:720:ILE:O	2.45	0.45
1:BA:170:TYR:CD1	1:BF:201:TYR:O	2.69	0.45
1:BB:394:SER:HB3	1:BB:426:VAL:O	2.16	0.45
1:BC:583:ALA:HB1	1:BD:575:ALA:HA	1.99	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BE:459:ARG:NH1	1:BF:484:GLY:HA3	2.30	0.45
1:BE:485:LEU:HG	1:BE:707:ARG:HG2	1.99	0.45
1:BE:617:PRO:HG2	1:BE:644:PHE:CD1	2.52	0.45
1:BF:323:LEU:O	1:BF:451:LEU:HD12	2.17	0.45
1:BG:312:ALA:O	1:BG:460:ARG:HG3	2.16	0.45
1:A0:326:ILE:HG21	1:A0:386:LEU:HD21	1.99	0.45
1:A1:160:ASP:HB2	1:BF:497:TRP:CD1	2.51	0.45
1:A3:269:PRO:HA	1:A3:282:SER:HB2	1.98	0.45
1:A5:218:ALA:HB3	1:BC:252:ARG:NH2	2.32	0.45
1:A6:237:ASN:HA	1:A7:517:ASN:HD22	1.80	0.45
1:A6:382:LYS:HE3	1:A6:390:ILE:HG21	1.98	0.45
1:A7:408:VAL:HB	1:A9:164:LEU:HD11	1.99	0.45
1:A8:435:ARG:HA	1:A8:440:PHE:CD2	2.52	0.45
1:A8:491:ILE:HD12	1:A8:503:ASP:HB3	1.99	0.45
1:Ar:214:LEU:HD23	1:Ar:225:TRP:CZ2	2.52	0.45
1:Ar:252:ARG:HD3	1:Ar:252:ARG:HA	1.73	0.45
1:As:350:GLN:OE1	1:Ax:480:ARG:HD2	2.17	0.45
1:Au:159:TYR:HE2	1:BH:211:PHE:CZ	2.35	0.45
1:Ax:362:LEU:N	1:Ax:404:GLY:O	2.35	0.45
1:Ay:461:ASN:OD1	1:Az:485:LEU:HD22	2.17	0.45
1:Az:651:ASN:HD22	1:Az:653:ASN:HB2	1.82	0.45
1:BB:362:LEU:CB	1:BD:165:ARG:HD2	2.47	0.45
1:BD:465:ARG:HH21	1:BE:703:MET:CE	2.30	0.45
1:BF:617:PRO:HG2	1:BF:644:PHE:CD1	2.52	0.45
1:A0:697:GLN:HB2	1:Ar:464:ASN:HD22	1.80	0.45
1:A0:698:VAL:CG2	1:Ar:466:ARG:HE	2.30	0.45
1:A1:358:ARG:NH2	1:A3:161:GLN:O	2.50	0.45
1:A1:424:ARG:NH2	1:A2:543:ASP:OD2	2.49	0.45
1:A2:428:GLN:HA	1:A3:537:ARG:NH2	2.30	0.45
1:A4:311:ASP:HA	1:A4:464:ASN:ND2	2.32	0.45
1:A6:624:ASP:HB3	1:A6:656:LEU:O	2.17	0.45
1:A6:666:ARG:NH1	1:A6:668:ILE:HD11	2.32	0.45
1:A7:180:ARG:HG3	1:A7:515:PHE:HD2	1.82	0.45
1:A7:505:ASP:O	1:A7:509:GLN:HG2	2.17	0.45
1:A8:323:LEU:O	1:A8:451:LEU:HD12	2.16	0.45
1:A8:472:LEU:HD12	1:A9:507:LEU:HD23	1.98	0.45
1:A9:206:ARG:HA	1:A9:476:MET:HA	1.98	0.45
1:A9:651:ASN:HD22	1:A9:653:ASN:HB2	1.82	0.45
1:Ar:202:ASP:O	1:As:170:TYR:N	2.50	0.45
1:Av:314:ASP:OD1	1:Av:315:ALA:N	2.45	0.45
1:Av:584:ALA:O	1:Av:588:VAL:HG23	2.16	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Aw:407:ASN:OD1	1:Aw:408:VAL:N	2.50	0.45
1:Ax:488:PRO:HB3	1:Ax:705:GLN:HB2	1.99	0.45
1:Ay:251:TYR:N	1:Ay:280:LYS:O	2.45	0.45
1:Az:373:GLU:HB2	1:Az:390:ILE:HG23	1.98	0.45
1:Az:535:THR:O	1:Az:539:ARG:HB2	2.16	0.45
1:BA:161:GLN:CB	1:BE:294:GLY:H	2.29	0.45
1:BA:688:SER:HB2	1:BF:465:ARG:NH2	2.28	0.45
1:BB:468:ARG:HH12	1:BC:694:ARG:HG3	1.82	0.45
1:BB:473:ASP:OD1	1:BB:474:PHE:N	2.48	0.45
1:BG:195:ALA:HB3	1:BG:198:GLN:HG3	1.99	0.45
1:BG:586:MET:O	1:BG:590:ARG:HG3	2.17	0.45
1:BH:323:LEU:O	1:BH:451:LEU:HD12	2.17	0.45
1:A1:326:ILE:HA	1:A1:448:SER:O	2.17	0.44
1:A1:493:ARG:HD3	1:A1:493:ARG:HA	1.71	0.44
1:A2:162:LYS:HZ2	1:Az:461:ASN:HB3	1.82	0.44
1:A3:685:GLU:HG2	1:A3:706:PRO:HA	1.98	0.44
1:A4:666:ARG:NE	1:A4:675:LEU:HD12	2.29	0.44
1:A5:689:VAL:HG22	1:A5:702:THR:HG23	1.99	0.44
1:A6:242:ASN:ND2	1:A7:488:PRO:O	2.48	0.44
1:A6:578:ARG:HG3	1:A6:729:TYR:OH	2.17	0.44
1:A7:295:ILE:HG12	1:BG:220:GLY:HA2	1.99	0.44
1:A7:349:PHE:HB3	1:A7:360:MET:HB3	1.99	0.44
1:A8:617:PRO:HG2	1:A8:644:PHE:CD1	2.52	0.44
1:A9:354:GLU:HB2	1:Az:346:THR:HG22	1.99	0.44
1:As:162:LYS:NZ	1:Aw:461:ASN:O	2.50	0.44
1:As:408:VAL:HG21	1:Au:164:LEU:HD22	1.98	0.44
1:At:209:LEU:N	1:At:473:ASP:O	2.48	0.44
1:Aw:317:ILE:HG23	1:Aw:458:ILE:HG12	1.99	0.44
1:Ay:252:ARG:HA	1:Ay:252:ARG:HD3	1.75	0.44
1:Ay:308:ASP:OD2	1:Ay:310:THR:CG2	2.65	0.44
1:Ay:309:ASN:ND2	1:BE:471:HIS:CG	2.85	0.44
1:Ay:618:ARG:HB3	1:Ay:665:SER:O	2.17	0.44
1:BA:213:HIS:CD2	1:BA:471:HIS:NE2	2.85	0.44
1:BB:210:VAL:N	1:BB:228:ARG:O	2.49	0.44
1:BB:313:LEU:HA	1:BB:461:ASN:H	1.82	0.44
1:BB:360:MET:CB	1:BD:165:ARG:HB3	2.47	0.44
1:BB:694:ARG:HB2	1:BB:697:GLN:HG3	1.98	0.44
1:BE:314:ASP:OD2	1:BF:485:LEU:HD13	2.17	0.44
1:BE:345:ILE:HD12	1:BE:345:ILE:HA	1.72	0.44
1:BE:469:GLY:N	1:BF:488:PRO:HG2	2.32	0.44
1:BE:660:ILE:N	1:BE:720:ILE:O	2.40	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BF:323:LEU:HB3	1:BF:453:GLY:H	1.82	0.44
1:A0:200:GLY:O	1:A5:168:MET:HB3	2.17	0.44
1:A0:482:ALA:HB2	1:A5:167:MET:HE2	2.00	0.44
1:A0:698:VAL:H	1:Ar:466:ARG:HB2	1.83	0.44
1:A1:164:LEU:HD11	1:BF:497:TRP:HH2	1.81	0.44
1:A1:488:PRO:HB2	1:A1:703:MET:CG	2.47	0.44
1:A3:583:ALA:HB3	1:A4:575:ALA:HA	1.99	0.44
1:A4:505:ASP:O	1:A4:509:GLN:HG2	2.17	0.44
1:A5:247:LEU:HD12	1:A5:458:ILE:HG22	1.99	0.44
1:A6:559:GLU:CD	1:A6:595:ARG:HH12	2.24	0.44
1:A6:689:VAL:HG22	1:A6:702:THR:HA	1.98	0.44
1:A7:435:ARG:HA	1:A7:440:PHE:CD2	2.52	0.44
1:A8:568:SER:O	1:A9:574:THR:HG21	2.16	0.44
1:Ar:358:ARG:HD2	1:Ar:408:VAL:HB	1.99	0.44
1:Ar:535:THR:HG21	1:Ar:556:PRO:HB2	1.99	0.44
1:Ar:691:GLN:HA	1:Ar:700:LYS:HA	1.99	0.44
1:Au:199:ILE:HG22	1:Au:483:ILE:H	1.83	0.44
1:Au:328:SER:HA	1:Au:446:ASP:O	2.17	0.44
1:Au:693:THR:HG23	1:Au:698:VAL:HG22	1.99	0.44
1:Aw:617:PRO:HG2	1:Aw:644:PHE:CD1	2.52	0.44
1:Ay:201:TYR:O	1:Ay:481:TYR:N	2.24	0.44
1:Ay:228:ARG:HH11	1:Ay:239:VAL:HA	1.83	0.44
1:Ay:466:ARG:NH1	1:BF:694:ARG:C	2.74	0.44
1:BA:266:ILE:HG22	1:BA:267:VAL:HG23	1.99	0.44
1:BB:184:MET:HA	1:BB:649:VAL:HG11	1.99	0.44
1:BC:323:LEU:O	1:BC:451:LEU:HD12	2.17	0.44
1:BF:493:ARG:HD3	1:BF:493:ARG:HA	1.80	0.44
1:A0:657:ARG:HD3	1:A0:657:ARG:HA	1.80	0.44
1:A2:216:ARG:HE	1:As:158:SER:CA	2.30	0.44
1:A2:686:LEU:O	1:A2:704:VAL:HA	2.17	0.44
1:A3:637:PHE:CZ	1:A4:632:GLN:HB2	2.52	0.44
1:A5:213:HIS:HE1	1:BC:306:TYR:HE2	1.65	0.44
1:A5:407:ASN:OD1	1:A5:408:VAL:N	2.49	0.44
1:A9:285:ALA:O	1:A9:454:TYR:HE1	2.00	0.44
1:Ar:289:LEU:HD12	1:Ar:413:LEU:O	2.17	0.44
1:Ar:543:ASP:CG	1:Aw:424:ARG:HH12	2.26	0.44
1:As:314:ASP:OD1	1:As:315:ALA:N	2.47	0.44
1:As:666:ARG:NH1	1:As:668:ILE:HD11	2.33	0.44
1:As:691:GLN:HA	1:As:700:LYS:HA	1.98	0.44
1:As:694:ARG:CB	1:As:697:GLN:HE21	2.30	0.44
1:At:364:PHE:O	1:At:402:VAL:N	2.31	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Au:407:ASN:OD1	1:Au:408:VAL:N	2.50	0.44
1:Az:478:GLN:O	1:BD:354:GLU:HA	2.16	0.44
1:BA:160:ASP:HB3	1:BE:292:MET:HA	1.99	0.44
1:BA:651:ASN:HD22	1:BA:653:ASN:HB2	1.83	0.44
1:BC:301:ILE:HD13	1:BC:466:ARG:HD3	1.98	0.44
1:BE:394:SER:HB3	1:BE:426:VAL:O	2.17	0.44
1:BF:618:ARG:HB3	1:BF:665:SER:O	2.17	0.44
1:A1:160:ASP:C	1:BF:497:TRP:CD1	2.90	0.44
1:A1:302:LEU:HA	1:A1:305:GLY:O	2.18	0.44
1:A1:583:ALA:CB	1:A2:575:ALA:HA	2.47	0.44
1:A1:584:ALA:O	1:A1:588:VAL:HG23	2.18	0.44
1:A1:730:THR:HG22	1:Az:588:VAL:HG22	1.99	0.44
1:A2:216:ARG:HH21	1:As:158:SER:C	2.25	0.44
1:A4:565:LEU:HB2	1:A4:724:ASN:O	2.17	0.44
1:A6:473:ASP:OD1	1:A6:474:PHE:N	2.50	0.44
1:A7:362:LEU:N	1:A7:404:GLY:O	2.33	0.44
1:A7:373:GLU:HB2	1:A7:390:ILE:HG23	1.98	0.44
1:A8:695:ASN:OD1	1:A8:695:ASN:N	2.51	0.44
1:A9:245:THR:O	1:A9:460:ARG:N	2.35	0.44
1:Ar:574:THR:HG21	1:Aw:584:ALA:HB2	1.99	0.44
1:Ar:575:ALA:HA	1:Aw:583:ALA:CB	2.47	0.44
1:As:179:SER:O	1:As:512:ASN:HB3	2.17	0.44
1:As:180:ARG:HG3	1:As:515:PHE:HD2	1.83	0.44
1:As:211:PHE:HE1	1:As:473:ASP:HB2	1.82	0.44
1:As:472:LEU:HD12	1:Ax:507:LEU:HD23	1.98	0.44
1:At:636:ASP:OD1	1:At:637:PHE:N	2.48	0.44
1:Av:323:LEU:O	1:Av:451:LEU:HD12	2.18	0.44
1:Ay:346:THR:HG22	1:BD:354:GLU:HB2	2.00	0.44
1:Ay:651:ASN:HD22	1:Ay:653:ASN:HB2	1.82	0.44
1:Az:228:ARG:HD3	1:Az:239:VAL:HG22	1.98	0.44
1:BB:310:THR:C	1:BB:464:ASN:HD21	2.25	0.44
1:BC:290:ILE:HG21	1:BC:295:ILE:HD11	2.00	0.44
1:BC:624:ASP:HB3	1:BC:656:LEU:O	2.17	0.44
1:BD:483:ILE:HD11	1:BD:681:LEU:HB3	2.00	0.44
1:BF:473:ASP:OD1	1:BF:474:PHE:N	2.46	0.44
1:BF:483:ILE:HG12	1:BF:709:ARG:HB2	2.00	0.44
1:A0:530:LEU:HD22	1:A0:558:PHE:HB2	1.99	0.44
1:A1:221:THR:HA	1:A9:260:TYR:OH	2.17	0.44
1:A1:235:MET:HG2	1:A2:652:PRO:O	2.17	0.44
1:A1:359:LYS:O	1:A3:165:ARG:CZ	2.65	0.44
1:A1:666:ARG:NH1	1:A1:668:ILE:HD11	2.32	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:216:ARG:NH1	1:Aw:291:ASP:OD1	2.51	0.44
1:A3:407:ASN:OD1	1:A3:408:VAL:N	2.51	0.44
1:A3:698:VAL:N	1:Aw:464:ASN:O	2.34	0.44
1:A5:180:ARG:HG3	1:A5:515:PHE:CD2	2.53	0.44
1:A5:199:ILE:HG13	1:A6:166:ASP:O	2.18	0.44
1:A7:493:ARG:HD2	1:A7:497:TRP:CD2	2.53	0.44
1:A8:687:VAL:HG22	1:A8:704:VAL:HG22	1.98	0.44
1:Ar:618:ARG:HB3	1:Ar:665:SER:O	2.18	0.44
1:At:263:ASP:N	1:At:263:ASP:OD1	2.50	0.44
1:At:282:SER:OG	1:At:283:TYR:N	2.50	0.44
1:Au:349:PHE:CZ	1:Au:413:LEU:HD21	2.52	0.44
1:Ax:505:ASP:O	1:Ax:509:GLN:HG2	2.16	0.44
1:Ay:397:GLN:HG3	1:Az:538:PHE:CE2	2.53	0.44
1:Az:203:VAL:HB	1:Az:479:GLU:HB2	1.98	0.44
1:BB:162:LYS:HE2	1:BF:464:ASN:OD1	2.17	0.44
1:BC:473:ASP:OD1	1:BC:474:PHE:N	2.50	0.44
1:BC:570:GLN:HB2	1:BD:732:ASN:OD1	2.18	0.44
1:BC:597:TYR:CE1	1:BC:617:PRO:HG3	2.52	0.44
1:BD:657:ARG:HD3	1:BD:657:ARG:HA	1.73	0.44
1:A0:382:LYS:HE3	1:A0:390:ILE:HG21	2.00	0.44
1:A0:424:ARG:NH2	1:A5:543:ASP:OD2	2.51	0.44
1:A1:483:ILE:HD11	1:A1:681:LEU:CB	2.48	0.44
1:A2:624:ASP:HB3	1:A2:656:LEU:O	2.18	0.44
1:A5:219:ASP:CB	1:BC:252:ARG:HE	2.18	0.44
1:A6:314:ASP:OD1	1:A6:315:ALA:N	2.45	0.44
1:A7:306:TYR:CE2	1:BG:213:HIS:HE1	2.35	0.44
1:A7:617:PRO:HG2	1:A7:644:PHE:CD1	2.52	0.44
1:A7:666:ARG:NE	1:A7:675:LEU:HD12	2.29	0.44
1:A8:373:GLU:HB2	1:A8:390:ILE:HG23	1.99	0.44
1:A8:624:ASP:HB3	1:A8:656:LEU:O	2.17	0.44
1:A9:695:ASN:ND2	1:BH:306:TYR:C	2.74	0.44
1:Ar:206:ARG:O	1:As:174:PHE:HB3	2.16	0.44
1:Ar:666:ARG:NH1	1:Ar:668:ILE:HD11	2.33	0.44
1:Ar:693:THR:HG23	1:Ar:698:VAL:HG22	1.98	0.44
1:At:302:LEU:HA	1:At:302:LEU:HD23	1.75	0.44
1:Au:247:LEU:HD12	1:Au:458:ILE:HG22	1.99	0.44
1:Au:351:LYS:HD2	1:Au:359:LYS:O	2.18	0.44
1:Au:535:THR:HG21	1:Au:556:PRO:HB2	1.98	0.44
1:Aw:214:LEU:HD11	1:Aw:223:ALA:HB1	2.00	0.44
1:Ay:407:ASN:OD1	1:Ay:408:VAL:N	2.50	0.44
1:BA:160:ASP:CA	1:BE:294:GLY:N	2.81	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BA:205:PHE:O	1:BA:477:LYS:N	2.37	0.44
1:BA:235:MET:HE2	1:BB:652:PRO:HB2	1.99	0.44
1:BA:321:LYS:O	1:BA:455:GLU:N	2.51	0.44
1:BC:194:LEU:HD21	1:BC:201:TYR:CE1	2.52	0.44
1:BC:321:LYS:HD2	1:BC:455:GLU:OE1	2.18	0.44
1:BC:365:ASP:CG	1:BC:401:GLU:HG2	2.42	0.44
1:BD:493:ARG:O	1:BD:700:LYS:N	2.44	0.44
1:BE:474:PHE:CZ	1:BF:506:VAL:HG21	2.53	0.44
1:BF:309:ASN:OD1	1:BF:309:ASN:N	2.49	0.44
1:BG:172:VAL:N	1:BH:204:SER:O	2.44	0.44
1:A0:491:ILE:HD13	1:A0:491:ILE:HG21	1.70	0.44
1:A1:204:SER:HB2	1:A2:171:SER:HA	1.98	0.44
1:A1:291:ASP:CG	1:Ar:216:ARG:HH11	2.25	0.44
1:A2:216:ARG:NH2	1:Aw:411:ALA:HB3	2.32	0.44
1:A2:351:LYS:HD2	1:A2:359:LYS:O	2.18	0.44
1:A6:597:TYR:CE1	1:A6:617:PRO:HG3	2.52	0.44
1:A6:694:ARG:O	1:A6:696:GLY:N	2.51	0.44
1:A8:370:PHE:HB2	1:A9:538:PHE:CE1	2.53	0.44
1:Ar:461:ASN:OD1	1:As:485:LEU:HD22	2.17	0.44
1:As:237:ASN:HA	1:Ax:517:ASN:ND2	2.32	0.44
1:As:395:ALA:HB1	1:Ax:538:PHE:HZ	1.83	0.44
1:As:466:ARG:HH21	1:BG:697:GLN:HB3	1.83	0.44
1:As:684:PRO:O	1:As:707:ARG:NH2	2.38	0.44
1:At:267:VAL:HG22	1:At:378:VAL:HG11	1.99	0.44
1:At:627:ILE:O	1:At:629:GLN:N	2.50	0.44
1:Au:159:TYR:CE2	1:BH:211:PHE:CZ	3.05	0.44
1:Au:575:ALA:HA	1:Ax:583:ALA:CB	2.48	0.44
1:Au:695:ASN:OD1	1:Au:695:ASN:N	2.51	0.44
1:Av:497:TRP:NE1	1:Av:499:GLU:O	2.49	0.44
1:Av:736:PRO:HG2	1:Aw:734:LYS:HA	1.98	0.44
1:Ax:666:ARG:NH1	1:Ax:668:ILE:HD11	2.32	0.44
1:BB:348:GLY:O	1:BB:350:GLN:NE2	2.51	0.44
1:BB:349:PHE:HB3	1:BD:165:ARG:HA	2.00	0.44
1:BB:359:LYS:C	1:BB:360:MET:HG3	2.42	0.44
1:BE:491:ILE:O	1:BE:702:THR:N	2.48	0.44
1:BE:561:ILE:N	1:BE:719:LEU:O	2.44	0.44
1:BF:310:THR:HB	1:BF:464:ASN:HD22	1.83	0.44
1:BF:365:ASP:CG	1:BF:401:GLU:HG2	2.43	0.44
1:BH:323:LEU:HB3	1:BH:453:GLY:H	1.83	0.44
1:BH:435:ARG:HA	1:BH:440:PHE:CD2	2.53	0.44
1:A0:483:ILE:HD11	1:A0:681:LEU:CB	2.47	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A0:632:GLN:HB2	1:A9:637:PHE:CZ	2.51	0.44
1:A1:291:ASP:CG	1:Ar:216:ARG:NH1	2.76	0.44
1:A3:373:GLU:HB2	1:A3:390:ILE:HG23	2.00	0.44
1:A5:395:ALA:HB1	1:A6:538:PHE:HZ	1.83	0.44
1:A7:323:LEU:O	1:A7:451:LEU:HD12	2.16	0.44
1:A7:351:LYS:HG2	1:A9:165:ARG:CD	2.48	0.44
1:A7:493:ARG:O	1:A7:699:SER:HB2	2.17	0.44
1:A8:249:PRO:HA	1:A8:295:ILE:CG2	2.48	0.44
1:Ar:288:LYS:C	1:Ar:414:ARG:HG3	2.42	0.44
1:As:465:ARG:NH2	1:Ax:703:MET:HB2	2.32	0.44
1:At:273:GLU:HA	1:At:277:VAL:O	2.17	0.44
1:Au:624:ASP:HB3	1:Au:656:LEU:O	2.17	0.44
1:Av:301:ILE:CD1	1:Av:460:ARG:HH22	2.31	0.44
1:Aw:285:ALA:O	1:Aw:454:TYR:HE1	1.99	0.44
1:Aw:323:LEU:HB3	1:Aw:453:GLY:H	1.83	0.44
1:Aw:651:ASN:ND2	1:Aw:653:ASN:HB2	2.32	0.44
1:Az:216:ARG:HB3	1:BD:294:GLY:HA2	2.00	0.44
1:Az:352:SER:O	1:Az:353:LEU:HD23	2.18	0.44
1:BA:160:ASP:C	1:BE:295:ILE:N	2.76	0.44
1:BA:170:TYR:HE1	1:BF:203:VAL:HG23	1.83	0.44
1:BB:162:LYS:HD2	1:BF:312:ALA:HB2	1.99	0.44
1:BD:497:TRP:NE1	1:BD:499:GLU:O	2.45	0.44
1:BD:587:ASN:HA	1:BE:578:ARG:NH2	2.33	0.44
1:BE:557:TRP:CZ3	1:BE:596:MET:HG2	2.53	0.44
1:BG:694:ARG:HA	1:BG:694:ARG:HD3	1.78	0.44
3:G:98:LEU:O	3:G:102:GLN:HG2	2.18	0.44
1:A0:209:LEU:N	1:A0:473:ASP:O	2.37	0.44
1:A0:403:TYR:OH	1:BC:405:SER:HB3	2.17	0.44
1:A0:698:VAL:CG1	1:A0:699:SER:N	2.81	0.44
1:A1:409:GLU:OE1	1:Ar:227:ARG:NH2	2.51	0.44
1:A1:485:LEU:HD22	1:Az:461:ASN:OD1	2.18	0.44
1:A1:617:PRO:HG2	1:A1:644:PHE:CD1	2.52	0.44
1:A1:697:GLN:O	1:BD:466:ARG:CZ	2.66	0.44
1:A4:587:ASN:HB3	1:Ay:729:TYR:O	2.17	0.44
1:A5:213:HIS:HE1	1:BC:306:TYR:CE2	2.36	0.44
1:A6:266:ILE:HG22	1:A6:267:VAL:HG23	2.00	0.44
1:A7:297:GLU:HG3	1:BG:217:ASN:O	2.17	0.44
1:A8:211:PHE:HE2	1:BH:309:ASN:ND2	2.14	0.44
1:A8:214:LEU:O	1:BH:308:ASP:HA	2.17	0.44
1:A8:215:ARG:HG3	1:BH:306:TYR:HD2	1.82	0.44
1:A9:694:ARG:HD3	1:A9:694:ARG:HA	1.83	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ar:493:ARG:HD2	1:Ar:497:TRP:CD2	2.53	0.44
1:At:163:GLU:OE1	1:At:164:LEU:N	2.51	0.44
1:Av:184:MET:HE1	1:Av:656:LEU:HD11	2.00	0.44
1:Av:351:LYS:NZ	1:Av:356:ASP:O	2.51	0.44
1:Ax:314:ASP:HB2	1:Ax:459:ARG:O	2.17	0.44
1:Ay:279:TYR:CZ	1:Ay:298:ASP:HB2	2.52	0.44
1:BC:251:TYR:N	1:BC:280:LYS:O	2.41	0.44
1:BC:357:PHE:CE2	1:BC:358:ARG:HG2	2.53	0.44
1:BC:689:VAL:HG22	1:BC:702:THR:HG23	1.99	0.44
1:BE:494:PRO:O	1:BE:700:LYS:HE2	2.18	0.44
1:BE:594:TYR:CZ	1:BF:629:GLN:HB3	2.52	0.44
1:BF:485:LEU:HB3	1:BF:705:GLN:NE2	2.33	0.44
1:BH:301:ILE:HD11	1:BH:460:ARG:HH22	1.83	0.44
1:A1:164:LEU:HD11	1:BF:497:TRP:CH2	2.53	0.43
1:A1:180:ARG:HG3	1:A1:515:PHE:HD2	1.82	0.43
1:A1:285:ALA:O	1:A1:454:TYR:HE1	2.00	0.43
1:A2:184:MET:HE1	1:A2:656:LEU:HD11	2.00	0.43
1:A3:235:MET:HG2	1:A4:652:PRO:O	2.18	0.43
1:A3:288:LYS:O	1:A3:414:ARG:HG3	2.18	0.43
1:A3:350:GLN:OE1	1:A4:480:ARG:NH1	2.51	0.43
1:A4:427:ASP:OD1	1:A4:428:GLN:N	2.41	0.43
1:A8:346:THR:HG22	1:Ar:354:GLU:HB2	1.99	0.43
1:A8:464:ASN:O	1:Ax:698:VAL:HB	2.18	0.43
1:A9:426:VAL:HG22	1:A9:432:GLU:HA	2.00	0.43
1:A9:559:GLU:CD	1:A9:595:ARG:HH12	2.25	0.43
1:As:307:SER:HB3	1:BH:216:ARG:HG3	2.00	0.43
1:As:583:ALA:CB	1:Ax:575:ALA:HA	2.48	0.43
1:Ax:328:SER:HA	1:Ax:446:ASP:O	2.18	0.43
1:Ax:494:PRO:O	1:Ax:700:LYS:HE2	2.18	0.43
1:Ax:584:ALA:O	1:Ax:588:VAL:HG23	2.18	0.43
1:Ay:290:ILE:HG21	1:Ay:295:ILE:HD11	2.00	0.43
1:Ay:587:ASN:HA	1:Az:578:ARG:NH2	2.31	0.43
1:Az:686:LEU:HB2	1:Az:705:GLN:HB3	2.00	0.43
1:BA:174:PHE:HB2	1:BF:552:TYR:HB3	2.00	0.43
1:BA:618:ARG:HB3	1:BA:665:SER:O	2.17	0.43
1:BB:694:ARG:O	1:BB:696:GLY:N	2.51	0.43
1:BC:357:PHE:O	1:BE:165:ARG:NH2	2.51	0.43
1:BC:577:ARG:NH1	1:BC:731:GLU:O	2.51	0.43
1:BC:657:ARG:HD3	1:BC:657:ARG:HA	1.81	0.43
1:BD:321:LYS:HD2	1:BD:455:GLU:OE1	2.18	0.43
1:BD:407:ASN:OD1	1:BD:408:VAL:N	2.51	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BD:517:ASN:N	1:BD:517:ASN:OD1	2.51	0.43
1:BD:617:PRO:HG2	1:BD:644:PHE:CD1	2.53	0.43
1:BE:289:LEU:HA	1:BE:413:LEU:O	2.18	0.43
1:BG:617:PRO:HG2	1:BG:644:PHE:CD1	2.53	0.43
1:BH:505:ASP:O	1:BH:509:GLN:HG2	2.18	0.43
1:BH:618:ARG:HB3	1:BH:665:SER:O	2.18	0.43
1:A0:295:ILE:HG12	1:BD:220:GLY:CA	2.47	0.43
1:A0:323:LEU:O	1:A0:451:LEU:HD12	2.18	0.43
1:A0:618:ARG:HB3	1:A0:665:SER:O	2.18	0.43
1:A1:624:ASP:HB3	1:A1:656:LEU:O	2.18	0.43
1:A2:396:ALA:HB1	1:A2:422:LEU:HD11	2.01	0.43
1:A2:657:ARG:HD3	1:A2:657:ARG:HA	1.80	0.43
1:A2:687:VAL:HG22	1:A2:704:VAL:HG22	1.99	0.43
1:A5:657:ARG:HA	1:A5:657:ARG:HD3	1.75	0.43
1:A7:570:GLN:O	1:A8:573:THR:HA	2.18	0.43
1:A7:623:THR:OG1	1:A7:624:ASP:N	2.45	0.43
1:A9:592:MET:SD	1:A9:662:VAL:HB	2.58	0.43
1:As:319:LEU:HD12	1:As:455:GLU:O	2.18	0.43
1:As:686:LEU:O	1:As:704:VAL:HA	2.18	0.43
1:At:291:ASP:OD1	1:At:411:ALA:HB3	2.18	0.43
1:Ay:209:LEU:HD13	1:Ay:227:ARG:HD3	2.00	0.43
1:BA:160:ASP:HB3	1:BE:292:MET:C	2.44	0.43
1:BA:493:ARG:H	1:BA:699:SER:HB2	1.83	0.43
1:BA:657:ARG:HA	1:BA:657:ARG:HD3	1.71	0.43
1:BB:235:MET:HE1	1:BB:601:GLY:HA2	2.00	0.43
1:BB:686:LEU:N	1:BB:705:GLN:O	2.43	0.43
1:BD:293:ILE:HD13	1:BD:311:ASP:HB3	1.99	0.43
1:BF:651:ASN:HD22	1:BF:653:ASN:HB2	1.82	0.43
1:A0:401:GLU:HB3	1:A0:403:TYR:CE2	2.53	0.43
1:A0:651:ASN:ND2	1:A0:653:ASN:HB2	2.34	0.43
1:A1:350:GLN:O	1:A3:165:ARG:HD2	2.19	0.43
1:A2:158:SER:OG	1:Az:310:THR:HB	2.17	0.43
1:A5:495:LEU:HD11	1:Az:465:ARG:CD	2.43	0.43
1:A7:211:PHE:HE1	1:A7:473:ASP:HB2	1.82	0.43
1:A8:213:HIS:HE1	1:BH:306:TYR:HE2	1.66	0.43
1:Ar:251:TYR:HD1	1:Ar:261:PHE:CD2	2.36	0.43
1:Au:651:ASN:HD22	1:Au:653:ASN:HB2	1.82	0.43
1:Av:194:LEU:HD21	1:Av:201:TYR:HE1	1.82	0.43
1:Aw:323:LEU:O	1:Aw:451:LEU:HD12	2.18	0.43
1:Aw:328:SER:HA	1:Aw:446:ASP:O	2.18	0.43
1:Az:584:ALA:O	1:Az:588:VAL:HG23	2.18	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BA:694:ARG:HB2	1:BA:697:GLN:HG3	2.00	0.43
1:BB:194:LEU:HD21	1:BB:201:TYR:HE1	1.82	0.43
1:BB:328:SER:HA	1:BB:446:ASP:O	2.18	0.43
1:BC:309:ASN:HA	1:BE:159:TYR:HB2	2.00	0.43
1:BC:544:ILE:O	1:BC:551:ARG:HD2	2.18	0.43
1:BD:472:LEU:HD12	1:BE:507:LEU:HD23	2.01	0.43
1:BE:373:GLU:HB2	1:BE:390:ILE:HG23	1.99	0.43
1:BH:666:ARG:NE	1:BH:675:LEU:HD12	2.31	0.43
3:G:187:ASP:OD1	3:G:188:LEU:N	2.51	0.43
1:A0:497:TRP:HE1	1:A0:499:GLU:HB2	1.83	0.43
1:A1:206:ARG:O	1:A2:174:PHE:HB3	2.18	0.43
1:A2:206:ARG:O	1:A3:174:PHE:HB3	2.18	0.43
1:A2:559:GLU:CD	1:A2:595:ARG:HH12	2.26	0.43
1:A4:326:ILE:HG21	1:A4:386:LEU:HD21	1.99	0.43
1:A4:328:SER:HA	1:A4:446:ASP:O	2.18	0.43
1:A4:489:PHE:O	1:A4:703:MET:HA	2.18	0.43
1:A5:159:TYR:CD1	1:A9:309:ASN:HA	2.53	0.43
1:A8:424:ARG:NH1	1:A9:543:ASP:OD2	2.51	0.43
1:A8:651:ASN:ND2	1:A8:653:ASN:HB2	2.34	0.43
1:A9:323:LEU:HB3	1:A9:453:GLY:H	1.83	0.43
1:Ar:483:ILE:HD11	1:Ar:681:LEU:CB	2.48	0.43
1:As:244:VAL:HG22	1:Ax:487:ALA:CB	2.47	0.43
1:As:558:PHE:HD1	1:As:717:LEU:HB3	1.83	0.43
1:As:694:ARG:HB2	1:As:697:GLN:CG	2.48	0.43
1:Av:158:SER:O	1:Ax:311:ASP:O	2.37	0.43
1:Av:184:MET:HE3	1:Av:519:MET:HE1	2.01	0.43
1:Aw:247:LEU:HD21	1:Aw:460:ARG:HB2	2.00	0.43
1:Az:419:ASN:OD1	1:Az:450:LYS:HA	2.17	0.43
1:BA:201:TYR:O	1:BA:481:TYR:N	2.28	0.43
1:BB:313:LEU:CG	1:BD:162:LYS:HD3	2.48	0.43
1:BB:483:ILE:HD11	1:BB:681:LEU:CB	2.48	0.43
1:BC:397:GLN:OE1	1:BC:424:ARG:HD2	2.18	0.43
1:BC:618:ARG:HB3	1:BC:665:SER:O	2.18	0.43
1:BD:249:PRO:HA	1:BD:295:ILE:HG22	2.00	0.43
1:BD:464:ASN:C	1:BD:465:ARG:HG3	2.43	0.43
1:BE:237:ASN:HA	1:BF:517:ASN:ND2	2.33	0.43
1:BE:327:LYS:HG2	1:BE:334:THR:HG23	2.00	0.43
1:BF:180:ARG:HG3	1:BF:515:PHE:HD2	1.83	0.43
1:BF:604:PRO:O	1:BF:608:LEU:HG	2.19	0.43
1:BF:691:GLN:HG3	1:BF:698:VAL:CG1	2.49	0.43
1:BG:323:LEU:O	1:BG:451:LEU:HD12	2.19	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BH:535:THR:O	1:BH:539:ARG:HB2	2.18	0.43
1:A0:163:GLU:HG2	1:A0:166:ASP:HB3	2.00	0.43
1:A0:350:GLN:O	1:A0:361:THR:N	2.36	0.43
1:A0:687:VAL:HA	1:A0:703:MET:O	2.18	0.43
1:A3:336:TYR:O	1:A3:378:VAL:HG23	2.19	0.43
1:A4:350:GLN:OE1	1:Ay:480:ARG:HD2	2.18	0.43
1:A5:200:GLY:O	1:A6:168:MET:HB3	2.18	0.43
1:A5:216:ARG:HD2	1:BC:294:GLY:HA2	2.01	0.43
1:A5:244:VAL:HG22	1:A6:487:ALA:HB2	2.00	0.43
1:A6:206:ARG:HE	1:A6:474:PHE:HB3	1.83	0.43
1:A7:314:ASP:HB2	1:A7:459:ARG:O	2.18	0.43
1:A8:373:GLU:OE1	1:A8:393:LYS:HG2	2.19	0.43
1:A8:396:ALA:HB1	1:A8:422:LEU:HD11	2.00	0.43
1:As:462:ASN:ND2	1:As:467:GLU:O	2.52	0.43
1:Au:373:GLU:HB2	1:Au:390:ILE:HG23	2.00	0.43
1:Av:336:TYR:O	1:Av:378:VAL:HG23	2.18	0.43
1:Aw:249:PRO:HA	1:Aw:295:ILE:CG2	2.48	0.43
1:Aw:505:ASP:O	1:Aw:509:GLN:HG2	2.18	0.43
1:Az:211:PHE:CE1	1:Az:473:ASP:HB2	2.54	0.43
1:BA:165:ARG:HH11	1:BE:415:VAL:HG13	1.84	0.43
1:BA:323:LEU:O	1:BA:451:LEU:HD12	2.18	0.43
1:BA:371:VAL:HG11	1:BA:386:LEU:HD13	2.00	0.43
1:BC:235:MET:HE1	1:BC:601:GLY:CA	2.48	0.43
1:BC:695:ASN:OD1	1:BC:695:ASN:N	2.51	0.43
1:BD:160:ASP:O	1:BD:161:GLN:HG2	2.18	0.43
1:BD:205:PHE:O	1:BD:477:LYS:N	2.38	0.43
1:BH:285:ALA:O	1:BH:454:TYR:HE1	2.02	0.43
1:A1:202:ASP:O	1:A2:170:TYR:N	2.52	0.43
1:A1:360:MET:O	1:A1:406:SER:N	2.46	0.43
1:A2:651:ASN:ND2	1:A2:653:ASN:HB2	2.34	0.43
1:A4:307:SER:HB3	1:Az:158:SER:OG	2.18	0.43
1:A5:158:SER:C	1:A9:311:ASP:O	2.62	0.43
1:A7:470:LYS:HB2	1:A8:489:PHE:CD2	2.54	0.43
1:A8:217:ASN:O	1:BH:297:GLU:HG3	2.19	0.43
1:A8:493:ARG:O	1:A8:699:SER:HB2	2.19	0.43
1:Ar:245:THR:HG22	1:Ar:462:ASN:HB2	2.01	0.43
1:As:244:VAL:H	1:Ax:487:ALA:HB2	1.84	0.43
1:As:270:ARG:HG2	1:As:281:THR:O	2.18	0.43
1:As:356:ASP:OD1	1:As:357:PHE:N	2.51	0.43
1:Au:202:ASP:HA	1:Au:480:ARG:HA	2.00	0.43
1:Au:351:LYS:HE2	1:Aw:165:ARG:HH11	1.83	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Av:686:LEU:O	1:Av:705:GLN:N	2.38	0.43
1:Aw:210:VAL:N	1:Aw:228:ARG:O	2.51	0.43
1:Aw:666:ARG:NE	1:Aw:675:LEU:HD12	2.31	0.43
1:Az:215:ARG:HA	1:BD:307:SER:O	2.16	0.43
1:Az:474:PHE:CE1	1:BF:159:TYR:CZ	3.07	0.43
1:BA:162:LYS:HG3	1:BE:292:MET:O	2.17	0.43
1:BB:347:ASN:HA	1:BB:364:PHE:CD1	2.53	0.43
1:BC:358:ARG:CB	1:BC:408:VAL:HB	2.40	0.43
1:BE:199:ILE:HG13	1:BF:166:ASP:O	2.18	0.43
1:BG:206:ARG:HA	1:BG:476:MET:HA	2.00	0.43
1:BH:728:VAL:HG13	1:BH:733:ILE:HD11	2.00	0.43
3:G:132:TRP:HA	3:G:140:PHE:CE2	2.52	0.43
1:A0:535:THR:O	1:A0:539:ARG:HB2	2.19	0.43
1:A1:503:ASP:CG	1:BF:159:TYR:HB3	2.43	0.43
1:A1:697:GLN:CA	1:BD:464:ASN:HB2	2.49	0.43
1:A2:476:MET:HE2	1:Aw:357:PHE:HB3	1.99	0.43
1:A2:496:ASP:OD1	1:A9:463:SER:HB2	2.18	0.43
1:A3:587:ASN:OD1	1:A4:578:ARG:NE	2.50	0.43
1:A3:623:THR:OG1	1:A3:624:ASP:N	2.46	0.43
1:A4:490:SER:HA	1:A4:702:THR:O	2.19	0.43
1:A7:302:LEU:HA	1:A7:305:GLY:O	2.18	0.43
1:A8:328:SER:HA	1:A8:446:ASP:O	2.19	0.43
1:A8:466:ARG:NH1	1:Ax:695:ASN:N	2.67	0.43
1:Ar:180:ARG:HG3	1:Ar:515:PHE:HD2	1.84	0.43
1:Ar:461:ASN:HD21	1:Ax:162:LYS:HZ3	1.66	0.43
1:Ar:617:PRO:HG2	1:Ar:644:PHE:CD1	2.54	0.43
1:At:219:ASP:OD1	1:At:220:GLY:N	2.52	0.43
1:At:228:ARG:HH12	2:B:83:VAL:HG13	1.84	0.43
1:At:296:ALA:C	1:BA:220:GLY:HA3	2.43	0.43
1:Au:538:PHE:HZ	1:Ax:395:ALA:HB3	1.82	0.43
1:Av:397:GLN:OE1	1:Av:424:ARG:HD2	2.18	0.43
1:Aw:597:TYR:CE1	1:Aw:617:PRO:HG3	2.54	0.43
1:Ay:163:GLU:O	1:Ay:164:LEU:HD23	2.19	0.43
1:Ay:291:ASP:HA	1:Ay:411:ALA:O	2.18	0.43
1:Ay:660:ILE:HB	1:Ay:720:ILE:HB	2.00	0.43
1:BA:213:HIS:HA	1:BA:471:HIS:HD2	1.83	0.43
1:BA:483:ILE:HD11	1:BA:681:LEU:CB	2.49	0.43
1:BA:580:GLU:HG2	1:BB:575:ALA:H	1.84	0.43
1:BA:617:PRO:HG2	1:BA:644:PHE:CD1	2.54	0.43
1:BB:666:ARG:NH1	1:BB:668:ILE:HD11	2.34	0.43
1:BC:201:TYR:C	1:BD:170:TYR:HD1	2.27	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BD:351:LYS:HG2	1:BF:165:ARG:CD	2.49	0.43
1:BE:578:ARG:NE	1:BE:729:TYR:HH	2.14	0.43
1:BF:486:LEU:O	1:BF:705:GLN:HG3	2.18	0.43
1:BH:407:ASN:OD1	1:BH:408:VAL:N	2.52	0.43
1:A1:310:THR:OG1	1:As:697:GLN:NE2	2.52	0.43
1:A1:409:GLU:HA	1:A3:160:ASP:HB2	2.01	0.43
1:A1:487:ALA:HB2	1:Az:244:VAL:HG22	2.00	0.43
1:A1:539:ARG:O	1:A1:555:ARG:NH1	2.52	0.43
1:A4:250:ILE:H	1:A4:295:ILE:HG22	1.84	0.43
1:A8:211:PHE:HE1	1:A8:473:ASP:HB2	1.84	0.43
1:A8:235:MET:HG2	1:A9:652:PRO:O	2.19	0.43
1:A9:319:LEU:HD12	1:A9:455:GLU:O	2.19	0.43
1:At:301:ILE:HG22	1:At:306:TYR:HA	2.00	0.43
1:Au:493:ARG:N	1:Au:700:LYS:O	2.36	0.43
1:Aw:326:ILE:HA	1:Aw:448:SER:O	2.18	0.43
1:Ax:597:TYR:CE1	1:Ax:617:PRO:HG3	2.53	0.43
1:Ay:306:TYR:CE2	1:BE:213:HIS:CE1	3.04	0.43
1:Ay:307:SER:HA	1:BF:697:GLN:NE2	2.33	0.43
1:Az:302:LEU:HA	1:Az:305:GLY:O	2.19	0.43
1:BA:161:GLN:HA	1:BE:291:ASP:C	2.44	0.43
1:BC:349:PHE:CZ	1:BC:413:LEU:HD21	2.53	0.43
1:BC:621:VAL:N	1:BC:647:VAL:O	2.44	0.43
1:BD:480:ARG:HD3	1:BE:167:MET:SD	2.59	0.43
1:BD:695:ASN:OD1	1:BD:695:ASN:N	2.50	0.43
1:BE:195:ALA:HB3	1:BE:198:GLN:HG3	2.00	0.43
1:BE:313:LEU:HD11	1:BE:411:ALA:HB2	2.01	0.43
1:BE:565:LEU:HD12	1:BE:725:LEU:HA	2.00	0.43
1:BE:661:PHE:CE1	1:BE:719:LEU:HD13	2.53	0.43
1:BG:212:ASN:OD1	1:BG:470:LYS:HE2	2.19	0.43
1:BG:543:ASP:CG	1:BH:424:ARG:HH12	2.26	0.43
1:BH:209:LEU:N	1:BH:473:ASP:O	2.38	0.43
1:A0:225:TRP:HZ3	1:A2:159:TYR:OH	2.02	0.43
1:A1:252:ARG:HD3	1:A1:252:ARG:HA	1.72	0.43
1:A3:567:LYS:O	1:A4:732:ASN:N	2.51	0.43
1:A4:666:ARG:NH1	1:A4:668:ILE:HD11	2.33	0.43
1:A4:694:ARG:HA	1:A4:694:ARG:HD3	1.81	0.43
1:A5:476:MET:O	1:BC:357:PHE:HD1	2.01	0.43
1:A7:638:ARG:O	1:A8:632:GLN:HG3	2.18	0.43
1:A8:407:ASN:OD1	1:A8:408:VAL:N	2.52	0.43
1:A9:493:ARG:HD2	1:A9:497:TRP:CD2	2.54	0.43
1:Ar:202:ASP:HB2	1:Ar:480:ARG:HE	1.83	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ar:494:PRO:O	1:Ar:700:LYS:HE2	2.19	0.43
1:At:249:PRO:O	1:At:281:THR:HB	2.19	0.43
1:Au:489:PHE:CD2	1:Ax:470:LYS:HB2	2.53	0.43
1:Av:164:LEU:CD1	1:Ax:408:VAL:HG13	2.49	0.43
1:Ay:482:ALA:O	1:Ay:709:ARG:HD2	2.18	0.43
1:Ay:695:ASN:OD1	1:Ay:695:ASN:N	2.52	0.43
1:Az:618:ARG:HB3	1:Az:665:SER:O	2.18	0.43
2:B:82:GLU:OE1	2:B:82:GLU:N	2.52	0.43
1:BA:584:ALA:HB2	1:BB:574:THR:HG21	2.00	0.43
1:BB:326:ILE:HA	1:BB:448:SER:O	2.19	0.43
1:BB:350:GLN:N	1:BB:361:THR:O	2.49	0.43
1:BC:435:ARG:HA	1:BC:440:PHE:CD2	2.53	0.43
1:BD:493:ARG:HD2	1:BD:497:TRP:CG	2.54	0.43
1:BD:618:ARG:HB3	1:BD:665:SER:O	2.18	0.43
1:BE:219:ASP:OD1	1:BE:219:ASP:N	2.50	0.43
1:BE:235:MET:HE1	1:BE:601:GLY:HA2	2.01	0.43
1:BF:365:ASP:OD1	1:BF:401:GLU:HG2	2.18	0.43
1:A0:159:TYR:HB2	1:Ax:491:ILE:CG2	2.48	0.43
1:A0:209:LEU:HD13	1:A0:227:ARG:HB3	2.00	0.43
1:A0:730:THR:HG22	1:A9:588:VAL:HA	2.00	0.43
1:A2:179:SER:O	1:A2:512:ASN:HB3	2.18	0.43
1:A4:288:LYS:O	1:A4:414:ARG:HG3	2.19	0.43
1:A4:468:ARG:HB2	1:Ay:490:SER:OG	2.18	0.43
1:A5:158:SER:N	1:A9:311:ASP:H	2.17	0.43
1:A8:204:SER:O	1:A9:172:VAL:N	2.46	0.43
1:A8:490:SER:HA	1:A8:702:THR:O	2.19	0.43
1:A9:689:VAL:HG22	1:A9:702:THR:HG23	2.01	0.43
1:Ar:428:GLN:HA	1:As:537:ARG:NH2	2.34	0.43
1:Av:493:ARG:O	1:Av:699:SER:HB2	2.19	0.43
1:Av:737:VAL:HA	1:Aw:735:LEU:O	2.19	0.43
1:Aw:293:ILE:CG1	1:Aw:313:LEU:HD21	2.49	0.43
1:BA:165:ARG:NH1	1:BE:404:GLY:HA3	2.34	0.43
1:BA:570:GLN:N	1:BB:574:THR:OG1	2.32	0.43
1:BA:701:GLU:OE2	1:BF:468:ARG:NH1	2.50	0.43
1:BA:734:LYS:HB3	1:BF:738:GLN:N	2.33	0.43
1:BC:736:PRO:HG3	1:BD:732:ASN:HB3	2.01	0.43
1:BE:345:ILE:HG13	1:BE:346:THR:N	2.34	0.43
1:BE:471:HIS:HA	1:BF:490:SER:O	2.19	0.43
1:BH:202:ASP:HA	1:BH:480:ARG:HA	2.00	0.43
3:G:204:LEU:O	3:G:208:MET:HG3	2.19	0.43
1:A0:211:PHE:CE1	1:A0:473:ASP:HB2	2.54	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A0:473:ASP:OD1	1:A0:474:PHE:N	2.49	0.42
1:A0:666:ARG:NH1	1:A0:668:ILE:HD11	2.34	0.42
1:A1:654:VAL:HG22	1:Az:235:MET:O	2.19	0.42
1:A1:695:ASN:ND2	1:BD:306:TYR:C	2.77	0.42
1:A3:473:ASP:OD1	1:A3:474:PHE:N	2.49	0.42
1:A3:583:ALA:CB	1:A4:575:ALA:HA	2.49	0.42
1:A5:225:TRP:CE3	1:BE:159:TYR:CZ	3.07	0.42
1:A6:584:ALA:O	1:A6:588:VAL:HG23	2.18	0.42
1:A8:310:THR:HG1	1:Ax:697:GLN:HE21	1.55	0.42
1:A8:321:LYS:HD2	1:A8:455:GLU:OE1	2.18	0.42
1:Ar:686:LEU:O	1:Ar:704:VAL:HA	2.19	0.42
1:At:306:TYR:CE1	1:BA:215:ARG:HD3	2.53	0.42
1:Au:323:LEU:HB3	1:Au:453:GLY:H	1.84	0.42
1:Av:211:PHE:CE1	1:Av:473:ASP:HB2	2.54	0.42
1:Av:297:GLU:OE2	1:Av:307:SER:OG	2.29	0.42
1:Av:517:ASN:OD1	1:Av:517:ASN:N	2.52	0.42
1:Aw:346:THR:O	1:Aw:364:PHE:HA	2.19	0.42
1:Ax:559:GLU:CD	1:Ax:595:ARG:HH12	2.23	0.42
1:Az:517:ASN:OD1	1:Az:517:ASN:N	2.53	0.42
1:BA:160:ASP:CG	1:BE:292:MET:O	2.61	0.42
1:BB:529:ALA:O	1:BB:533:VAL:HG23	2.18	0.42
1:BB:661:PHE:CE1	1:BB:719:LEU:HD13	2.53	0.42
1:BC:471:HIS:HD1	1:BD:490:SER:C	2.20	0.42
1:BC:660:ILE:HB	1:BC:720:ILE:HB	2.01	0.42
1:BE:588:VAL:HG22	1:BF:730:THR:HG22	2.01	0.42
1:BG:314:ASP:OD1	1:BG:315:ALA:N	2.46	0.42
1:BH:349:PHE:CZ	1:BH:413:LEU:HD21	2.54	0.42
1:A0:159:TYR:CD1	1:A0:160:ASP:N	2.86	0.42
1:A0:306:TYR:HD2	1:BD:215:ARG:HG3	1.83	0.42
1:A0:328:SER:HA	1:A0:446:ASP:O	2.19	0.42
1:A0:364:PHE:HB3	1:A0:402:VAL:HB	2.01	0.42
1:A0:465:ARG:HH21	1:A5:703:MET:HB2	1.83	0.42
1:A1:699:SER:HB3	1:BD:464:ASN:ND2	2.34	0.42
1:A3:344:LEU:HD22	1:A4:545:GLN:HB2	2.01	0.42
1:A4:190:ASN:HD21	1:A4:676:THR:HG21	1.84	0.42
1:A4:210:VAL:N	1:A4:228:ARG:O	2.51	0.42
1:A5:570:GLN:N	1:A6:574:THR:OG1	2.45	0.42
1:A6:366:THR:OG1	1:A7:545:GLN:OE1	2.21	0.42
1:A6:471:HIS:HA	1:A7:490:SER:O	2.19	0.42
1:A6:694:ARG:HB2	1:A6:697:GLN:NE2	2.32	0.42
1:A8:216:ARG:NH2	1:BH:293:ILE:HD12	2.33	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ar:184:MET:HE3	1:Ar:519:MET:HE1	2.00	0.42
1:Ar:323:LEU:HB3	1:Ar:453:GLY:H	1.84	0.42
1:Ar:517:ASN:OD1	1:Ar:517:ASN:N	2.52	0.42
1:At:296:ALA:H	1:BA:220:GLY:HA3	1.84	0.42
1:At:676:THR:O	1:At:713:ASN:HB2	2.18	0.42
1:Aw:249:PRO:HA	1:Aw:295:ILE:HG21	2.02	0.42
1:Ay:327:LYS:HG2	1:Ay:334:THR:HG23	2.02	0.42
1:Ay:517:ASN:OD1	1:Ay:517:ASN:N	2.52	0.42
1:BB:163:GLU:O	1:BB:164:LEU:HD23	2.18	0.42
1:BB:408:VAL:HG13	1:BD:163:GLU:OE2	2.19	0.42
1:BC:497:TRP:NE1	1:BC:499:GLU:O	2.50	0.42
1:BD:490:SER:HA	1:BD:702:THR:O	2.19	0.42
1:BD:694:ARG:HB2	1:BD:697:GLN:CG	2.47	0.42
1:A0:357:PHE:CD1	1:BD:476:MET:N	2.88	0.42
1:A0:695:ASN:OD1	1:A0:695:ASN:N	2.49	0.42
1:A1:203:VAL:O	1:A1:479:GLU:N	2.35	0.42
1:A2:617:PRO:HG2	1:A2:644:PHE:CD1	2.54	0.42
1:A3:184:MET:HE3	1:A3:519:MET:HE1	2.01	0.42
1:A8:590:ARG:HD2	1:A9:578:ARG:CZ	2.50	0.42
1:Ar:558:PHE:HD1	1:Ar:717:LEU:HB3	1.84	0.42
1:Ar:624:ASP:HB3	1:Ar:656:LEU:O	2.19	0.42
1:As:159:TYR:HB3	1:Aw:309:ASN:HB2	2.01	0.42
1:As:657:ARG:HD3	1:As:657:ARG:HA	1.77	0.42
1:BA:358:ARG:NE	1:BC:164:LEU:HD12	2.35	0.42
1:BA:517:ASN:ND2	1:BF:237:ASN:HA	2.34	0.42
1:BA:537:ARG:NH1	1:BF:430:ASN:OD1	2.51	0.42
1:BC:241:SER:O	1:BC:470:LYS:HE3	2.20	0.42
1:BC:535:THR:HG21	1:BC:556:PRO:HB2	2.00	0.42
1:BC:653:ASN:HB3	1:BC:656:LEU:HB2	2.00	0.42
1:BF:624:ASP:OD2	1:BF:626:TYR:HB3	2.17	0.42
1:BH:685:GLU:HG2	1:BH:706:PRO:HA	2.02	0.42
1:A0:206:ARG:O	1:A5:174:PHE:HB3	2.19	0.42
1:A1:565:LEU:HB2	1:A1:724:ASN:O	2.19	0.42
1:A3:672:PRO:HB3	1:A3:679:MET:SD	2.59	0.42
1:A5:517:ASN:OD1	1:A5:517:ASN:N	2.51	0.42
1:A5:686:LEU:O	1:A5:704:VAL:HA	2.20	0.42
1:A5:694:ARG:N	1:A5:697:GLN:O	2.52	0.42
1:A8:203:VAL:N	1:A8:479:GLU:O	2.22	0.42
1:A8:424:ARG:HH12	1:A9:543:ASP:CG	2.27	0.42
1:A8:623:THR:OG1	1:A8:624:ASP:N	2.46	0.42
1:Ar:587:ASN:OD1	1:As:578:ARG:NH2	2.52	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:As:563:LEU:HB3	1:As:721:ASN:O	2.19	0.42
1:At:367:HIS:HD2	1:At:423:TYR:CE2	2.38	0.42
1:At:622:ALA:HA	1:At:649:VAL:O	2.20	0.42
1:Av:159:TYR:HB3	1:Ax:409:GLU:HG3	2.01	0.42
1:Av:470:LYS:HB2	1:Aw:489:PHE:CD2	2.54	0.42
1:Az:561:ILE:N	1:Az:719:LEU:O	2.46	0.42
1:BA:158:SER:O	1:BE:297:GLU:N	2.53	0.42
1:BA:163:GLU:O	1:BE:458:ILE:HD13	2.20	0.42
1:BA:504:LEU:HD13	1:BA:687:VAL:HG11	2.02	0.42
1:BA:666:ARG:NH1	1:BA:668:ILE:HD11	2.34	0.42
1:BA:686:LEU:O	1:BA:704:VAL:HA	2.20	0.42
1:BA:694:ARG:HD3	1:BA:694:ARG:HA	1.85	0.42
1:BB:408:VAL:HG13	1:BD:163:GLU:OE1	2.19	0.42
1:BC:247:LEU:HD21	1:BC:460:ARG:HB2	2.00	0.42
1:BD:505:ASP:O	1:BD:509:GLN:HG2	2.20	0.42
1:BD:688:SER:HG	1:BD:703:MET:HB3	1.84	0.42
1:BE:242:ASN:ND2	1:BF:488:PRO:O	2.48	0.42
3:G:98:LEU:HD13	3:G:148:ARG:HG2	2.01	0.42
1:A0:487:ALA:HB2	1:A9:244:VAL:H	1.84	0.42
1:A1:314:ASP:OD2	1:A2:485:LEU:N	2.53	0.42
1:A2:184:MET:HE3	1:A2:519:MET:HE1	2.02	0.42
1:A2:225:TRP:CZ3	1:As:159:TYR:CD2	3.03	0.42
1:A2:302:LEU:HA	1:A2:305:GLY:O	2.20	0.42
1:A2:496:ASP:OD1	1:A2:496:ASP:N	2.52	0.42
1:A2:694:ARG:N	1:A2:697:GLN:O	2.53	0.42
1:A3:490:SER:HA	1:A3:702:THR:O	2.20	0.42
1:A5:561:ILE:O	1:A5:720:ILE:HA	2.19	0.42
1:A5:696:GLY:HA2	1:Az:304:ASN:HB2	2.01	0.42
1:A6:211:PHE:CE1	1:A6:473:ASP:HB2	2.54	0.42
1:A7:461:ASN:O	1:A9:162:LYS:NZ	2.53	0.42
1:A8:482:ALA:O	1:A8:709:ARG:HD2	2.18	0.42
1:Ar:485:LEU:O	1:Aw:459:ARG:NH1	2.51	0.42
1:As:494:PRO:O	1:As:700:LYS:HE2	2.19	0.42
1:At:212:ASN:HD22	2:B:79:THR:HG22	1.84	0.42
1:At:277:VAL:HB	1:At:279:TYR:CE1	2.54	0.42
1:Au:203:VAL:HA	1:Av:170:TYR:O	2.18	0.42
1:Au:471:HIS:HA	1:Av:490:SER:O	2.20	0.42
1:Au:517:ASN:N	1:Au:517:ASN:OD1	2.53	0.42
1:Av:462:ASN:ND2	1:Av:467:GLU:O	2.52	0.42
1:Av:495:LEU:HA	1:Av:700:LYS:HG3	2.01	0.42
1:Av:672:PRO:HB3	1:Av:679:MET:SD	2.60	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ax:326:ILE:HG21	1:Ax:386:LEU:HD21	2.02	0.42
1:Az:476:MET:HB3	1:BD:357:PHE:CD2	2.55	0.42
1:Az:482:ALA:O	1:Az:709:ARG:HD2	2.20	0.42
1:BA:162:LYS:HA	1:BE:293:ILE:HG13	2.01	0.42
1:BA:288:LYS:O	1:BA:414:ARG:HG3	2.19	0.42
1:BA:570:GLN:O	1:BB:573:THR:HA	2.19	0.42
1:BB:293:ILE:HG21	1:BB:293:ILE:HD13	1.78	0.42
1:BB:313:LEU:CD2	1:BD:162:LYS:HD3	2.49	0.42
1:BC:205:PHE:H	1:BD:172:VAL:C	2.27	0.42
1:BF:326:ILE:HG21	1:BF:386:LEU:HD21	2.01	0.42
1:BF:482:ALA:O	1:BF:709:ARG:HD2	2.20	0.42
1:BF:697:GLN:H	1:BF:697:GLN:HG2	1.62	0.42
1:BG:323:LEU:HB3	1:BG:453:GLY:H	1.83	0.42
1:A0:695:ASN:HB2	1:Ar:301:ILE:HG23	2.02	0.42
1:A1:574:THR:HG21	1:Az:584:ALA:HB2	2.01	0.42
1:A1:695:ASN:N	1:A1:695:ASN:OD1	2.48	0.42
1:A3:570:GLN:N	1:A4:574:THR:OG1	2.37	0.42
1:A5:479:GLU:OE1	1:A5:481:TYR:OH	2.28	0.42
1:A6:297:GLU:OE2	1:A6:307:SER:OG	2.20	0.42
1:A7:200:GLY:O	1:A8:168:MET:HB3	2.20	0.42
1:A7:472:LEU:CD1	1:A8:506:VAL:HG12	2.48	0.42
1:Ar:172:VAL:N	1:Aw:204:SER:O	2.45	0.42
1:As:505:ASP:O	1:As:509:GLN:HG2	2.20	0.42
1:As:517:ASN:OD1	1:As:517:ASN:N	2.52	0.42
1:Au:260:TYR:CD1	1:Au:290:ILE:HG12	2.54	0.42
1:Az:211:PHE:CE2	1:Az:471:HIS:HB2	2.54	0.42
1:Az:214:LEU:HD11	1:Az:223:ALA:HB1	2.02	0.42
1:BA:166:ASP:OD1	1:BE:349:PHE:HB2	2.20	0.42
1:BA:229:PRO:HG2	1:BA:232:ASP:CG	2.45	0.42
1:BA:488:PRO:HB2	1:BA:703:MET:HG3	2.00	0.42
1:BA:491:ILE:H	1:BF:471:HIS:CE1	2.37	0.42
1:BA:594:TYR:CD2	1:BB:629:GLN:HB3	2.55	0.42
1:BB:395:ALA:CB	1:BC:538:PHE:HZ	2.33	0.42
1:BB:428:GLN:HA	1:BC:537:ARG:HH21	1.85	0.42
1:BC:202:ASP:C	1:BD:170:TYR:CD1	2.97	0.42
1:BD:694:ARG:HD3	1:BD:694:ARG:HA	1.77	0.42
1:BF:597:TYR:CE1	1:BF:617:PRO:HG3	2.55	0.42
1:BG:666:ARG:NE	1:BG:675:LEU:HD12	2.31	0.42
1:BH:473:ASP:OD1	1:BH:474:PHE:N	2.47	0.42
1:BH:656:LEU:HD23	1:BH:656:LEU:HA	1.92	0.42
1:A0:697:GLN:NE2	1:Ar:311:ASP:OD1	2.53	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:486:LEU:HB2	1:A3:706:PRO:HG2	2.01	0.42
1:A3:736:PRO:HG2	1:A4:734:LYS:HA	2.01	0.42
1:A4:396:ALA:HB1	1:A4:422:LEU:HD11	2.00	0.42
1:A8:517:ASN:OD1	1:A8:517:ASN:N	2.52	0.42
1:A9:235:MET:HE1	1:A9:601:GLY:CA	2.50	0.42
1:As:570:GLN:O	1:Ax:573:THR:HA	2.19	0.42
1:At:289:LEU:HA	1:At:414:ARG:HB2	2.02	0.42
1:At:401:GLU:OE1	1:At:403:TYR:OH	2.25	0.42
1:Au:470:LYS:HB2	1:Av:489:PHE:CD2	2.54	0.42
1:Av:244:VAL:HG22	1:Aw:487:ALA:HB2	2.01	0.42
1:Av:288:LYS:O	1:Av:414:ARG:HG3	2.20	0.42
1:Aw:210:VAL:O	1:Aw:227:ARG:HA	2.19	0.42
1:Aw:490:SER:HA	1:Aw:702:THR:O	2.20	0.42
1:BA:160:ASP:C	1:BE:292:MET:N	2.77	0.42
1:BA:351:LYS:HD2	1:BA:359:LYS:O	2.20	0.42
1:BA:358:ARG:HD2	1:BC:164:LEU:HD12	2.01	0.42
1:BE:562:ASN:HA	1:BE:721:ASN:HB2	2.00	0.42
1:BF:351:LYS:HG3	1:BF:352:SER:O	2.19	0.42
1:BF:553:LEU:HD11	1:BF:674:PRO:HB2	2.02	0.42
1:BH:313:LEU:HD11	1:BH:411:ALA:HA	2.02	0.42
1:A0:217:ASN:ND2	1:A0:221:THR:OG1	2.52	0.42
1:A0:619:CYS:N	1:A0:645:ASN:O	2.34	0.42
1:A1:346:THR:O	1:A1:364:PHE:HD1	2.03	0.42
1:A1:539:ARG:O	1:A1:555:ARG:HD3	2.20	0.42
1:A1:701:GLU:HB2	1:Az:465:ARG:HH22	1.85	0.42
1:A1:735:LEU:O	1:Az:737:VAL:HA	2.20	0.42
1:A2:216:ARG:CZ	1:A2:225:TRP:HZ2	2.32	0.42
1:A2:697:GLN:HA	1:A9:466:ARG:HG3	2.02	0.42
1:A3:159:TYR:CG	1:Ar:225:TRP:CZ3	3.07	0.42
1:A4:395:ALA:HB3	1:Ay:538:PHE:HZ	1.85	0.42
1:A6:158:SER:HA	1:BE:699:SER:OG	2.19	0.42
1:A6:260:TYR:CD1	1:A6:290:ILE:HG12	2.54	0.42
1:A7:301:ILE:HD11	1:A7:460:ARG:HH22	1.84	0.42
1:A7:356:ASP:OD1	1:A7:357:PHE:N	2.53	0.42
1:A8:220:GLY:CA	1:BH:295:ILE:HG12	2.49	0.42
1:A8:530:LEU:HD22	1:A8:558:PHE:HB2	2.01	0.42
1:A9:618:ARG:HB3	1:A9:665:SER:O	2.19	0.42
1:A9:685:GLU:HG2	1:A9:706:PRO:HA	2.01	0.42
1:Ar:323:LEU:N	1:Ar:453:GLY:O	2.46	0.42
1:At:309:ASN:ND2	1:BA:211:PHE:HE2	2.18	0.42
1:Au:493:ARG:HH12	1:BG:161:GLN:CD	2.28	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Av:235:MET:HG2	1:Aw:652:PRO:O	2.19	0.42
1:BB:349:PHE:CE2	1:BB:362:LEU:HD22	2.54	0.42
1:BB:474:PHE:CZ	1:BC:506:VAL:HG21	2.55	0.42
1:BB:535:THR:O	1:BB:539:ARG:HB2	2.20	0.42
1:BD:270:ARG:HE	1:BD:281:THR:HG23	1.84	0.42
1:BD:327:LYS:HG2	1:BD:334:THR:HG23	2.02	0.42
1:BD:435:ARG:HA	1:BD:440:PHE:CD2	2.55	0.42
1:BE:244:VAL:N	1:BF:487:ALA:HB2	2.34	0.42
1:BG:159:TYR:HD1	1:BG:160:ASP:H	1.67	0.42
1:BH:483:ILE:HD11	1:BH:681:LEU:HB3	2.02	0.42
1:A0:408:VAL:HB	1:A6:164:LEU:HD13	2.01	0.42
1:A1:427:ASP:OD1	1:A1:428:GLN:N	2.43	0.42
1:A2:199:ILE:HG22	1:A2:483:ILE:H	1.83	0.42
1:A3:323:LEU:O	1:A3:451:LEU:HD12	2.19	0.42
1:A4:293:ILE:HD11	1:Az:160:ASP:OD2	2.19	0.42
1:A5:471:HIS:CG	1:BC:309:ASN:ND2	2.87	0.42
1:A5:475:ASN:HA	1:BC:357:PHE:HE1	1.84	0.42
1:A5:476:MET:N	1:BC:357:PHE:CD1	2.86	0.42
1:A6:570:GLN:O	1:A7:573:THR:HA	2.20	0.42
1:A7:470:LYS:HB2	1:A8:489:PHE:HD2	1.85	0.42
1:A9:317:ILE:HG23	1:A9:458:ILE:HG12	2.02	0.42
1:A9:346:THR:O	1:A9:364:PHE:HD1	2.02	0.42
1:As:651:ASN:HD22	1:As:653:ASN:HB2	1.85	0.42
1:At:296:ALA:CA	1:BA:220:GLY:HA3	2.50	0.42
1:Au:159:TYR:O	1:BG:494:PRO:HD3	2.20	0.42
1:Au:194:LEU:HD21	1:Au:201:TYR:HE1	1.84	0.42
1:Au:373:GLU:OE1	1:Au:393:LYS:HG2	2.20	0.42
1:Av:473:ASP:OD1	1:Av:474:PHE:N	2.50	0.42
1:Av:603:GLN:HB3	1:Av:604:PRO:HD3	2.02	0.42
1:Av:666:ARG:NH1	1:Av:668:ILE:HD11	2.34	0.42
1:Aw:194:LEU:HD21	1:Aw:201:TYR:HE1	1.84	0.42
1:Ax:651:ASN:ND2	1:Ax:653:ASN:HB2	2.34	0.42
1:Ay:184:MET:HE3	1:Ay:519:MET:HE1	2.01	0.42
1:BA:160:ASP:CA	1:BE:292:MET:C	2.93	0.42
1:BB:686:LEU:O	1:BB:704:VAL:HA	2.20	0.42
1:BC:676:THR:O	1:BC:713:ASN:HB2	2.20	0.42
1:BD:365:ASP:CG	1:BD:401:GLU:HG2	2.44	0.42
1:BH:695:ASN:OD1	1:BH:695:ASN:N	2.53	0.42
1:A0:252:ARG:HD3	1:A0:252:ARG:HA	1.72	0.42
1:A0:624:ASP:HB3	1:A0:656:LEU:O	2.19	0.42
1:A1:418:ALA:O	1:A1:451:LEU:N	2.52	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A1:618:ARG:HB3	1:A1:665:SER:O	2.19	0.42
1:A2:164:LEU:HD11	1:Az:408:VAL:HB	2.01	0.42
1:A2:424:ARG:NH2	1:A3:543:ASP:OD2	2.53	0.42
1:A3:694:ARG:HH21	1:A3:701:GLU:CD	2.28	0.42
1:A4:194:LEU:HD21	1:A4:201:TYR:HE1	1.84	0.42
1:A4:311:ASP:O	1:Az:160:ASP:HA	2.20	0.42
1:A4:603:GLN:OE1	1:Ay:625:ASN:ND2	2.53	0.42
1:A6:328:SER:HA	1:A6:446:ASP:O	2.20	0.42
1:A6:408:VAL:CG2	1:A8:164:LEU:HG	2.40	0.42
1:A7:461:ASN:HB3	1:A9:162:LYS:HZ2	1.85	0.42
1:A7:468:ARG:HB2	1:A8:490:SER:OG	2.20	0.42
1:A8:657:ARG:HD3	1:A8:657:ARG:HA	1.79	0.42
1:Ar:465:ARG:NH2	1:As:703:MET:HB2	2.34	0.42
1:As:618:ARG:HB3	1:As:665:SER:O	2.20	0.42
1:At:349:PHE:CZ	1:At:413:LEU:HD21	2.55	0.42
1:Az:557:TRP:CZ3	1:Az:596:MET:HG2	2.54	0.42
1:Az:657:ARG:HD3	1:Az:657:ARG:HA	1.73	0.42
1:BA:235:MET:HE1	1:BA:601:GLY:HA3	2.02	0.42
1:BB:355:GLY:HA3	1:BB:359:LYS:HD3	2.01	0.42
1:BE:313:LEU:HA	1:BE:313:LEU:HD23	1.84	0.42
1:BE:349:PHE:CE2	1:BE:406:SER:HB3	2.55	0.42
1:BF:562:ASN:HA	1:BF:721:ASN:HB2	2.01	0.42
1:BF:566:GLU:OE2	1:BF:727:LYS:HD3	2.20	0.42
1:BG:397:GLN:OE1	1:BG:424:ARG:HD2	2.20	0.42
1:A0:164:LEU:HD12	1:A8:357:PHE:O	2.20	0.41
1:A0:544:ILE:O	1:A0:551:ARG:HD2	2.20	0.41
1:A1:184:MET:HA	1:A1:649:VAL:HG11	2.01	0.41
1:A1:293:ILE:CG1	1:A1:313:LEU:HD21	2.50	0.41
1:A1:699:SER:HB3	1:BD:464:ASN:HD22	1.85	0.41
1:A2:216:ARG:HH21	1:As:158:SER:CA	2.31	0.41
1:A4:311:ASP:O	1:Az:160:ASP:OD1	2.37	0.41
1:A5:207:ARG:N	1:A5:475:ASN:O	2.33	0.41
1:A5:216:ARG:NH2	1:BE:158:SER:O	2.42	0.41
1:A5:222:PRO:HD2	1:BC:260:TYR:OH	2.20	0.41
1:A5:237:ASN:HA	1:A6:517:ASN:ND2	2.35	0.41
1:A6:351:LYS:HA	1:A8:165:ARG:CG	2.50	0.41
1:A6:697:GLN:CD	1:BC:310:THR:HG1	2.28	0.41
1:A7:287:ASP:CG	1:BH:419:ASN:HD22	2.26	0.41
1:A8:694:ARG:HB2	1:A8:697:GLN:HG3	2.02	0.41
1:Ar:490:SER:HA	1:Ar:702:THR:O	2.19	0.41
1:At:426:VAL:CG1	1:At:430:ASN:HA	2.50	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Au:350:GLN:N	1:Au:361:THR:O	2.41	0.41
1:Au:660:ILE:HB	1:Au:720:ILE:HB	2.01	0.41
1:Av:482:ALA:O	1:Av:709:ARG:HD2	2.20	0.41
1:Av:651:ASN:ND2	1:Av:653:ASN:HB2	2.35	0.41
1:Aw:212:ASN:OD1	1:Aw:470:LYS:HG2	2.19	0.41
1:Ay:206:ARG:HE	1:Ay:474:PHE:HB3	1.85	0.41
1:Ay:305:GLY:O	1:BF:695:ASN:HB3	2.20	0.41
1:BA:638:ARG:O	1:BB:632:GLN:HA	2.20	0.41
1:BA:695:ASN:OD1	1:BA:695:ASN:N	2.53	0.41
1:BB:412:GLY:O	1:BD:164:LEU:HD12	2.20	0.41
1:BB:637:PHE:HE1	1:BC:579:ALA:HA	1.85	0.41
1:BC:483:ILE:HD11	1:BC:681:LEU:HB3	2.02	0.41
1:BC:584:ALA:O	1:BC:588:VAL:HG23	2.20	0.41
1:BD:199:ILE:HG22	1:BD:483:ILE:H	1.85	0.41
1:A0:228:ARG:HH11	1:A0:239:VAL:HA	1.84	0.41
1:A0:529:ALA:O	1:A0:533:VAL:HG23	2.20	0.41
1:A0:730:THR:HB	1:A9:588:VAL:HG22	2.02	0.41
1:A1:319:LEU:HD12	1:A1:455:GLU:O	2.20	0.41
1:A1:517:ASN:N	1:A1:517:ASN:OD1	2.53	0.41
1:A1:639:THR:HA	1:A2:631:LEU:O	2.20	0.41
1:A2:216:ARG:CZ	1:A2:225:TRP:CZ2	3.03	0.41
1:A2:490:SER:HA	1:A2:702:THR:O	2.20	0.41
1:A3:603:GLN:HB3	1:A3:604:PRO:HD3	2.02	0.41
1:A4:235:MET:HE1	1:A4:601:GLY:CA	2.49	0.41
1:A5:221:THR:HG22	1:BC:260:TYR:HE2	1.84	0.41
1:A5:349:PHE:CZ	1:A5:413:LEU:HD21	2.55	0.41
1:A5:651:ASN:ND2	1:A5:653:ASN:HB2	2.35	0.41
1:A6:623:THR:OG1	1:A6:624:ASP:N	2.48	0.41
1:A7:597:TYR:CE1	1:A7:617:PRO:HG3	2.55	0.41
1:A8:310:THR:HG22	1:Ax:492:PRO:CG	2.42	0.41
1:Ar:313:LEU:HD11	1:Ar:411:ALA:HA	2.02	0.41
1:As:241:SER:O	1:As:470:LYS:HE3	2.20	0.41
1:Ay:587:ASN:OD1	1:Az:578:ARG:NH2	2.53	0.41
1:Az:394:SER:HB3	1:Az:426:VAL:O	2.20	0.41
1:BF:551:ARG:NH2	1:BF:552:TYR:OH	2.53	0.41
1:BG:194:LEU:HD21	1:BG:201:TYR:CE1	2.55	0.41
1:BH:209:LEU:HD13	1:BH:227:ARG:HB3	2.03	0.41
1:A0:314:ASP:OD1	1:A0:315:ALA:N	2.50	0.41
1:A0:470:LYS:HB2	1:A5:489:PHE:HD2	1.82	0.41
1:A0:491:ILE:O	1:A0:701:GLU:HA	2.20	0.41
1:A0:539:ARG:O	1:A0:555:ARG:HD3	2.21	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:666:ARG:NE	1:A2:675:LEU:HD12	2.31	0.41
1:A3:463:SER:HB3	1:Ay:162:LYS:NZ	2.35	0.41
1:A3:494:PRO:O	1:A3:700:LYS:HE2	2.20	0.41
1:A3:517:ASN:OD1	1:A3:517:ASN:N	2.51	0.41
1:A3:657:ARG:HD3	1:A3:657:ARG:HA	1.75	0.41
1:A4:326:ILE:HA	1:A4:448:SER:O	2.20	0.41
1:A5:213:HIS:CE1	1:BC:306:TYR:CE2	3.07	0.41
1:A5:336:TYR:O	1:A5:378:VAL:HG23	2.21	0.41
1:A5:473:ASP:OD1	1:A5:474:PHE:N	2.51	0.41
1:A6:685:GLU:HG2	1:A6:706:PRO:HA	2.01	0.41
1:A7:583:ALA:HB1	1:A8:575:ALA:HA	2.02	0.41
1:A7:624:ASP:HB3	1:A7:656:LEU:O	2.20	0.41
1:A8:249:PRO:O	1:A8:281:THR:HB	2.21	0.41
1:A8:273:GLU:HA	1:A8:277:VAL:O	2.20	0.41
1:A8:289:LEU:HD12	1:A8:413:LEU:O	2.20	0.41
1:A9:468:ARG:NH1	1:Ar:308:ASP:OD2	2.52	0.41
1:Ar:493:ARG:HD3	1:Ar:493:ARG:HA	1.81	0.41
1:Ar:657:ARG:HD3	1:Ar:657:ARG:HA	1.84	0.41
1:As:395:ALA:HB1	1:Ax:538:PHE:CZ	2.55	0.41
1:At:296:ALA:H	1:BA:220:GLY:CA	2.34	0.41
1:Ay:184:MET:HE1	1:Ay:656:LEU:HD11	2.03	0.41
1:Ay:308:ASP:H	1:BF:697:GLN:NE2	2.15	0.41
1:Ay:396:ALA:HB1	1:Ay:422:LEU:HD11	2.02	0.41
1:Ay:590:ARG:HD2	1:Az:578:ARG:NH2	2.35	0.41
1:BA:166:ASP:OD2	1:BE:360:MET:SD	2.78	0.41
1:BC:576:GLU:O	1:BC:580:GLU:HG3	2.20	0.41
1:BC:666:ARG:NH1	1:BC:668:ILE:HD11	2.35	0.41
1:BD:273:GLU:HA	1:BD:277:VAL:O	2.21	0.41
1:BE:184:MET:HE3	1:BE:519:MET:HE1	2.03	0.41
1:BF:517:ASN:OD1	1:BF:517:ASN:N	2.51	0.41
1:BG:174:PHE:HB3	1:BH:206:ARG:O	2.20	0.41
1:BG:349:PHE:CZ	1:BG:413:LEU:HD21	2.55	0.41
1:BH:326:ILE:HA	1:BH:448:SER:O	2.20	0.41
1:A0:165:ARG:CD	1:A8:351:LYS:HG2	2.50	0.41
1:A1:319:LEU:HA	1:A1:456:LEU:HD23	2.03	0.41
1:A2:493:ARG:HD3	1:A2:493:ARG:HA	1.77	0.41
1:A3:461:ASN:ND2	1:Ay:162:LYS:HD2	2.35	0.41
1:A3:557:TRP:CZ3	1:A3:596:MET:HG2	2.55	0.41
1:A3:696:GLY:O	1:Aw:466:ARG:HA	2.20	0.41
1:A5:373:GLU:HB2	1:A5:390:ILE:HG23	2.02	0.41
1:A5:618:ARG:HB3	1:A5:665:SER:O	2.20	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A7:273:GLU:HA	1:A7:277:VAL:O	2.20	0.41
1:A7:424:ARG:HH12	1:A8:543:ASP:CG	2.29	0.41
1:A9:517:ASN:OD1	1:A9:517:ASN:N	2.53	0.41
1:Ar:179:SER:O	1:Ar:512:ASN:HB3	2.21	0.41
1:Ar:270:ARG:HG2	1:Ar:281:THR:O	2.20	0.41
1:Ar:561:ILE:O	1:Ar:720:ILE:HA	2.21	0.41
1:As:406:SER:OG	1:As:413:LEU:HG	2.20	0.41
1:As:603:GLN:HB3	1:As:604:PRO:HD3	2.03	0.41
1:At:436:LYS:HA	1:At:441:LYS:HE3	2.01	0.41
1:Au:473:ASP:OD1	1:Au:474:PHE:N	2.48	0.41
1:Av:490:SER:HA	1:Av:702:THR:O	2.20	0.41
1:Av:618:ARG:HB3	1:Av:665:SER:O	2.21	0.41
1:Ax:202:ASP:HA	1:Ax:480:ARG:HA	2.03	0.41
1:Az:288:LYS:O	1:Az:414:ARG:HG3	2.20	0.41
1:BB:360:MET:HB2	1:BD:165:ARG:HB3	2.02	0.41
1:BC:289:LEU:HD12	1:BC:413:LEU:O	2.21	0.41
1:BE:517:ASN:OD1	1:BE:517:ASN:N	2.52	0.41
1:BF:502:ALA:O	1:BF:506:VAL:HG23	2.21	0.41
1:BG:495:LEU:HD23	1:BG:700:LYS:HG3	2.03	0.41
1:BG:652:PRO:HB2	1:BH:235:MET:HE2	2.03	0.41
1:A0:578:ARG:HG3	1:A0:729:TYR:OH	2.21	0.41
1:A1:414:ARG:NH2	1:Aw:401:GLU:HG3	2.36	0.41
1:A1:737:VAL:O	1:Az:739:THR:HA	2.21	0.41
1:A3:180:ARG:HG3	1:A3:515:PHE:HD2	1.84	0.41
1:A3:345:ILE:HD11	1:A4:479:GLU:HG2	2.02	0.41
1:A3:351:LYS:HG2	1:Ay:165:ARG:HD3	1.99	0.41
1:A5:159:TYR:O	1:A9:309:ASN:O	2.39	0.41
1:A6:235:MET:HE1	1:A6:601:GLY:HA2	2.02	0.41
1:A6:618:ARG:HB3	1:A6:665:SER:O	2.21	0.41
1:A8:466:ARG:HD2	1:Ax:697:GLN:N	2.35	0.41
1:A8:473:ASP:OD1	1:A8:474:PHE:N	2.50	0.41
1:A8:505:ASP:O	1:A8:509:GLN:HG2	2.21	0.41
1:A8:535:THR:O	1:A8:539:ARG:HB2	2.21	0.41
1:A9:228:ARG:HD3	1:A9:239:VAL:HG22	2.03	0.41
1:A9:321:LYS:HB2	1:A9:455:GLU:HB3	2.03	0.41
1:Ar:345:ILE:HG22	1:As:545:GLN:HB3	2.02	0.41
1:Ar:358:ARG:HD3	1:Ax:164:LEU:CD1	2.50	0.41
1:Ar:396:ALA:HB1	1:Ar:422:LEU:HD11	2.03	0.41
1:Ar:490:SER:OG	1:Aw:468:ARG:HB2	2.20	0.41
1:As:165:ARG:CD	1:Aw:351:LYS:HA	2.48	0.41
1:As:228:ARG:HH11	1:As:239:VAL:HA	1.85	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:At:266:ILE:HG22	1:At:267:VAL:HG23	2.01	0.41
1:Aw:618:ARG:HB3	1:Aw:665:SER:O	2.21	0.41
1:Ax:159:TYR:HD1	1:Ax:160:ASP:H	1.68	0.41
1:Ay:466:ARG:HH12	1:BF:694:ARG:C	2.28	0.41
1:Ay:469:GLY:HA3	1:Az:488:PRO:O	2.21	0.41
1:Az:319:LEU:HD12	1:Az:455:GLU:O	2.20	0.41
1:Az:603:GLN:HB3	1:Az:604:PRO:HD3	2.02	0.41
2:B:3:GLU:O	2:B:7:GLU:HG3	2.19	0.41
1:BB:251:TYR:HB3	1:BB:280:LYS:HB2	2.02	0.41
1:BD:493:ARG:HB3	1:BD:497:TRP:CB	2.51	0.41
1:BE:285:ALA:O	1:BE:454:TYR:HE1	2.04	0.41
1:BG:657:ARG:HD3	1:BG:657:ARG:HA	1.84	0.41
1:BH:273:GLU:HA	1:BH:277:VAL:O	2.20	0.41
1:A0:288:LYS:C	1:A0:414:ARG:HG3	2.45	0.41
1:A0:306:TYR:CD2	1:BD:215:ARG:HG3	2.56	0.41
1:A0:737:VAL:HA	1:A5:735:LEU:H	1.86	0.41
1:A1:346:THR:HG22	1:Aw:354:GLU:HB2	2.03	0.41
1:A1:487:ALA:CB	1:Az:244:VAL:HG22	2.50	0.41
1:A2:162:LYS:NZ	1:Az:461:ASN:ND2	2.68	0.41
1:A3:505:ASP:O	1:A3:509:GLN:HG2	2.20	0.41
1:A5:507:LEU:HD13	1:A5:704:VAL:HG23	2.02	0.41
1:A5:736:PRO:HG2	1:A6:734:LYS:HA	2.01	0.41
1:A8:428:GLN:HA	1:A9:537:ARG:NH2	2.35	0.41
1:Ar:203:VAL:O	1:Ar:479:GLU:N	2.35	0.41
1:Ar:373:GLU:OE1	1:Ar:393:LYS:HG2	2.21	0.41
1:As:160:ASP:CB	1:Aw:312:ALA:HB2	2.25	0.41
1:As:249:PRO:O	1:As:281:THR:HB	2.20	0.41
1:As:344:LEU:HD12	1:As:364:PHE:HZ	1.85	0.41
1:At:577:ARG:HB2	1:At:726:ARG:HH21	1.85	0.41
1:Av:493:ARG:HD3	1:Av:493:ARG:HA	1.84	0.41
1:Aw:211:PHE:CE1	1:Aw:473:ASP:HB2	2.55	0.41
1:Aw:584:ALA:O	1:Aw:588:VAL:HG23	2.20	0.41
1:Ay:210:VAL:O	1:Ay:227:ARG:HA	2.20	0.41
1:Ay:651:ASN:ND2	1:Ay:653:ASN:HB2	2.35	0.41
1:Az:672:PRO:HB3	1:Az:679:MET:SD	2.61	0.41
1:BA:230:LEU:HD11	1:BB:510:ALA:HA	2.02	0.41
1:BA:666:ARG:NE	1:BA:675:LEU:HD12	2.34	0.41
1:BB:597:TYR:CE1	1:BB:617:PRO:HG3	2.56	0.41
1:BD:482:ALA:O	1:BD:709:ARG:HD2	2.21	0.41
1:BF:601:GLY:O	1:BF:604:PRO:HD2	2.20	0.41
1:BF:666:ARG:NH1	1:BF:668:ILE:HD11	2.36	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BF:685:GLU:HG2	1:BF:706:PRO:HA	2.02	0.41
1:BG:652:PRO:O	1:BH:235:MET:HG2	2.20	0.41
1:BH:535:THR:HG21	1:BH:556:PRO:HB2	2.02	0.41
1:BH:539:ARG:O	1:BH:555:ARG:NH1	2.53	0.41
1:A0:205:PHE:O	1:A0:477:LYS:N	2.41	0.41
1:A0:497:TRP:CD1	1:A0:498:GLU:N	2.88	0.41
1:A2:349:PHE:CZ	1:A2:413:LEU:HD21	2.54	0.41
1:A2:424:ARG:HH12	1:A3:543:ASP:CG	2.27	0.41
1:A2:474:PHE:CZ	1:A3:502:ALA:HB1	2.56	0.41
1:A2:694:ARG:HD3	1:A2:694:ARG:HA	1.78	0.41
1:A3:694:ARG:HB2	1:A3:697:GLN:HE21	1.86	0.41
1:A3:694:ARG:HA	1:A3:694:ARG:HD3	1.81	0.41
1:A5:206:ARG:HB2	1:A5:476:MET:HG3	2.03	0.41
1:A5:288:LYS:O	1:A5:414:ARG:HG3	2.20	0.41
1:A6:322:ILE:HA	1:A6:454:TYR:HA	2.03	0.41
1:A7:235:MET:HE1	1:A7:601:GLY:HA2	2.01	0.41
1:A8:209:LEU:HD13	1:A8:227:ARG:HD3	2.03	0.41
1:A8:466:ARG:NH2	1:Ax:697:GLN:O	2.53	0.41
1:Ar:358:ARG:HD3	1:Ax:164:LEU:HD11	2.03	0.41
1:At:181:LEU:HB3	1:At:182:SER:H	1.60	0.41
1:Au:690:ALA:N	1:Ax:465:ARG:HH12	2.19	0.41
1:Av:505:ASP:O	1:Av:509:GLN:HG2	2.20	0.41
1:Aw:657:ARG:HA	1:Aw:657:ARG:HD3	1.85	0.41
1:Ax:700:LYS:HB2	1:Ax:700:LYS:HE3	1.84	0.41
1:Ay:259:GLN:HG3	1:Ay:260:TYR:CE2	2.55	0.41
1:Az:311:ASP:OD2	1:Az:466:ARG:NH1	2.54	0.41
1:BA:194:LEU:HD22	1:BB:168:MET:HE1	2.02	0.41
1:BC:205:PHE:HE2	1:BC:552:TYR:CB	2.30	0.41
1:BC:624:ASP:OD2	1:BC:626:TYR:HB3	2.21	0.41
1:BD:428:GLN:HA	1:BE:537:ARG:NH2	2.34	0.41
1:BE:209:LEU:HD13	1:BE:227:ARG:HD3	2.01	0.41
1:BE:211:PHE:HE1	1:BE:473:ASP:HB2	1.85	0.41
1:BE:568:SER:HA	1:BF:731:GLU:HA	2.03	0.41
1:BG:288:LYS:O	1:BG:414:ARG:HG3	2.20	0.41
1:BH:396:ALA:HB1	1:BH:422:LEU:HD11	2.03	0.41
1:A0:307:SER:HA	1:A0:466:ARG:NH1	2.35	0.41
1:A0:695:ASN:ND2	1:Ar:306:TYR:C	2.79	0.41
1:A1:162:LYS:HG3	1:BF:498:GLU:H	1.86	0.41
1:A1:428:GLN:HA	1:A2:537:ARG:NH2	2.35	0.41
1:A1:632:GLN:HA	1:Az:638:ARG:O	2.20	0.41
1:A2:288:LYS:O	1:A2:414:ARG:HG3	2.20	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:639:THR:HA	1:A4:631:LEU:O	2.21	0.41
1:A4:493:ARG:O	1:A4:699:SER:HB2	2.21	0.41
1:A5:740:ASN:N	1:A6:737:VAL:O	2.54	0.41
1:A6:694:ARG:HB2	1:A6:697:GLN:CG	2.51	0.41
1:A7:364:PHE:HB3	1:A7:402:VAL:HB	2.01	0.41
1:A7:578:ARG:HG3	1:A7:729:TYR:OH	2.21	0.41
1:A7:618:ARG:HB3	1:A7:665:SER:O	2.21	0.41
1:A8:304:ASN:HB2	1:Ax:695:ASN:HA	2.03	0.41
1:A8:354:GLU:OE2	1:As:480:ARG:HB3	2.21	0.41
1:A9:505:ASP:O	1:A9:509:GLN:HG2	2.21	0.41
1:A9:656:LEU:HD23	1:A9:656:LEU:HA	1.90	0.41
1:Ar:160:ASP:HB3	1:Ar:162:LYS:HG3	2.01	0.41
1:Ar:298:ASP:OD2	1:Ar:300:SER:OG	2.27	0.41
1:As:357:PHE:HD1	1:BH:476:MET:H	1.68	0.41
1:As:473:ASP:OD1	1:As:474:PHE:N	2.50	0.41
1:At:349:PHE:HA	1:At:361:THR:O	2.21	0.41
1:At:483:ILE:HG12	1:At:709:ARG:HB2	2.03	0.41
1:At:539:ARG:HG3	1:At:555:ARG:HB3	2.03	0.41
1:Av:558:PHE:HD1	1:Av:717:LEU:HB3	1.85	0.41
1:Aw:203:VAL:O	1:Aw:479:GLU:N	2.37	0.41
1:Az:219:ASP:HB2	1:BD:257:ASN:OD1	2.21	0.41
1:Az:321:LYS:HD2	1:Az:455:GLU:OE1	2.21	0.41
2:B:73:ARG:NH2	2:B:77:ASP:O	2.46	0.41
1:BA:377:ASP:OD1	1:BA:381:ALA:N	2.54	0.41
1:BA:483:ILE:HG12	1:BA:709:ARG:CB	2.50	0.41
1:BA:687:VAL:HA	1:BA:703:MET:O	2.20	0.41
1:BB:211:PHE:CE1	1:BB:473:ASP:HB2	2.55	0.41
1:BB:262:VAL:HG21	1:BB:283:TYR:HB2	2.03	0.41
1:BC:651:ASN:HB3	1:BC:656:LEU:CD1	2.50	0.41
1:BD:491:ILE:HG13	1:BD:507:LEU:HD21	2.03	0.41
1:BE:505:ASP:O	1:BE:509:GLN:HG2	2.21	0.41
1:BF:676:THR:O	1:BF:713:ASN:HB2	2.21	0.41
1:A0:462:ASN:ND2	1:A0:467:GLU:O	2.54	0.41
1:A0:693:THR:HG23	1:Ar:466:ARG:HG3	2.02	0.41
1:A1:207:ARG:N	1:A1:475:ASN:O	2.39	0.41
1:A1:305:GLY:HA3	1:As:695:ASN:HB2	2.01	0.41
1:A1:306:TYR:HB2	1:Ar:215:ARG:NE	2.35	0.41
1:A1:407:ASN:OD1	1:A1:408:VAL:N	2.54	0.41
1:A1:472:LEU:HB2	1:A2:491:ILE:HD11	2.02	0.41
1:A1:535:THR:O	1:A1:539:ARG:HB2	2.21	0.41
1:A1:544:ILE:O	1:A1:551:ARG:HD2	2.21	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A2:211:PHE:CD2	1:As:159:TYR:CE2	3.09	0.41
1:A3:204:SER:O	1:A4:172:VAL:HB	2.20	0.41
1:A3:584:ALA:O	1:A3:588:VAL:HG23	2.21	0.41
1:A4:266:ILE:HG22	1:A4:267:VAL:HG23	2.02	0.41
1:A4:394:SER:HB3	1:A4:426:VAL:O	2.21	0.41
1:A4:661:PHE:CE1	1:A4:719:LEU:HD13	2.56	0.41
1:A5:236:TYR:HB3	1:A5:238:ASP:OD1	2.21	0.41
1:A5:288:LYS:C	1:A5:414:ARG:HG3	2.46	0.41
1:A5:323:LEU:HB3	1:A5:453:GLY:H	1.85	0.41
1:A5:603:GLN:HB3	1:A5:604:PRO:HD3	2.03	0.41
1:A6:517:ASN:OD1	1:A6:517:ASN:N	2.53	0.41
1:A6:695:ASN:OD1	1:A6:695:ASN:N	2.52	0.41
1:A7:204:SER:OG	1:A7:478:GLN:HG2	2.21	0.41
1:A7:310:THR:O	1:A7:464:ASN:ND2	2.43	0.41
1:A7:351:LYS:HG2	1:A9:165:ARG:CG	2.48	0.41
1:A7:406:SER:OG	1:A7:413:LEU:HG	2.21	0.41
1:A7:517:ASN:OD1	1:A7:517:ASN:N	2.54	0.41
1:A7:544:ILE:O	1:A7:551:ARG:HD2	2.20	0.41
1:A8:209:LEU:N	1:A8:473:ASP:O	2.39	0.41
1:A8:319:LEU:HD12	1:A8:455:GLU:O	2.21	0.41
1:A9:405:SER:OG	1:Az:401:GLU:OE2	2.38	0.41
1:Ar:229:PRO:HG2	1:Ar:232:ASP:CG	2.46	0.41
1:Ar:235:MET:HE1	1:Ar:601:GLY:HA2	2.03	0.41
1:Au:505:ASP:O	1:Au:509:GLN:HG2	2.20	0.41
1:Au:561:ILE:O	1:Au:720:ILE:HA	2.21	0.41
1:Av:345:ILE:HD12	1:Av:345:ILE:HA	1.92	0.41
1:Av:685:GLU:HG2	1:Av:706:PRO:HA	2.03	0.41
1:Aw:396:ALA:HB1	1:Aw:422:LEU:HD11	2.03	0.41
1:Aw:624:ASP:HB3	1:Aw:656:LEU:O	2.21	0.41
1:Ax:228:ARG:HH11	1:Ax:239:VAL:HA	1.85	0.41
1:Ax:565:LEU:HB2	1:Ax:724:ASN:O	2.21	0.41
1:Ax:651:ASN:HB3	1:Ax:656:LEU:CD1	2.51	0.41
1:Ay:245:THR:O	1:Ay:460:ARG:N	2.45	0.41
1:Ay:307:SER:OG	1:BF:695:ASN:ND2	2.38	0.41
1:Ay:310:THR:CB	1:BF:699:SER:HB2	2.50	0.41
1:Ay:346:THR:O	1:Ay:364:PHE:HD1	2.04	0.41
1:Ay:371:VAL:HG11	1:Ay:386:LEU:HD13	2.02	0.41
1:Ay:529:ALA:O	1:Ay:533:VAL:HG23	2.20	0.41
1:Ay:576:GLU:O	1:Ay:580:GLU:HG3	2.21	0.41
1:Az:225:TRP:CE2	1:BD:410:LYS:HA	2.56	0.41
1:Az:241:SER:O	1:Az:470:LYS:HE3	2.20	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Az:483:ILE:HD11	1:Az:681:LEU:HB3	2.02	0.41
1:Az:493:ARG:HD3	1:Az:493:ARG:HA	1.86	0.41
1:Az:519:MET:HE3	1:Az:519:MET:HB3	2.00	0.41
1:BA:171:SER:O	1:BF:203:VAL:O	2.38	0.41
1:BC:505:ASP:O	1:BC:509:GLN:HG2	2.20	0.41
1:BD:319:LEU:HB3	1:BD:347:ASN:HB2	2.02	0.41
1:BD:336:TYR:O	1:BD:378:VAL:HG23	2.21	0.41
1:BD:559:GLU:CD	1:BD:595:ARG:HH12	2.25	0.41
1:BD:570:GLN:NE2	1:BD:736:PRO:HD2	2.35	0.41
1:BE:302:LEU:HD23	1:BE:302:LEU:HA	1.82	0.41
1:BE:493:ARG:HH21	1:BE:503:ASP:CG	2.29	0.41
1:BE:535:THR:O	1:BE:539:ARG:HB2	2.21	0.41
1:BE:657:ARG:HD3	1:BE:657:ARG:HA	1.75	0.41
1:BF:709:ARG:HG2	1:BF:710:PHE:N	2.36	0.41
1:BG:235:MET:HE1	1:BG:601:GLY:HA2	2.03	0.41
1:BH:482:ALA:O	1:BH:709:ARG:HD2	2.21	0.41
1:A1:421:GLU:CD	1:Aw:414:ARG:HH11	2.28	0.41
1:A3:319:LEU:HD12	1:A3:455:GLU:O	2.20	0.41
1:A4:580:GLU:OE2	1:Ay:573:THR:HG22	2.21	0.41
1:A5:165:ARG:HE	1:A5:165:ARG:HB3	1.73	0.41
1:A7:357:PHE:CE1	1:BG:475:ASN:HA	2.49	0.41
1:A7:666:ARG:NH1	1:A7:668:ILE:HD11	2.35	0.41
1:A7:694:ARG:HA	1:A7:694:ARG:HD3	1.88	0.41
1:A8:411:ALA:HB3	1:As:216:ARG:NH1	2.33	0.41
1:A8:618:ARG:HB3	1:A8:665:SER:O	2.21	0.41
1:A9:486:LEU:HB2	1:A9:706:PRO:HG2	2.02	0.41
1:As:466:ARG:HE	1:BG:697:GLN:CB	2.23	0.41
1:As:557:TRP:CZ3	1:As:596:MET:HG2	2.56	0.41
1:Av:159:TYR:O	1:Ax:311:ASP:N	2.54	0.41
1:Ax:247:LEU:HD12	1:Ax:458:ILE:HG22	2.03	0.41
1:Ax:349:PHE:CZ	1:Ax:362:LEU:HB2	2.55	0.41
1:Az:158:SER:N	1:Az:159:TYR:O	2.54	0.41
1:Az:313:LEU:H	1:Az:408:VAL:CG1	2.33	0.41
1:BA:160:ASP:O	1:BE:295:ILE:N	2.53	0.41
1:BB:373:GLU:HB3	1:BB:390:ILE:HA	2.03	0.41
1:BB:405:SER:N	1:BB:414:ARG:O	2.40	0.41
1:BC:200:GLY:N	1:BD:168:MET:SD	2.86	0.41
1:BC:493:ARG:HD3	1:BC:493:ARG:HA	1.76	0.41
1:BC:566:GLU:OE2	1:BC:727:LYS:HD3	2.21	0.41
1:BE:349:PHE:CB	1:BE:360:MET:HB3	2.42	0.41
1:BF:407:ASN:OD1	1:BF:408:VAL:N	2.53	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BG:491:ILE:HG13	1:BG:507:LEU:HD21	2.02	0.41
1:A0:167:MET:HG2	1:A9:199:ILE:HB	2.03	0.40
1:A0:326:ILE:HA	1:A0:448:SER:O	2.22	0.40
1:A0:357:PHE:HD1	1:BD:476:MET:O	2.04	0.40
1:A1:350:GLN:OE1	1:A2:480:ARG:HD2	2.21	0.40
1:A3:680:PHE:CZ	1:A3:708:CYS:HB2	2.56	0.40
1:A3:695:ASN:HB2	1:Aw:305:GLY:HA3	2.03	0.40
1:A4:314:ASP:O	1:Az:164:LEU:HD22	2.20	0.40
1:A4:345:ILE:HD12	1:A4:345:ILE:HA	1.94	0.40
1:A4:570:GLN:HB2	1:Ay:732:ASN:CG	2.46	0.40
1:A4:660:ILE:O	1:A4:719:LEU:HD12	2.21	0.40
1:A5:474:PHE:CE2	1:A6:506:VAL:HG21	2.56	0.40
1:A5:639:THR:HA	1:A6:631:LEU:O	2.21	0.40
1:A5:694:ARG:HD3	1:A5:694:ARG:HA	1.82	0.40
1:A5:697:GLN:HB3	1:Az:466:ARG:HH21	1.86	0.40
1:A6:326:ILE:HA	1:A6:448:SER:O	2.20	0.40
1:A6:666:ARG:NE	1:A6:675:LEU:HD12	2.31	0.40
1:A7:695:ASN:OD1	1:A7:695:ASN:N	2.54	0.40
1:A8:260:TYR:CE2	1:As:221:THR:HG22	2.56	0.40
1:Ar:485:LEU:N	1:Aw:314:ASP:OD2	2.53	0.40
1:As:408:VAL:HB	1:Au:164:LEU:HD11	2.03	0.40
1:At:252:ARG:HD3	1:At:252:ARG:HA	1.68	0.40
1:At:352:SER:OG	1:At:353:LEU:N	2.53	0.40
1:At:465:ARG:NH1	1:BB:495:LEU:HD11	2.37	0.40
1:Au:537:ARG:NH2	1:Ax:428:GLN:HA	2.36	0.40
1:Au:597:TYR:CE1	1:Au:617:PRO:HG3	2.56	0.40
1:Av:179:SER:O	1:Av:512:ASN:HB3	2.20	0.40
1:Av:319:LEU:HD12	1:Av:455:GLU:O	2.21	0.40
1:Aw:326:ILE:HG21	1:Aw:386:LEU:HD21	2.02	0.40
1:Az:561:ILE:O	1:Az:720:ILE:HA	2.21	0.40
1:BA:167:MET:HE1	1:BE:347:ASN:ND2	2.36	0.40
1:BB:266:ILE:HG22	1:BB:267:VAL:HG23	2.02	0.40
1:BB:563:LEU:HB3	1:BB:721:ASN:O	2.21	0.40
1:BC:203:VAL:HG11	1:BD:170:TYR:CZ	2.54	0.40
1:BH:657:ARG:HA	1:BH:657:ARG:HD3	1.83	0.40
1:A0:164:LEU:CD1	1:A8:358:ARG:HD3	2.36	0.40
1:A0:273:GLU:HA	1:A0:277:VAL:O	2.21	0.40
1:A0:697:GLN:NE2	1:Ar:308:ASP:OD1	2.54	0.40
1:A1:170:TYR:HB3	1:Az:202:ASP:O	2.21	0.40
1:A1:631:LEU:O	1:Az:639:THR:HA	2.22	0.40
1:A2:519:MET:HE3	1:A2:519:MET:HB3	2.01	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A3:561:ILE:O	1:A3:720:ILE:HA	2.21	0.40
1:A5:483:ILE:HD11	1:A5:681:LEU:CB	2.52	0.40
1:A5:488:PRO:HB3	1:A5:705:GLN:CB	2.50	0.40
1:A9:651:ASN:ND2	1:A9:653:ASN:HB2	2.36	0.40
1:A9:666:ARG:NH1	1:A9:668:ILE:HD11	2.37	0.40
1:A9:695:ASN:HD22	1:BH:306:TYR:H	1.68	0.40
1:Ar:535:THR:O	1:Ar:539:ARG:HB2	2.21	0.40
1:As:273:GLU:HA	1:As:277:VAL:O	2.21	0.40
1:At:246:ASP:OD1	1:At:459:ARG:HG2	2.20	0.40
1:Ax:618:ARG:HB3	1:Ax:665:SER:O	2.21	0.40
1:Ay:295:ILE:HD13	1:Ay:295:ILE:HG21	1.84	0.40
1:Ay:309:ASN:ND2	1:BE:471:HIS:CD2	2.90	0.40
1:Ay:326:ILE:HG21	1:Ay:386:LEU:HD21	2.03	0.40
1:Ay:345:ILE:HG22	1:Az:545:GLN:HB3	2.02	0.40
1:Ay:544:ILE:O	1:Ay:551:ARG:HD2	2.21	0.40
1:Az:577:ARG:HD3	1:Az:728:VAL:O	2.22	0.40
1:BA:213:HIS:HA	1:BA:471:HIS:CD2	2.56	0.40
1:BB:725:LEU:O	1:BB:729:TYR:HB2	2.21	0.40
1:BD:180:ARG:HG3	1:BD:515:PHE:HD2	1.86	0.40
1:BD:249:PRO:HA	1:BD:295:ILE:HG21	2.04	0.40
1:BD:473:ASP:OD1	1:BD:474:PHE:N	2.51	0.40
1:BE:313:LEU:HD11	1:BE:411:ALA:CB	2.51	0.40
1:BE:435:ARG:HD2	1:BF:224:ASP:HB2	2.03	0.40
3:G:182:GLU:O	3:G:186:ILE:HG13	2.21	0.40
1:A1:270:ARG:HG2	1:A1:281:THR:O	2.21	0.40
1:A1:295:ILE:HG12	1:Ar:220:GLY:CA	2.51	0.40
1:A1:360:MET:CE	1:A3:164:LEU:HB3	2.50	0.40
1:A2:180:ARG:HG3	1:A2:515:PHE:HD2	1.85	0.40
1:A2:260:TYR:CD1	1:A2:290:ILE:HG12	2.56	0.40
1:A4:656:LEU:HD23	1:A4:656:LEU:HA	1.90	0.40
1:A5:161:GLN:O	1:A9:358:ARG:NH2	2.38	0.40
1:A5:351:LYS:HD2	1:A5:359:LYS:O	2.21	0.40
1:A5:397:GLN:OE1	1:A5:424:ARG:HD2	2.21	0.40
1:A5:687:VAL:HA	1:A5:703:MET:O	2.21	0.40
1:A6:697:GLN:CD	1:BC:310:THR:OG1	2.63	0.40
1:A9:211:PHE:CZ	1:Ax:159:TYR:HE2	2.33	0.40
1:A9:221:THR:HG22	1:Ar:260:TYR:CE2	2.57	0.40
1:A9:394:SER:HB3	1:A9:426:VAL:O	2.21	0.40
1:A9:691:GLN:HE21	1:A9:698:VAL:CG1	2.35	0.40
1:Ar:202:ASP:N	1:As:168:MET:O	2.54	0.40
1:Ar:631:LEU:O	1:Aw:639:THR:HA	2.20	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:At:294:GLY:C	1:BA:220:GLY:N	2.79	0.40
1:At:295:ILE:HA	1:BA:219:ASP:CB	2.51	0.40
1:Au:490:SER:HA	1:Au:702:THR:O	2.22	0.40
1:Au:618:ARG:HB3	1:Au:665:SER:O	2.21	0.40
1:Au:651:ASN:ND2	1:Au:653:ASN:HB2	2.36	0.40
1:Av:570:GLN:H	1:Aw:574:THR:HG1	1.66	0.40
1:Ax:517:ASN:N	1:Ax:517:ASN:OD1	2.54	0.40
1:Ay:290:ILE:CG2	1:Ay:295:ILE:HD11	2.51	0.40
1:Az:236:TYR:HB3	1:Az:238:ASP:OD1	2.21	0.40
1:Az:269:PRO:HA	1:Az:282:SER:HB2	2.02	0.40
1:BA:162:LYS:CG	1:BE:293:ILE:HG13	2.48	0.40
1:BA:174:PHE:HD1	1:BF:553:LEU:HD23	1.85	0.40
1:BA:603:GLN:HB3	1:BA:604:PRO:HD3	2.03	0.40
1:BB:570:GLN:NE2	1:BC:733:ILE:O	2.53	0.40
1:BD:229:PRO:HG2	1:BD:232:ASP:CG	2.46	0.40
1:BF:292:MET:HE2	1:BF:458:ILE:HD12	2.01	0.40
1:BF:539:ARG:HG2	1:BF:555:ARG:HD3	2.03	0.40
1:BG:517:ASN:OD1	1:BG:517:ASN:N	2.52	0.40
1:BH:624:ASP:HB3	1:BH:656:LEU:O	2.21	0.40
1:A1:506:VAL:HG21	1:Az:474:PHE:CE2	2.56	0.40
1:A2:471:HIS:HA	1:A3:490:SER:O	2.21	0.40
1:A3:260:TYR:CD1	1:A3:290:ILE:HG12	2.56	0.40
1:A3:570:GLN:O	1:A4:573:THR:HA	2.22	0.40
1:A4:228:ARG:HH11	1:A4:239:VAL:HA	1.87	0.40
1:A5:678:GLY:CA	1:A5:712:ASN:HA	2.52	0.40
1:A6:273:GLU:HA	1:A6:277:VAL:O	2.21	0.40
1:A7:310:THR:HG22	1:A9:158:SER:C	2.46	0.40
1:A7:349:PHE:CZ	1:A7:413:LEU:HD21	2.57	0.40
1:A8:561:ILE:O	1:A8:720:ILE:HA	2.21	0.40
1:A9:216:ARG:HG2	1:Ar:307:SER:HB3	2.03	0.40
1:Ar:407:ASN:OD1	1:Ar:408:VAL:N	2.54	0.40
1:As:159:TYR:HB3	1:Aw:309:ASN:O	2.21	0.40
1:As:307:SER:HA	1:As:466:ARG:HH12	1.86	0.40
1:As:739:THR:HA	1:Ax:737:VAL:O	2.22	0.40
1:At:205:PHE:O	1:At:476:MET:HG3	2.22	0.40
1:At:221:THR:HA	1:At:222:PRO:HD3	1.97	0.40
1:At:308:ASP:HB3	1:BA:215:ARG:HG2	2.02	0.40
1:At:401:GLU:CB	1:BF:416:ASN:HD21	2.34	0.40
1:Au:273:GLU:HA	1:Au:277:VAL:O	2.22	0.40
1:Au:652:PRO:O	1:Ax:235:MET:HG2	2.21	0.40
1:Ay:319:LEU:HA	1:Ay:456:LEU:HD23	2.03	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:Ay:397:GLN:OE1	1:Ay:424:ARG:HD2	2.20	0.40
1:Ay:464:ASN:O	1:BF:698:VAL:HB	2.21	0.40
1:Ay:570:GLN:NE2	1:Ay:736:PRO:HD2	2.36	0.40
1:Az:364:PHE:HB3	1:Az:402:VAL:HB	2.03	0.40
1:BC:199:ILE:HB	1:BD:168:MET:HB2	2.03	0.40
1:BC:364:PHE:N	1:BC:402:VAL:O	2.49	0.40
1:BC:480:ARG:HH21	1:BD:169:PRO:CB	2.34	0.40
1:BC:517:ASN:OD1	1:BC:517:ASN:N	2.55	0.40
1:BE:210:VAL:N	1:BE:228:ARG:O	2.45	0.40
1:BE:240:LEU:O	1:BF:514:ARG:NE	2.54	0.40
1:BF:319:LEU:HD12	1:BF:455:GLU:O	2.20	0.40
1:BF:581:VAL:O	1:BF:585:ILE:HG13	2.21	0.40
1:BG:349:PHE:HB3	1:BG:360:MET:HB3	2.02	0.40
1:BH:298:ASP:OD2	1:BH:300:SER:OG	2.24	0.40
1:BH:578:ARG:NE	1:BH:729:TYR:OH	2.55	0.40
1:A1:587:ASN:HB3	1:A2:729:TYR:O	2.22	0.40
1:A2:161:GLN:CG	1:A5:493:ARG:HH12	2.35	0.40
1:A2:486:LEU:HB2	1:A2:706:PRO:HG2	2.03	0.40
1:A2:517:ASN:OD1	1:A2:517:ASN:N	2.53	0.40
1:A4:737:VAL:CG1	1:Ay:737:VAL:HB	2.50	0.40
1:A5:179:SER:O	1:A5:512:ASN:HB3	2.20	0.40
1:A5:302:LEU:HA	1:A5:305:GLY:O	2.21	0.40
1:A7:308:ASP:CG	1:A7:466:ARG:HH22	2.29	0.40
1:A8:493:ARG:HA	1:A8:493:ARG:HD3	1.81	0.40
1:Ar:273:GLU:HA	1:Ar:277:VAL:O	2.21	0.40
1:As:535:THR:O	1:As:539:ARG:HB2	2.22	0.40
1:As:734:LYS:NZ	1:Aw:740:ASN:HB3	2.36	0.40
1:At:293:ILE:HG21	1:BA:216:ARG:HD2	2.03	0.40
1:At:294:GLY:HA2	1:BA:217:ASN:HB2	2.04	0.40
1:At:344:LEU:HD12	1:At:364:PHE:HZ	1.86	0.40
1:Au:270:ARG:HE	1:Au:281:THR:HG23	1.86	0.40
1:Au:288:LYS:O	1:Au:414:ARG:HG3	2.21	0.40
1:Av:165:ARG:HE	1:Av:165:ARG:HB3	1.77	0.40
1:Aw:273:GLU:HA	1:Aw:277:VAL:O	2.22	0.40
1:Aw:473:ASP:OD1	1:Aw:474:PHE:N	2.50	0.40
1:Aw:651:ASN:HB3	1:Aw:656:LEU:CD1	2.52	0.40
1:Ay:247:LEU:HD21	1:Ay:460:ARG:CB	2.48	0.40
1:Ay:656:LEU:HD23	1:Ay:656:LEU:HA	1.93	0.40
1:Az:270:ARG:HG2	1:Az:281:THR:O	2.21	0.40
1:Az:505:ASP:O	1:Az:509:GLN:HG2	2.22	0.40
1:BB:215:ARG:HG3	1:BC:695:ASN:HD21	1.86	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:BB:268:ALA:HB2	3:G:90:THR:OG1	2.22	0.40
1:BB:592:MET:SD	1:BB:662:VAL:HB	2.62	0.40
1:BD:470:LYS:HB2	1:BE:489:PHE:HE2	1.84	0.40
1:BE:304:ASN:ND2	1:BF:694:ARG:NH1	2.70	0.40
1:BE:603:GLN:HB3	1:BE:604:PRO:HD3	2.03	0.40
1:BE:737:VAL:HG22	1:BF:735:LEU:O	2.21	0.40
1:BG:241:SER:O	1:BG:470:LYS:HE3	2.21	0.40
1:BG:297:GLU:OE2	1:BG:307:SER:OG	2.27	0.40
1:BG:358:ARG:HD2	1:BG:408:VAL:HB	2.03	0.40
1:BG:651:ASN:ND2	1:BG:653:ASN:HB2	2.36	0.40

There are no symmetry-related clashes.

5.3 Torsion angles [i](#)

5.3.1 Protein backbone [i](#)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all EM entries.

The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A0	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	A1	581/740 (78%)	568 (98%)	13 (2%)	0	100	100
1	A2	581/740 (78%)	568 (98%)	13 (2%)	0	100	100
1	A3	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	A4	581/740 (78%)	568 (98%)	13 (2%)	0	100	100
1	A5	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	A6	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	A7	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	A8	581/740 (78%)	568 (98%)	13 (2%)	0	100	100
1	A9	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	Ar	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	As	581/740 (78%)	565 (97%)	16 (3%)	0	100	100

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	At	574/740 (78%)	529 (92%)	43 (8%)	2 (0%)	36	71
1	Au	581/740 (78%)	568 (98%)	13 (2%)	0	100	100
1	Av	581/740 (78%)	565 (97%)	16 (3%)	0	100	100
1	Aw	581/740 (78%)	568 (98%)	13 (2%)	0	100	100
1	Ax	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	Ay	581/740 (78%)	568 (98%)	13 (2%)	0	100	100
1	Az	581/740 (78%)	568 (98%)	13 (2%)	0	100	100
1	BA	581/740 (78%)	565 (97%)	16 (3%)	0	100	100
1	BB	581/740 (78%)	564 (97%)	17 (3%)	0	100	100
1	BC	581/740 (78%)	565 (97%)	16 (3%)	0	100	100
1	BD	581/740 (78%)	566 (97%)	15 (3%)	0	100	100
1	BE	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	BF	581/740 (78%)	566 (97%)	15 (3%)	0	100	100
1	BG	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
1	BH	581/740 (78%)	567 (98%)	14 (2%)	0	100	100
2	B	94/104 (90%)	93 (99%)	1 (1%)	0	100	100
3	G	145/212 (68%)	141 (97%)	4 (3%)	0	100	100
All	All	15919/20296 (78%)	15500 (97%)	417 (3%)	2 (0%)	100	100

All (2) Ramachandran outliers are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	At	642	VAL
1	At	292	MET

5.3.2 Protein sidechains ⓘ

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all EM entries.

The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed, and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A0	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A1	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	A2	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	A3	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	A4	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	A5	509/644 (79%)	501 (98%)	8 (2%)	55	69
1	A6	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	A7	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	A8	509/644 (79%)	500 (98%)	9 (2%)	51	67
1	A9	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	Ar	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	As	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	At	500/644 (78%)	473 (95%)	27 (5%)	20	41
1	Au	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	Av	509/644 (79%)	501 (98%)	8 (2%)	55	69
1	Aw	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	Ax	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	Ay	509/644 (79%)	501 (98%)	8 (2%)	55	69
1	Az	509/644 (79%)	501 (98%)	8 (2%)	55	69
1	BA	509/644 (79%)	500 (98%)	9 (2%)	51	67
1	BB	509/644 (79%)	501 (98%)	8 (2%)	55	69
1	BC	509/644 (79%)	501 (98%)	8 (2%)	55	69
1	BD	509/644 (79%)	498 (98%)	11 (2%)	45	64
1	BE	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	BF	509/644 (79%)	500 (98%)	9 (2%)	51	67
1	BG	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
1	BH	509/644 (79%)	502 (99%)	7 (1%)	59	72
2	B	83/91 (91%)	83 (100%)	0	100	100
3	G	125/177 (71%)	119 (95%)	6 (5%)	23	44
All	All	13942/17656 (79%)	13711 (98%)	231 (2%)	52	68

All (231) residues with a non-rotameric sidechain are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A0	262	VAL
1	A0	413	LEU
1	A0	464	ASN
1	A0	546	ILE
1	A0	642	VAL
1	A0	649	VAL
1	A0	658	ASP
1	A1	262	VAL
1	A1	413	LEU
1	A1	464	ASN
1	A1	546	ILE
1	A1	642	VAL
1	A1	649	VAL
1	A1	658	ASP
1	A2	262	VAL
1	A2	413	LEU
1	A2	464	ASN
1	A2	546	ILE
1	A2	642	VAL
1	A2	649	VAL
1	A2	658	ASP
1	A3	262	VAL
1	A3	413	LEU
1	A3	464	ASN
1	A3	546	ILE
1	A3	642	VAL
1	A3	649	VAL
1	A3	658	ASP
1	A4	262	VAL
1	A4	413	LEU
1	A4	464	ASN
1	A4	546	ILE
1	A4	642	VAL
1	A4	649	VAL
1	A4	658	ASP
1	A5	159	TYR
1	A5	262	VAL
1	A5	413	LEU
1	A5	464	ASN
1	A5	546	ILE
1	A5	642	VAL
1	A5	649	VAL
1	A5	658	ASP

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	A6	262	VAL
1	A6	413	LEU
1	A6	464	ASN
1	A6	546	ILE
1	A6	642	VAL
1	A6	649	VAL
1	A6	658	ASP
1	A7	262	VAL
1	A7	413	LEU
1	A7	464	ASN
1	A7	546	ILE
1	A7	642	VAL
1	A7	649	VAL
1	A7	658	ASP
1	A8	159	TYR
1	A8	160	ASP
1	A8	262	VAL
1	A8	413	LEU
1	A8	464	ASN
1	A8	546	ILE
1	A8	642	VAL
1	A8	649	VAL
1	A8	658	ASP
1	A9	262	VAL
1	A9	413	LEU
1	A9	464	ASN
1	A9	546	ILE
1	A9	642	VAL
1	A9	649	VAL
1	A9	658	ASP
1	Ar	262	VAL
1	Ar	413	LEU
1	Ar	464	ASN
1	Ar	546	ILE
1	Ar	642	VAL
1	Ar	649	VAL
1	Ar	658	ASP
1	As	262	VAL
1	As	413	LEU
1	As	464	ASN
1	As	546	ILE
1	As	642	VAL

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	As	649	VAL
1	As	658	ASP
1	At	163	GLU
1	At	176	VAL
1	At	190	ASN
1	At	211	PHE
1	At	227	ARG
1	At	262	VAL
1	At	263	ASP
1	At	277	VAL
1	At	413	LEU
1	At	460	ARG
1	At	495	LEU
1	At	498	GLU
1	At	530	LEU
1	At	573	THR
1	At	574	THR
1	At	576	GLU
1	At	623	THR
1	At	634	ASP
1	At	637	PHE
1	At	649	VAL
1	At	654	VAL
1	At	663	THR
1	At	683	VAL
1	At	711	VAL
1	At	722	VAL
1	At	727	LYS
1	At	729	TYR
1	Au	262	VAL
1	Au	413	LEU
1	Au	464	ASN
1	Au	546	ILE
1	Au	642	VAL
1	Au	649	VAL
1	Au	658	ASP
1	Av	159	TYR
1	Av	262	VAL
1	Av	413	LEU
1	Av	464	ASN
1	Av	546	ILE
1	Av	642	VAL

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	Av	649	VAL
1	Av	658	ASP
1	Aw	262	VAL
1	Aw	413	LEU
1	Aw	464	ASN
1	Aw	546	ILE
1	Aw	642	VAL
1	Aw	649	VAL
1	Aw	658	ASP
1	Ax	262	VAL
1	Ax	413	LEU
1	Ax	464	ASN
1	Ax	546	ILE
1	Ax	642	VAL
1	Ax	649	VAL
1	Ax	658	ASP
1	Ay	262	VAL
1	Ay	357	PHE
1	Ay	413	LEU
1	Ay	464	ASN
1	Ay	546	ILE
1	Ay	642	VAL
1	Ay	649	VAL
1	Ay	658	ASP
1	Az	262	VAL
1	Az	357	PHE
1	Az	413	LEU
1	Az	464	ASN
1	Az	546	ILE
1	Az	642	VAL
1	Az	649	VAL
1	Az	658	ASP
1	BA	159	TYR
1	BA	175	ASN
1	BA	262	VAL
1	BA	413	LEU
1	BA	464	ASN
1	BA	546	ILE
1	BA	642	VAL
1	BA	649	VAL
1	BA	658	ASP
1	BB	159	TYR

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	BB	262	VAL
1	BB	413	LEU
1	BB	464	ASN
1	BB	546	ILE
1	BB	642	VAL
1	BB	649	VAL
1	BB	658	ASP
1	BC	262	VAL
1	BC	413	LEU
1	BC	464	ASN
1	BC	472	LEU
1	BC	546	ILE
1	BC	642	VAL
1	BC	649	VAL
1	BC	658	ASP
1	BD	173	VAL
1	BD	262	VAL
1	BD	357	PHE
1	BD	413	LEU
1	BD	464	ASN
1	BD	465	ARG
1	BD	466	ARG
1	BD	546	ILE
1	BD	642	VAL
1	BD	649	VAL
1	BD	658	ASP
1	BE	262	VAL
1	BE	413	LEU
1	BE	464	ASN
1	BE	546	ILE
1	BE	642	VAL
1	BE	649	VAL
1	BE	658	ASP
1	BF	262	VAL
1	BF	309	ASN
1	BF	408	VAL
1	BF	413	LEU
1	BF	464	ASN
1	BF	546	ILE
1	BF	642	VAL
1	BF	649	VAL
1	BF	658	ASP

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	BG	262	VAL
1	BG	413	LEU
1	BG	464	ASN
1	BG	546	ILE
1	BG	642	VAL
1	BG	649	VAL
1	BG	658	ASP
1	BH	262	VAL
1	BH	413	LEU
1	BH	464	ASN
1	BH	546	ILE
1	BH	642	VAL
1	BH	649	VAL
1	BH	658	ASP
3	G	109	PHE
3	G	115	VAL
3	G	151	ASP
3	G	178	ARG
3	G	199	ASP
3	G	202	ASN

Sometimes sidechains can be flipped to improve hydrogen bonding and reduce clashes. All (144) such sidechains are listed below:

Mol	Chain	Res	Type
1	A0	217	ASN
1	A0	367	HIS
1	A0	416	ASN
1	A0	478	GLN
1	A0	625	ASN
1	A0	651	ASN
1	A0	691	GLN
1	A1	217	ASN
1	A1	367	HIS
1	A1	416	ASN
1	A1	461	ASN
1	A1	651	ASN
1	A1	691	GLN
1	A1	697	GLN
1	A2	190	ASN
1	A2	367	HIS
1	A2	419	ASN
1	A2	651	ASN

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	A3	213	HIS
1	A3	237	ASN
1	A3	367	HIS
1	A3	419	ASN
1	A3	461	ASN
1	A3	651	ASN
1	A3	697	GLN
1	A4	367	HIS
1	A4	461	ASN
1	A4	651	ASN
1	A5	304	ASN
1	A5	461	ASN
1	A5	651	ASN
1	A6	304	ASN
1	A6	461	ASN
1	A6	651	ASN
1	A6	691	GLN
1	A6	697	GLN
1	A6	740	ASN
1	A7	367	HIS
1	A7	416	ASN
1	A7	570	GLN
1	A7	651	ASN
1	A7	740	ASN
1	A8	213	HIS
1	A8	304	ASN
1	A8	416	ASN
1	A8	461	ASN
1	A8	651	ASN
1	A9	217	ASN
1	A9	651	ASN
1	A9	691	GLN
1	Ar	304	ASN
1	Ar	419	ASN
1	Ar	461	ASN
1	Ar	570	GLN
1	Ar	651	ASN
1	Ar	740	ASN
1	As	213	HIS
1	As	217	ASN
1	As	304	ASN
1	As	367	HIS

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	As	461	ASN
1	As	478	GLN
1	As	545	GLN
1	As	651	ASN
1	As	697	GLN
1	As	740	ASN
1	At	242	ASN
1	At	257	ASN
1	At	367	HIS
1	At	416	ASN
1	At	461	ASN
1	At	570	GLN
1	At	651	ASN
1	Au	367	HIS
1	Au	419	ASN
1	Au	651	ASN
1	Au	697	GLN
1	Av	213	HIS
1	Av	461	ASN
1	Av	651	ASN
1	Av	740	ASN
1	Aw	248	HIS
1	Aw	304	ASN
1	Aw	416	ASN
1	Aw	461	ASN
1	Aw	651	ASN
1	Ax	651	ASN
1	Ay	257	ASN
1	Ay	304	ASN
1	Ay	309	ASN
1	Ay	570	GLN
1	Ay	651	ASN
1	Az	213	HIS
1	Az	217	ASN
1	Az	237	ASN
1	Az	367	HIS
1	Az	461	ASN
1	Az	651	ASN
1	BA	175	ASN
1	BA	213	HIS
1	BA	237	ASN
1	BA	304	ASN

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type
1	BA	367	HIS
1	BA	419	ASN
1	BA	462	ASN
1	BA	651	ASN
1	BB	175	ASN
1	BB	387	GLN
1	BB	651	ASN
1	BC	304	ASN
1	BC	367	HIS
1	BC	416	ASN
1	BC	625	ASN
1	BC	651	ASN
1	BD	217	ASN
1	BD	304	ASN
1	BD	309	ASN
1	BD	419	ASN
1	BD	545	GLN
1	BD	651	ASN
1	BE	175	ASN
1	BE	217	ASN
1	BE	304	ASN
1	BE	419	ASN
1	BE	471	HIS
1	BE	651	ASN
1	BF	237	ASN
1	BF	304	ASN
1	BF	367	HIS
1	BF	416	ASN
1	BF	651	ASN
1	BF	697	GLN
1	BF	705	GLN
1	BF	713	ASN
1	BG	213	HIS
1	BG	367	HIS
1	BG	471	HIS
1	BG	651	ASN
1	BH	213	HIS
1	BH	217	ASN
1	BH	416	ASN
1	BH	651	ASN
3	G	93	GLN
3	G	101	HIS

5.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

5.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

5.5 Carbohydrates [i](#)

There are no oligosaccharides in this entry.

5.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

5.7 Other polymers [i](#)

There are no such residues in this entry.

5.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

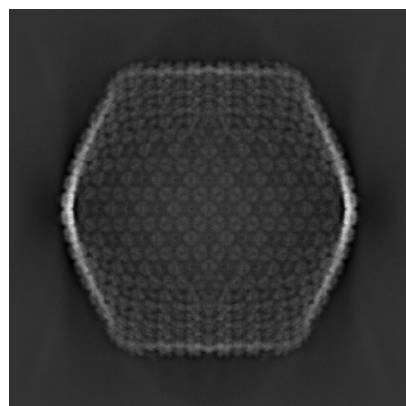
6 Map visualisation [i](#)

This section contains visualisations of the EMDB entry EMD-75837. These allow visual inspection of the internal detail of the map and identification of artifacts.

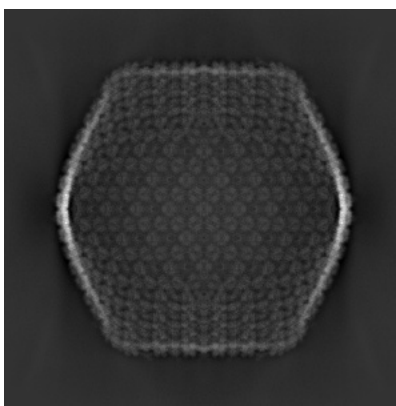
Images derived from a raw map, generated by summing the deposited half-maps, are presented below the corresponding image components of the primary map to allow further visual inspection and comparison with those of the primary map.

6.1 Orthogonal projections [i](#)

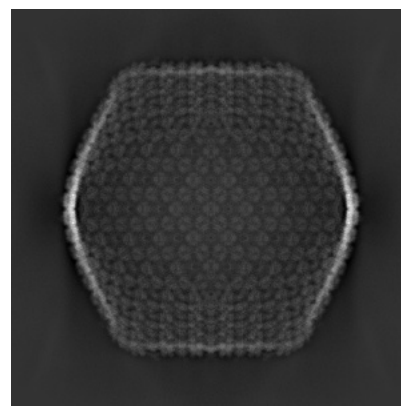
6.1.1 Primary map



X

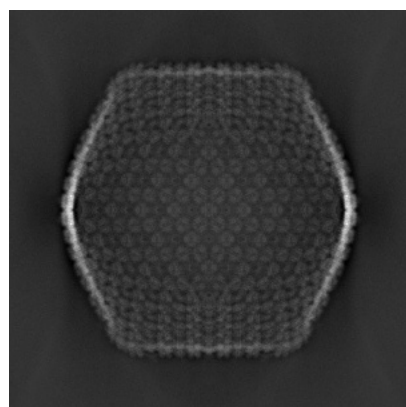


Y

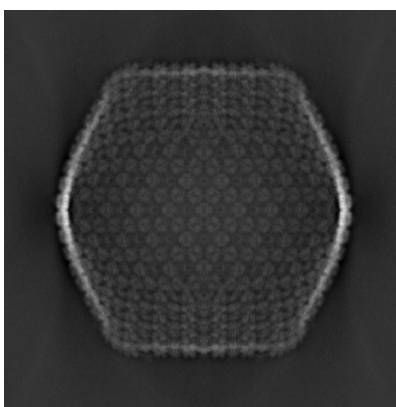


Z

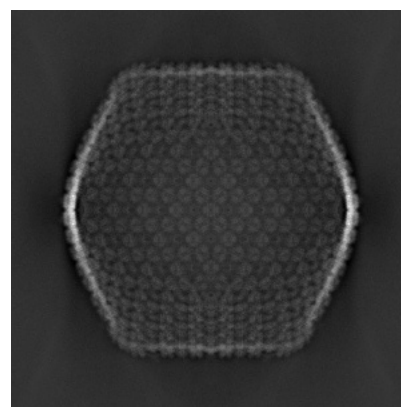
6.1.2 Raw map



X



Y

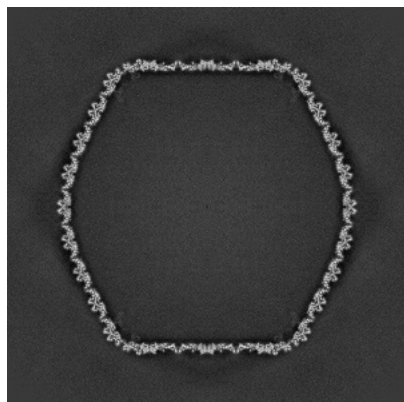


Z

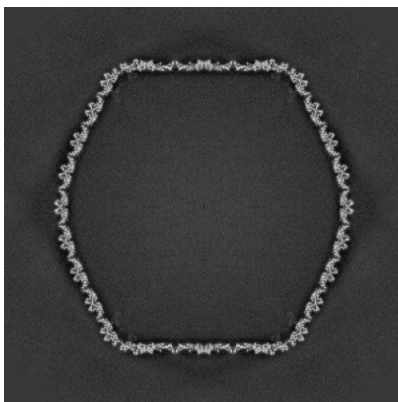
The images above show the map projected in three orthogonal directions.

6.2 Central slices [i](#)

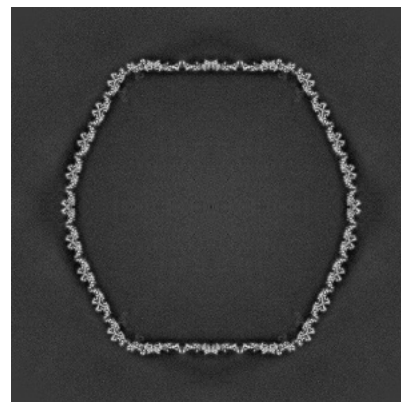
6.2.1 Primary map



X Index: 350

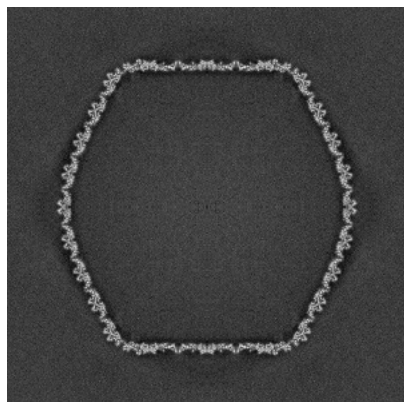


Y Index: 350

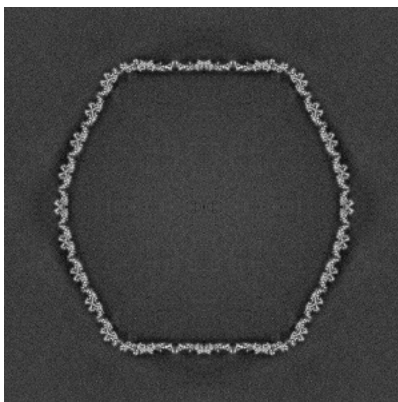


Z Index: 350

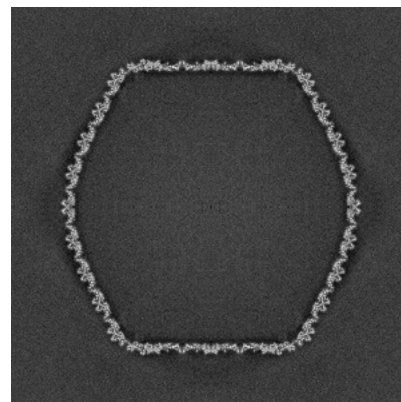
6.2.2 Raw map



X Index: 350



Y Index: 350

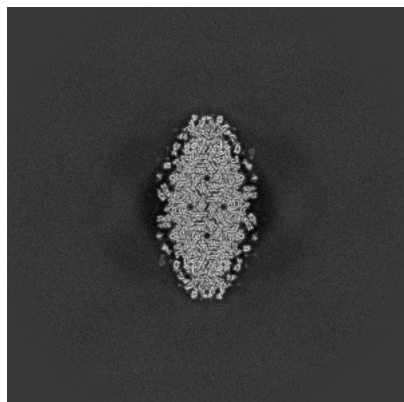


Z Index: 350

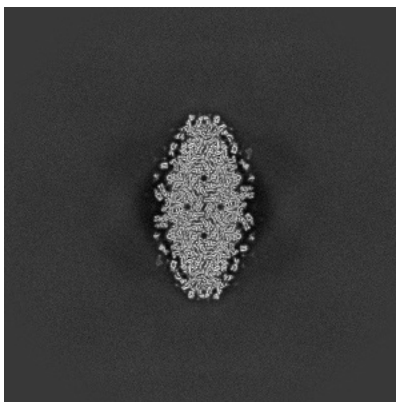
The images above show central slices of the map in three orthogonal directions.

6.3 Largest variance slices [i](#)

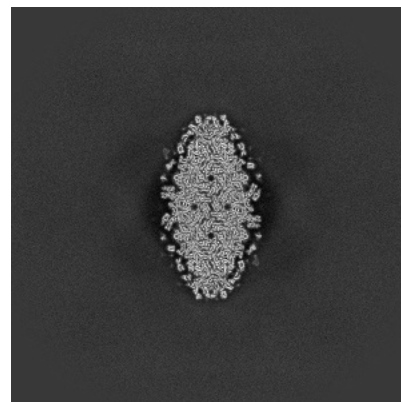
6.3.1 Primary map



X Index: 109

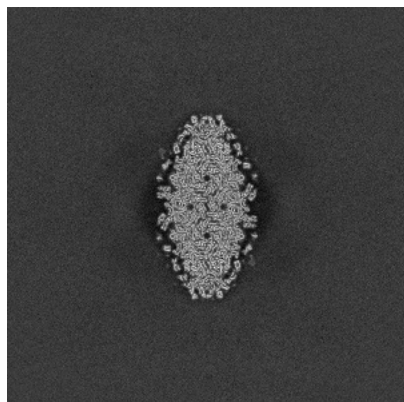


Y Index: 109

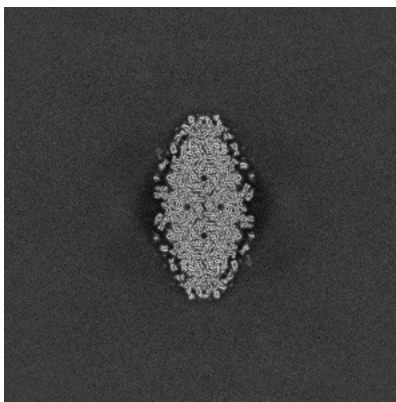


Z Index: 591

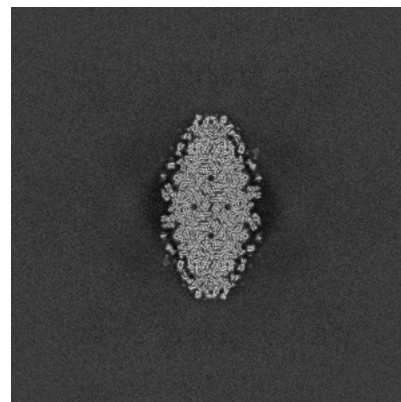
6.3.2 Raw map



X Index: 591



Y Index: 591

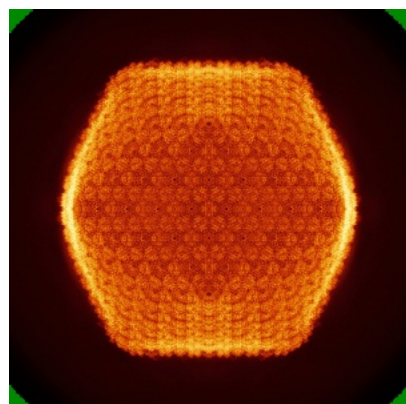


Z Index: 109

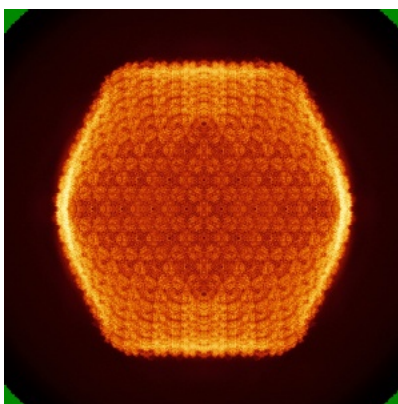
The images above show the largest variance slices of the map in three orthogonal directions.

6.4 Orthogonal standard-deviation projections (False-color) [i](#)

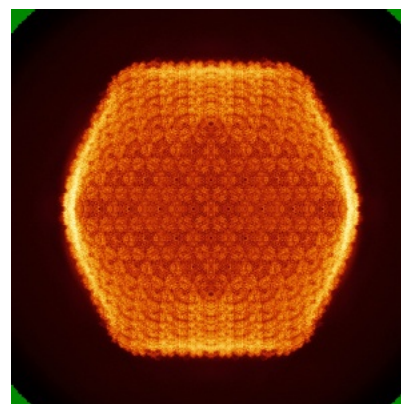
6.4.1 Primary map



X

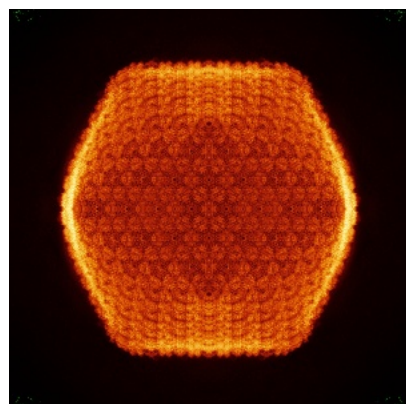


Y

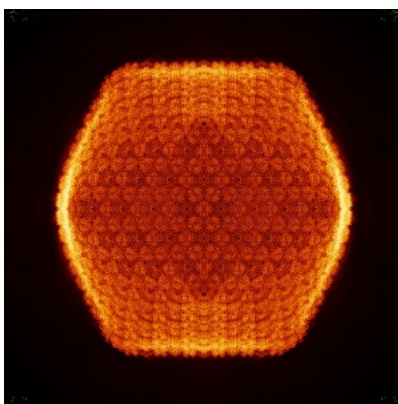


Z

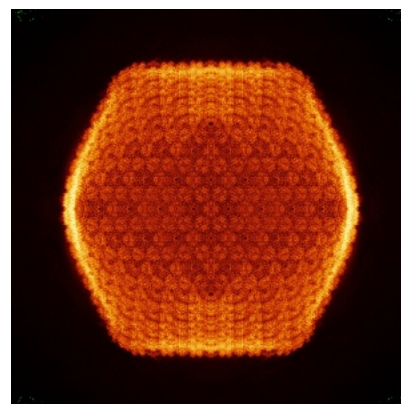
6.4.2 Raw map



X



Y

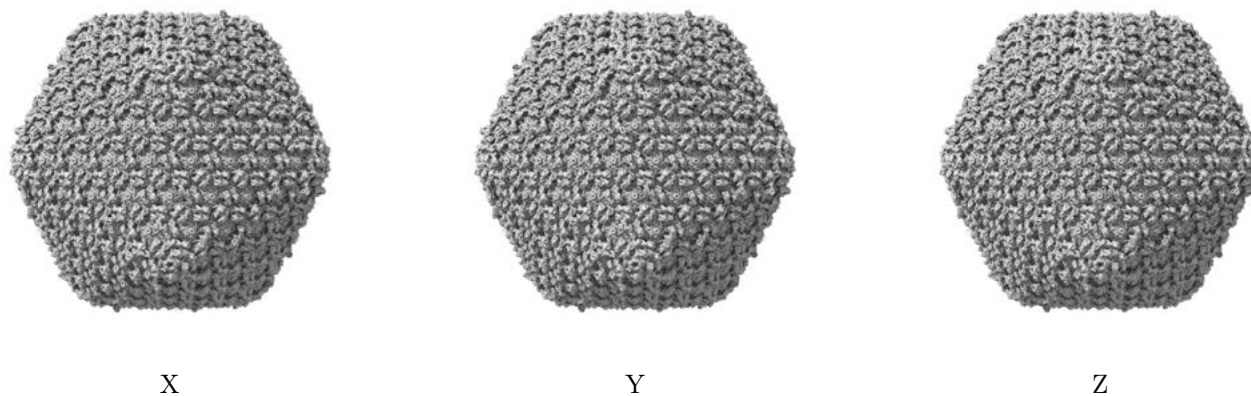


Z

The images above show the map standard deviation projections with false color in three orthogonal directions. Minimum values are shown in green, max in blue, and dark to light orange shades represent small to large values respectively.

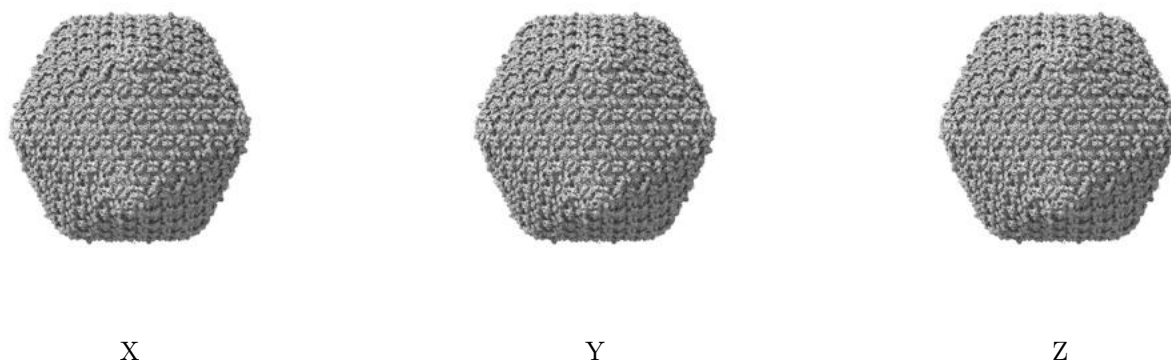
6.5 Orthogonal surface views [i](#)

6.5.1 Primary map



The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.3. These images, in conjunction with the slice images, may facilitate assessment of whether an appropriate contour level has been provided.

6.5.2 Raw map



These images show the 3D surface of the raw map. The raw map's contour level was selected so that its surface encloses the same volume as the primary map does at its recommended contour level.

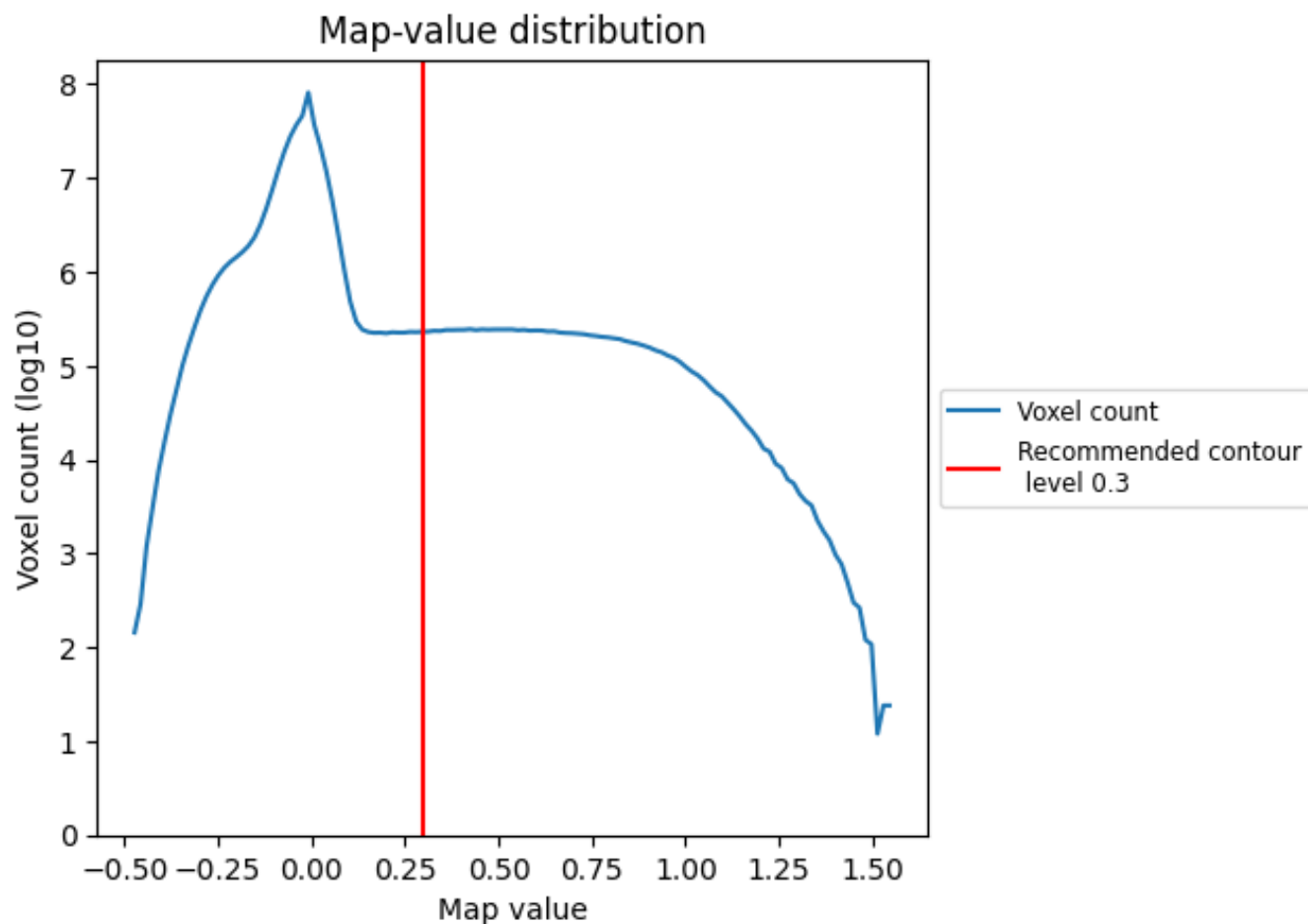
6.6 Mask visualisation [i](#)

This section was not generated. No masks/segmentation were deposited.

7 Map analysis [i](#)

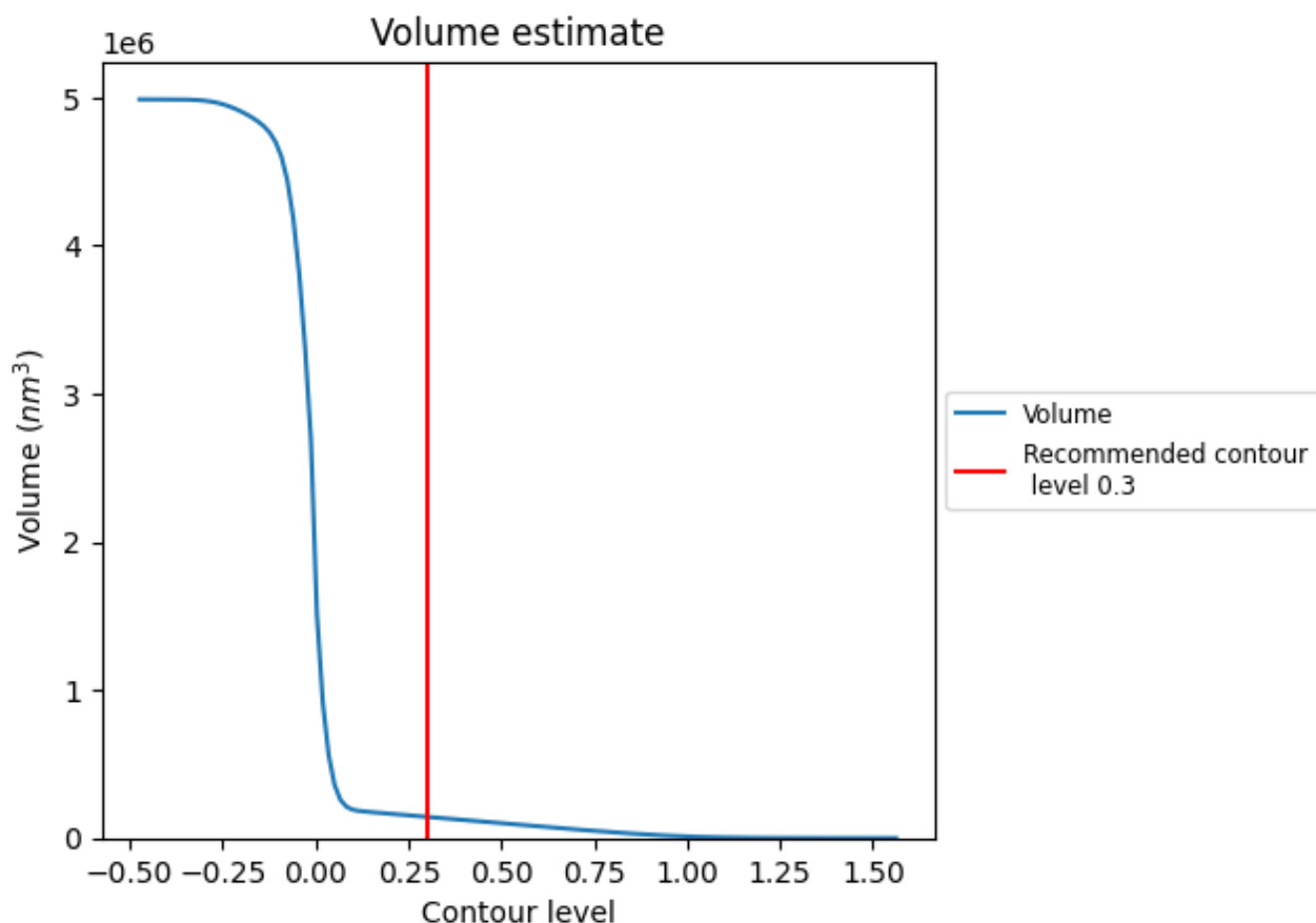
This section contains the results of statistical analysis of the map.

7.1 Map-value distribution [i](#)



The map-value distribution is plotted in 128 intervals along the x-axis. The y-axis is logarithmic. A spike in this graph at zero usually indicates that the volume has been masked.

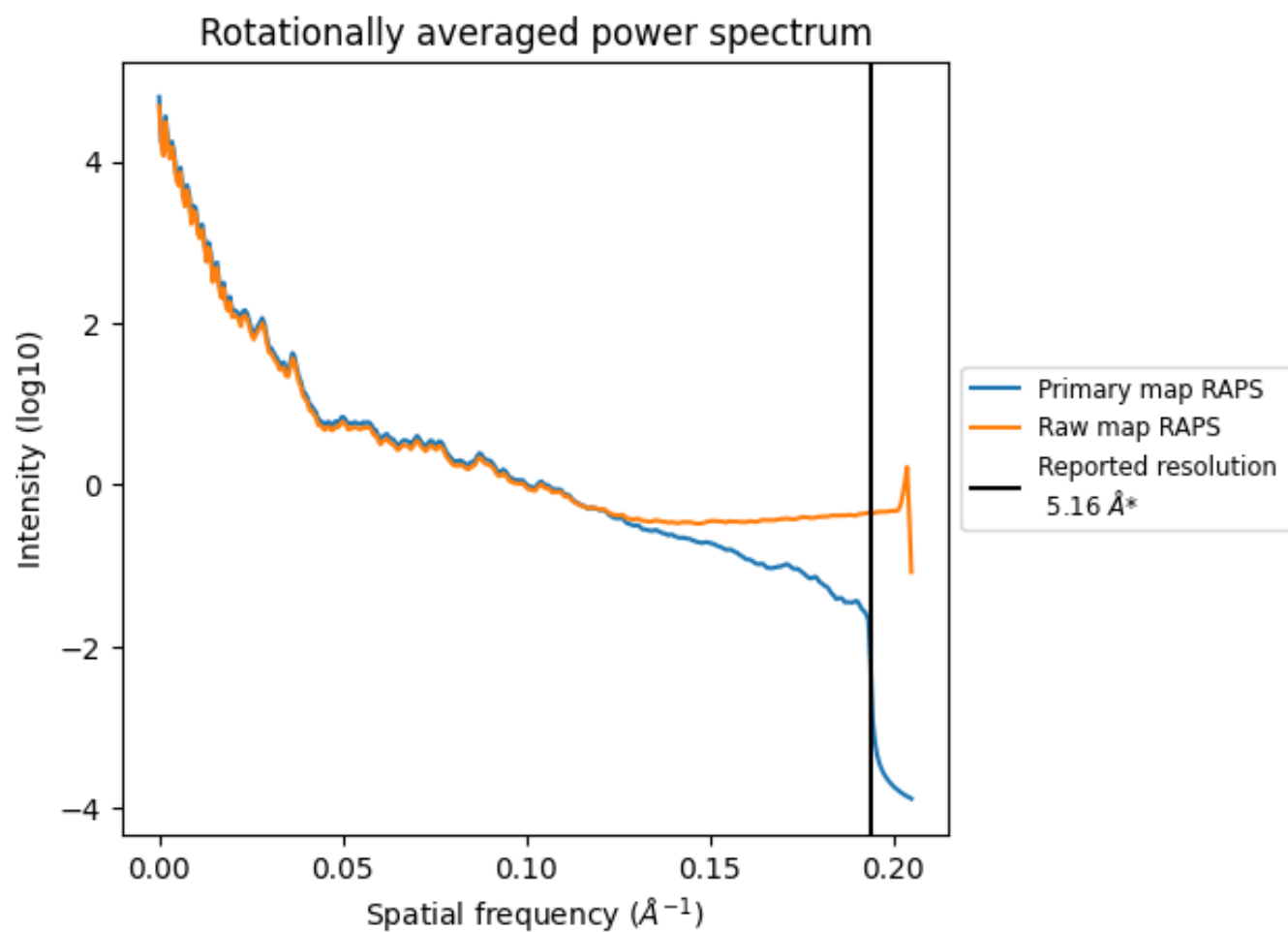
7.2 Volume estimate [i](#)



The volume at the recommended contour level is 144456 nm^3 ; this corresponds to an approximate mass of 130491 kDa.

The volume estimate graph shows how the enclosed volume varies with the contour level. The recommended contour level is shown as a vertical line and the intersection between the line and the curve gives the volume of the enclosed surface at the given level.

7.3 Rotationally averaged power spectrum ⓘ

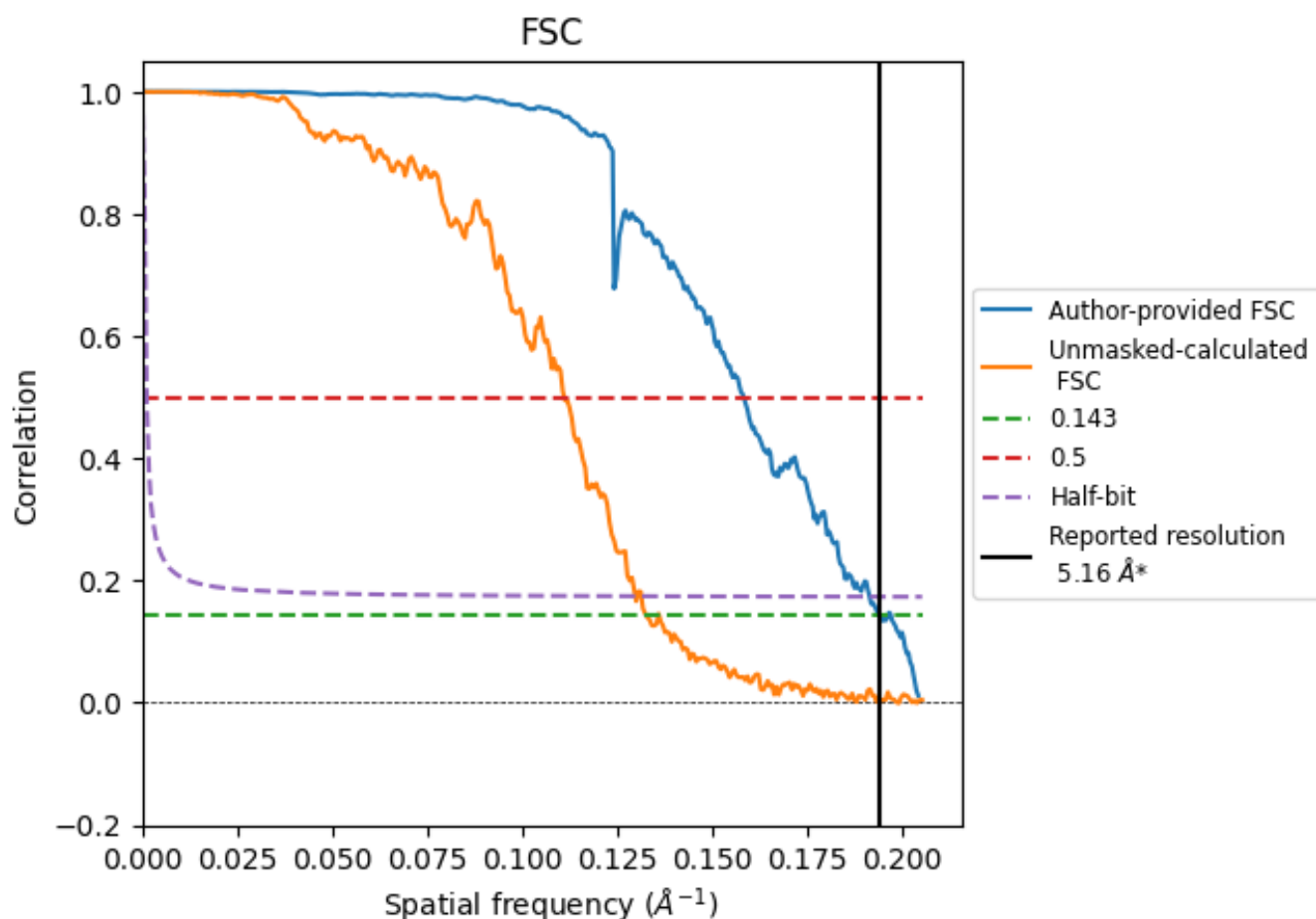


*Reported resolution corresponds to spatial frequency of 0.194 Å⁻¹

8 Fourier-Shell correlation [i](#)

Fourier-Shell Correlation (FSC) is the most commonly used method to estimate the resolution of single-particle and subtomogram-averaged maps. The shape of the curve depends on the imposed symmetry, mask and whether or not the two 3D reconstructions used were processed from a common reference. The reported resolution is shown as a black line. A curve is displayed for the half-bit criterion in addition to lines showing the 0.143 gold standard cut-off and 0.5 cut-off.

8.1 FSC [i](#)



*Reported resolution corresponds to spatial frequency of 0.194 $\text{\AA}^{-1}$

8.2 Resolution estimates [i](#)

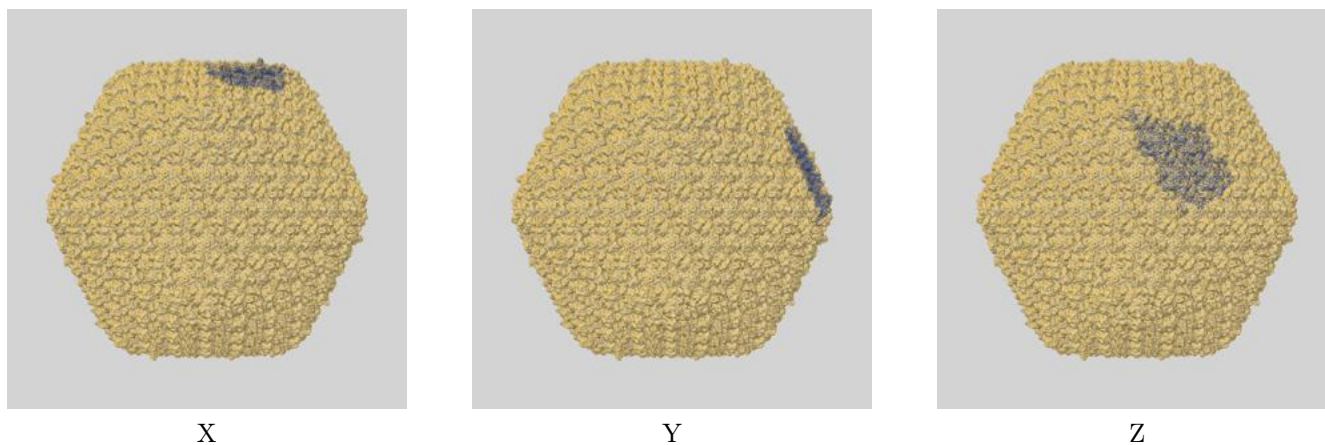
Resolution estimate (Å)	Estimation criterion (FSC cut-off)		
	0.143	0.5	Half-bit
Reported by author	5.16	-	-
Author-provided FSC curve	5.16	6.32	5.23
Unmasked-calculated*	7.55	9.01	7.71

*Resolution estimate based on FSC curve calculated by comparison of deposited half-maps. The value from deposited half-maps intersecting FSC 0.143 CUT-OFF 7.55 differs from the reported value 5.16 by more than 10 %

9 Map-model fit [i](#)

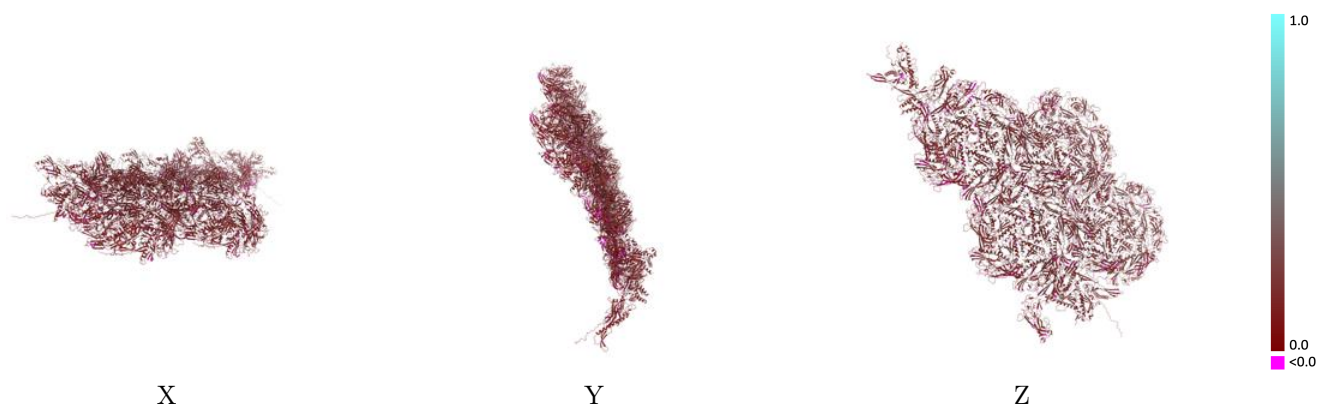
This section contains information regarding the fit between EMDB map EMD-75837 and PDB model 11ML. Per-residue inclusion information can be found in section 3 on page 6.

9.1 Map-model overlay [i](#)



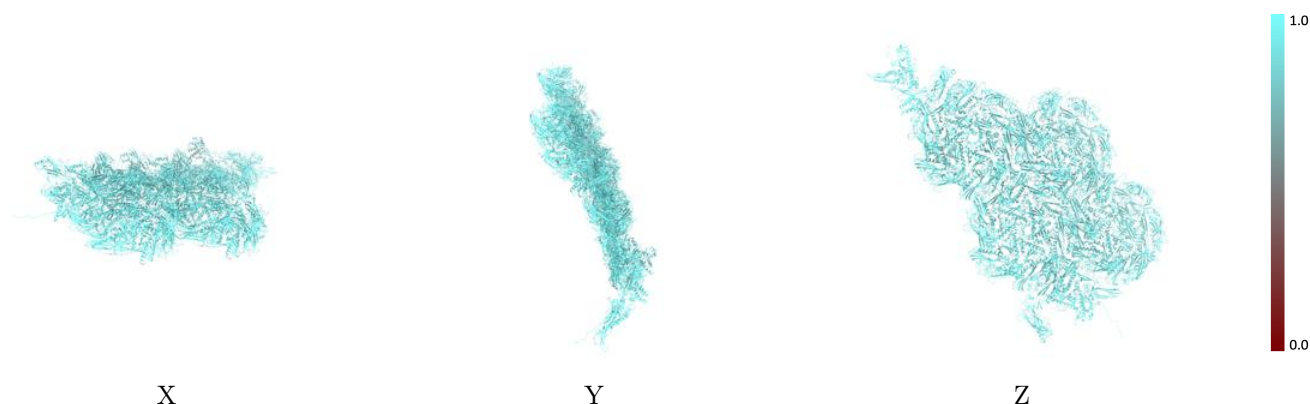
The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.3 at 50% transparency in yellow overlaid with a ribbon representation of the model coloured in blue. These images allow for the visual assessment of the quality of fit between the atomic model and the map.

9.2 Q-score mapped to coordinate model [i](#)



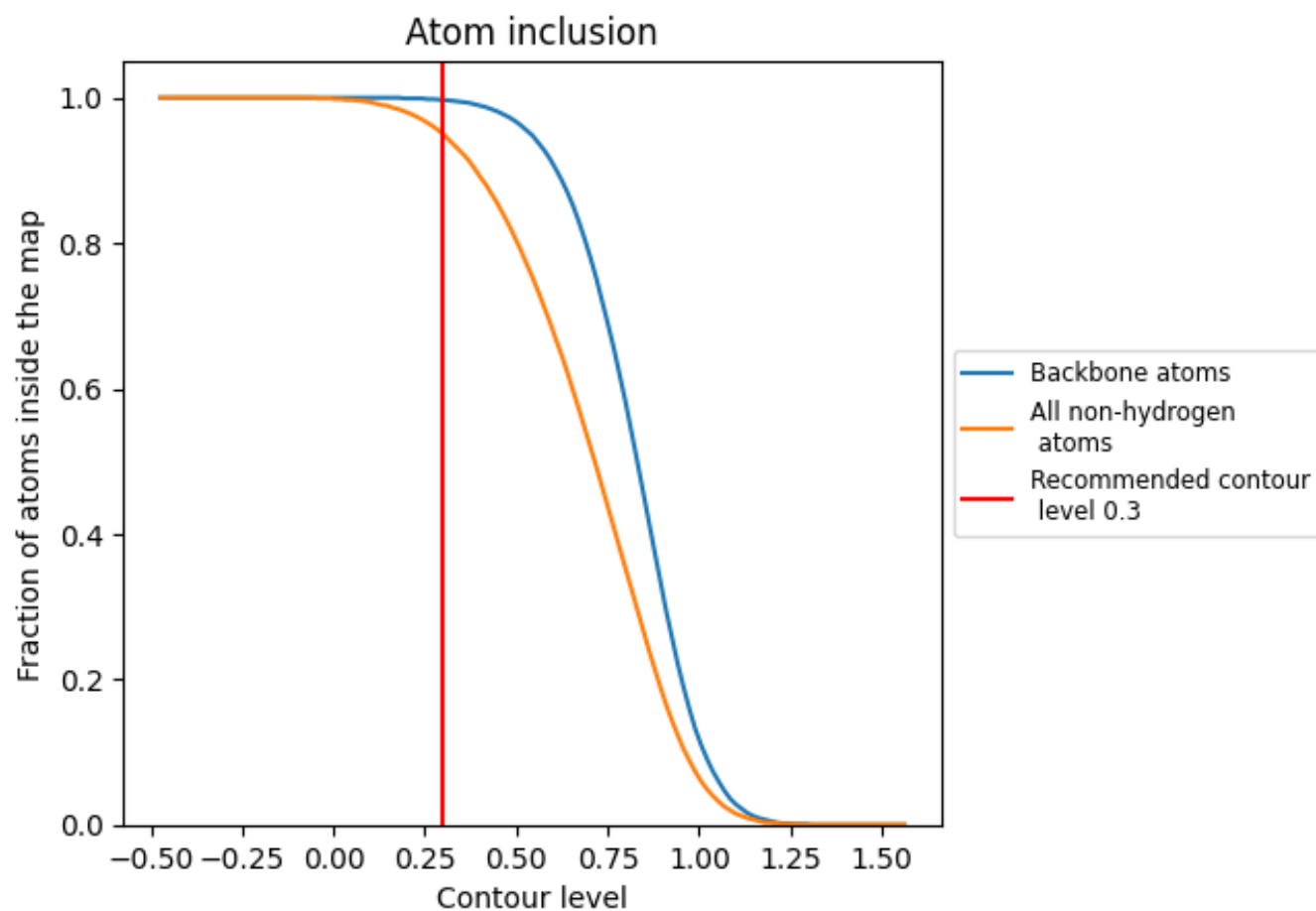
The images above show the model with each residue coloured according its Q-score. This shows their resolvability in the map with higher Q-score values reflecting better resolvability. Please note: Q-score is calculating the resolvability of atoms, and thus high values are only expected at resolutions at which atoms can be resolved. Low Q-score values may therefore be expected for many entries.

9.3 Atom inclusion mapped to coordinate model [i](#)



The images above show the model with each residue coloured according to its atom inclusion. This shows to what extent they are inside the map at the recommended contour level (0.3).

9.4 Atom inclusion [i](#)



At the recommended contour level, 100% of all backbone atoms, 95% of all non-hydrogen atoms, are inside the map.

9.5 Map-model fit summary

The table lists the average atom inclusion at the recommended contour level (0.3) and Q-score for the entire model and for each chain.

Chain	Atom inclusion	Q-score
All	 0.9500	 0.1680
A0	 0.9460	 0.1720
A1	 0.9450	 0.1630
A2	 0.9620	 0.1720
A3	 0.9550	 0.1720
A4	 0.9440	 0.1660
A5	 0.9540	 0.1740
A6	 0.9460	 0.1630
A7	 0.9540	 0.1670
A8	 0.9570	 0.1700
A9	 0.9530	 0.1730
Ar	 0.9580	 0.1710
As	 0.9510	 0.1690
At	 0.9520	 0.1780
Au	 0.9680	 0.1700
Av	 0.9620	 0.1710
Aw	 0.9510	 0.1640
Ax	 0.9520	 0.1640
Ay	 0.9590	 0.1720
Az	 0.9540	 0.1770
B	 0.9650	 0.1860
BA	 0.9370	 0.1490
BB	 0.9270	 0.1580
BC	 0.9460	 0.1630
BD	 0.9560	 0.1720
BE	 0.9390	 0.1670
BF	 0.9370	 0.1590
BG	 0.9630	 0.1710
BH	 0.9580	 0.1700
G	 0.7610	 0.1830

