Full wwPDB NMR Structure Validation Report (i)

Mar 26, 2026 – 06:46 AM UTC

PDB ID	:	2MLW / pdb_00002mlw
BMRB ID	:	19834
Title	:	New Cyt-like delta-endotoxins from Dickeya dadantii - CytC protein
Authors	:	Loth, K.; Costechareyre, D.; Effantin, G.; Rahbe, Y.; Condemine, G.; Landon, C.; Da Silva, P.
Deposited on	:	2014-03-05

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at *validation@mail.wwpdb.org*
A user guide is available at
https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp
with specific help available everywhere you see the (i) symbol.

The types of validation reports are described at
http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types.

The following versions of software and data (see references (i)) were used in the production of this report:

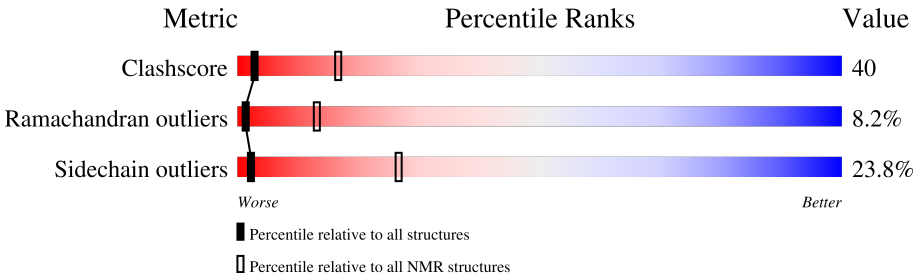
MolProbity	:	4-5-2 with Phenix2.0
Percentile statistics	:	20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
wwPDB-RCI	:	v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV	:	Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker	:	v1.2
BMRB Restraints Analysis	:	v1.2
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP)	:	2.49

1 Overall quality at a glance (i)

The following experimental techniques were used to determine the structure:
SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 80%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	229148	14424
Ramachandran outliers	224038	12848
Sidechain outliers	223484	12823

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for >=3, 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions <=5%

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	203	28% 42% 14% 16%

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 20 models. Model 11 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	**Residue range (total)**	**Backbone RMSD (Å)**	**Medoid model**
1	A:1-A:97, A:125-A:171, A:178-A:203 (170)	1.30	11

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 2 clusters and 6 single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	1, 5, 11, 12, 13, 15, 16, 19
2	3, 4, 6, 7, 9, 10
Single-model clusters	2; 8; 14; 17; 18; 20

3 Entry composition

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 3146 atoms, of which 1568 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin.

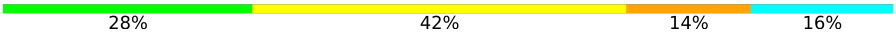
Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
1	A	203	3146	1006	1568	254	313	5	0

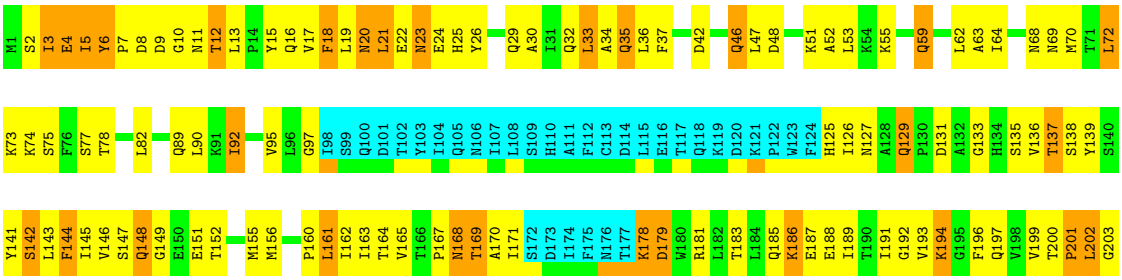
4 Residue-property plots

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

Chain A: 

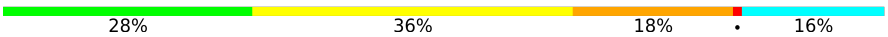


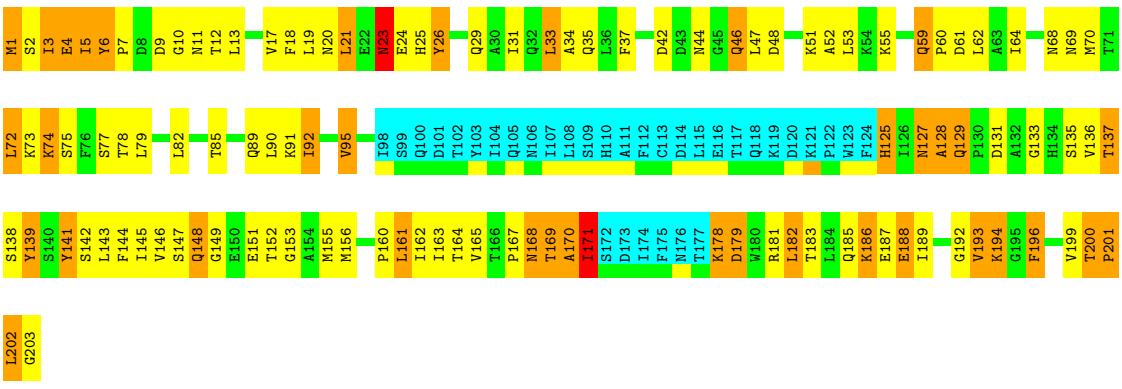
4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

4.2.1 Score per residue for model 1

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

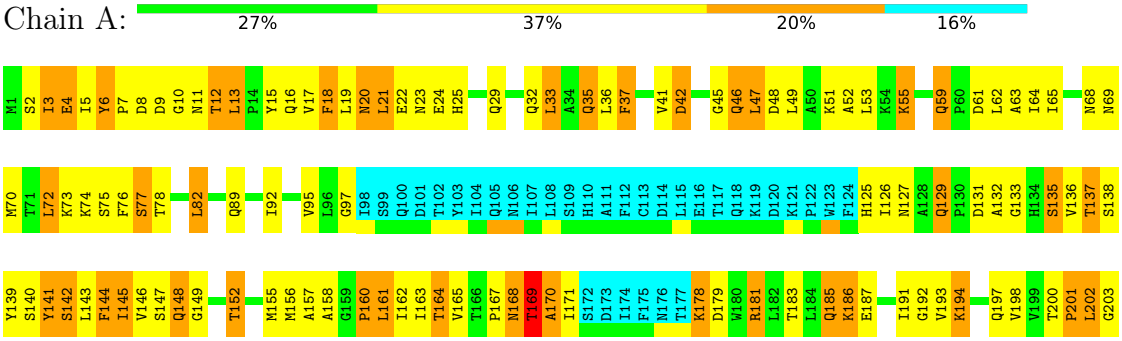
Chain A: 



4.2.2 Score per residue for model 2

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

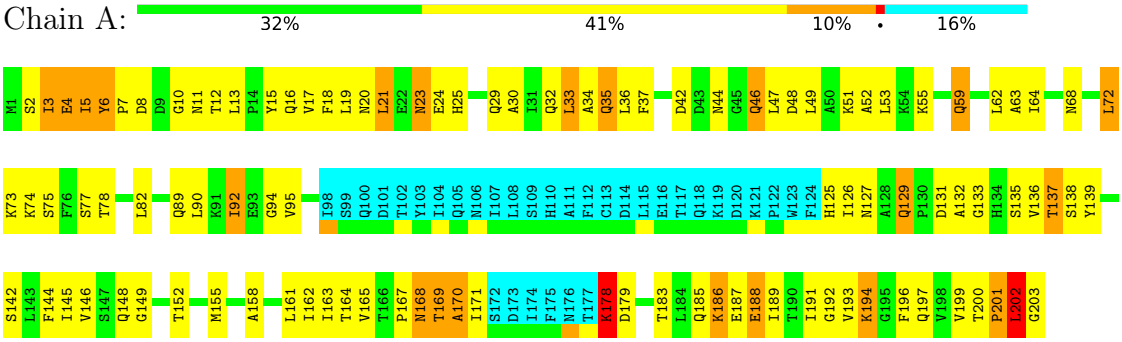
Chain A:



4.2.3 Score per residue for model 3

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

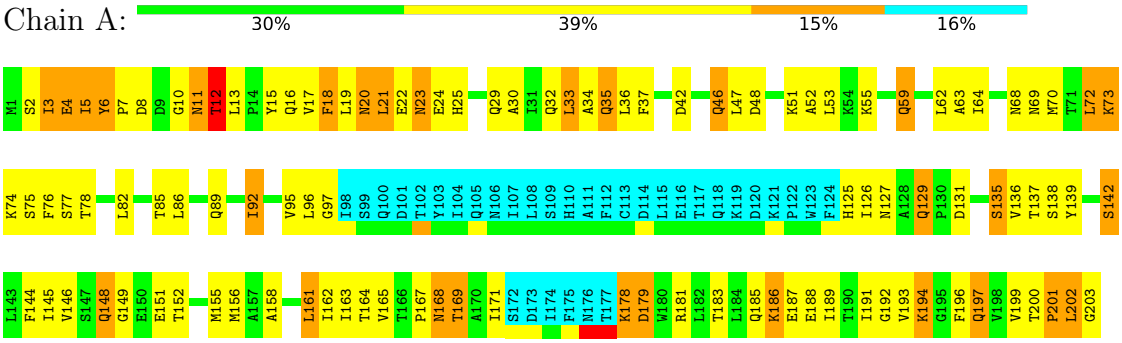
Chain A:



4.2.4 Score per residue for model 4

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

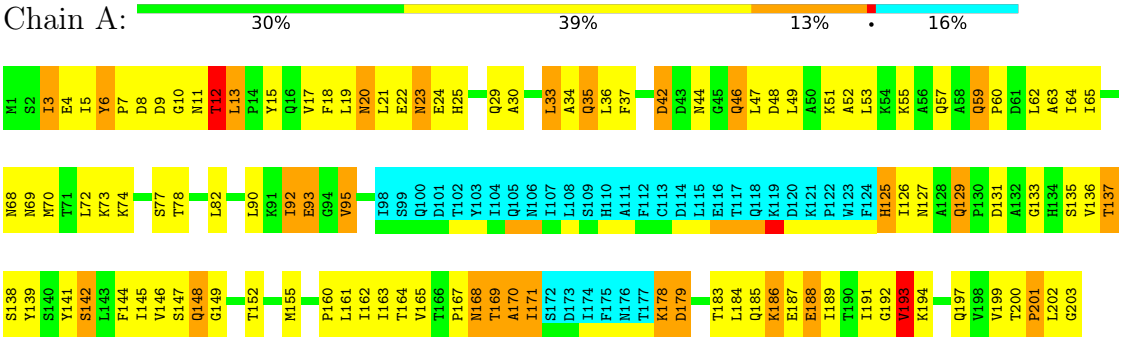
Chain A:



4.2.5 Score per residue for model 5

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

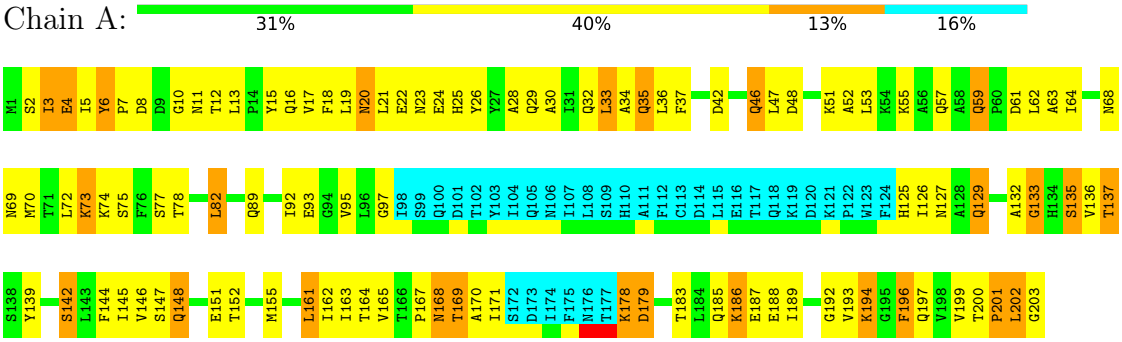
Chain A:



4.2.6 Score per residue for model 6

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

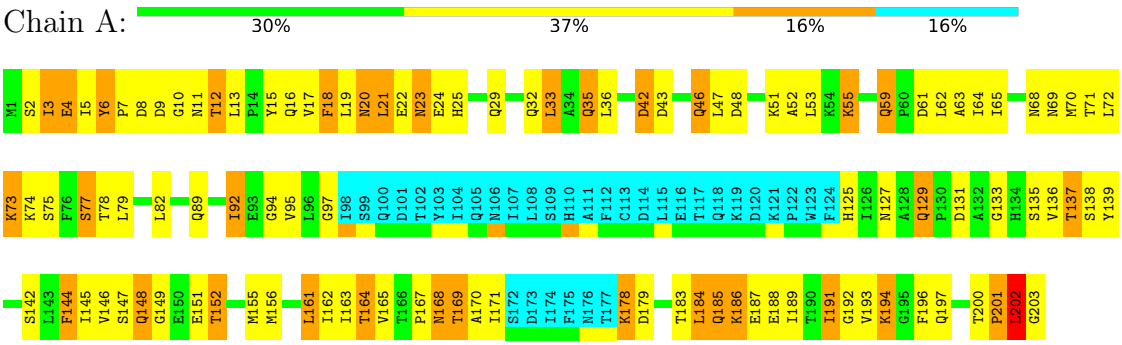
Chain A:



4.2.7 Score per residue for model 7

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

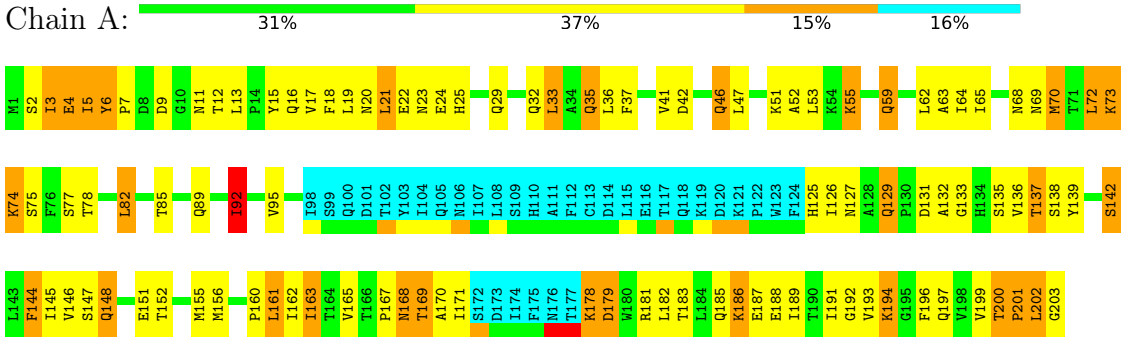
Chain A:



4.2.8 Score per residue for model 8

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

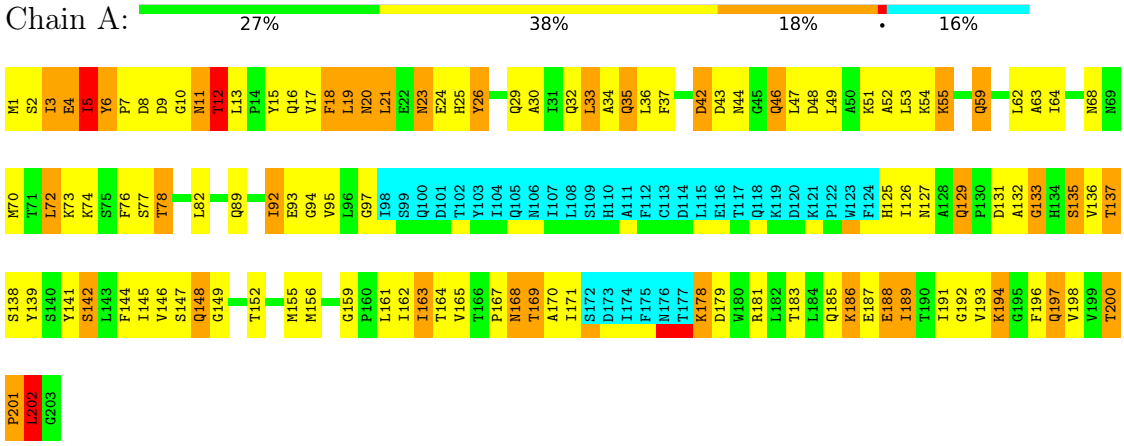
Chain A:



4.2.9 Score per residue for model 9

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

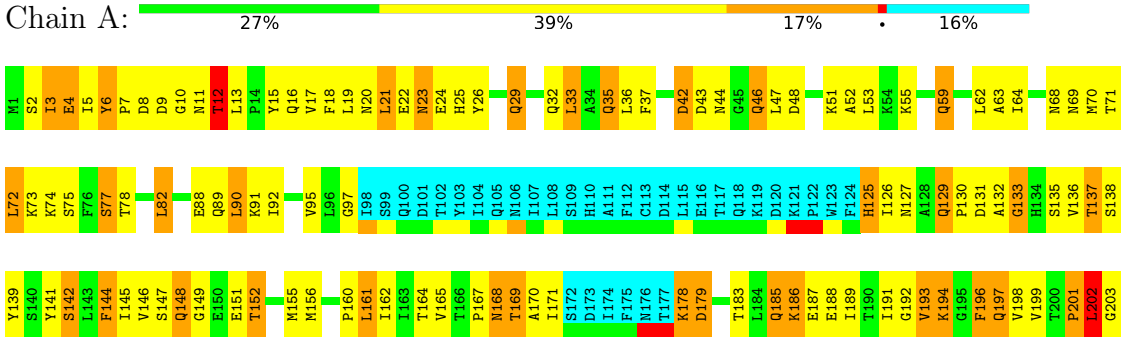
Chain A:



4.2.10 Score per residue for model 10

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

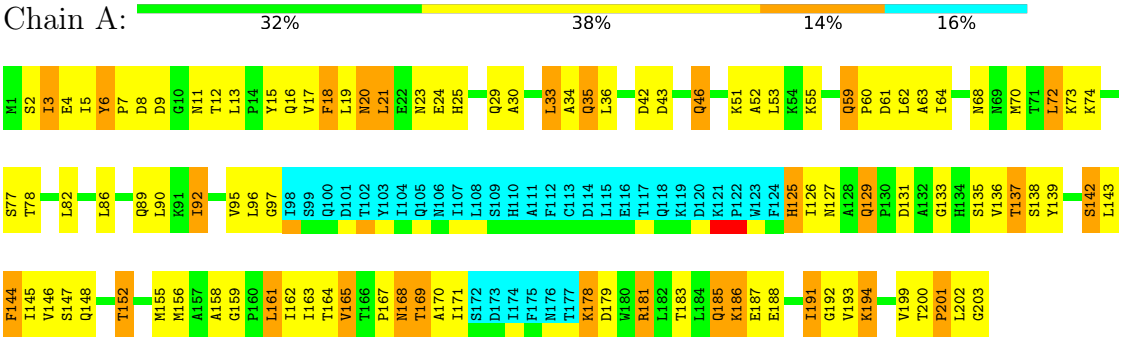
Chain A:



4.2.11 Score per residue for model 11 (medoid)

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

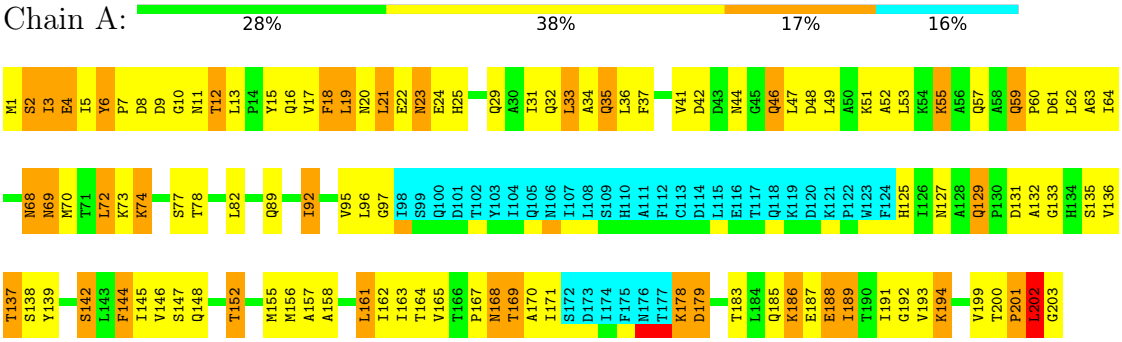
Chain A:



4.2.12 Score per residue for model 12

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

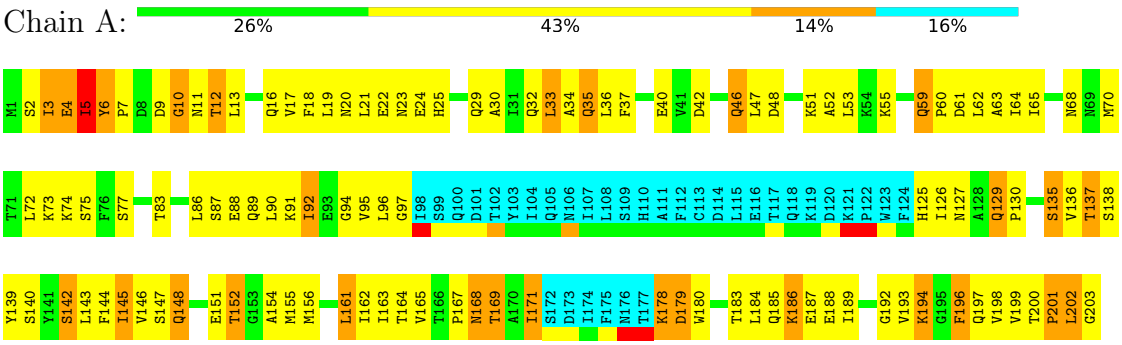
Chain A:



4.2.13 Score per residue for model 13

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

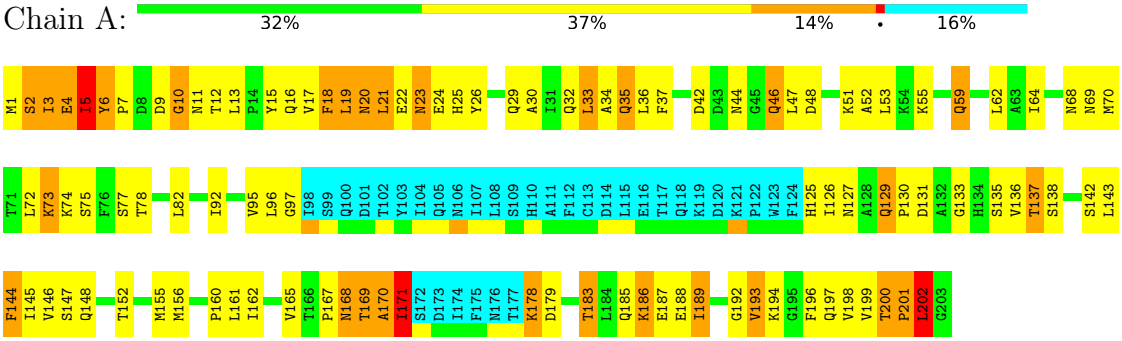
Chain A:



4.2.14 Score per residue for model 14

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

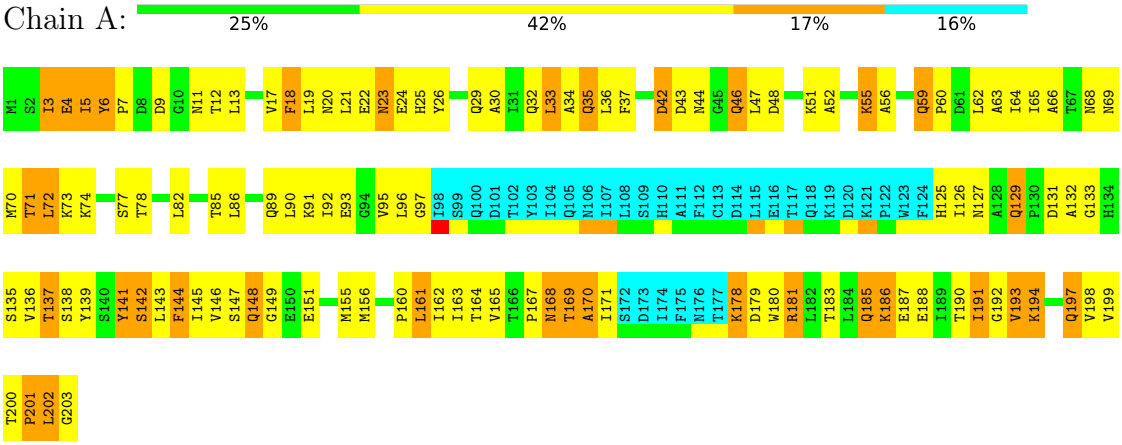
Chain A:



4.2.15 Score per residue for model 15

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

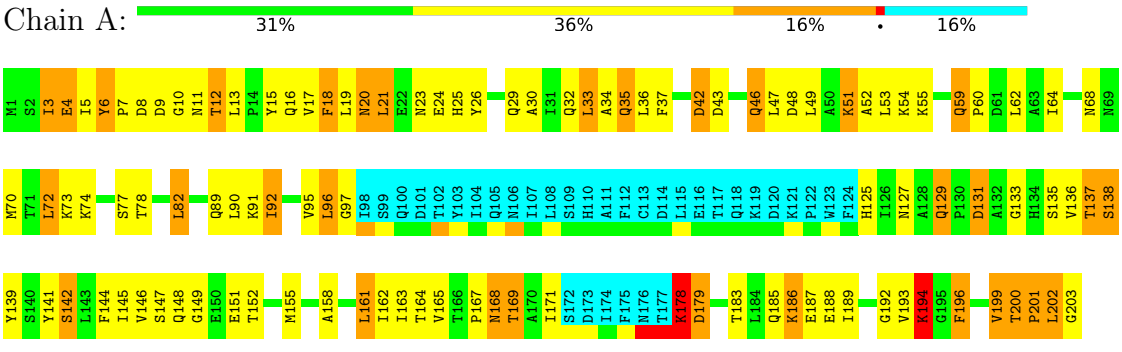
Chain A:



4.2.16 Score per residue for model 16

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

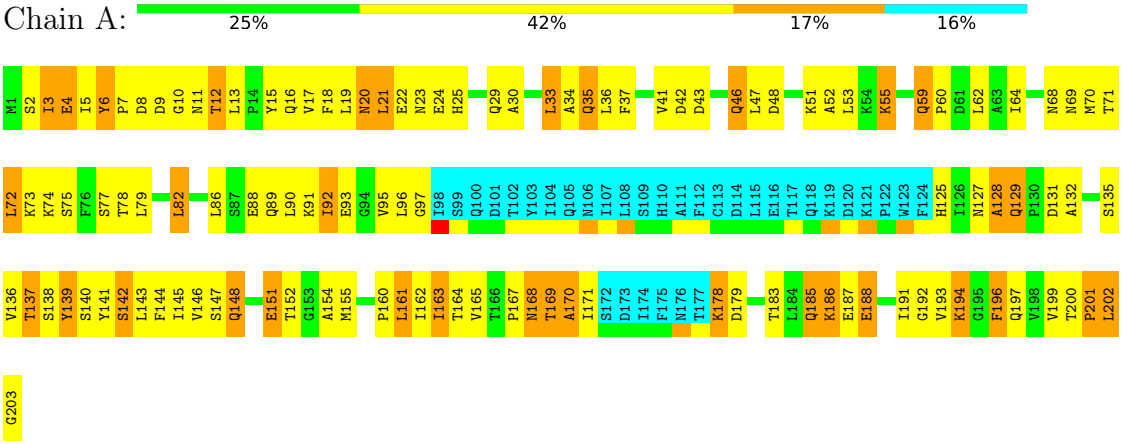
Chain A:



4.2.17 Score per residue for model 17

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

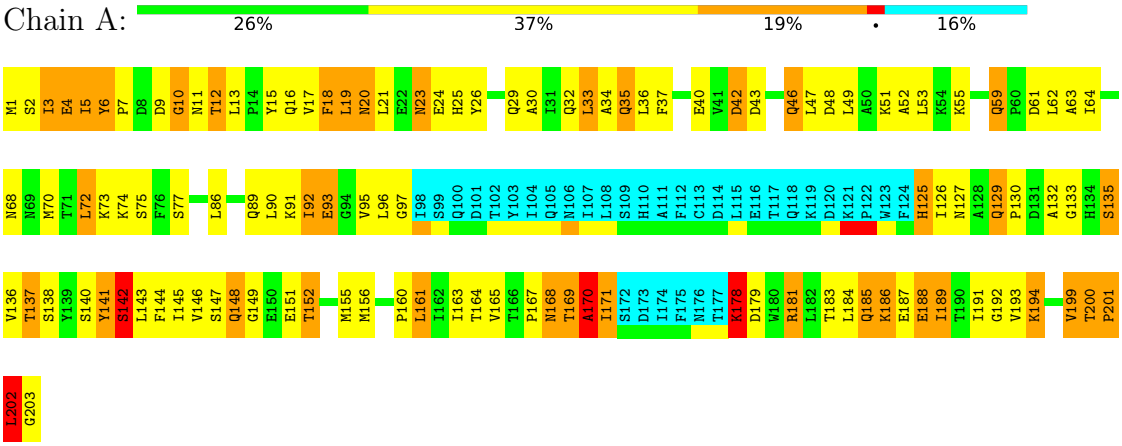
Chain A:



4.2.18 Score per residue for model 18

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

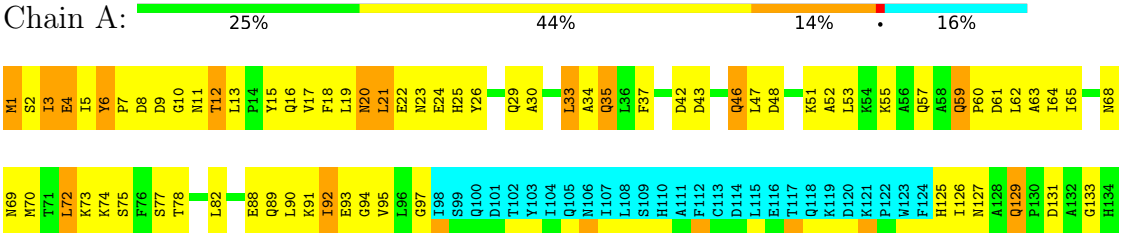
Chain A:

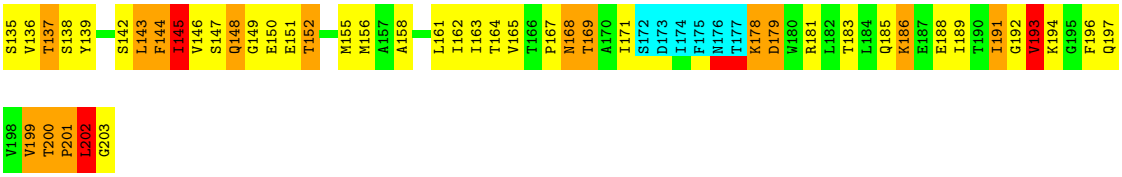


4.2.19 Score per residue for model 19

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

Chain A:

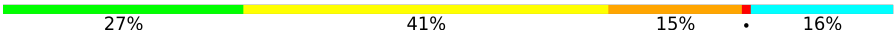


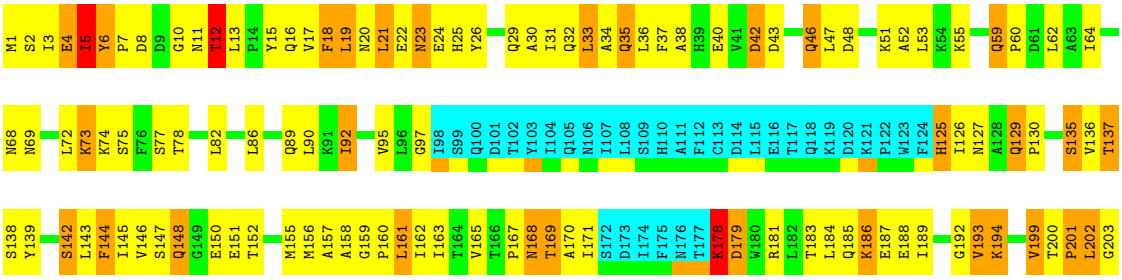


4.2.20 Score per residue for model 20

• Molecule 1: Type-1Ba cytolytic delta-endotoxin

Chain A:





5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *simulated annealing.*

Of the 500 calculated structures, 20 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy.*

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
ARIA	structure solution	2.3
ARIA	refinement	

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	2103
Number of shifts mapped to atoms	2103
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	80%

6 Model quality

6.1 Standard geometry

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the (average) root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	#Z>5	RMSZ	#Z>5
1	A	0.62±0.02	0±0/1325 (0.0± 0.0%)	0.89±0.03	1±1/1802 (0.0± 0.0%)
All	All	0.62	0/26500 (0.0%)	0.89	15/36040 (0.0%)

Chiral center outliers are detected by calculating the chiral volume of a chiral center and verifying if the center is modelled as a planar moiety or with the opposite hand. A planarity outlier is detected by checking planarity of atoms in a peptide group, atoms in a mainchain group or atoms of a sidechain that are expected to be planar.

Mol	Chain	Chirality	Planarity
1	A	0.0±0.0	0.5±0.8
All	All	0	10

There are no bond-length outliers.

All unique angle outliers are listed below. They are sorted according to the Z-score of the worst occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(^{o})	Ideal(^{o})	Models	
								Worst	Total
1	A	170	ALA	N-CA-C	7.78	119.76	111.28	17	10
1	A	145	ILE	N-CA-CB	7.25	123.20	111.23	19	1
1	A	23	ASN	CA-CB-CG	6.01	118.61	112.60	1	1
1	A	171	ILE	CB-CA-C	-5.66	102.73	110.77	1	2
1	A	144	PHE	CA-CB-CG	5.15	118.95	113.80	11	1

There are no chirality outliers.

All unique planar outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Group	Models (Total)
1	A	170	ALA	Peptide	4
1	A	169	THR	Peptide	3
1	A	141	TYR	Peptide	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Group	Models (Total)
1	A	142	SER	Peptide	1

6.2 Too-close contacts (i)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	1302	1311	1307	105±11
All	All	26040	26220	26140	2104

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 40.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:127:ASN:O	1:A:137:THR:HA	0.91	1.65	4	18
1:A:33:LEU:HG	1:A:155:MET:HE1	0.88	1.44	15	18
1:A:165:VAL:HB	1:A:183:THR:O	0.85	1.70	17	19
1:A:70:MET:HB3	1:A:92:ILE:HG21	0.84	1.46	4	2
1:A:97:GLY:O	1:A:199:VAL:HA	0.83	1.73	20	10
1:A:161:LEU:O	1:A:186:LYS:HB2	0.83	1.74	11	20
1:A:148:GLN:O	1:A:201:PRO:HA	0.82	1.74	13	20
1:A:186:LYS:HZ2	1:A:188:GLU:HB3	0.82	1.33	12	1
1:A:23:ASN:HD21	1:A:26:TYR:N	0.82	1.71	9	6
1:A:59:GLN:HG2	1:A:193:VAL:HG11	0.81	1.53	15	19
1:A:23:ASN:ND2	1:A:25:HIS:H	0.80	1.75	18	12
1:A:3:ILE:HD11	1:A:16:GLN:HA	0.79	1.54	20	16
1:A:169:THR:O	1:A:179:ASP:HB2	0.79	1.77	16	16
1:A:42:ASP:HB3	1:A:46:GLN:NE2	0.78	1.94	11	20
1:A:3:ILE:HG23	1:A:13:LEU:HB2	0.77	1.56	2	19
1:A:144:PHE:O	1:A:145:ILE:HG13	0.76	1.81	19	1
1:A:129:GLN:HE22	1:A:136:VAL:H	0.75	1.25	1	20
1:A:186:LYS:HZ3	1:A:188:GLU:HB3	0.75	1.42	20	1
1:A:161:LEU:HD13	1:A:187:GLU:O	0.73	1.83	1	14
1:A:129:GLN:NE2	1:A:136:VAL:H	0.72	1.81	5	20
1:A:21:LEU:HD22	1:A:144:PHE:HB2	0.72	1.61	3	9
1:A:70:MET:O	1:A:185:GLN:HG3	0.72	1.83	10	5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:131:ASP:HB2	1:A:135:SER:OG	0.72	1.84	5	9
1:A:144:PHE:HB2	1:A:158:ALA:O	0.71	1.84	11	1
1:A:142:SER:OG	1:A:161:LEU:HA	0.71	1.85	14	3
1:A:186:LYS:NZ	1:A:188:GLU:HB2	0.71	1.99	4	5
1:A:17:VAL:HG23	1:A:20:ASN:HD22	0.71	1.46	20	13
1:A:22:GLU:O	1:A:145:ILE:HG22	0.70	1.87	13	8
1:A:2:SER:HB3	1:A:18:PHE:CA	0.70	2.16	20	1
1:A:138:SER:OG	1:A:165:VAL:HA	0.70	1.86	9	11
1:A:3:ILE:HG23	1:A:13:LEU:H	0.69	1.46	5	19
1:A:72:LEU:HB2	1:A:89:GLN:NE2	0.69	2.02	17	17
1:A:64:ILE:HA	1:A:191:ILE:HG13	0.68	1.63	15	1
1:A:23:ASN:OD1	1:A:26:TYR:HB3	0.68	1.88	9	1
1:A:18:PHE:O	1:A:19:LEU:HD13	0.68	1.89	9	4
1:A:2:SER:CB	1:A:18:PHE:HA	0.68	2.18	20	1
1:A:35:GLN:H	1:A:35:GLN:CD	0.68	1.96	19	6
1:A:125:HIS:HA	1:A:139:TYR:N	0.68	2.04	12	13
1:A:35:GLN:HE21	1:A:36:LEU:HG	0.67	1.48	18	5
1:A:47:LEU:HD13	1:A:52:ALA:HB3	0.67	1.64	2	1
1:A:142:SER:HB3	1:A:162:ILE:HG22	0.66	1.67	14	1
1:A:144:PHE:CB	1:A:159:GLY:HA2	0.66	2.20	11	1
1:A:161:LEU:HD21	1:A:187:GLU:HB2	0.66	1.64	9	3
1:A:129:GLN:HE21	1:A:129:GLN:N	0.66	1.89	16	16
1:A:186:LYS:NZ	1:A:188:GLU:HB3	0.66	2.05	20	3
1:A:135:SER:H	1:A:169:THR:HB	0.66	1.51	20	1
1:A:165:VAL:HG13	1:A:183:THR:O	0.66	1.91	11	1
1:A:33:LEU:HG	1:A:155:MET:CE	0.65	2.21	19	3
1:A:125:HIS:HB3	1:A:139:TYR:H	0.65	1.51	2	2
1:A:35:GLN:NE2	1:A:36:LEU:HG	0.65	2.06	18	13
1:A:46:GLN:HB2	1:A:144:PHE:CE2	0.65	2.25	18	1
1:A:24:GLU:HG3	1:A:25:HIS:CD2	0.65	2.26	16	18
1:A:186:LYS:HZ2	1:A:188:GLU:HB2	0.64	1.52	7	3
1:A:125:HIS:NE2	1:A:141:TYR:HB2	0.64	2.07	16	1
1:A:135:SER:CB	1:A:168:ASN:HD22	0.64	2.06	4	20
1:A:156:MET:SD	1:A:192:GLY:HA2	0.64	2.33	15	3
1:A:192:GLY:HA3	1:A:194:LYS:HZ2	0.64	1.52	19	2
1:A:194:LYS:N	1:A:194:LYS:HD3	0.64	2.08	13	10
1:A:33:LEU:CD1	1:A:155:MET:HE1	0.64	2.23	17	1
1:A:3:ILE:HG23	1:A:13:LEU:CB	0.63	2.23	20	17
1:A:18:PHE:C	1:A:19:LEU:HD13	0.63	2.19	9	5
1:A:2:SER:HB3	1:A:18:PHE:HA	0.63	1.71	20	1
1:A:33:LEU:N	1:A:33:LEU:HD13	0.63	2.07	17	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:89:GLN:O	1:A:92:ILE:HB	0.62	1.93	7	6
1:A:167:PRO:HB2	1:A:169:THR:HG22	0.62	1.71	20	9
1:A:142:SER:HB3	1:A:161:LEU:CB	0.62	2.25	1	1
1:A:23:ASN:HD21	1:A:25:HIS:H	0.62	1.36	18	4
1:A:186:LYS:HE3	1:A:188:GLU:OE2	0.62	1.94	1	1
1:A:24:GLU:OE2	1:A:97:GLY:HA3	0.61	1.95	9	6
1:A:47:LEU:HD22	1:A:52:ALA:HB1	0.61	1.72	2	1
1:A:33:LEU:HD13	1:A:33:LEU:H	0.61	1.54	17	1
1:A:188:GLU:O	1:A:188:GLU:HG2	0.61	1.95	18	1
1:A:25:HIS:O	1:A:29:GLN:HG2	0.61	1.94	17	16
1:A:89:GLN:O	1:A:92:ILE:HG12	0.61	1.95	8	1
1:A:156:MET:SD	1:A:194:LYS:HD2	0.61	2.35	15	2
1:A:169:THR:HG23	1:A:179:ASP:HA	0.61	1.72	2	8
1:A:129:GLN:HE22	1:A:136:VAL:N	0.61	1.92	17	15
1:A:135:SER:O	1:A:167:PRO:HB3	0.61	1.95	5	13
1:A:46:GLN:HA	1:A:144:PHE:CE2	0.61	2.31	20	1
1:A:200:THR:OG1	1:A:201:PRO:HD2	0.60	1.96	4	17
1:A:23:ASN:HD22	1:A:24:GLU:N	0.60	1.94	19	6
1:A:125:HIS:HB3	1:A:164:THR:HG23	0.60	1.74	18	3
1:A:186:LYS:HZ2	1:A:188:GLU:CB	0.60	2.10	7	2
1:A:23:ASN:HB2	1:A:145:ILE:HD12	0.60	1.73	19	1
1:A:144:PHE:HB2	1:A:159:GLY:HA2	0.59	1.73	11	2
1:A:143:LEU:N	1:A:161:LEU:HA	0.59	2.12	2	1
1:A:145:ILE:HG22	1:A:146:VAL:HG23	0.59	1.73	19	1
1:A:85:THR:O	1:A:89:GLN:HG2	0.59	1.97	8	4
1:A:21:LEU:HD11	1:A:144:PHE:CE2	0.59	2.32	20	1
1:A:125:HIS:HB3	1:A:139:TYR:N	0.59	2.12	2	2
1:A:36:LEU:O	1:A:55:LYS:HG3	0.59	1.98	17	5
1:A:145:ILE:O	1:A:158:ALA:HB3	0.59	1.98	19	2
1:A:49:LEU:HD21	1:A:189:ILE:HG13	0.59	1.73	18	1
1:A:53:LEU:HD12	1:A:64:ILE:HG21	0.59	1.75	8	19
1:A:3:ILE:HA	1:A:13:LEU:HD12	0.58	1.75	15	7
1:A:138:SER:HA	1:A:164:THR:O	0.58	1.98	17	2
1:A:17:VAL:HG23	1:A:20:ASN:CG	0.58	2.23	10	4
1:A:25:HIS:CD2	1:A:147:SER:HA	0.58	2.33	16	14
1:A:129:GLN:OE1	1:A:135:SER:HA	0.58	1.99	20	5
1:A:139:TYR:CZ	1:A:141:TYR:HB2	0.58	2.33	17	1
1:A:6:TYR:H	1:A:7:PRO:HD2	0.58	1.59	2	20
1:A:59:GLN:CG	1:A:193:VAL:HG11	0.58	2.29	15	17
1:A:62:LEU:HB2	1:A:192:GLY:O	0.57	1.98	10	20
1:A:13:LEU:HD13	1:A:15:TYR:HB2	0.57	1.74	16	5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:180:TRP:CD1	1:A:181:ARG:HH21	0.57	2.17	15	1
1:A:145:ILE:HG22	1:A:146:VAL:N	0.57	2.15	19	3
1:A:21:LEU:HB2	1:A:144:PHE:HB2	0.57	1.76	2	2
1:A:33:LEU:HD12	1:A:155:MET:SD	0.57	2.40	17	1
1:A:89:GLN:O	1:A:92:ILE:HD12	0.57	2.00	1	2
1:A:70:MET:SD	1:A:92:ILE:HG21	0.57	2.39	9	2
1:A:4:GLU:HA	1:A:10:GLY:O	0.57	1.99	20	15
1:A:1:MET:SD	1:A:30:ALA:HB1	0.57	2.39	18	1
1:A:78:THR:O	1:A:82:LEU:HD13	0.57	2.00	4	18
1:A:37:PHE:O	1:A:41:VAL:HG13	0.57	2.00	17	3
1:A:138:SER:HB2	1:A:164:THR:O	0.56	2.00	16	1
1:A:139:TYR:CE2	1:A:141:TYR:HB2	0.56	2.35	17	1
1:A:3:ILE:HG13	1:A:17:VAL:O	0.56	2.01	18	14
1:A:151:GLU:HB3	1:A:203:GLY:HA3	0.56	1.75	20	7
1:A:165:VAL:CG2	1:A:183:THR:HB	0.56	2.30	11	1
1:A:59:GLN:HE21	1:A:59:GLN:CA	0.56	2.13	12	20
1:A:193:VAL:HG23	1:A:193:VAL:O	0.56	2.01	2	17
1:A:194:LYS:CB	1:A:202:LEU:HD13	0.56	2.31	15	8
1:A:23:ASN:HB2	1:A:146:VAL:H	0.56	1.61	1	2
1:A:151:GLU:HB3	1:A:203:GLY:CA	0.56	2.31	1	7
1:A:86:LEU:O	1:A:90:LEU:HG	0.56	2.00	20	3
1:A:178:LYS:HB2	1:A:181:ARG:CG	0.56	2.31	2	1
1:A:194:LYS:HG3	1:A:202:LEU:HD13	0.56	1.77	20	2
1:A:125:HIS:HA	1:A:139:TYR:HA	0.56	1.77	1	2
1:A:47:LEU:HD12	1:A:52:ALA:HB1	0.56	1.78	12	18
1:A:127:ASN:HB3	1:A:137:THR:HB	0.56	1.78	17	1
1:A:125:HIS:O	1:A:138:SER:HA	0.56	2.00	16	2
1:A:88:GLU:O	1:A:91:LYS:HD3	0.56	2.00	13	1
1:A:69:ASN:HB3	1:A:186:LYS:O	0.55	2.01	5	13
1:A:162:ILE:HA	1:A:186:LYS:CB	0.55	2.31	10	16
1:A:194:LYS:HG2	1:A:196:PHE:H	0.55	1.61	1	7
1:A:90:LEU:O	1:A:93:GLU:HB2	0.55	2.01	17	3
1:A:178:LYS:HB2	1:A:181:ARG:CD	0.55	2.31	18	2
1:A:23:ASN:ND2	1:A:26:TYR:N	0.55	2.54	1	6
1:A:92:ILE:HG12	1:A:186:LYS:NZ	0.55	2.17	17	1
1:A:96:LEU:HD22	1:A:156:MET:SD	0.55	2.42	4	1
1:A:186:LYS:O	1:A:186:LYS:HE3	0.54	2.02	18	6
1:A:5:ILE:HG13	1:A:11:ASN:N	0.54	2.17	14	20
1:A:146:VAL:HA	1:A:156:MET:O	0.54	2.03	12	10
1:A:63:ALA:O	1:A:65:ILE:HG13	0.54	2.02	15	7
1:A:92:ILE:HG22	1:A:92:ILE:O	0.54	2.02	16	9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:29:GLN:NE2	1:A:155:MET:HB3	0.54	2.17	6	17
1:A:132:ALA:O	1:A:170:ALA:HB2	0.54	2.02	6	10
1:A:15:TYR:HA	1:A:43:ASP:O	0.54	2.01	11	2
1:A:139:TYR:CD1	1:A:164:THR:HG22	0.54	2.38	17	1
1:A:145:ILE:HG22	1:A:146:VAL:H	0.54	1.61	19	1
1:A:32:GLN:HB2	1:A:155:MET:SD	0.54	2.42	4	14
1:A:151:GLU:HB3	1:A:203:GLY:HA2	0.54	1.80	8	2
1:A:139:TYR:O	1:A:164:THR:HG22	0.54	2.03	1	1
1:A:125:HIS:HA	1:A:139:TYR:CB	0.54	2.32	15	5
1:A:165:VAL:HG13	1:A:183:THR:C	0.54	2.28	11	1
1:A:23:ASN:CG	1:A:26:TYR:HB3	0.53	2.29	15	2
1:A:86:LEU:O	1:A:90:LEU:HB2	0.53	2.03	15	3
1:A:140:SER:HA	1:A:162:ILE:O	0.53	2.03	17	2
1:A:125:HIS:HB2	1:A:127:ASN:ND2	0.53	2.19	17	1
1:A:129:GLN:HE22	1:A:135:SER:CA	0.53	2.16	2	1
1:A:185:GLN:O	1:A:186:LYS:HB3	0.53	2.03	11	6
1:A:125:HIS:HB2	1:A:127:ASN:HD21	0.53	1.63	17	1
1:A:23:ASN:CG	1:A:25:HIS:H	0.53	2.11	6	5
1:A:2:SER:HB3	1:A:17:VAL:O	0.53	2.04	20	1
1:A:141:TYR:HB3	1:A:162:ILE:HB	0.53	1.78	1	1
1:A:17:VAL:O	1:A:18:PHE:HB2	0.53	2.04	11	10
1:A:171:ILE:O	1:A:179:ASP:HB3	0.53	2.03	17	3
1:A:136:VAL:HG13	1:A:165:VAL:HG13	0.53	1.80	15	4
1:A:3:ILE:HG23	1:A:13:LEU:N	0.53	2.18	5	5
1:A:186:LYS:HD2	1:A:186:LYS:C	0.53	2.29	14	7
1:A:13:LEU:CD2	1:A:15:TYR:HB2	0.53	2.34	6	12
1:A:125:HIS:O	1:A:126:ILE:HD13	0.52	2.04	5	9
1:A:168:ASN:HA	1:A:179:ASP:OD2	0.52	2.04	20	1
1:A:21:LEU:HD22	1:A:144:PHE:CE2	0.52	2.39	11	1
1:A:21:LEU:HB2	1:A:144:PHE:CB	0.52	2.35	2	1
1:A:23:ASN:OD1	1:A:26:TYR:HB2	0.52	2.05	10	3
1:A:139:TYR:O	1:A:163:ILE:HA	0.52	2.04	17	1
1:A:150:GLU:HG2	1:A:201:PRO:CB	0.52	2.34	19	1
1:A:72:LEU:HD22	1:A:73:LYS:N	0.52	2.19	4	1
1:A:142:SER:HB3	1:A:162:ILE:N	0.52	2.20	3	5
1:A:15:TYR:CD1	1:A:43:ASP:HA	0.52	2.40	20	1
1:A:95:VAL:CG2	1:A:199:VAL:HG21	0.51	2.36	1	2
1:A:155:MET:HG3	1:A:193:VAL:CG2	0.51	2.35	16	8
1:A:155:MET:HG3	1:A:193:VAL:HG23	0.51	1.81	7	15
1:A:141:TYR:HB3	1:A:162:ILE:CG2	0.51	2.35	10	1
1:A:30:ALA:O	1:A:34:ALA:HB2	0.51	2.05	14	14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:52:ALA:HA	1:A:55:LYS:HB3	0.51	1.83	15	20
1:A:75:SER:C	1:A:77:SER:H	0.51	2.13	3	14
1:A:3:ILE:HG12	1:A:13:LEU:HB2	0.51	1.80	15	5
1:A:30:ALA:HA	1:A:33:LEU:HD21	0.51	1.82	17	1
1:A:154:ALA:HB1	1:A:194:LYS:HB2	0.51	1.82	17	1
1:A:144:PHE:O	1:A:145:ILE:CG1	0.51	2.56	19	1
1:A:2:SER:CA	1:A:17:VAL:HG13	0.51	2.35	11	6
1:A:155:MET:SD	1:A:193:VAL:CG2	0.51	2.99	19	1
1:A:2:SER:HA	1:A:17:VAL:HG13	0.51	1.82	18	11
1:A:23:ASN:CG	1:A:24:GLU:N	0.51	2.68	18	4
1:A:129:GLN:OE1	1:A:136:VAL:HB	0.51	2.06	15	4
1:A:33:LEU:CG	1:A:155:MET:HE1	0.50	2.34	2	1
1:A:125:HIS:HB3	1:A:139:TYR:CA	0.50	2.36	2	2
1:A:138:SER:HB3	1:A:164:THR:O	0.50	2.07	2	4
1:A:140:SER:HB3	1:A:163:ILE:HG12	0.50	1.83	2	1
1:A:76:PHE:N	1:A:181:ARG:HD3	0.50	2.21	9	1
1:A:92:ILE:HG23	1:A:188:GLU:OE2	0.50	2.05	17	1
1:A:145:ILE:HG13	1:A:158:ALA:HB3	0.50	1.83	20	1
1:A:21:LEU:HB2	1:A:144:PHE:O	0.50	2.05	19	8
1:A:33:LEU:CD1	1:A:155:MET:SD	0.50	3.00	17	1
1:A:29:GLN:HE21	1:A:155:MET:HB3	0.50	1.66	11	12
1:A:161:LEU:O	1:A:161:LEU:HD22	0.50	2.05	17	10
1:A:74:LYS:N	1:A:74:LYS:HD3	0.50	2.22	8	2
1:A:186:LYS:HD2	1:A:187:GLU:N	0.50	2.22	14	5
1:A:131:ASP:HB2	1:A:135:SER:HB2	0.50	1.84	17	4
1:A:29:GLN:NE2	1:A:148:GLN:HA	0.50	2.22	20	5
1:A:143:LEU:HD13	1:A:143:LEU:H	0.50	1.66	19	1
1:A:193:VAL:CG2	1:A:193:VAL:O	0.50	2.59	19	1
1:A:141:TYR:CB	1:A:162:ILE:HB	0.50	2.37	1	1
1:A:92:ILE:CG2	1:A:186:LYS:HE2	0.50	2.37	4	1
1:A:33:LEU:HD23	1:A:157:ALA:HB2	0.50	1.84	12	3
1:A:3:ILE:HA	1:A:13:LEU:CD1	0.50	2.37	16	4
1:A:161:LEU:N	1:A:161:LEU:HD13	0.50	2.21	18	1
1:A:200:THR:O	1:A:202:LEU:HD23	0.50	2.07	1	2
1:A:29:GLN:HB3	1:A:146:VAL:CG1	0.49	2.37	20	20
1:A:91:LYS:O	1:A:95:VAL:HB	0.49	2.07	1	1
1:A:139:TYR:CD1	1:A:139:TYR:N	0.49	2.80	1	1
1:A:25:HIS:ND1	1:A:148:GLN:HG2	0.49	2.22	20	2
1:A:142:SER:HB3	1:A:162:ILE:CG2	0.49	2.36	14	1
1:A:46:GLN:NE2	1:A:46:GLN:H	0.49	2.05	2	12
1:A:138:SER:OG	1:A:163:ILE:HG22	0.49	2.07	15	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:91:LYS:C	1:A:93:GLU:H	0.49	2.16	17	4
1:A:133:GLY:C	1:A:169:THR:HB	0.49	2.32	15	7
1:A:142:SER:HB3	1:A:162:ILE:H	0.49	1.68	6	5
1:A:178:LYS:HD2	1:A:181:ARG:NE	0.49	2.22	20	1
1:A:24:GLU:HG2	1:A:145:ILE:HD11	0.49	1.85	16	1
1:A:22:GLU:HB2	1:A:143:LEU:HG	0.49	1.84	19	1
1:A:22:GLU:HB2	1:A:143:LEU:CB	0.49	2.38	19	1
1:A:155:MET:O	1:A:194:LYS:HB3	0.49	2.07	18	12
1:A:125:HIS:CD2	1:A:164:THR:HG21	0.49	2.43	10	1
1:A:152:THR:H	1:A:203:GLY:HA3	0.49	1.68	18	11
1:A:146:VAL:HG12	1:A:147:SER:N	0.49	2.23	19	3
1:A:125:HIS:HA	1:A:139:TYR:H	0.49	1.66	12	5
1:A:138:SER:HG	1:A:165:VAL:HA	0.49	1.67	7	1
1:A:155:MET:SD	1:A:156:MET:N	0.49	2.86	10	2
1:A:143:LEU:HD13	1:A:143:LEU:N	0.49	2.22	19	1
1:A:129:GLN:NE2	1:A:136:VAL:O	0.48	2.46	14	13
1:A:29:GLN:HB3	1:A:146:VAL:HG12	0.48	1.85	11	16
1:A:35:GLN:H	1:A:35:GLN:NE2	0.48	2.06	9	6
1:A:72:LEU:N	1:A:89:GLN:HE22	0.48	2.06	17	3
1:A:194:LYS:HG3	1:A:202:LEU:HB2	0.48	1.85	8	1
1:A:53:LEU:CD1	1:A:64:ILE:HG21	0.48	2.38	8	17
1:A:3:ILE:CG1	1:A:13:LEU:HB2	0.48	2.38	7	1
1:A:178:LYS:O	1:A:178:LYS:HG3	0.48	2.07	11	2
1:A:37:PHE:HA	1:A:55:LYS:HD2	0.48	1.86	13	16
1:A:5:ILE:O	1:A:10:GLY:HA2	0.48	2.08	6	5
1:A:76:PHE:N	1:A:181:ARG:HH11	0.48	2.06	9	1
1:A:66:ALA:HB3	1:A:190:THR:O	0.48	2.08	15	1
1:A:1:MET:HA	1:A:4:GLU:HB2	0.48	1.85	20	1
1:A:141:TYR:CD1	1:A:142:SER:N	0.48	2.81	1	3
1:A:21:LEU:HD22	1:A:144:PHE:CD1	0.48	2.43	2	1
1:A:22:GLU:HB2	1:A:144:PHE:O	0.48	2.08	2	1
1:A:70:MET:SD	1:A:186:LYS:NZ	0.48	2.86	15	4
1:A:163:ILE:O	1:A:184:LEU:HG	0.48	2.08	5	1
1:A:2:SER:O	1:A:38:ALA:HA	0.48	2.08	20	1
1:A:1:MET:SD	1:A:2:SER:N	0.48	2.87	1	2
1:A:35:GLN:CD	1:A:35:GLN:N	0.48	2.71	14	6
1:A:33:LEU:CD2	1:A:155:MET:HE1	0.48	2.38	20	2
1:A:22:GLU:O	1:A:145:ILE:HG12	0.48	2.08	17	1
1:A:5:ILE:HD12	1:A:6:TYR:N	0.48	2.23	17	18
1:A:3:ILE:CG2	1:A:13:LEU:H	0.48	2.21	7	5
1:A:126:ILE:HG23	1:A:137:THR:OG1	0.48	2.08	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:71:THR:C	1:A:89:GLN:HE22	0.48	2.16	7	3
1:A:170:ALA:HB2	1:A:179:ASP:N	0.48	2.24	20	1
1:A:95:VAL:HG22	1:A:199:VAL:HG21	0.48	1.85	5	2
1:A:70:MET:SD	1:A:186:LYS:HG3	0.48	2.48	4	4
1:A:135:SER:HB2	1:A:168:ASN:HD22	0.48	1.69	13	3
1:A:194:LYS:HB2	1:A:202:LEU:O	0.48	2.09	2	2
1:A:70:MET:HE3	1:A:92:ILE:HG13	0.48	1.86	8	1
1:A:2:SER:HA	1:A:17:VAL:O	0.47	2.09	7	3
1:A:142:SER:HB2	1:A:162:ILE:N	0.47	2.23	5	4
1:A:35:GLN:HE22	1:A:36:LEU:HG	0.47	1.68	11	4
1:A:23:ASN:CB	1:A:26:TYR:HB3	0.47	2.39	15	2
1:A:31:ILE:HA	1:A:34:ALA:HB2	0.47	1.87	12	3
1:A:76:PHE:HB3	1:A:181:ARG:CZ	0.47	2.39	4	1
1:A:23:ASN:HD21	1:A:25:HIS:C	0.47	2.17	20	1
1:A:127:ASN:O	1:A:137:THR:CA	0.47	2.57	6	5
1:A:47:LEU:HD23	1:A:189:ILE:HD13	0.47	1.85	12	2
1:A:189:ILE:O	1:A:189:ILE:HD12	0.47	2.09	12	1
1:A:33:LEU:HD12	1:A:155:MET:HE1	0.47	1.85	17	1
1:A:169:THR:O	1:A:169:THR:HG23	0.47	2.09	20	1
1:A:62:LEU:H	1:A:193:VAL:HB	0.47	1.68	19	2
1:A:49:LEU:HD21	1:A:189:ILE:HD12	0.47	1.86	5	4
1:A:42:ASP:CG	1:A:43:ASP:N	0.47	2.72	10	8
1:A:144:PHE:CD1	1:A:144:PHE:N	0.47	2.83	7	6
1:A:70:MET:HB2	1:A:89:GLN:NE2	0.47	2.24	16	2
1:A:23:ASN:HB2	1:A:145:ILE:HA	0.47	1.86	20	1
1:A:193:VAL:O	1:A:193:VAL:CG2	0.47	2.62	1	3
1:A:47:LEU:HD12	1:A:52:ALA:CB	0.47	2.40	13	4
1:A:88:GLU:O	1:A:91:LYS:HE2	0.47	2.10	10	1
1:A:60:PRO:HG3	1:A:155:MET:SD	0.47	2.50	15	6
1:A:142:SER:C	1:A:143:LEU:HD22	0.47	2.35	14	4
1:A:97:GLY:HA2	1:A:202:LEU:CD2	0.47	2.39	12	3
1:A:60:PRO:HG2	1:A:193:VAL:HG21	0.47	1.86	5	2
1:A:196:PHE:O	1:A:196:PHE:HD1	0.47	1.92	16	2
1:A:3:ILE:CG2	1:A:13:LEU:HB2	0.47	2.35	5	4
1:A:159:GLY:O	1:A:189:ILE:HG13	0.47	2.10	9	1
1:A:64:ILE:HA	1:A:191:ILE:CG1	0.47	2.39	15	1
1:A:79:LEU:HA	1:A:82:LEU:HB2	0.46	1.87	17	3
1:A:29:GLN:HG3	1:A:147:SER:O	0.46	2.10	10	10
1:A:17:VAL:HG23	1:A:20:ASN:OD1	0.46	2.09	15	1
1:A:48:ASP:O	1:A:52:ALA:N	0.46	2.49	6	18
1:A:135:SER:HB3	1:A:168:ASN:HD22	0.46	1.70	4	3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:167:PRO:HB2	1:A:169:THR:CG2	0.46	2.40	11	4
1:A:197:GLN:HG2	1:A:198:VAL:N	0.46	2.26	15	3
1:A:1:MET:O	1:A:2:SER:HB2	0.46	2.09	12	2
1:A:70:MET:SD	1:A:186:LYS:HE2	0.46	2.50	13	2
1:A:69:ASN:ND2	1:A:187:GLU:HG3	0.46	2.25	17	1
1:A:163:ILE:HG13	1:A:186:LYS:HA	0.46	1.86	11	3
1:A:90:LEU:O	1:A:90:LEU:HD13	0.46	2.11	3	3
1:A:129:GLN:CD	1:A:135:SER:HA	0.46	2.34	20	2
1:A:140:SER:OG	1:A:161:LEU:HD23	0.46	2.11	18	1
1:A:62:LEU:HB2	1:A:193:VAL:HA	0.46	1.85	14	17
1:A:145:ILE:HG23	1:A:158:ALA:HB3	0.46	1.88	3	3
1:A:139:TYR:CD1	1:A:164:THR:CG2	0.46	2.98	17	1
1:A:47:LEU:HD13	1:A:48:ASP:N	0.46	2.26	2	1
1:A:2:SER:C	1:A:17:VAL:HG13	0.46	2.36	17	2
1:A:155:MET:SD	1:A:193:VAL:HG22	0.46	2.51	19	2
1:A:161:LEU:HD13	1:A:187:GLU:HB2	0.46	1.87	14	2
1:A:155:MET:HE2	1:A:193:VAL:CG2	0.46	2.40	17	1
1:A:129:GLN:N	1:A:129:GLN:NE2	0.46	2.62	17	2
1:A:129:GLN:NE2	1:A:136:VAL:N	0.46	2.61	18	3
1:A:23:ASN:HD21	1:A:25:HIS:N	0.46	2.07	18	2
1:A:23:ASN:HB2	1:A:146:VAL:N	0.46	2.26	1	1
1:A:63:ALA:C	1:A:191:ILE:HG23	0.46	2.36	2	13
1:A:127:ASN:ND2	1:A:138:SER:O	0.45	2.44	3	10
1:A:136:VAL:HA	1:A:167:PRO:HA	0.45	1.88	17	11
1:A:74:LYS:HG2	1:A:182:LEU:C	0.45	2.36	8	1
1:A:164:THR:O	1:A:164:THR:HG23	0.45	2.11	17	1
1:A:61:ASP:OD2	1:A:62:LEU:HG	0.45	2.11	7	6
1:A:202:LEU:H	1:A:202:LEU:HD13	0.45	1.70	8	1
1:A:160:PRO:CB	1:A:188:GLU:HG2	0.45	2.41	10	2
1:A:21:LEU:HD11	1:A:144:PHE:CD2	0.45	2.46	20	1
1:A:194:LYS:O	1:A:194:LYS:HE3	0.45	2.11	9	2
1:A:169:THR:HG23	1:A:179:ASP:CA	0.45	2.41	8	2
1:A:194:LYS:HZ2	1:A:196:PHE:HB2	0.45	1.71	8	1
1:A:143:LEU:HB3	1:A:160:PRO:HG2	0.45	1.86	18	1
1:A:149:GLY:HA2	1:A:201:PRO:C	0.45	2.37	3	10
1:A:142:SER:HA	1:A:160:PRO:O	0.45	2.11	1	1
1:A:75:SER:HA	1:A:181:ARG:HB3	0.45	1.88	4	1
1:A:42:ASP:HB3	1:A:46:GLN:HE21	0.45	1.68	5	1
1:A:186:LYS:HZ1	1:A:188:GLU:HB2	0.45	1.72	6	2
1:A:149:GLY:HA3	1:A:203:GLY:H	0.45	1.71	16	1
1:A:33:LEU:CD1	1:A:155:MET:CE	0.45	2.94	17	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:92:ILE:HG23	1:A:186:LYS:NZ	0.45	2.27	6	1
1:A:22:GLU:HG3	1:A:143:LEU:HD12	0.45	1.88	13	1
1:A:35:GLN:NE2	1:A:35:GLN:N	0.45	2.65	18	1
1:A:127:ASN:ND2	1:A:138:SER:H	0.45	2.10	13	3
1:A:72:LEU:HD22	1:A:86:LEU:HD13	0.45	1.88	20	1
1:A:140:SER:CB	1:A:163:ILE:HG12	0.45	2.42	2	1
1:A:85:THR:HB	1:A:89:GLN:OE1	0.45	2.12	8	1
1:A:23:ASN:HD22	1:A:24:GLU:H	0.45	1.55	19	1
1:A:141:TYR:HD1	1:A:142:SER:N	0.45	2.09	1	1
1:A:186:LYS:HZ2	1:A:188:GLU:N	0.45	2.10	3	3
1:A:1:MET:O	1:A:2:SER:HB3	0.45	2.12	9	1
1:A:74:LYS:CG	1:A:182:LEU:HB2	0.44	2.42	1	2
1:A:3:ILE:HD12	1:A:11:ASN:HD21	0.44	1.71	7	2
1:A:125:HIS:HB3	1:A:139:TYR:HB3	0.44	1.89	2	2
1:A:92:ILE:HG22	1:A:186:LYS:NZ	0.44	2.26	5	1
1:A:125:HIS:HB2	1:A:138:SER:HA	0.44	1.89	19	4
1:A:154:ALA:HB1	1:A:194:LYS:CB	0.44	2.42	17	2
1:A:186:LYS:NZ	1:A:188:GLU:CD	0.44	2.76	18	1
1:A:128:ALA:H	1:A:137:THR:HB	0.44	1.72	17	2
1:A:3:ILE:HG21	1:A:11:ASN:ND2	0.44	2.28	2	1
1:A:22:GLU:O	1:A:144:PHE:O	0.44	2.35	15	7
1:A:160:PRO:HB3	1:A:188:GLU:HG3	0.44	1.88	8	2
1:A:6:TYR:N	1:A:7:PRO:HD2	0.44	2.27	13	3
1:A:92:ILE:HG21	1:A:186:LYS:CE	0.44	2.43	11	3
1:A:74:LYS:HG2	1:A:182:LEU:HB2	0.44	1.88	1	1
1:A:49:LEU:O	1:A:53:LEU:HB2	0.44	2.12	2	1
1:A:22:GLU:O	1:A:145:ILE:HB	0.44	2.11	12	1
1:A:62:LEU:H	1:A:193:VAL:HA	0.44	1.71	19	1
1:A:125:HIS:CB	1:A:139:TYR:H	0.44	2.26	16	2
1:A:135:SER:HB2	1:A:168:ASN:H	0.44	1.73	2	1
1:A:3:ILE:CG2	1:A:12:THR:H	0.44	2.25	9	5
1:A:194:LYS:HE2	1:A:196:PHE:CD2	0.44	2.47	16	1
1:A:3:ILE:HG22	1:A:4:GLU:N	0.44	2.28	1	5
1:A:23:ASN:OD1	1:A:26:TYR:CD2	0.44	2.71	6	1
1:A:73:LYS:HA	1:A:183:THR:HA	0.44	1.90	20	3
1:A:178:LYS:HB2	1:A:178:LYS:NZ	0.44	2.27	16	3
1:A:178:LYS:HD3	1:A:181:ARG:HB2	0.44	1.88	18	1
1:A:150:GLU:H	1:A:201:PRO:HB3	0.44	1.73	19	1
1:A:33:LEU:HD12	1:A:33:LEU:H	0.44	1.73	6	7
1:A:72:LEU:HB3	1:A:184:LEU:O	0.44	2.13	7	3
1:A:92:ILE:HG21	1:A:186:LYS:HZ3	0.44	1.73	13	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:142:SER:CB	1:A:161:LEU:HA	0.43	2.43	1	1
1:A:125:HIS:ND1	1:A:164:THR:HG21	0.43	2.28	4	2
1:A:20:ASN:CG	1:A:21:LEU:HG	0.43	2.38	20	1
1:A:167:PRO:HB2	1:A:169:THR:HG23	0.43	1.90	11	1
1:A:62:LEU:N	1:A:193:VAL:HB	0.43	2.28	19	1
1:A:76:PHE:HB2	1:A:181:ARG:CZ	0.43	2.44	2	1
1:A:197:GLN:HG2	1:A:202:LEU:O	0.43	2.14	6	1
1:A:155:MET:HE3	1:A:193:VAL:HG21	0.43	1.90	10	1
1:A:1:MET:HA	1:A:4:GLU:OE1	0.43	2.13	20	1
1:A:23:ASN:HA	1:A:145:ILE:HG22	0.43	1.89	20	1
1:A:92:ILE:C	1:A:94:GLY:H	0.43	2.22	13	5
1:A:92:ILE:O	1:A:92:ILE:HG22	0.43	2.14	6	1
1:A:186:LYS:NZ	1:A:188:GLU:CB	0.43	2.81	16	3
1:A:97:GLY:C	1:A:199:VAL:HA	0.43	2.39	13	1
1:A:90:LEU:HD23	1:A:90:LEU:O	0.43	2.14	1	1
1:A:125:HIS:HB2	1:A:137:THR:O	0.43	2.14	15	2
1:A:41:VAL:HG21	1:A:45:GLY:HA2	0.43	1.91	2	1
1:A:22:GLU:HG3	1:A:145:ILE:HG22	0.43	1.91	7	2
1:A:28:ALA:O	1:A:32:GLN:HG2	0.43	2.14	6	1
1:A:56:ALA:CB	1:A:191:ILE:HG12	0.43	2.44	15	1
1:A:164:THR:HG23	1:A:164:THR:O	0.43	2.14	15	1
1:A:17:VAL:HG23	1:A:20:ASN:ND2	0.43	2.29	10	1
1:A:1:MET:HG2	1:A:2:SER:H	0.43	1.74	18	1
1:A:125:HIS:CB	1:A:127:ASN:HD21	0.43	2.26	1	1
1:A:2:SER:HA	1:A:17:VAL:C	0.43	2.39	7	1
1:A:125:HIS:CB	1:A:138:SER:HA	0.42	2.43	11	1
1:A:165:VAL:HG21	1:A:183:THR:HB	0.42	1.90	11	1
1:A:193:VAL:O	1:A:193:VAL:HG22	0.42	2.14	5	1
1:A:163:ILE:H	1:A:186:LYS:HB3	0.42	1.74	9	1
1:A:71:THR:HA	1:A:185:GLN:CD	0.42	2.39	10	1
1:A:192:GLY:CA	1:A:194:LYS:HZ2	0.42	2.26	19	1
1:A:32:GLN:O	1:A:35:GLN:NE2	0.42	2.53	10	4
1:A:161:LEU:HD23	1:A:187:GLU:O	0.42	2.14	9	1
1:A:141:TYR:O	1:A:161:LEU:HB2	0.42	2.14	18	1
1:A:2:SER:HB3	1:A:18:PHE:CB	0.42	2.44	20	1
1:A:92:ILE:O	1:A:92:ILE:CG2	0.42	2.68	6	1
1:A:147:SER:O	1:A:155:MET:HB2	0.42	2.15	10	1
1:A:29:GLN:HG3	1:A:147:SER:C	0.42	2.40	20	1
1:A:23:ASN:HD22	1:A:25:HIS:H	0.42	1.56	7	5
1:A:141:TYR:CD1	1:A:162:ILE:HG13	0.42	2.50	15	1
1:A:96:LEU:HB3	1:A:145:ILE:CD1	0.42	2.44	18	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:2:SER:HB3	1:A:17:VAL:C	0.42	2.39	20	1
1:A:161:LEU:N	1:A:161:LEU:HD23	0.42	2.30	2	1
1:A:40:GLU:HB3	1:A:52:ALA:N	0.42	2.30	13	1
1:A:46:GLN:HB2	1:A:144:PHE:CZ	0.42	2.49	14	1
1:A:142:SER:CB	1:A:162:ILE:HG22	0.42	2.43	14	1
1:A:133:GLY:O	1:A:169:THR:HB	0.42	2.15	15	1
1:A:148:GLN:HE21	1:A:201:PRO:HG3	0.42	1.75	16	1
1:A:33:LEU:HD12	1:A:155:MET:CE	0.42	2.43	17	1
1:A:73:LYS:C	1:A:74:LYS:HD3	0.42	2.39	8	1
1:A:129:GLN:NE2	1:A:129:GLN:N	0.42	2.67	8	1
1:A:60:PRO:CG	1:A:155:MET:SD	0.42	3.08	17	2
1:A:13:LEU:HD23	1:A:17:VAL:HG12	0.42	1.91	10	1
1:A:68:ASN:HD22	1:A:68:ASN:H	0.42	1.58	12	1
1:A:125:HIS:HA	1:A:139:TYR:HB3	0.42	1.91	12	2
1:A:73:LYS:CB	1:A:183:THR:HG23	0.42	2.44	14	1
1:A:139:TYR:HD1	1:A:164:THR:HG22	0.42	1.73	17	1
1:A:194:LYS:HE2	1:A:196:PHE:CD1	0.42	2.49	19	1
1:A:143:LEU:HB3	1:A:160:PRO:HB2	0.41	1.92	2	1
1:A:57:GLN:NE2	1:A:63:ALA:HB1	0.41	2.30	5	4
1:A:139:TYR:CD1	1:A:164:THR:HB	0.41	2.50	17	1
1:A:186:LYS:HZ3	1:A:188:GLU:CB	0.41	2.28	19	1
1:A:1:MET:O	1:A:34:ALA:HB1	0.41	2.15	20	1
1:A:160:PRO:CB	1:A:188:GLU:HG3	0.41	2.45	8	2
1:A:186:LYS:HE3	1:A:186:LYS:C	0.41	2.40	18	1
1:A:92:ILE:CG2	1:A:92:ILE:O	0.41	2.68	4	1
1:A:194:LYS:HG3	1:A:202:LEU:HG	0.41	1.90	8	2
1:A:194:LYS:NZ	1:A:196:PHE:HB2	0.41	2.31	8	1
1:A:141:TYR:CG	1:A:142:SER:N	0.41	2.89	9	1
1:A:125:HIS:HD2	1:A:164:THR:HG21	0.41	1.73	10	1
1:A:156:MET:HA	1:A:193:VAL:HG22	0.41	1.91	11	1
1:A:51:LYS:O	1:A:54:LYS:HB3	0.41	2.14	16	1
1:A:149:GLY:O	1:A:153:GLY:HA2	0.41	2.14	1	1
1:A:55:LYS:O	1:A:59:GLN:NE2	0.41	2.54	3	5
1:A:186:LYS:C	1:A:186:LYS:CD	0.41	2.93	14	3
1:A:147:SER:HB3	1:A:156:MET:CG	0.41	2.45	10	1
1:A:132:ALA:C	1:A:170:ALA:HB2	0.41	2.40	17	1
1:A:144:PHE:O	1:A:145:ILE:HG23	0.41	2.15	2	1
1:A:193:VAL:N	1:A:194:LYS:HD3	0.41	2.30	11	2
1:A:143:LEU:O	1:A:160:PRO:HD2	0.41	2.15	1	3
1:A:141:TYR:CD2	1:A:142:SER:HB2	0.41	2.50	2	1
1:A:193:VAL:O	1:A:194:LYS:HB3	0.41	2.15	5	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:194:LYS:HG3	1:A:202:LEU:CB	0.41	2.45	8	1
1:A:61:ASP:HB3	1:A:193:VAL:C	0.41	2.40	12	2
1:A:75:SER:HA	1:A:181:ARG:CG	0.41	2.46	18	1
1:A:1:MET:CA	1:A:4:GLU:HB2	0.41	2.45	20	1
1:A:76:PHE:HB2	1:A:181:ARG:NH2	0.41	2.30	2	1
1:A:145:ILE:CG1	1:A:158:ALA:HB3	0.41	2.46	4	1
1:A:33:LEU:HD13	1:A:33:LEU:C	0.41	2.41	6	1
1:A:137:THR:CG2	1:A:168:ASN:HB2	0.41	2.45	10	1
1:A:202:LEU:H	1:A:202:LEU:HG	0.41	1.45	10	1
1:A:49:LEU:HD22	1:A:49:LEU:N	0.41	2.31	12	1
1:A:148:GLN:NE2	1:A:201:PRO:HB3	0.41	2.31	16	1
1:A:196:PHE:HD1	1:A:196:PHE:O	0.41	1.99	17	1
1:A:145:ILE:CG2	1:A:146:VAL:HG23	0.41	2.43	19	1
1:A:156:MET:SD	1:A:202:LEU:HD22	0.41	2.56	19	1
1:A:23:ASN:HA	1:A:145:ILE:HG13	0.41	1.92	12	2
1:A:23:ASN:HB3	1:A:26:TYR:CD1	0.41	2.51	15	1
1:A:60:PRO:HG2	1:A:155:MET:SD	0.41	2.56	19	1
1:A:160:PRO:HA	1:A:188:GLU:HA	0.41	1.93	1	2
1:A:197:GLN:CD	1:A:197:GLN:H	0.41	2.24	4	1
1:A:202:LEU:N	1:A:202:LEU:HD13	0.41	2.31	6	1
1:A:199:VAL:O	1:A:200:THR:HB	0.41	2.16	8	1
1:A:142:SER:O	1:A:143:LEU:HB2	0.41	2.15	18	1
1:A:178:LYS:O	1:A:178:LYS:HD2	0.41	2.16	18	1
1:A:162:ILE:HA	1:A:186:LYS:HB2	0.41	1.92	6	1
1:A:76:PHE:H	1:A:181:ARG:HD3	0.41	1.75	9	1
1:A:196:PHE:HA	1:A:202:LEU:HB2	0.41	1.92	17	1
1:A:92:ILE:CG2	1:A:186:LYS:HZ3	0.40	2.29	13	1
1:A:193:VAL:O	1:A:193:VAL:HG23	0.40	2.14	19	1
1:A:144:PHE:CD1	1:A:144:PHE:C	0.40	2.99	20	1
1:A:150:GLU:HG2	1:A:201:PRO:HB2	0.40	1.92	20	1
1:A:142:SER:HB3	1:A:161:LEU:HA	0.40	1.92	1	1
1:A:142:SER:OG	1:A:162:ILE:HD13	0.40	2.15	5	1
1:A:87:SER:O	1:A:90:LEU:HB2	0.40	2.15	13	1
1:A:146:VAL:HG13	1:A:156:MET:O	0.40	2.16	18	1
1:A:3:ILE:CD1	1:A:16:GLN:HA	0.40	2.38	20	1
1:A:137:THR:H	1:A:167:PRO:HA	0.40	1.76	20	1
1:A:72:LEU:HB2	1:A:89:GLN:HE22	0.40	1.77	2	1
1:A:125:HIS:HB3	1:A:139:TYR:O	0.40	2.16	2	1
1:A:59:GLN:HE21	1:A:59:GLN:HA	0.40	1.76	4	1
1:A:61:ASP:OD1	1:A:62:LEU:HG	0.40	2.16	6	1
1:A:59:GLN:HG3	1:A:60:PRO:HD2	0.40	1.94	12	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:135:SER:O	1:A:167:PRO:CB	0.40	2.69	17	1
1:A:21:LEU:HB2	1:A:144:PHE:H	0.40	1.77	1	1
1:A:142:SER:CB	1:A:162:ILE:N	0.40	2.84	3	1
1:A:131:ASP:HB3	1:A:135:SER:OG	0.40	2.16	9	1
1:A:186:LYS:CD	1:A:188:GLU:HG3	0.40	2.47	10	1
1:A:75:SER:C	1:A:77:SER:N	0.40	2.79	17	2
1:A:155:MET:HE2	1:A:193:VAL:HG21	0.40	1.94	17	1
1:A:92:ILE:HG23	1:A:188:GLU:OE1	0.40	2.16	18	1
1:A:181:ARG:N	1:A:181:ARG:HD2	0.40	2.32	18	1
1:A:72:LEU:HG	1:A:86:LEU:HD23	0.40	1.93	4	1
1:A:138:SER:CB	1:A:164:THR:O	0.40	2.69	7	1
1:A:147:SER:HB2	1:A:156:MET:HB3	0.40	1.92	8	1
1:A:194:LYS:HG3	1:A:202:LEU:CG	0.40	2.47	8	1
1:A:165:VAL:HG22	1:A:183:THR:HB	0.40	1.93	11	1
1:A:70:MET:HB3	1:A:92:ILE:HD13	0.40	1.93	16	1
1:A:96:LEU:HD12	1:A:97:GLY:H	0.40	1.76	16	1
1:A:136:VAL:HG13	1:A:165:VAL:CG1	0.40	2.46	16	1

6.3 Torsion angles (i)

6.3.1 Protein backbone (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	168/203 (83%)	115±1 (68±1%)	39±2 (23±1%)	14±2 (8±1%)	1	13
All	All	3360/4060 (83%)	2299 (68%)	785 (23%)	276 (8%)	1	13

All 31 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	4	GLU	20
1	A	6	TYR	20
1	A	12	THR	20
1	A	18	PHE	20
1	A	178	LYS	20

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	201	PRO	20
1	A	3	ILE	19
1	A	9	ASP	16
1	A	142	SER	16
1	A	8	ASP	14
1	A	92	ILE	12
1	A	5	ILE	10
1	A	95	VAL	10
1	A	77	SER	9
1	A	202	LEU	9
1	A	193	VAL	5
1	A	130	PRO	5
1	A	10	GLY	4
1	A	196	PHE	4
1	A	133	GLY	4
1	A	199	VAL	4
1	A	26	TYR	3
1	A	128	ALA	2
1	A	200	THR	2
1	A	2	SER	2
1	A	141	TYR	1
1	A	160	PRO	1
1	A	93	GLU	1
1	A	198	VAL	1
1	A	194	LYS	1
1	A	145	ILE	1

6.3.2 Protein sidechains (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles
1	A	142/174 (82%)	108±3 (76±2%)	34±3 (24±2%)	2 27
All	All	2840/3480 (82%)	2163 (76%)	677 (24%)	2 27

All 81 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	19	LEU	20
1	A	33	LEU	20
1	A	35	GLN	20
1	A	46	GLN	20
1	A	51	LYS	20
1	A	59	GLN	20
1	A	68	ASN	20
1	A	73	LYS	20
1	A	74	LYS	20
1	A	129	GLN	20
1	A	168	ASN	20
1	A	185	GLN	20
1	A	186	LYS	20
1	A	202	LEU	20
1	A	21	LEU	19
1	A	137	THR	19
1	A	169	THR	18
1	A	23	ASN	17
1	A	72	LEU	17
1	A	194	LYS	17
1	A	152	THR	16
1	A	148	GLN	15
1	A	161	LEU	15
1	A	20	ASN	15
1	A	163	ILE	13
1	A	189	ILE	13
1	A	12	THR	13
1	A	197	GLN	13
1	A	179	ASP	11
1	A	42	ASP	9
1	A	144	PHE	9
1	A	44	ASN	8
1	A	92	ILE	8
1	A	188	GLU	8
1	A	181	ARG	7
1	A	55	LYS	7
1	A	135	SER	7
1	A	200	THR	7
1	A	125	HIS	6
1	A	82	LEU	6
1	A	171	ILE	5
1	A	145	ILE	5
1	A	126	ILE	5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	191	ILE	5
1	A	193	VAL	4
1	A	164	THR	4
1	A	178	LYS	4
1	A	5	ILE	4
1	A	131	ASP	3
1	A	93	GLU	3
1	A	196	PHE	3
1	A	1	MET	2
1	A	70	MET	2
1	A	139	TYR	2
1	A	13	LEU	2
1	A	11	ASN	2
1	A	184	LEU	2
1	A	88	GLU	2
1	A	151	GLU	2
1	A	40	GLU	2
1	A	127	ASN	1
1	A	182	LEU	1
1	A	16	GLN	1
1	A	37	PHE	1
1	A	47	LEU	1
1	A	198	VAL	1
1	A	54	LYS	1
1	A	78	THR	1
1	A	29	GLN	1
1	A	90	LEU	1
1	A	165	VAL	1
1	A	69	ASN	1
1	A	83	THR	1
1	A	183	THR	1
1	A	71	THR	1
1	A	141	TYR	1
1	A	91	LYS	1
1	A	96	LEU	1
1	A	138	SER	1
1	A	43	ASP	1
1	A	143	LEU	1

6.3.3 RNA

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates

There are no oligosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 80% for the well-defined parts and 77% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *assigned_chem_shift_list_1*

7.1.1 Bookkeeping

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	2103
Number of shifts mapped to atoms	2103
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	30

7.1.2 Chemical shift referencing

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction ± precision, *ppm*	Suggested action
$^{13}C_{\alpha}$	200	-0.24 ± 0.18	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}C_{\beta}$	176	-0.07 ± 0.19	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}C'$	182	-0.07 ± 0.13	None needed (< 0.5 ppm)
^{15}N	189	0.74 ± 0.40	None needed (imprecise)

7.1.3 Completeness of resonance assignments

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 80%, i.e. 1823 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 2266. 0 out of 29 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Backbone	825/847 (97%)	340/344 (99%)	324/340 (95%)	161/163 (99%)
Sidechain	962/1271 (76%)	640/836 (77%)	301/403 (75%)	21/32 (66%)

Continued on next page...

Continued from previous page...

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Aromatic	36/148 (24%)	35/71 (49%)	0/68 (0%)	1/9 (11%)
Overall	1823/2266 (80%)	1015/1251 (81%)	625/811 (77%)	183/204 (90%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 77%, i.e. 2093 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 2720. 0 out of 31 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Backbone	964/1010 (95%)	393/409 (96%)	382/406 (94%)	189/195 (97%)
Sidechain	1080/1503 (72%)	711/985 (72%)	345/479 (72%)	24/39 (62%)
Aromatic	49/207 (24%)	47/100 (47%)	0/95 (0%)	2/12 (17%)
Overall	2093/2720 (77%)	1151/1494 (77%)	727/980 (74%)	215/246 (87%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts (i)

The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, *ppm*	Expected range, *ppm*	Z-score
1	A	181	ARG	NE	111.90	76.53 – 92.65	16.9
1	A	51	LYS	NZ	71.88	19.79 – 46.09	14.8
1	A	178	LYS	NZ	71.56	19.79 – 46.09	14.7
1	A	51	LYS	CE	52.53	37.57 – 46.21	12.3
1	A	107	ILE	CG2	29.33	10.93 – 24.12	8.9
1	A	100	GLN	CG	24.60	28.36 – 39.21	-8.5
1	A	7	PRO	CG	36.02	21.69 – 32.72	8.0
1	A	6	TYR	HD1	9.15	5.49 – 8.39	7.6
1	A	6	TYR	HD2	9.15	5.48 – 8.39	7.6
1	A	174	ILE	CG2	27.08	10.93 – 24.12	7.2
1	A	92	ILE	CG2	26.77	10.93 – 24.12	7.0
1	A	189	ILE	CG2	26.06	10.93 – 24.12	6.5
1	A	91	LYS	CE	47.32	37.57 – 46.21	6.3
1	A	180	TRP	CB	42.17	20.06 – 39.75	6.2
1	A	62	LEU	CG	33.51	21.37 – 32.19	6.2
1	A	49	LEU	CG	33.32	21.37 – 32.19	6.0
1	A	107	ILE	CD1	23.20	5.18 – 21.60	6.0
1	A	2	SER	HB2	5.32	2.61 – 5.13	5.8
1	A	15	TYR	HD1	8.61	5.49 – 8.39	5.8
1	A	15	TYR	HD2	8.61	5.48 – 8.39	5.7
1	A	201	PRO	CD	56.26	45.11 – 55.58	5.7
1	A	112	PHE	HZ	9.29	4.94 – 9.06	5.6

Continued on next page...

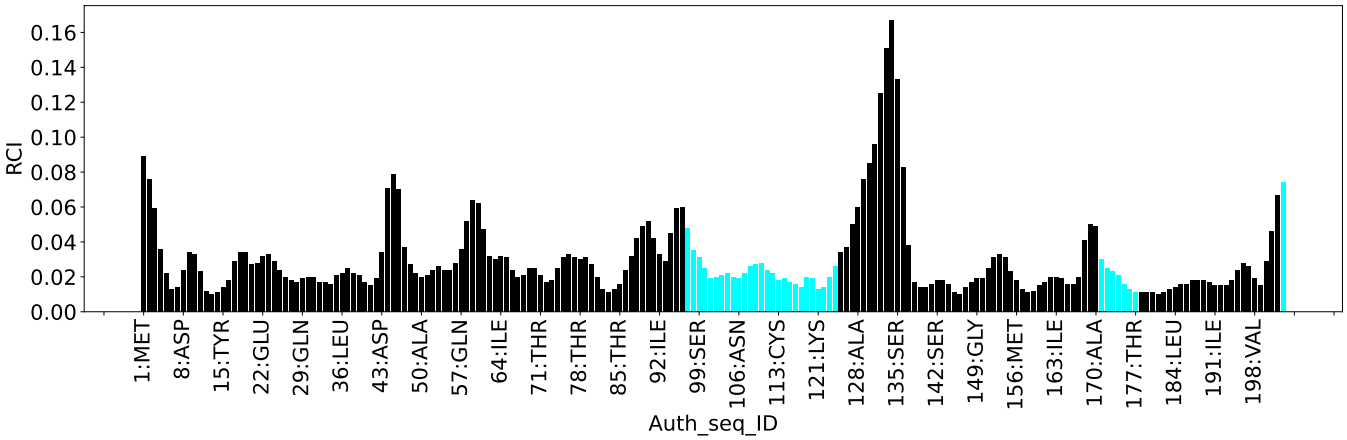
Continued from previous page...

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, *ppm*	Expected range, *ppm*	Z-score
1	A	115	LEU	CD1	16.03	16.71 – 32.55	-5.4
1	A	186	LYS	HE2	1.88	1.95 – 3.88	-5.4
1	A	2	SER	HB3	5.29	2.49 – 5.20	5.3
1	A	73	LYS	CB	41.94	24.03 – 41.47	5.3
1	A	14	PRO	CD	55.79	45.11 – 55.58	5.2
1	A	92	ILE	CB	48.65	28.63 – 48.45	5.1
1	A	162	ILE	CG2	24.17	10.93 – 24.12	5.0
1	A	104	ILE	CG1	36.30	19.24 – 36.26	5.0

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition.If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:



8 NMR restraints analysis

8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	4522
Intra-residue (|i-j|=0)	1126
Sequential (|i-j|=1)	1213
Medium range (|i-j|>1 and |i-j|<5)	818
Long range (|i-j|≥5)	1365
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	0
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	351
Number of unmapped restraints	0
Number of restraints per residue	24.0
Number of long range restraints per residue[1]	6.7

[1]Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å
are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	121.7	0.2
0.2-0.5 (Medium)	224.6	0.5
>0.5 (Large)	261.4	6.04

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model (i)

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation.

Bins (°)	Average number of violations per model	Max (°)
1.0-10.0 (Small)	71.7	9.96
10.0-20.0 (Medium)	10.9	19.79
>20.0 (Large)	0.6	33.58

9 Distance violation analysis (i)

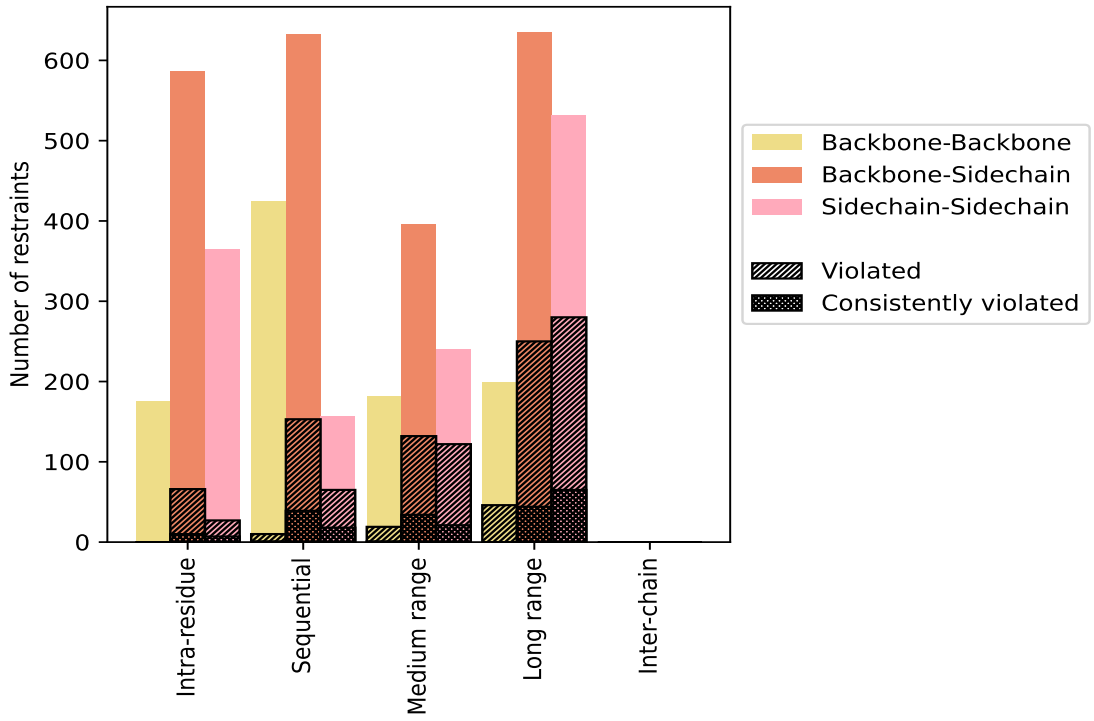
9.1 Summary of distance violations (i)

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restraints type	Count	%[1]	Violated[3]			Consistently Violated[4]		
			Count	%[2]	%[1]	Count	%[2]	%[1]
Intra-residue (|i-j|=0)	1126	24.9	93	8.3	2.1	17	1.5	0.4
Backbone-Backbone	175	3.9	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	586	13.0	66	11.3	1.5	10	1.7	0.2
Sidechain-Sidechain	365	8.1	27	7.4	0.6	7	1.9	0.2
Sequential (|i-j|=1)	1213	26.8	228	18.8	5.0	58	4.8	1.3
Backbone-Backbone	424	9.4	10	2.4	0.2	1	0.2	0.0
Backbone-Sidechain	632	14.0	153	24.2	3.4	39	6.2	0.9
Sidechain-Sidechain	157	3.5	65	41.4	1.4	18	11.5	0.4
Medium range (|i-j|>1 & |i-j|<5)	818	18.1	273	33.4	6.0	56	6.8	1.2
Backbone-Backbone	182	4.0	19	10.4	0.4	1	0.5	0.0
Backbone-Sidechain	396	8.8	132	33.3	2.9	34	8.6	0.8
Sidechain-Sidechain	240	5.3	122	50.8	2.7	21	8.8	0.5
Long range (|i-j|≥5)	1365	30.2	576	42.2	12.7	109	8.0	2.4
Backbone-Backbone	199	4.4	46	23.1	1.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	635	14.0	250	39.4	5.5	44	6.9	1.0
Sidechain-Sidechain	531	11.7	280	52.7	6.2	65	12.2	1.4
Inter-chain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	4522	100.0	1170	25.9	25.9	240	5.3	5.3
Backbone-Backbone	980	21.7	75	7.7	1.7	2	0.2	0.0
Backbone-Sidechain	2249	49.7	601	26.7	13.3	127	5.6	2.8
Sidechain-Sidechain	1293	28.6	494	38.2	10.9	111	8.6	2.5

[1] percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, [2] percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, [3] violated in at least one model, [4] violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model

The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å
are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
1	42	128	158	291	0	619	0.58	4.34	0.52	0.39
2	42	127	145	304	0	618	0.67	5.28	0.68	0.44
3	45	128	141	301	0	615	0.58	4.31	0.5	0.42
4	45	128	145	286	0	604	0.59	4.29	0.52	0.42
5	45	129	138	307	0	619	0.68	4.38	0.64	0.45
6	42	129	147	297	0	615	0.61	4.36	0.57	0.42
7	41	119	141	302	0	603	0.57	4.31	0.52	0.39
8	44	129	145	316	0	634	0.62	4.49	0.57	0.42
9	43	123	155	297	0	618	0.6	4.34	0.55	0.43
10	39	125	140	301	0	605	0.58	4.39	0.51	0.41

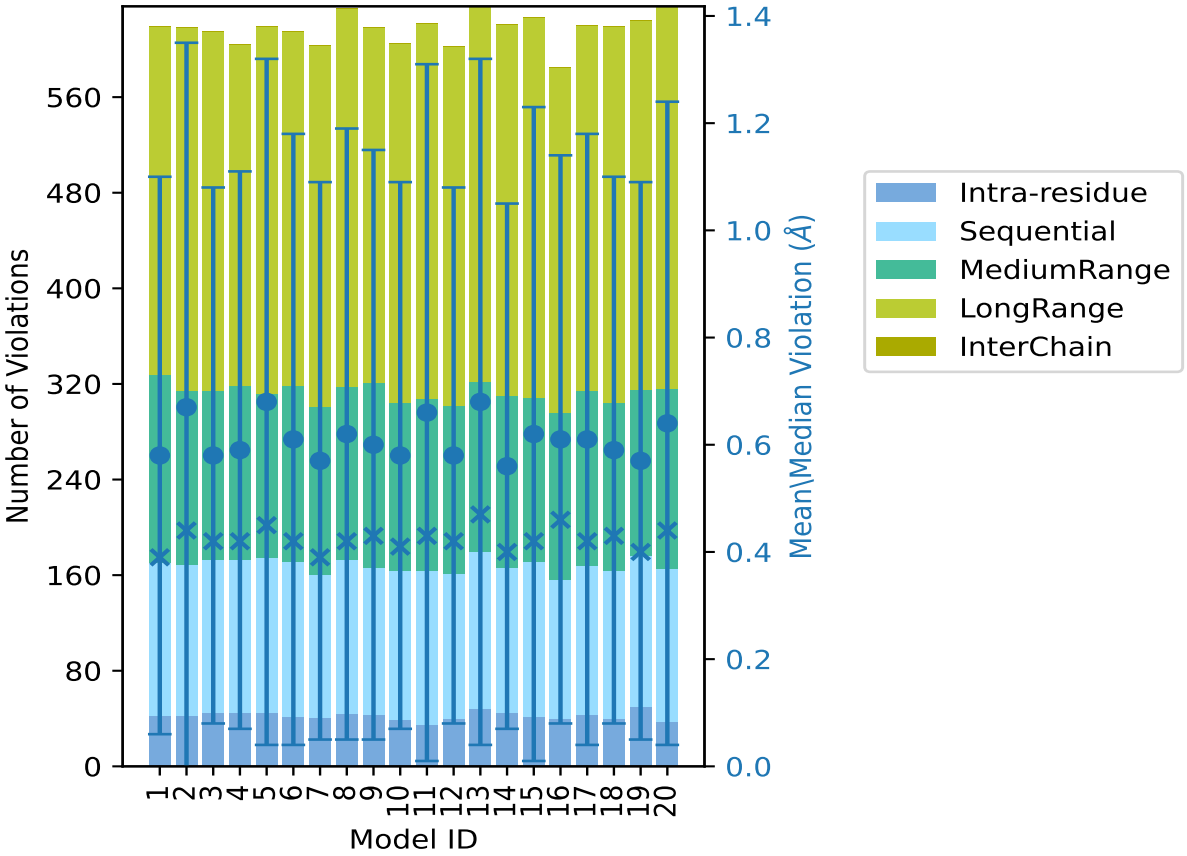
Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
11	35	129	144	314	0	622	0.66	4.79	0.65	0.43
12	40	121	141	300	0	602	0.58	4.18	0.5	0.42
13	48	131	143	314	0	636	0.68	4.98	0.64	0.47
14	45	121	144	311	0	621	0.56	4.27	0.49	0.4
15	42	129	138	318	0	627	0.62	6.04	0.61	0.42
16	40	116	140	289	0	585	0.61	4.31	0.53	0.46
17	43	125	146	306	0	620	0.61	4.95	0.57	0.42
18	40	124	140	315	0	619	0.59	4.35	0.51	0.43
19	50	126	139	309	0	624	0.57	4.38	0.52	0.4
20	37	128	151	320	0	636	0.64	4.49	0.6	0.44

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6]Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

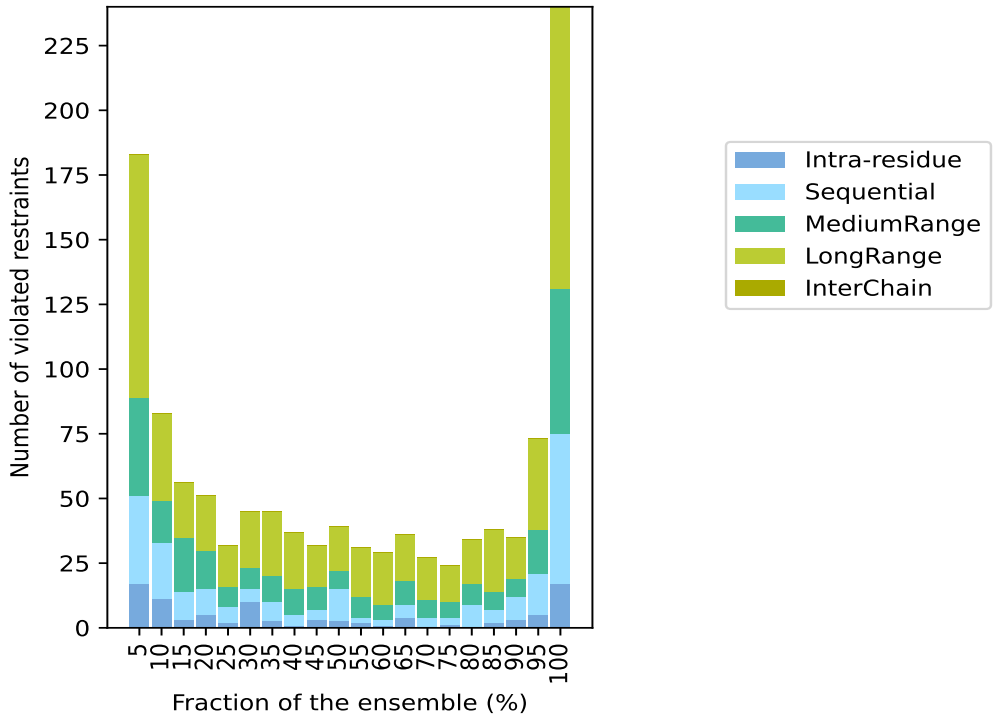
9.3 Distance violation statistics for the ensemble (i)

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 3352(IR:1033, SQ:985, MR:545, LR:789, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total	Count[6]	%
17	34	38	94	0	183	1	5.0
11	22	16	34	0	83	2	10.0
3	11	21	21	0	56	3	15.0
5	10	15	21	0	51	4	20.0
2	6	8	16	0	32	5	25.0
10	5	8	22	0	45	6	30.0
3	7	10	25	0	45	7	35.0
1	4	10	22	0	37	8	40.0
3	4	9	16	0	32	9	45.0
3	12	7	17	0	39	10	50.0
2	2	8	19	0	31	11	55.0
1	2	6	20	0	29	12	60.0
4	5	9	18	0	36	13	65.0
0	4	7	16	0	27	14	70.0
1	3	6	14	0	24	15	75.0
0	9	8	17	0	34	16	80.0
2	5	7	24	0	38	17	85.0
3	9	7	16	0	35	18	90.0
5	16	17	35	0	73	19	95.0
17	58	56	109	0	240	20	100.0

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6] Number of models with violations

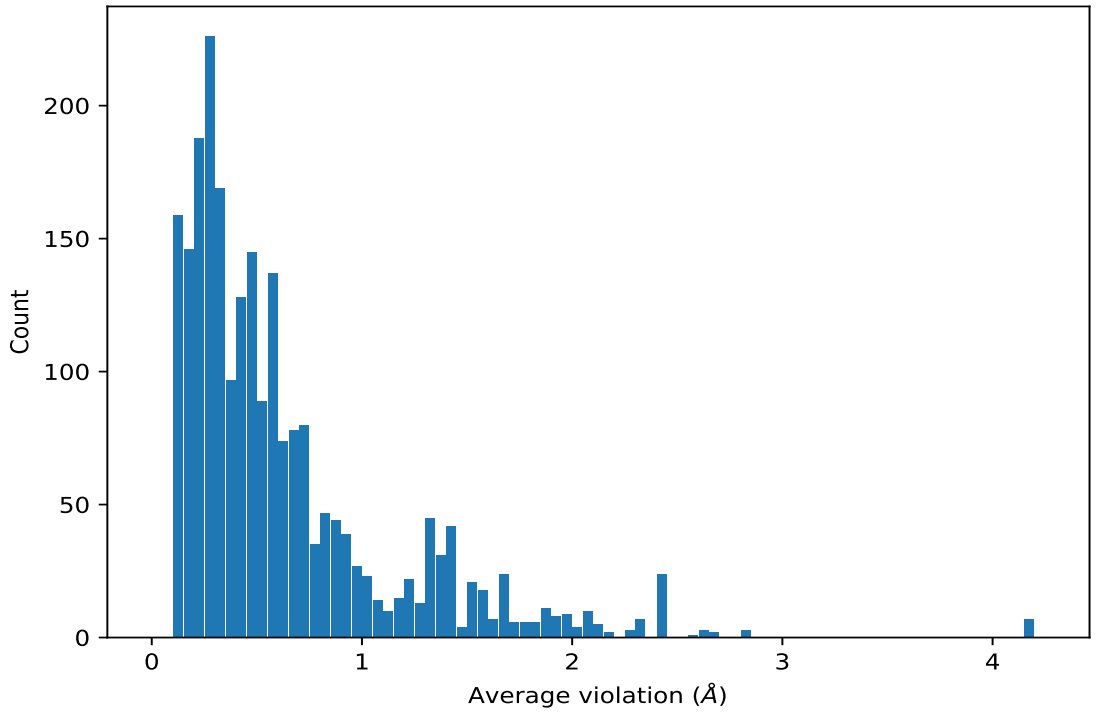
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints

The following table provides the mean and the standard deviation of theviolation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG23	20	4.16	0.62	4.31
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG22	20	4.16	0.62	4.31
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG21	20	4.16	0.62	4.31
(1,409)	1:47:A:LEU:HD22	1:41:A:VAL:HG23	20	4.16	0.62	4.31
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG21	20	4.16	0.62	4.31
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG22	20	4.16	0.62	4.31
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG23	20	4.16	0.62	4.31
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD11	20	2.84	0.34	2.86
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD13	20	2.84	0.34	2.86
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD12	20	2.84	0.34	2.86
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	20	2.58	0.05	2.56
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG23	1:182:A:LEU:HD12	20	2.44	1.06	2.3
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD13	20	2.44	1.06	2.3
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG22	1:182:A:LEU:HD13	20	2.44	1.06	2.3
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD11	20	2.44	1.06	2.3
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD12	20	2.44	1.06	2.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG22	1:182:A:LEU:HD12	20	2.44	1.06	2.3
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG23	1:182:A:LEU:HD13	20	2.44	1.06	2.3
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	20	2.44	0.2	2.51
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG22	20	2.44	0.2	2.51
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG23	20	2.44	0.2	2.51
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	20	2.34	0.56	2.59
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	20	2.28	0.47	2.21
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD13	20	2.28	0.47	2.21
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD12	20	2.28	0.47	2.21
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG23	20	2.11	0.73	2.03
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG22	20	2.11	0.73	2.03
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG21	20	2.11	0.73	2.03
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	20	1.95	1.03	1.6
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	20	1.95	1.03	1.6
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	20	1.95	1.03	1.6
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG13	20	1.95	1.03	1.6
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	20	1.95	1.03	1.6
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG12	20	1.95	1.03	1.6
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG12	20	1.95	1.03	1.6
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG13	20	1.95	1.03	1.6
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	20	1.9	0.05	1.9
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG23	20	1.9	0.05	1.9
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG21	20	1.9	0.05	1.9
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	20	1.88	0.03	1.89
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG12	20	1.88	0.03	1.89
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG13	20	1.88	0.03	1.89
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG22	20	1.8	0.19	1.78
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG23	20	1.8	0.19	1.78
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	20	1.8	0.19	1.78
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	20	1.79	0.06	1.79
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	20	1.72	0.05	1.72
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG22	20	1.7	0.19	1.79
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB1	1:17:A:VAL:HG21	20	1.7	0.19	1.79
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG21	20	1.7	0.19	1.79
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG21	20	1.7	0.19	1.79
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG23	20	1.7	0.19	1.79
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB1	1:17:A:VAL:HG23	20	1.7	0.19	1.79
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG23	20	1.7	0.19	1.79
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG22	20	1.7	0.19	1.79
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD12	20	1.7	1.05	0.94
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	20	1.7	1.05	0.94
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD11	20	1.7	1.05	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	20	1.7	0.05	1.69
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	20	1.66	0.04	1.66
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	20	1.62	0.56	1.37
(1,682)	1:161:A:LEU:HD13	1:186:A:LYS:HD3	20	1.62	0.56	1.37
(1,682)	1:161:A:LEU:HD12	1:186:A:LYS:HD3	20	1.62	0.56	1.37
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	20	1.6	0.09	1.63
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	20	1.58	0.09	1.6
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD11	20	1.58	0.47	1.78
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	20	1.58	0.47	1.78
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD13	20	1.58	0.47	1.78
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	20	1.57	0.22	1.62
(1,376)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HG3	20	1.57	0.22	1.62
(1,376)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HG3	20	1.57	0.22	1.62
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	20	1.56	0.9	1.46
(1,214)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HB3	20	1.54	0.22	1.67
(1,214)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HB3	20	1.54	0.22	1.67
(1,214)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HB3	20	1.54	0.22	1.67
(1,411)	1:21:A:LEU:HD13	1:41:A:VAL:HG23	20	1.52	0.28	1.56
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG23	20	1.52	0.28	1.56
(1,411)	1:21:A:LEU:HD13	1:41:A:VAL:HG21	20	1.52	0.28	1.56
(1,411)	1:21:A:LEU:HD11	1:41:A:VAL:HG22	20	1.52	0.28	1.56
(1,411)	1:21:A:LEU:HD11	1:41:A:VAL:HG23	20	1.52	0.28	1.56
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG21	20	1.52	0.28	1.56
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG22	20	1.52	0.28	1.56
(1,411)	1:21:A:LEU:HD11	1:41:A:VAL:HG21	20	1.52	0.28	1.56
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD11	20	1.51	0.52	1.42
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD13	20	1.51	0.52	1.42
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD12	20	1.51	0.52	1.42
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	20	1.5	0.18	1.5
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ3	1:40:A:GLU:HG2	20	1.5	0.18	1.5
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	20	1.44	0.13	1.46
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	20	1.44	0.08	1.43
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	20	1.43	0.15	1.51
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	20	1.42	0.08	1.42
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD22	20	1.42	0.72	0.93
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	20	1.42	0.72	0.93
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD21	20	1.42	0.72	0.93
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD21	1:13:A:LEU:HD23	20	1.42	0.72	0.93
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	20	1.39	0.12	1.42
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	20	1.38	0.08	1.38
(1,216)	1:34:A:ALA:HB2	1:35:A:GLN:HB2	20	1.38	0.08	1.38
(1,216)	1:34:A:ALA:HB1	1:35:A:GLN:HB2	20	1.38	0.08	1.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	20	1.38	0.21	1.44
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG11	20	1.36	0.29	1.46
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	20	1.36	0.29	1.46
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG13	20	1.36	0.29	1.46
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG13	20	1.36	0.14	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG11	20	1.36	0.14	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG12	20	1.36	0.14	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG12	20	1.36	0.14	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG11	20	1.36	0.14	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG12	20	1.36	0.14	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG13	20	1.36	0.14	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG13	20	1.36	0.14	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG11	20	1.36	0.14	1.37
(1,326)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD22	20	1.35	0.09	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD23	20	1.35	0.09	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD21	20	1.35	0.09	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD23	20	1.35	0.09	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD22	20	1.35	0.09	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD21	20	1.35	0.09	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD22	20	1.35	0.09	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD23	20	1.35	0.09	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD21	20	1.35	0.09	1.36
(1,325)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD11	20	1.34	0.09	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD12	20	1.34	0.09	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD12	20	1.34	0.09	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD11	20	1.34	0.09	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD13	20	1.34	0.09	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD12	20	1.34	0.09	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD11	20	1.34	0.09	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD13	20	1.34	0.09	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD13	20	1.34	0.09	1.32
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD12	20	1.34	1.11	1.24
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD13	20	1.34	1.11	1.24
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD11	20	1.34	1.11	1.24
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD13	20	1.34	1.11	1.24
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD11	20	1.34	1.11	1.24
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD21	1:161:A:LEU:HD12	20	1.34	1.11	1.24
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD21	1:161:A:LEU:HD13	20	1.34	1.11	1.24
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD12	20	1.34	1.11	1.24
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD21	1:161:A:LEU:HD11	20	1.34	1.11	1.24
(1,462)	1:202:A:LEU:HD23	1:200:A:THR:HG21	20	1.33	0.68	0.94
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG21	20	1.33	0.68	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG22	20	1.33	0.68	0.94
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG22	20	1.33	0.68	0.94
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG23	20	1.33	0.68	0.94
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG21	20	1.33	0.68	0.94
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG23	20	1.33	0.68	0.94
(1,462)	1:202:A:LEU:HD23	1:200:A:THR:HG23	20	1.33	0.68	0.94
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	20	1.33	0.15	1.28
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG23	20	1.33	0.15	1.28
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG22	20	1.33	0.15	1.28
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	20	1.33	0.09	1.33
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	20	1.33	0.09	1.31
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	20	1.3	0.04	1.3
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	20	1.29	0.11	1.33
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	20	1.27	0.19	1.27
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	20	1.26	0.13	1.27
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	20	1.26	0.38	1.42
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:SER:HB3	20	1.24	0.52	0.94
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:SER:HB3	20	1.24	0.52	0.94
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:SER:HB3	20	1.24	0.52	0.94
(1,599)	1:36:A:LEU:HD21	1:33:A:LEU:HD21	20	1.23	0.18	1.26
(1,599)	1:36:A:LEU:HD22	1:33:A:LEU:HD21	20	1.23	0.18	1.26
(1,599)	1:36:A:LEU:HD21	1:33:A:LEU:HD22	20	1.23	0.18	1.26
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD23	20	1.23	0.18	1.26
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD22	20	1.23	0.18	1.26
(1,599)	1:36:A:LEU:HD22	1:33:A:LEU:HD22	20	1.23	0.18	1.26
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD21	20	1.23	0.18	1.26
(1,599)	1:36:A:LEU:HD22	1:33:A:LEU:HD23	20	1.23	0.18	1.26
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	20	1.19	0.03	1.19
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB2	20	1.19	0.03	1.19
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB1	20	1.19	0.03	1.19
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	20	1.18	0.22	1.28
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	20	1.18	0.09	1.17
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	20	1.18	0.17	1.2
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	20	1.15	0.64	0.76
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	20	1.13	0.1	1.15
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	20	1.12	0.07	1.13
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	20	1.09	0.09	1.11
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	20	1.05	0.07	1.05
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG13	20	1.05	0.07	1.05
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG11	20	1.05	0.07	1.05
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	20	1.05	0.39	1.14
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	20	1.04	0.14	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB3	1:133:A:GLY:HA2	20	1.04	0.14	1.01
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	20	1.03	0.26	1.04
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	20	1.02	0.53	1.33
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	20	1.02	0.3	1.14
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG21	20	1.02	0.04	1.02
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG22	20	1.02	0.04	1.02
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG23	20	1.02	0.04	1.02
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG21	20	1.0	0.08	0.99
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	20	1.0	0.08	0.99
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG22	20	1.0	0.08	0.99
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HB3	20	0.98	0.23	0.94
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	20	0.98	0.23	0.94
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	20	0.98	0.24	0.97
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	20	0.97	0.18	1.08
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	20	0.96	0.03	0.95
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	20	0.95	0.28	0.92
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD13	20	0.95	0.28	0.92
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD12	20	0.95	0.28	0.92
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	20	0.95	0.11	0.92
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	20	0.95	0.24	0.9
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB3	20	0.95	0.24	0.9
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB1	20	0.95	0.24	0.9
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	20	0.93	0.31	0.84
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG11	20	0.92	0.22	1.0
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG13	20	0.92	0.22	1.0
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG12	20	0.92	0.22	1.0
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	20	0.92	0.14	0.96
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD11	20	0.91	0.2	0.9
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD12	20	0.91	0.2	0.9
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD13	20	0.91	0.2	0.9
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD22	20	0.9	0.49	0.95
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	20	0.9	0.49	0.95
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD21	20	0.9	0.49	0.95
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD12	20	0.89	0.15	0.84
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD13	20	0.89	0.15	0.84
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD11	20	0.89	0.15	0.84
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:31:A:ILE:HG21	20	0.89	0.15	0.84
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD13	20	0.87	0.37	0.8
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	20	0.87	0.37	0.8
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD11	20	0.87	0.37	0.8
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	20	0.86	0.04	0.87
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG22	20	0.86	0.33	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG21	20	0.86	0.33	0.71
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG21	20	0.86	0.33	0.71
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG22	20	0.86	0.33	0.71
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG23	20	0.86	0.33	0.71
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG23	20	0.86	0.33	0.71
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG23	20	0.86	0.33	0.71
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG21	20	0.86	0.33	0.71
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG22	20	0.86	0.33	0.71
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	20	0.85	0.13	0.86
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	20	0.85	0.18	0.9
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB2	20	0.83	0.19	0.84
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB1	20	0.83	0.19	0.84
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB3	20	0.83	0.19	0.84
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB2	20	0.83	0.19	0.84
(1,564)	1:33:A:LEU:HD13	1:157:A:ALA:HB2	20	0.83	0.19	0.84
(1,564)	1:33:A:LEU:HD13	1:157:A:ALA:HB1	20	0.83	0.19	0.84
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB1	20	0.83	0.19	0.84
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB3	20	0.83	0.19	0.84
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD21	20	0.8	0.62	0.6
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	20	0.8	0.62	0.6
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD22	20	0.8	0.62	0.6
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	20	0.79	0.06	0.8
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	20	0.79	0.17	0.84
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG22	1:9:A:ASP:H	20	0.79	0.17	0.84
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG21	1:9:A:ASP:H	20	0.79	0.17	0.84
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	20	0.78	0.14	0.81
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	20	0.78	0.35	0.96
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	20	0.76	0.27	0.88
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	20	0.76	0.03	0.76
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD12	20	0.76	0.03	0.76
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD11	20	0.76	0.03	0.76
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	20	0.75	0.08	0.72
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD11	20	0.74	0.21	0.72
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD12	20	0.74	0.21	0.72
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	20	0.74	0.21	0.72
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	20	0.74	0.01	0.74
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	20	0.73	0.28	0.74
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	20	0.73	0.1	0.72
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG22	20	0.73	0.1	0.72
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG23	20	0.73	0.1	0.72
(1,341)	1:36:A:LEU:HD12	1:55:A:LYS:HG3	20	0.72	0.16	0.7
(1,341)	1:36:A:LEU:HD11	1:55:A:LYS:HG3	20	0.72	0.16	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,341)	1:36:A:LEU:HD13	1:55:A:LYS:HG3	20	0.72	0.16	0.7
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD21	20	0.71	0.04	0.71
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD22	20	0.71	0.04	0.71
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	20	0.71	0.04	0.71
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD12	20	0.71	0.16	0.75
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD13	20	0.71	0.16	0.75
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD11	20	0.71	0.16	0.75
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	20	0.68	0.23	0.76
(1,397)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD3	20	0.68	0.23	0.76
(1,397)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD3	20	0.68	0.23	0.76
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG2	20	0.68	0.07	0.68
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	20	0.68	0.07	0.68
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD11	20	0.67	0.11	0.68
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	20	0.67	0.11	0.68
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD13	20	0.67	0.11	0.68
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	20	0.67	0.49	0.5
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD21	20	0.67	0.49	0.5
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD22	20	0.67	0.49	0.5
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	20	0.67	0.06	0.66
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD13	20	0.66	0.06	0.68
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD12	20	0.66	0.06	0.68
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	20	0.66	0.06	0.68
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE1	20	0.66	0.37	0.48
(1,119)	1:193:A:VAL:HG21	1:156:A:MET:HE1	20	0.66	0.37	0.48
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE2	20	0.66	0.37	0.48
(1,119)	1:193:A:VAL:HG21	1:156:A:MET:HE2	20	0.66	0.37	0.48
(1,119)	1:193:A:VAL:HG23	1:156:A:MET:HE1	20	0.66	0.37	0.48
(1,119)	1:193:A:VAL:HG23	1:156:A:MET:HE2	20	0.66	0.37	0.48
(1,119)	1:193:A:VAL:HG23	1:156:A:MET:HE3	20	0.66	0.37	0.48
(1,119)	1:193:A:VAL:HG21	1:156:A:MET:HE3	20	0.66	0.37	0.48
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE3	20	0.66	0.37	0.48
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	20	0.65	0.21	0.59
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	20	0.65	0.21	0.59
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	20	0.65	0.21	0.59
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	20	0.64	0.08	0.62
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE3	20	0.64	0.08	0.62
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE1	20	0.64	0.08	0.62
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	20	0.63	0.02	0.64
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG21	20	0.63	0.02	0.62
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG22	20	0.63	0.02	0.62
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG23	20	0.63	0.02	0.62
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	20	0.63	0.11	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	20	0.62	0.04	0.63
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG23	20	0.62	0.04	0.63
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG22	20	0.62	0.04	0.63
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG23	20	0.62	0.09	0.62
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG21	20	0.62	0.09	0.62
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	20	0.62	0.09	0.62
(1,1664)	1:137:A:THR:HG22	1:166:A:THR:HG23	20	0.61	0.06	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG22	1:166:A:THR:HG22	20	0.61	0.06	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG22	20	0.61	0.06	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG22	20	0.61	0.06	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG21	20	0.61	0.06	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG21	20	0.61	0.06	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG23	20	0.61	0.06	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG22	1:166:A:THR:HG21	20	0.61	0.06	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG23	20	0.61	0.06	0.63
(1,569)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG13	20	0.6	0.33	0.58
(1,569)	1:95:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG12	20	0.6	0.33	0.58
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG11	20	0.6	0.33	0.58
(1,569)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG11	20	0.6	0.33	0.58
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG13	20	0.6	0.33	0.58
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG12	20	0.6	0.33	0.58
(1,569)	1:95:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG11	20	0.6	0.33	0.58
(1,247)	1:31:A:ILE:HG22	1:33:A:LEU:H	20	0.6	0.04	0.61
(1,247)	1:31:A:ILE:HG23	1:33:A:LEU:H	20	0.6	0.04	0.61
(1,247)	1:31:A:ILE:HG21	1:33:A:LEU:H	20	0.6	0.04	0.61
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	20	0.59	0.0	0.59
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG23	20	0.59	0.12	0.54
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG22	20	0.59	0.12	0.54
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG21	20	0.59	0.12	0.54
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	20	0.59	0.06	0.6
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB1	20	0.59	0.06	0.6
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB3	20	0.59	0.06	0.6
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	20	0.58	0.1	0.59
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	20	0.58	0.04	0.58
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD21	20	0.58	0.04	0.58
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD23	20	0.58	0.04	0.58
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	20	0.58	0.14	0.56
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD21	20	0.58	0.14	0.56
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD22	20	0.58	0.14	0.56
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD11	20	0.58	0.52	0.45
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD12	20	0.58	0.52	0.45
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD13	20	0.58	0.52	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG12	20	0.58	0.05	0.57
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG11	20	0.58	0.05	0.57
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG13	20	0.58	0.05	0.57
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	20	0.57	0.05	0.57
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	20	0.57	0.09	0.59
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB1	20	0.57	0.09	0.59
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB3	20	0.57	0.09	0.59
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG23	1:12:A:THR:HB	20	0.57	0.12	0.56
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG21	1:12:A:THR:HB	20	0.57	0.12	0.56
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG22	1:12:A:THR:HB	20	0.57	0.12	0.56
(1,2341)	1:169:A:THR:HG22	1:133:A:GLY:H	20	0.56	0.22	0.53
(1,2341)	1:169:A:THR:HG23	1:133:A:GLY:H	20	0.56	0.22	0.53
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	20	0.56	0.22	0.53
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	20	0.56	0.04	0.55
(1,2566)	1:137:A:THR:HG23	1:168:A:ASN:HD22	20	0.56	0.13	0.6
(1,2566)	1:137:A:THR:HG21	1:168:A:ASN:HD22	20	0.56	0.13	0.6
(1,2566)	1:137:A:THR:HG22	1:168:A:ASN:HD22	20	0.56	0.13	0.6
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	20	0.56	0.02	0.56
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD12	20	0.55	0.18	0.52
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD13	20	0.55	0.18	0.52
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD11	20	0.55	0.18	0.52
(1,529)	1:84:A:THR:HG22	1:88:A:GLU:H	20	0.54	0.09	0.54
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	20	0.54	0.09	0.54
(1,529)	1:84:A:THR:HG23	1:88:A:GLU:H	20	0.54	0.09	0.54
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	20	0.54	0.06	0.54
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	20	0.54	0.06	0.54
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG11	20	0.54	0.06	0.54
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD11	20	0.53	0.09	0.56
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD12	20	0.53	0.09	0.56
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD13	20	0.53	0.09	0.56
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	20	0.53	0.1	0.52
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB3	20	0.53	0.1	0.52
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB1	20	0.53	0.1	0.52
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB3	1:27:A:TYR:HA	20	0.52	0.02	0.52
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB1	1:27:A:TYR:HA	20	0.52	0.02	0.52
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB2	1:27:A:TYR:HA	20	0.52	0.02	0.52
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	20	0.52	0.06	0.52
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	20	0.52	0.06	0.52
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	20	0.52	0.06	0.52
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	20	0.51	0.02	0.51
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	20	0.51	0.02	0.51
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	20	0.51	0.02	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	20	0.51	0.02	0.52
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB1	20	0.51	0.02	0.52
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB3	20	0.51	0.02	0.52
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	20	0.51	0.17	0.56
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG21	20	0.51	0.17	0.56
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG23	20	0.51	0.17	0.56
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	20	0.5	0.04	0.51
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB3	1:31:A:ILE:HB	20	0.5	0.04	0.51
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB2	1:31:A:ILE:HB	20	0.5	0.04	0.51
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB3	20	0.5	0.03	0.5
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB1	20	0.5	0.03	0.5
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB2	20	0.5	0.03	0.5
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB1	20	0.5	0.06	0.5
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	20	0.5	0.06	0.5
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB3	20	0.5	0.06	0.5
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	20	0.5	0.09	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD23	20	0.5	0.02	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD21	20	0.5	0.02	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	20	0.5	0.02	0.5
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB3	20	0.49	0.04	0.49
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB2	20	0.49	0.04	0.49
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	20	0.49	0.04	0.49
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	20	0.49	0.04	0.49
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	20	0.49	0.11	0.53
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG22	20	0.49	0.11	0.53
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG21	20	0.49	0.11	0.53
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD12	1:36:A:LEU:HB3	20	0.49	0.15	0.5
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD13	1:36:A:LEU:HB3	20	0.49	0.15	0.5
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD11	1:36:A:LEU:HB3	20	0.49	0.15	0.5
(1,469)	1:146:A:VAL:HG21	1:29:A:GLN:HB3	20	0.49	0.1	0.5
(1,469)	1:146:A:VAL:HG23	1:29:A:GLN:HB3	20	0.49	0.1	0.5
(1,469)	1:146:A:VAL:HG22	1:29:A:GLN:HB3	20	0.49	0.1	0.5
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB1	20	0.48	0.07	0.5
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB3	20	0.48	0.07	0.5
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB2	20	0.48	0.07	0.5
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	20	0.48	0.08	0.48
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	20	0.48	0.37	0.26
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG23	20	0.48	0.37	0.26
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG22	20	0.48	0.37	0.26
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	20	0.48	0.13	0.44
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ3	20	0.48	0.13	0.44
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG22	20	0.48	0.24	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG11	1:193:A:VAL:HG21	20	0.48	0.24	0.4
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG11	1:193:A:VAL:HG22	20	0.48	0.24	0.4
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG21	20	0.48	0.24	0.4
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG13	1:193:A:VAL:HG23	20	0.48	0.24	0.4
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG23	20	0.48	0.24	0.4
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG13	1:193:A:VAL:HG21	20	0.48	0.24	0.4
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG13	1:193:A:VAL:HG22	20	0.48	0.24	0.4
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	20	0.47	0.1	0.49
(1,45)	1:3:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	20	0.47	0.1	0.49
(1,45)	1:3:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	20	0.47	0.1	0.49
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB1	20	0.47	0.21	0.42
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB3	20	0.47	0.21	0.42
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB2	20	0.47	0.21	0.42
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	20	0.47	0.11	0.48
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB2	20	0.47	0.11	0.48
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG22	20	0.47	0.06	0.46
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG23	20	0.47	0.06	0.46
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG21	20	0.47	0.06	0.46
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD13	20	0.46	0.58	0.34
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	20	0.46	0.58	0.34
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD12	20	0.46	0.58	0.34
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB3	20	0.45	0.06	0.44
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB1	20	0.45	0.06	0.44
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB2	20	0.45	0.06	0.44
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	20	0.44	0.03	0.46
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	20	0.44	0.03	0.46
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	20	0.44	0.03	0.46
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	20	0.44	0.09	0.44
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD12	20	0.44	0.34	0.37
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD13	20	0.44	0.34	0.37
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD11	20	0.44	0.34	0.37
(1,798)	1:107:A:ILE:HD12	1:104:A:ILE:HA	20	0.44	0.1	0.42
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	20	0.44	0.1	0.42
(1,798)	1:107:A:ILE:HD11	1:104:A:ILE:HA	20	0.44	0.1	0.42
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	20	0.44	0.09	0.43
(1,516)	1:64:A:ILE:HG21	1:191:A:ILE:HB	20	0.44	0.05	0.44
(1,516)	1:64:A:ILE:HG23	1:191:A:ILE:HB	20	0.44	0.05	0.44
(1,516)	1:64:A:ILE:HG22	1:191:A:ILE:HB	20	0.44	0.05	0.44
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	20	0.43	0.09	0.47
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	20	0.43	0.09	0.47
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	20	0.43	0.09	0.47
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	20	0.43	0.02	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD21	1:81:A:ALA:H	20	0.43	0.02	0.43
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD23	1:81:A:ALA:H	20	0.43	0.02	0.43
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	20	0.42	0.19	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	20	0.42	0.19	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	20	0.42	0.19	0.38
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	20	0.42	0.07	0.38
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD13	20	0.41	0.05	0.41
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD11	20	0.41	0.05	0.41
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD12	20	0.41	0.05	0.41
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG23	20	0.41	0.06	0.4
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG21	20	0.41	0.06	0.4
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG22	20	0.41	0.06	0.4
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	20	0.41	0.04	0.4
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG22	20	0.41	0.04	0.4
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG21	20	0.41	0.04	0.4
(1,1550)	1:137:A:THR:HG22	1:167:A:PRO:HB2	20	0.4	0.04	0.4
(1,1550)	1:137:A:THR:HG23	1:167:A:PRO:HB2	20	0.4	0.04	0.4
(1,1550)	1:137:A:THR:HG21	1:167:A:PRO:HB2	20	0.4	0.04	0.4
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	20	0.39	0.07	0.38
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:H	20	0.39	0.07	0.38
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:H	20	0.39	0.07	0.38
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	20	0.39	0.35	0.32
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	20	0.39	0.35	0.32
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	20	0.39	0.35	0.32
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	20	0.38	0.06	0.38
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD13	20	0.38	0.13	0.37
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD12	20	0.38	0.13	0.37
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD11	20	0.38	0.13	0.37
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD13	20	0.38	0.13	0.37
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD12	20	0.38	0.13	0.37
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HD12	20	0.38	0.13	0.37
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HD13	20	0.38	0.13	0.37
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD11	20	0.38	0.13	0.37
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	20	0.37	0.04	0.38
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG12	20	0.37	0.04	0.38
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG11	20	0.37	0.04	0.38
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	20	0.37	0.06	0.37
(1,44)	1:5:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	20	0.37	0.06	0.37
(1,44)	1:5:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	20	0.37	0.06	0.37
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	20	0.37	0.04	0.38
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	20	0.37	0.05	0.36
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	20	0.36	0.12	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG23	20	0.36	0.03	0.36
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	20	0.36	0.03	0.36
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG21	20	0.36	0.03	0.36
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD11	20	0.36	0.09	0.32
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	20	0.36	0.09	0.32
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD13	20	0.36	0.09	0.32
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	20	0.35	0.04	0.36
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB2	20	0.35	0.04	0.36
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB3	20	0.35	0.04	0.36
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	20	0.34	0.03	0.34
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	20	0.34	0.04	0.34
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	20	0.34	0.04	0.34
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	20	0.34	0.04	0.34
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG22	20	0.34	0.03	0.34
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG21	20	0.34	0.03	0.34
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG23	20	0.34	0.03	0.34
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	20	0.34	0.07	0.34
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD13	20	0.34	0.06	0.36
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD12	20	0.34	0.06	0.36
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD11	20	0.34	0.06	0.36
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	20	0.33	0.14	0.3
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB3	20	0.33	0.14	0.3
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB1	20	0.33	0.14	0.3
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	20	0.33	0.09	0.33
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG11	20	0.33	0.09	0.33
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG12	20	0.33	0.09	0.33
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD11	20	0.33	0.25	0.25
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	20	0.33	0.25	0.25
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD13	20	0.33	0.25	0.25
(1,540)	1:165:A:VAL:HG23	1:184:A:LEU:HG	20	0.32	0.47	0.2
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	20	0.32	0.47	0.2
(1,540)	1:165:A:VAL:HG22	1:184:A:LEU:HG	20	0.32	0.47	0.2
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	20	0.31	0.07	0.31
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD12	20	0.31	0.07	0.31
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD11	20	0.31	0.07	0.31
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD12	20	0.31	0.03	0.31
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD13	20	0.31	0.03	0.31
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD11	20	0.31	0.03	0.31
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB1	20	0.31	0.01	0.31
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB3	20	0.31	0.01	0.31
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB2	20	0.31	0.01	0.31
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	20	0.3	0.1	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG22	20	0.3	0.1	0.3
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG23	20	0.3	0.1	0.3
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	20	0.3	0.04	0.3
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD21	20	0.3	0.04	0.3
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD23	20	0.3	0.04	0.3
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	20	0.3	0.04	0.3
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB3	20	0.3	0.04	0.3
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB2	20	0.3	0.04	0.3
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG23	20	0.29	0.07	0.31
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG21	20	0.29	0.07	0.31
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG22	20	0.29	0.07	0.31
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	20	0.29	0.05	0.29
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB3	20	0.29	0.05	0.29
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB2	20	0.29	0.05	0.29
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	20	0.29	0.08	0.3
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD13	20	0.28	0.09	0.28
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD11	20	0.28	0.09	0.28
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD12	20	0.28	0.09	0.28
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	20	0.28	0.08	0.27
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB2	20	0.28	0.03	0.28
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB1	20	0.28	0.03	0.28
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB3	20	0.28	0.03	0.28
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:H	20	0.27	0.09	0.25
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:H	20	0.27	0.09	0.25
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:H	20	0.27	0.09	0.25
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	20	0.26	0.12	0.2
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD21	1:18:A:PHE:HD2	20	0.26	0.12	0.2
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	20	0.26	0.07	0.26
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG11	20	0.26	0.07	0.26
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG12	20	0.26	0.07	0.26
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB2	20	0.26	0.03	0.26
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB3	20	0.26	0.03	0.26
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB1	20	0.26	0.03	0.26
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	20	0.26	0.02	0.25
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	20	0.26	0.03	0.26
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	20	0.26	0.01	0.26
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	20	0.26	0.01	0.26
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	20	0.25	0.03	0.26
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB2	20	0.25	0.03	0.26
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB3	20	0.25	0.03	0.26
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	20	0.25	0.04	0.26
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG12	20	0.25	0.04	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG11	20	0.25	0.04	0.26
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG22	20	0.24	0.01	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG21	20	0.24	0.01	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG23	20	0.24	0.01	0.24
(1,3309)	1:70:A:MET:HE1	1:70:A:MET:HB2	20	0.24	0.07	0.22
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	20	0.24	0.07	0.22
(1,3309)	1:70:A:MET:HE2	1:70:A:MET:HB2	20	0.24	0.07	0.22
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	20	0.24	0.14	0.22
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD11	20	0.24	0.14	0.22
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD13	20	0.24	0.14	0.22
(1,511)	1:64:A:ILE:HG23	1:64:A:ILE:HG12	20	0.23	0.03	0.24
(1,511)	1:64:A:ILE:HG22	1:64:A:ILE:HG12	20	0.23	0.03	0.24
(1,511)	1:64:A:ILE:HG21	1:64:A:ILE:HG12	20	0.23	0.03	0.24
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	20	0.23	0.03	0.23
(1,589)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HD11	20	0.22	0.01	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD13	20	0.22	0.01	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HD12	20	0.22	0.01	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD11	20	0.22	0.01	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD12	20	0.22	0.01	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD12	20	0.22	0.01	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD11	20	0.22	0.01	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD13	20	0.22	0.01	0.22
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	20	0.22	0.03	0.22
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	20	0.21	0.04	0.22
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD13	20	0.21	0.04	0.21
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	20	0.21	0.04	0.21
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD12	20	0.21	0.04	0.21
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	20	0.21	0.01	0.21
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	20	0.21	0.03	0.2
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	20	0.2	0.02	0.2
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	20	0.18	0.04	0.18
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	20	0.17	0.03	0.17
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	20	0.14	0.02	0.14
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	20	0.14	0.02	0.14
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB1	20	0.14	0.02	0.13
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB2	20	0.14	0.02	0.13
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB3	20	0.14	0.02	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	20	0.13	0.01	0.13
(1,659)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG23	19	2.43	1.65	1.45
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG23	19	2.43	1.65	1.45
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG22	19	2.43	1.65	1.45
(1,659)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG23	19	2.43	1.65	1.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,659)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG21	19	2.43	1.65	1.45
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG21	19	2.43	1.65	1.45
(1,659)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG22	19	2.43	1.65	1.45
(1,659)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG21	19	2.43	1.65	1.45
(1,659)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG22	19	2.43	1.65	1.45
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG12	19	2.09	0.32	2.09
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG11	19	2.09	0.32	2.09
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG13	19	2.09	0.32	2.09
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG11	19	2.09	0.32	2.09
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG13	19	2.09	0.32	2.09
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG13	19	2.09	0.32	2.09
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG12	19	2.09	0.32	2.09
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG11	19	2.07	0.09	2.07
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG13	19	2.07	0.09	2.07
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	19	2.07	0.09	2.07
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD13	1:32:A:GLN:HB3	19	1.72	0.07	1.71
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD11	1:32:A:GLN:HB3	19	1.72	0.07	1.71
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD12	1:32:A:GLN:HB3	19	1.72	0.07	1.71
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	19	1.7	0.15	1.73
(1,864)	1:33:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	19	1.7	0.15	1.73
(1,864)	1:33:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG12	19	1.7	0.15	1.73
(1,864)	1:33:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	19	1.7	0.15	1.73
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG11	19	1.7	0.15	1.73
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	19	1.7	0.15	1.73
(1,864)	1:33:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG13	19	1.7	0.15	1.73
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	19	1.39	0.09	1.4
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	19	1.32	0.09	1.34
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG11	19	1.27	0.08	1.28
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG13	19	1.27	0.08	1.28
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	19	1.27	0.08	1.28
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG23	19	1.27	0.25	1.28
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG22	19	1.27	0.25	1.28
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG21	19	1.27	0.25	1.28
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD12	1:189:A:ILE:HB	19	1.21	0.57	1.02
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD13	1:189:A:ILE:HB	19	1.21	0.57	1.02
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD11	1:189:A:ILE:HB	19	1.21	0.57	1.02
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	19	1.18	0.15	1.13
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	19	1.15	0.16	1.18
(1,539)	1:165:A:VAL:HG12	1:184:A:LEU:HG	19	1.15	0.16	1.18
(1,539)	1:165:A:VAL:HG13	1:184:A:LEU:HG	19	1.15	0.16	1.18
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	19	1.13	0.26	1.15
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	19	1.05	0.03	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	19	1.04	0.05	1.04
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG22	19	1.01	0.07	1.0
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG21	19	1.01	0.07	1.0
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG23	19	1.01	0.07	1.0
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	19	0.96	0.29	1.03
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB1	19	0.92	0.19	0.94
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB3	19	0.92	0.19	0.94
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB1	19	0.92	0.19	0.94
(1,855)	1:33:A:LEU:HD21	1:30:A:ALA:HB1	19	0.92	0.19	0.94
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB2	19	0.92	0.19	0.94
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB3	19	0.92	0.19	0.94
(1,855)	1:33:A:LEU:HD21	1:30:A:ALA:HB2	19	0.92	0.19	0.94
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB2	19	0.92	0.19	0.94
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG22	19	0.87	0.49	0.87
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD21	1:67:A:THR:HG23	19	0.87	0.49	0.87
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG21	19	0.87	0.49	0.87
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD23	1:67:A:THR:HG23	19	0.87	0.49	0.87
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD23	1:67:A:THR:HG21	19	0.87	0.49	0.87
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD21	1:67:A:THR:HG22	19	0.87	0.49	0.87
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG23	19	0.87	0.49	0.87
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD12	1:159:A:GLY:HA3	19	0.86	1.02	0.45
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD13	1:159:A:GLY:HA3	19	0.86	1.02	0.45
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD11	1:159:A:GLY:HA3	19	0.86	1.02	0.45
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB2	19	0.86	0.51	0.65
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	19	0.86	0.51	0.65
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB3	19	0.86	0.51	0.65
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	19	0.85	0.06	0.87
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	19	0.85	0.06	0.87
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	19	0.85	0.06	0.87
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD13	19	0.85	0.36	0.73
(1,863)	1:193:A:VAL:HG22	1:33:A:LEU:HD12	19	0.85	0.36	0.73
(1,863)	1:193:A:VAL:HG22	1:33:A:LEU:HD11	19	0.85	0.36	0.73
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD11	19	0.85	0.36	0.73
(1,863)	1:193:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD11	19	0.85	0.36	0.73
(1,863)	1:193:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD12	19	0.85	0.36	0.73
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD12	19	0.85	0.36	0.73
(1,863)	1:193:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD13	19	0.85	0.36	0.73
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD13	1:156:A:MET:H	19	0.83	0.14	0.86
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD12	1:156:A:MET:H	19	0.83	0.14	0.86
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD11	1:156:A:MET:H	19	0.83	0.14	0.86
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	19	0.82	0.07	0.84
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	19	0.82	0.07	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	19	0.82	0.07	0.84
(1,714)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB3	19	0.8	0.59	0.59
(1,714)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB3	19	0.8	0.59	0.59
(1,714)	1:107:A:ILE:HD11	1:101:A:ASP:HB3	19	0.8	0.59	0.59
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	19	0.73	0.1	0.77
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD12	19	0.73	0.1	0.77
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD11	19	0.73	0.1	0.77
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG13	1:13:A:LEU:HB2	19	0.71	0.28	0.8
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB2	19	0.71	0.28	0.8
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG13	1:1:A:MET:HB2	19	0.71	0.28	0.8
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB2	19	0.71	0.28	0.8
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD11	19	0.71	0.21	0.8
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	19	0.71	0.21	0.8
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD13	19	0.71	0.21	0.8
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	19	0.6	0.16	0.62
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	19	0.6	0.16	0.62
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	19	0.6	0.16	0.62
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG22	19	0.6	0.42	0.54
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG21	19	0.6	0.42	0.54
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG11	1:166:A:THR:HG23	19	0.6	0.42	0.54
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG12	1:166:A:THR:HG23	19	0.6	0.42	0.54
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG11	1:166:A:THR:HG21	19	0.6	0.42	0.54
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG23	19	0.6	0.42	0.54
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG12	1:166:A:THR:HG22	19	0.6	0.42	0.54
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD21	19	0.59	0.08	0.6
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD23	19	0.59	0.08	0.6
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD22	19	0.59	0.08	0.6
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	19	0.58	0.23	0.59
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG23	19	0.54	0.04	0.55
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	19	0.54	0.04	0.55
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG22	19	0.54	0.04	0.55
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG11	19	0.54	0.17	0.56
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG13	19	0.54	0.17	0.56
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG12	19	0.54	0.17	0.56
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	19	0.51	0.17	0.52
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG21	19	0.51	0.17	0.52
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG23	19	0.51	0.17	0.52
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG22	19	0.5	0.06	0.52
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG23	19	0.5	0.06	0.52
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG21	19	0.5	0.06	0.52
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	19	0.49	0.19	0.54
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG21	19	0.48	0.05	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG22	19	0.48	0.05	0.47
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG23	19	0.48	0.05	0.47
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	19	0.47	0.06	0.46
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB2	19	0.47	0.06	0.46
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB3	19	0.47	0.06	0.46
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	19	0.46	0.15	0.49
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	19	0.46	0.15	0.49
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	19	0.46	0.15	0.49
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD13	19	0.45	0.09	0.46
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD11	19	0.45	0.09	0.46
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD12	19	0.45	0.09	0.46
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	19	0.44	0.11	0.45
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE2	19	0.41	0.13	0.41
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE1	19	0.41	0.13	0.41
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE3	19	0.41	0.13	0.41
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	19	0.38	0.1	0.38
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	19	0.38	0.05	0.38
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG11	19	0.38	0.05	0.38
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG13	19	0.38	0.05	0.38
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	19	0.38	0.09	0.35
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	19	0.37	0.09	0.4
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD13	19	0.36	0.04	0.37
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD11	19	0.36	0.04	0.37
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD12	19	0.36	0.04	0.37
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB3	19	0.36	0.09	0.4
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB1	19	0.36	0.09	0.4
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB2	19	0.36	0.09	0.4
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	19	0.35	0.08	0.37
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	19	0.33	0.08	0.37
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB3	19	0.33	0.08	0.37
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB2	19	0.33	0.08	0.37
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	19	0.33	0.11	0.3
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	19	0.32	0.08	0.3
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG23	19	0.32	0.08	0.3
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	19	0.32	0.08	0.3
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD12	19	0.31	0.02	0.31
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD13	19	0.31	0.02	0.31
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD11	19	0.31	0.02	0.31
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	19	0.3	0.03	0.3
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	19	0.3	0.03	0.3
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	19	0.3	0.03	0.3
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	19	0.29	0.03	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,537)	1:165:A:VAL:HG11	1:165:A:VAL:H	19	0.29	0.03	0.29
(1,537)	1:165:A:VAL:HG12	1:165:A:VAL:H	19	0.29	0.03	0.29
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG11	19	0.29	0.04	0.3
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG12	19	0.29	0.04	0.3
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG13	19	0.29	0.04	0.3
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG23	19	0.28	0.07	0.29
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG21	19	0.28	0.07	0.29
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG22	19	0.28	0.07	0.29
(1,752)	1:31:A:ILE:HG22	1:34:A:ALA:HB3	19	0.28	0.08	0.29
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB3	19	0.28	0.08	0.29
(1,752)	1:31:A:ILE:HG23	1:34:A:ALA:HB1	19	0.28	0.08	0.29
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB1	19	0.28	0.08	0.29
(1,752)	1:31:A:ILE:HG23	1:34:A:ALA:HB2	19	0.28	0.08	0.29
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB2	19	0.28	0.08	0.29
(1,752)	1:31:A:ILE:HG22	1:34:A:ALA:HB1	19	0.28	0.08	0.29
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG13	19	0.27	0.06	0.28
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG11	19	0.27	0.06	0.28
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG12	19	0.27	0.06	0.28
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	19	0.26	0.08	0.29
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	19	0.25	0.05	0.26
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	19	0.25	0.05	0.26
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	19	0.25	0.05	0.26
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	19	0.25	0.04	0.25
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	19	0.25	0.04	0.25
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB1	19	0.25	0.04	0.25
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG23	19	0.2	0.05	0.2
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	19	0.2	0.05	0.2
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	19	0.2	0.05	0.2
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	19	0.2	0.02	0.2
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	19	0.2	0.02	0.21
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	19	0.2	0.02	0.21
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	19	0.2	0.02	0.21
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	19	0.19	0.03	0.19
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	19	0.19	0.05	0.19
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD13	19	0.18	0.04	0.19
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD12	19	0.18	0.04	0.19
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD11	19	0.18	0.04	0.19
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	19	0.18	0.03	0.17
(1,1652)	1:84:A:THR:HG22	1:85:A:THR:HA	19	0.16	0.04	0.16
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	19	0.16	0.04	0.16
(1,1652)	1:84:A:THR:HG23	1:85:A:THR:HA	19	0.16	0.04	0.16
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	19	0.15	0.03	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	18	1.38	0.29	1.46
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	18	1.2	0.4	1.3
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB2	18	1.05	0.24	1.08
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB1	18	1.05	0.24	1.08
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB3	18	1.05	0.24	1.08
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG11	1:92:A:ILE:HG13	18	0.76	0.34	0.84
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG13	1:92:A:ILE:HG13	18	0.76	0.34	0.84
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG12	1:92:A:ILE:HG13	18	0.76	0.34	0.84
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG12	1:92:A:ILE:HG12	18	0.76	0.34	0.84
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	18	0.74	0.94	0.45
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	18	0.74	0.94	0.45
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	18	0.74	0.94	0.45
(1,18)	1:49:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HB3	18	0.74	0.07	0.75
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	18	0.74	0.07	0.75
(1,18)	1:49:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HB3	18	0.74	0.07	0.75
(1,15)	1:49:A:LEU:HD21	1:64:A:ILE:HG21	18	0.72	0.28	0.77
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG23	18	0.72	0.28	0.77
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG21	18	0.72	0.28	0.77
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG22	18	0.72	0.28	0.77
(1,15)	1:49:A:LEU:HD21	1:64:A:ILE:HG22	18	0.72	0.28	0.77
(1,15)	1:49:A:LEU:HD22	1:64:A:ILE:HG21	18	0.72	0.28	0.77
(1,15)	1:49:A:LEU:HD22	1:64:A:ILE:HG22	18	0.72	0.28	0.77
(1,15)	1:49:A:LEU:HD21	1:64:A:ILE:HG23	18	0.72	0.28	0.77
(1,15)	1:49:A:LEU:HD22	1:64:A:ILE:HG23	18	0.72	0.28	0.77
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD13	18	0.71	0.36	0.68
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD12	18	0.71	0.36	0.68
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD13	18	0.71	0.36	0.68
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD11	18	0.71	0.36	0.68
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD12	18	0.71	0.36	0.68
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD11	18	0.71	0.36	0.68
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD13	18	0.71	0.36	0.68
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD12	18	0.71	0.36	0.68
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD11	18	0.71	0.36	0.68
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG22	18	0.61	0.12	0.64
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG23	18	0.61	0.12	0.64
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG21	18	0.61	0.12	0.64
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD22	18	0.59	0.85	0.32
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD21	18	0.59	0.85	0.32
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD23	18	0.59	0.85	0.32
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	18	0.58	0.19	0.64
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ1	18	0.58	0.19	0.64
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ2	18	0.58	0.19	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG12	18	0.56	0.08	0.6
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG11	18	0.56	0.08	0.6
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG13	18	0.56	0.08	0.6
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG21	1:163:A:ILE:HG13	18	0.52	0.02	0.52
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG13	18	0.52	0.02	0.52
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG22	1:163:A:ILE:HG13	18	0.52	0.02	0.52
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	18	0.49	0.16	0.51
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	18	0.49	0.16	0.51
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	18	0.49	0.16	0.51
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD13	18	0.47	0.31	0.32
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD12	18	0.47	0.31	0.32
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD11	18	0.47	0.31	0.32
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD13	18	0.46	0.23	0.46
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD11	18	0.46	0.23	0.46
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD12	18	0.46	0.23	0.46
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	18	0.4	0.08	0.42
(1,592)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG22	18	0.39	0.11	0.4
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG23	18	0.39	0.11	0.4
(1,592)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG23	18	0.39	0.11	0.4
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG21	18	0.39	0.11	0.4
(1,592)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG21	18	0.39	0.11	0.4
(1,592)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG22	18	0.39	0.11	0.4
(1,592)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG23	18	0.39	0.11	0.4
(1,592)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG21	18	0.39	0.11	0.4
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD13	18	0.37	0.14	0.41
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD12	18	0.37	0.14	0.41
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD11	18	0.37	0.14	0.41
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	18	0.35	0.12	0.32
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	18	0.35	0.12	0.32
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	18	0.35	0.12	0.32
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB3	18	0.33	0.12	0.33
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	18	0.33	0.12	0.33
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG23	18	0.31	0.18	0.26
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG22	18	0.31	0.18	0.26
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG21	18	0.31	0.18	0.26
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG21	18	0.29	0.04	0.29
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG22	18	0.29	0.04	0.29
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG23	18	0.29	0.04	0.29
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	18	0.28	0.08	0.26
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB2	18	0.28	0.08	0.26
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG3	18	0.28	0.13	0.26
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	18	0.28	0.13	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	18	0.28	0.03	0.29
(1,3)	1:49:A:LEU:HD21	1:49:A:LEU:HB3	18	0.28	0.03	0.29
(1,3)	1:49:A:LEU:HD22	1:49:A:LEU:HB3	18	0.28	0.03	0.29
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG23	18	0.27	0.05	0.28
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG21	18	0.27	0.05	0.28
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG22	18	0.27	0.05	0.28
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD13	18	0.26	0.03	0.27
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	18	0.26	0.03	0.27
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD12	18	0.26	0.03	0.27
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	18	0.23	0.05	0.24
(1,396)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD2	18	0.23	0.05	0.24
(1,396)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD2	18	0.23	0.05	0.24
(1,82)	1:70:A:MET:HE1	1:89:A:GLN:HG3	18	0.2	0.06	0.2
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	18	0.2	0.06	0.2
(1,82)	1:70:A:MET:HE2	1:89:A:GLN:HG3	18	0.2	0.06	0.2
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	18	0.16	0.05	0.15
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB2	1:157:A:ALA:HA	18	0.16	0.05	0.15
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB3	1:157:A:ALA:HA	18	0.16	0.05	0.15
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	18	0.15	0.03	0.15
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	18	0.13	0.02	0.13
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	18	0.13	0.01	0.13
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	18	0.13	0.02	0.12
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	17	1.24	0.37	1.3
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	17	1.12	0.46	1.19
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HB2	17	1.03	0.44	1.09
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HB2	17	1.03	0.44	1.09
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HB2	17	1.03	0.44	1.09
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG23	17	0.87	0.09	0.88
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG21	17	0.87	0.09	0.88
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG22	17	0.87	0.09	0.88
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	17	0.68	0.18	0.76
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD21	17	0.68	0.18	0.76
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD22	17	0.68	0.18	0.76
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG21	1:137:A:THR:H	17	0.65	0.08	0.67
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG22	1:137:A:THR:H	17	0.65	0.08	0.67
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG23	1:137:A:THR:H	17	0.65	0.08	0.67
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD21	17	0.65	0.34	0.62
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD23	17	0.65	0.34	0.62
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD21	17	0.65	0.34	0.62
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD22	17	0.65	0.34	0.62
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	17	0.65	0.34	0.62
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD21	17	0.65	0.34	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD22	17	0.65	0.34	0.62
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD22	17	0.65	0.34	0.62
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG13	1:15:A:TYR:HD2	17	0.65	0.12	0.64
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG12	1:15:A:TYR:HD2	17	0.65	0.12	0.64
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG11	1:15:A:TYR:HD2	17	0.65	0.12	0.64
(1,3393)	1:83:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB3	17	0.64	0.36	0.58
(1,3393)	1:83:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB2	17	0.64	0.36	0.58
(1,3393)	1:83:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB3	17	0.64	0.36	0.58
(1,3393)	1:83:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB3	17	0.64	0.36	0.58
(1,3393)	1:83:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB2	17	0.64	0.36	0.58
(1,3393)	1:83:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB2	17	0.64	0.36	0.58
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:VAL:HG23	17	0.62	0.23	0.6
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:VAL:HG22	17	0.62	0.23	0.6
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:VAL:HG21	17	0.62	0.23	0.6
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:VAL:HG22	17	0.62	0.23	0.6
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:VAL:HG23	17	0.62	0.23	0.6
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:VAL:HG21	17	0.62	0.23	0.6
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:VAL:HG23	17	0.62	0.23	0.6
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:VAL:HG22	17	0.62	0.23	0.6
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG11	17	0.6	0.15	0.66
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG12	17	0.6	0.15	0.66
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG13	17	0.6	0.15	0.66
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD11	17	0.58	0.13	0.56
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD12	17	0.58	0.13	0.56
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD13	17	0.58	0.13	0.56
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	17	0.58	0.24	0.54
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	17	0.57	0.23	0.5
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG11	17	0.55	0.07	0.55
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG13	17	0.55	0.07	0.55
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG12	17	0.55	0.07	0.55
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB2	17	0.5	0.36	0.3
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB1	17	0.5	0.36	0.3
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB3	17	0.5	0.36	0.3
(1,593)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	17	0.49	0.15	0.5
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG12	17	0.49	0.15	0.5
(1,593)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG12	17	0.49	0.15	0.5
(1,593)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	17	0.49	0.15	0.5
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	17	0.49	0.15	0.5
(1,593)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	17	0.49	0.15	0.5
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG13	17	0.49	0.15	0.5
(1,593)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG13	17	0.49	0.15	0.5
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD12	17	0.46	0.18	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD11	17	0.46	0.18	0.45
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD13	17	0.46	0.18	0.45
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB2	17	0.42	0.25	0.27
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB1	17	0.42	0.25	0.27
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB3	17	0.42	0.25	0.27
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	17	0.42	0.12	0.41
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	17	0.42	0.12	0.41
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	17	0.42	0.12	0.41
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	17	0.4	0.08	0.41
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	17	0.36	0.33	0.24
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	17	0.34	0.05	0.35
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG21	17	0.33	0.09	0.35
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG22	17	0.33	0.09	0.35
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	17	0.33	0.09	0.35
(1,1219)	1:169:A:THR:HG21	1:180:A:TRP:H	17	0.29	0.15	0.26
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	17	0.29	0.15	0.26
(1,1219)	1:169:A:THR:HG22	1:180:A:TRP:H	17	0.29	0.15	0.26
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD11	17	0.25	0.08	0.24
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD12	17	0.25	0.08	0.24
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD13	17	0.25	0.08	0.24
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG23	17	0.24	0.06	0.22
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG22	17	0.24	0.06	0.22
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG21	17	0.24	0.06	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG12	17	0.22	0.03	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG13	17	0.22	0.03	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG22	1:193:A:VAL:HG12	17	0.22	0.03	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG22	1:193:A:VAL:HG11	17	0.22	0.03	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG11	17	0.22	0.03	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG22	1:193:A:VAL:HG13	17	0.22	0.03	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG23	1:193:A:VAL:HG12	17	0.22	0.03	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG23	1:193:A:VAL:HG13	17	0.22	0.03	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG23	1:193:A:VAL:HG11	17	0.22	0.03	0.22
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	17	0.21	0.03	0.22
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	17	0.21	0.03	0.22
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	17	0.21	0.03	0.22
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG23	17	0.19	0.05	0.18
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG22	17	0.19	0.05	0.18
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG21	17	0.19	0.05	0.18
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	17	0.19	0.06	0.17
(1,432)	1:31:A:ILE:HD13	1:30:A:ALA:H	17	0.18	0.05	0.18
(1,432)	1:31:A:ILE:HD12	1:30:A:ALA:H	17	0.18	0.05	0.18
(1,432)	1:31:A:ILE:HD11	1:30:A:ALA:H	17	0.18	0.05	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	17	0.18	0.05	0.18
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	17	0.17	0.03	0.16
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	17	0.16	0.04	0.17
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	17	0.16	0.03	0.16
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	17	0.15	0.03	0.15
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB1	17	0.12	0.02	0.12
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB2	17	0.12	0.02	0.12
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB3	17	0.12	0.02	0.12
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	16	1.22	0.15	1.19
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	16	1.22	0.15	1.19
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	16	1.22	0.15	1.19
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	16	1.15	0.01	1.15
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	16	0.97	0.08	1.0
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB3	16	0.93	0.21	0.92
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB1	16	0.93	0.21	0.92
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB2	16	0.93	0.21	0.92
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG23	16	0.92	0.59	0.92
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	16	0.92	0.59	0.92
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG22	16	0.92	0.59	0.92
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	16	0.76	0.44	0.98
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	16	0.72	0.07	0.71
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD21	16	0.6	0.32	0.52
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD23	16	0.6	0.32	0.52
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD21	16	0.6	0.32	0.52
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD22	16	0.6	0.32	0.52
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	16	0.6	0.32	0.52
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD21	16	0.6	0.32	0.52
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD12	16	0.6	0.32	0.52
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD22	16	0.6	0.32	0.52
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD11	16	0.6	0.32	0.52
(1,466)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB3	16	0.57	0.17	0.62
(1,466)	1:200:A:THR:HG21	1:151:A:GLU:HB3	16	0.57	0.17	0.62
(1,466)	1:200:A:THR:HG22	1:151:A:GLU:HB3	16	0.57	0.17	0.62
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	16	0.53	0.16	0.52
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	16	0.49	0.3	0.57
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	16	0.45	0.17	0.47
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB3	16	0.45	0.17	0.47
(1,753)	1:31:A:ILE:HG23	1:32:A:GLN:HE21	16	0.41	0.28	0.37
(1,753)	1:31:A:ILE:HG22	1:32:A:GLN:HE21	16	0.41	0.28	0.37
(1,753)	1:31:A:ILE:HG21	1:32:A:GLN:HE21	16	0.41	0.28	0.37
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD12	16	0.39	0.13	0.38
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD11	16	0.39	0.13	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD13	16	0.39	0.13	0.38
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	16	0.39	0.13	0.38
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB3	16	0.39	0.13	0.38
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD11	16	0.35	0.04	0.36
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD13	16	0.35	0.04	0.36
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD12	16	0.35	0.04	0.36
(1,970)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG13	16	0.35	0.21	0.3
(1,970)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG13	16	0.35	0.21	0.3
(1,970)	1:132:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG13	16	0.35	0.21	0.3
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE1	16	0.33	0.08	0.3
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE2	16	0.33	0.08	0.3
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE3	16	0.33	0.08	0.3
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	16	0.32	0.13	0.28
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	16	0.3	0.11	0.31
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE3	16	0.3	0.11	0.31
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE1	16	0.3	0.11	0.31
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	16	0.3	0.03	0.3
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB1	16	0.3	0.03	0.3
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	16	0.3	0.03	0.3
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	16	0.28	0.14	0.27
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	16	0.28	0.14	0.27
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	16	0.28	0.14	0.27
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	16	0.28	0.06	0.29
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	16	0.26	0.08	0.3
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	16	0.24	0.31	0.13
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG21	16	0.24	0.05	0.26
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG22	16	0.24	0.05	0.26
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG23	16	0.24	0.05	0.26
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG21	16	0.24	0.06	0.25
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG22	16	0.24	0.06	0.25
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG23	16	0.24	0.06	0.25
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD11	16	0.23	0.07	0.22
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD12	16	0.23	0.07	0.22
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD13	16	0.23	0.07	0.22
(1,84)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HB	16	0.2	0.09	0.15
(1,84)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HB	16	0.2	0.09	0.15
(1,84)	1:70:A:MET:HE1	1:92:A:ILE:HB	16	0.2	0.09	0.15
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG22	16	0.2	0.06	0.2
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG23	16	0.2	0.06	0.2
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG21	16	0.2	0.06	0.2
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	16	0.18	0.05	0.16
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	16	0.17	0.03	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	16	0.16	0.05	0.16
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	16	0.16	0.03	0.15
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HB3	15	1.44	0.99	1.08
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HB3	15	1.44	0.99	1.08
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD11	1:79:A:LEU:HB3	15	1.44	0.99	1.08
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	15	1.23	0.04	1.23
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	15	1.18	0.26	1.23
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	15	1.06	0.96	0.37
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	15	1.02	0.5	1.22
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG21	15	0.76	0.29	0.76
(1,961)	1:111:A:ALA:HB2	1:107:A:ILE:HG23	15	0.76	0.29	0.76
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG23	15	0.76	0.29	0.76
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG22	15	0.76	0.29	0.76
(1,961)	1:111:A:ALA:HB1	1:107:A:ILE:HG23	15	0.76	0.29	0.76
(1,961)	1:111:A:ALA:HB1	1:107:A:ILE:HG22	15	0.76	0.29	0.76
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	15	0.64	0.29	0.55
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG12	15	0.61	0.68	0.48
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG11	15	0.61	0.68	0.48
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG13	15	0.61	0.68	0.48
(1,1223)	1:169:A:THR:HG22	1:135:A:SER:HB3	15	0.57	0.3	0.63
(1,1223)	1:169:A:THR:HG23	1:135:A:SER:HB3	15	0.57	0.3	0.63
(1,1223)	1:169:A:THR:HG21	1:135:A:SER:HB3	15	0.57	0.3	0.63
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	15	0.56	0.16	0.57
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD22	1:144:A:PHE:HZ	15	0.53	0.1	0.57
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD21	1:144:A:PHE:HZ	15	0.53	0.1	0.57
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD23	1:144:A:PHE:HZ	15	0.53	0.1	0.57
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD12	15	0.48	0.21	0.59
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD13	15	0.48	0.21	0.59
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD11	15	0.48	0.21	0.59
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD12	15	0.45	0.2	0.34
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD11	15	0.45	0.2	0.34
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD13	15	0.45	0.2	0.34
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG22	15	0.44	0.16	0.4
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD23	1:191:A:ILE:HG22	15	0.44	0.16	0.4
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG23	15	0.44	0.16	0.4
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD22	1:191:A:ILE:HG22	15	0.44	0.16	0.4
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD23	1:191:A:ILE:HG23	15	0.44	0.16	0.4
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD22	1:191:A:ILE:HG21	15	0.44	0.16	0.4
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD23	1:191:A:ILE:HG21	15	0.44	0.16	0.4
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG21	15	0.44	0.16	0.4
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD22	1:191:A:ILE:HG23	15	0.44	0.16	0.4
(1,550)	1:165:A:VAL:HG12	1:163:A:ILE:HB	15	0.42	0.16	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,550)	1:165:A:VAL:HG13	1:163:A:ILE:HB	15	0.42	0.16	0.43
(1,550)	1:165:A:VAL:HG11	1:163:A:ILE:HB	15	0.42	0.16	0.43
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB2	15	0.42	0.16	0.49
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB3	15	0.42	0.16	0.49
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB1	15	0.42	0.16	0.49
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	15	0.31	0.16	0.3
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD13	15	0.31	0.09	0.27
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD12	15	0.31	0.09	0.27
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD11	15	0.31	0.09	0.27
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG23	15	0.27	0.08	0.23
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG22	15	0.27	0.08	0.23
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG21	15	0.27	0.08	0.23
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB2	1:84:A:THR:HB	15	0.27	0.1	0.26
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB3	1:84:A:THR:HB	15	0.27	0.1	0.26
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB1	1:84:A:THR:HB	15	0.27	0.1	0.26
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB2	15	0.21	0.07	0.2
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB1	15	0.21	0.07	0.2
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB3	15	0.21	0.07	0.2
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD12	15	0.21	0.05	0.22
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD11	15	0.21	0.05	0.22
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD13	15	0.21	0.05	0.22
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	15	0.18	0.06	0.17
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD1	15	0.18	0.06	0.17
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	15	0.16	0.04	0.14
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	15	0.16	0.04	0.14
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	15	0.16	0.04	0.14
(1,1226)	1:169:A:THR:HG23	1:178:A:LYS:HZ3	14	1.44	1.23	1.04
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ3	14	1.44	1.23	1.04
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ2	14	1.44	1.23	1.04
(1,1226)	1:169:A:THR:HG23	1:178:A:LYS:HZ2	14	1.44	1.23	1.04
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ1	14	1.44	1.23	1.04
(1,1226)	1:169:A:THR:HG21	1:178:A:LYS:HZ2	14	1.44	1.23	1.04
(1,1226)	1:169:A:THR:HG23	1:178:A:LYS:HZ1	14	1.44	1.23	1.04
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	14	1.26	0.47	1.47
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG21	14	0.66	0.3	0.78
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG22	14	0.66	0.3	0.78
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG23	14	0.66	0.3	0.78
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG23	14	0.59	0.24	0.66
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG21	14	0.59	0.24	0.66
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG22	14	0.59	0.24	0.66
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB3	1:126:A:ILE:HA	14	0.48	0.5	0.28
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB1	1:126:A:ILE:HA	14	0.48	0.5	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB2	1:126:A:ILE:HA	14	0.48	0.5	0.28
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG21	14	0.48	0.09	0.49
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG23	14	0.48	0.09	0.49
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG22	14	0.48	0.09	0.49
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG21	14	0.44	0.14	0.44
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG23	14	0.44	0.14	0.44
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG22	14	0.44	0.14	0.44
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HA	14	0.44	0.16	0.38
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HA	14	0.44	0.16	0.38
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HA	14	0.44	0.16	0.38
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	14	0.43	0.2	0.4
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD11	14	0.38	0.17	0.42
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD12	14	0.38	0.17	0.42
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD13	14	0.38	0.17	0.42
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG23	1:161:A:LEU:HB2	14	0.34	0.16	0.32
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG22	1:161:A:LEU:HB2	14	0.34	0.16	0.32
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG21	1:161:A:LEU:HB2	14	0.34	0.16	0.32
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG23	14	0.33	0.1	0.36
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG21	14	0.33	0.1	0.36
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG22	14	0.33	0.1	0.36
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	14	0.33	0.59	0.17
(1,1007)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HG	14	0.31	0.13	0.28
(1,1007)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HG	14	0.31	0.13	0.28
(1,1007)	1:117:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HG	14	0.31	0.13	0.28
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	14	0.29	0.5	0.15
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG23	14	0.26	0.07	0.27
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG21	14	0.26	0.07	0.27
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG22	14	0.26	0.07	0.27
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	14	0.26	0.07	0.3
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB2	14	0.26	0.07	0.3
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG23	14	0.25	0.05	0.26
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG21	14	0.25	0.05	0.26
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG22	14	0.25	0.05	0.26
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	14	0.2	0.03	0.2
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	14	0.2	0.05	0.21
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	14	0.19	0.03	0.2
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	14	0.16	0.03	0.15
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	14	0.16	0.04	0.16
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	14	0.16	0.04	0.16
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB1	14	0.16	0.04	0.16
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	14	0.15	0.03	0.15
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	14	0.15	0.03	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB1	14	0.15	0.03	0.15
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	14	0.15	0.04	0.14
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	14	0.14	0.03	0.14
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	14	0.13	0.02	0.13
(1,37)	1:115:A:LEU:HD11	1:86:A:LEU:HD12	13	1.98	1.56	1.3
(1,37)	1:115:A:LEU:HD12	1:86:A:LEU:HD13	13	1.98	1.56	1.3
(1,37)	1:115:A:LEU:HD11	1:86:A:LEU:HD11	13	1.98	1.56	1.3
(1,37)	1:115:A:LEU:HD12	1:86:A:LEU:HD11	13	1.98	1.56	1.3
(1,37)	1:115:A:LEU:HD13	1:86:A:LEU:HD13	13	1.98	1.56	1.3
(1,37)	1:115:A:LEU:HD13	1:86:A:LEU:HD12	13	1.98	1.56	1.3
(1,39)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HG	13	1.59	1.26	0.73
(1,39)	1:115:A:LEU:HD11	1:79:A:LEU:HG	13	1.59	1.26	0.73
(1,39)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HG	13	1.59	1.26	0.73
(1,835)	1:202:A:LEU:HD22	1:154:A:ALA:HB1	13	1.45	0.08	1.49
(1,835)	1:202:A:LEU:HD21	1:154:A:ALA:HB1	13	1.45	0.08	1.49
(1,835)	1:202:A:LEU:HD23	1:154:A:ALA:HB1	13	1.45	0.08	1.49
(1,835)	1:202:A:LEU:HD22	1:154:A:ALA:HB3	13	1.45	0.08	1.49
(1,835)	1:202:A:LEU:HD21	1:154:A:ALA:HB3	13	1.45	0.08	1.49
(1,835)	1:202:A:LEU:HD21	1:154:A:ALA:HB2	13	1.45	0.08	1.49
(1,835)	1:202:A:LEU:HD23	1:154:A:ALA:HB3	13	1.45	0.08	1.49
(1,461)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HD12	13	1.44	0.31	1.31
(1,461)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HD11	13	1.44	0.31	1.31
(1,461)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HD13	13	1.44	0.31	1.31
(1,461)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HD11	13	1.44	0.31	1.31
(1,461)	1:200:A:THR:HG22	1:202:A:LEU:HD11	13	1.44	0.31	1.31
(1,461)	1:200:A:THR:HG22	1:202:A:LEU:HD12	13	1.44	0.31	1.31
(1,461)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HD12	13	1.44	0.31	1.31
(1,461)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HD13	13	1.44	0.31	1.31
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG23	13	0.98	0.37	1.1
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG22	13	0.98	0.37	1.1
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG21	13	0.98	0.37	1.1
(1,118)	1:202:A:LEU:HD22	1:156:A:MET:HE2	13	0.97	0.78	0.86
(1,118)	1:202:A:LEU:HD22	1:156:A:MET:HE1	13	0.97	0.78	0.86
(1,118)	1:202:A:LEU:HD23	1:156:A:MET:HE1	13	0.97	0.78	0.86
(1,118)	1:202:A:LEU:HD21	1:156:A:MET:HE3	13	0.97	0.78	0.86
(1,118)	1:202:A:LEU:HD23	1:156:A:MET:HE2	13	0.97	0.78	0.86
(1,118)	1:202:A:LEU:HD23	1:156:A:MET:HE3	13	0.97	0.78	0.86
(1,118)	1:202:A:LEU:HD21	1:156:A:MET:HE1	13	0.97	0.78	0.86
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	13	0.86	0.49	0.84
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD22	13	0.73	0.33	0.61
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD21	13	0.73	0.33	0.61
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD23	13	0.73	0.33	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	13	0.71	0.36	0.9
(1,604)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HG2	13	0.56	0.06	0.53
(1,604)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HG2	13	0.56	0.06	0.53
(1,604)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HG2	13	0.56	0.06	0.53
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	13	0.55	0.42	0.56
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD22	1:149:A:GLY:H	13	0.52	0.06	0.53
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD21	1:149:A:GLY:H	13	0.52	0.06	0.53
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD23	1:149:A:GLY:H	13	0.52	0.06	0.53
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	13	0.49	0.16	0.53
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	13	0.47	0.01	0.47
(1,560)	1:170:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG21	13	0.45	0.2	0.4
(1,560)	1:170:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG23	13	0.45	0.2	0.4
(1,560)	1:170:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG23	13	0.45	0.2	0.4
(1,560)	1:170:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG21	13	0.45	0.2	0.4
(1,560)	1:170:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG22	13	0.45	0.2	0.4
(1,560)	1:170:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG22	13	0.45	0.2	0.4
(1,560)	1:170:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG23	13	0.45	0.2	0.4
(1,560)	1:170:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG21	13	0.45	0.2	0.4
(1,794)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HG23	13	0.44	0.1	0.42
(1,794)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HG21	13	0.44	0.1	0.42
(1,794)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HG23	13	0.44	0.1	0.42
(1,794)	1:107:A:ILE:HD11	1:107:A:ILE:HG21	13	0.44	0.1	0.42
(1,794)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HG22	13	0.44	0.1	0.42
(1,794)	1:107:A:ILE:HD11	1:107:A:ILE:HG23	13	0.44	0.1	0.42
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD22	13	0.37	0.09	0.38
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD21	13	0.37	0.09	0.38
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD23	13	0.37	0.09	0.38
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	13	0.37	0.04	0.37
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD22	13	0.36	0.07	0.37
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD21	13	0.36	0.07	0.37
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD23	13	0.36	0.07	0.37
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG11	13	0.35	0.17	0.28
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG12	13	0.35	0.17	0.28
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG13	13	0.35	0.17	0.28
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	13	0.35	0.06	0.37
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	13	0.35	0.1	0.39
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG22	13	0.35	0.1	0.39
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD11	13	0.33	0.14	0.35
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD12	13	0.33	0.14	0.35
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD13	13	0.33	0.14	0.35
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG23	13	0.33	0.13	0.33
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG21	13	0.33	0.13	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG22	13	0.33	0.13	0.33
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG22	13	0.32	0.12	0.31
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG21	13	0.32	0.12	0.31
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG23	13	0.32	0.12	0.31
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	13	0.3	0.11	0.32
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD1	13	0.3	0.11	0.32
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG21	13	0.29	0.07	0.29
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG23	13	0.29	0.07	0.29
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG22	13	0.29	0.07	0.29
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB2	13	0.26	0.06	0.25
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB3	13	0.26	0.06	0.25
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD13	13	0.25	0.09	0.23
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD11	13	0.25	0.09	0.23
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD12	13	0.25	0.09	0.23
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	13	0.24	0.07	0.22
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	13	0.24	0.07	0.22
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	13	0.24	0.07	0.22
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB3	1:160:A:PRO:HG3	13	0.21	0.04	0.22
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB1	1:160:A:PRO:HG3	13	0.21	0.04	0.22
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB2	1:160:A:PRO:HG3	13	0.21	0.04	0.22
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	13	0.21	0.04	0.22
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	13	0.2	0.04	0.21
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	13	0.15	0.03	0.14
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	13	0.13	0.03	0.14
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD13	1:34:A:ALA:H	13	0.12	0.01	0.12
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD12	1:34:A:ALA:H	13	0.12	0.01	0.12
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD11	1:34:A:ALA:H	13	0.12	0.01	0.12
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	12	1.4	0.25	1.46
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD11	12	0.93	0.04	0.92
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD13	12	0.93	0.04	0.92
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD12	12	0.86	0.03	0.86
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD11	12	0.86	0.03	0.86
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD22	12	0.74	1.23	0.2
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD21	12	0.74	1.23	0.2
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD23	12	0.74	1.23	0.2
(1,656)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG13	12	0.63	0.2	0.73
(1,656)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG13	12	0.63	0.2	0.73
(1,656)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG12	12	0.63	0.2	0.73
(1,656)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG12	12	0.63	0.2	0.73
(1,656)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG13	12	0.63	0.2	0.73
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	12	0.61	0.26	0.62
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	12	0.59	0.46	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB2	1:96:A:LEU:HB3	12	0.49	0.13	0.44
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB3	1:96:A:LEU:HB3	12	0.49	0.13	0.44
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB1	1:96:A:LEU:HB3	12	0.49	0.13	0.44
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB2	12	0.48	0.21	0.48
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB1	12	0.48	0.21	0.48
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB3	12	0.48	0.21	0.48
(1,971)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG12	12	0.46	0.12	0.5
(1,971)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG12	12	0.46	0.12	0.5
(1,971)	1:132:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG12	12	0.46	0.12	0.5
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD13	12	0.44	0.05	0.42
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD12	12	0.44	0.05	0.42
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG21	12	0.42	0.21	0.36
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG22	12	0.42	0.21	0.36
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG23	12	0.42	0.21	0.36
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD13	1:155:A:MET:HE2	12	0.42	0.16	0.46
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD12	1:155:A:MET:HE2	12	0.42	0.16	0.46
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD13	1:155:A:MET:HE3	12	0.42	0.16	0.46
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD11	1:155:A:MET:HE2	12	0.42	0.16	0.46
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD11	1:155:A:MET:HE1	12	0.42	0.16	0.46
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD12	1:155:A:MET:HE1	12	0.42	0.16	0.46
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD12	1:155:A:MET:HE3	12	0.42	0.16	0.46
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD13	1:155:A:MET:HE1	12	0.42	0.16	0.46
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	12	0.36	0.15	0.36
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD22	12	0.32	0.13	0.3
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD21	12	0.32	0.13	0.3
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD23	12	0.32	0.13	0.3
(1,1663)	1:137:A:THR:HG21	1:128:A:ALA:HB1	12	0.29	0.14	0.27
(1,1663)	1:137:A:THR:HG22	1:128:A:ALA:HB3	12	0.29	0.14	0.27
(1,1663)	1:137:A:THR:HG21	1:128:A:ALA:HB3	12	0.29	0.14	0.27
(1,1663)	1:137:A:THR:HG22	1:128:A:ALA:HB2	12	0.29	0.14	0.27
(1,1663)	1:137:A:THR:HG22	1:128:A:ALA:HB1	12	0.29	0.14	0.27
(1,1663)	1:137:A:THR:HG21	1:128:A:ALA:HB2	12	0.29	0.14	0.27
(1,1663)	1:137:A:THR:HG23	1:128:A:ALA:HB1	12	0.29	0.14	0.27
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG23	12	0.27	0.13	0.22
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG22	12	0.27	0.13	0.22
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG21	12	0.27	0.13	0.22
(1,366)	1:82:A:LEU:HD22	1:78:A:THR:H	12	0.26	0.07	0.27
(1,366)	1:82:A:LEU:HD21	1:78:A:THR:H	12	0.26	0.07	0.27
(1,366)	1:82:A:LEU:HD23	1:78:A:THR:H	12	0.26	0.07	0.27
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD12	12	0.24	0.08	0.24
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD11	12	0.24	0.08	0.24
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD22	12	0.23	0.11	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD23	12	0.23	0.11	0.18
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD21	12	0.23	0.11	0.18
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	12	0.21	0.09	0.19
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	12	0.21	0.08	0.19
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB1	12	0.21	0.05	0.22
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB2	12	0.21	0.05	0.22
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB3	12	0.21	0.05	0.22
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	12	0.15	0.04	0.14
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	12	0.14	0.01	0.13
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	12	0.12	0.02	0.12
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG21	12	0.12	0.02	0.12
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG23	12	0.12	0.02	0.12
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG22	12	0.12	0.02	0.12
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	12	0.12	0.02	0.12
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	12	0.12	0.01	0.12
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD23	11	1.98	1.12	2.65
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD21	11	1.98	1.12	2.65
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD22	11	1.98	1.12	2.65
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	11	0.87	0.54	1.18
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB2	1:80:A:SER:HB2	11	0.86	0.05	0.85
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB1	1:80:A:SER:HB2	11	0.86	0.05	0.85
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB3	1:80:A:SER:HB2	11	0.86	0.05	0.85
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG21	11	0.69	0.1	0.71
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG23	11	0.69	0.1	0.71
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG22	11	0.69	0.1	0.71
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	11	0.5	0.38	0.27
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB3	11	0.42	0.19	0.43
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB2	11	0.42	0.19	0.43
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB1	11	0.42	0.19	0.43
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD13	11	0.37	0.16	0.31
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD12	11	0.37	0.16	0.31
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD11	11	0.37	0.16	0.31
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG2	1:53:A:LEU:HB3	11	0.37	0.2	0.28
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG3	1:53:A:LEU:HB3	11	0.37	0.2	0.28
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	11	0.31	0.05	0.32
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD11	11	0.3	0.15	0.28
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD12	11	0.3	0.15	0.28
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD13	11	0.3	0.15	0.28
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG23	11	0.29	0.12	0.32
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG21	11	0.29	0.12	0.32
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG22	11	0.29	0.12	0.32
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	11	0.26	0.24	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	11	0.26	0.13	0.19
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	11	0.23	0.1	0.2
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG13	11	0.23	0.1	0.2
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD13	1:46:A:GLN:HB3	11	0.23	0.07	0.21
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB3	11	0.23	0.07	0.21
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD12	1:46:A:GLN:HB3	11	0.23	0.07	0.21
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	11	0.2	0.07	0.19
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	11	0.19	0.06	0.2
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD11	11	0.19	0.07	0.17
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD13	11	0.19	0.07	0.17
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD12	11	0.19	0.07	0.17
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD22	11	0.18	0.08	0.17
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD23	11	0.18	0.08	0.17
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD21	11	0.18	0.08	0.17
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	11	0.18	0.02	0.18
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	11	0.18	0.04	0.17
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD12	11	0.18	0.05	0.19
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD11	11	0.18	0.05	0.19
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB3	11	0.17	0.07	0.16
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB1	11	0.17	0.07	0.16
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB2	11	0.17	0.07	0.16
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	11	0.17	0.07	0.14
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	11	0.16	0.03	0.15
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG23	11	0.16	0.05	0.14
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG21	11	0.16	0.05	0.14
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG22	11	0.16	0.05	0.14
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	11	0.15	0.04	0.15
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	11	0.13	0.04	0.12
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	11	0.13	0.02	0.12
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	11	0.12	0.02	0.12
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	11	0.1	0.0	0.1
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG22	1:202:A:LEU:HD13	10	1.57	0.92	2.09
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG21	1:202:A:LEU:HD12	10	1.57	0.92	2.09
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG22	1:202:A:LEU:HD11	10	1.57	0.92	2.09
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG23	1:202:A:LEU:HD13	10	1.57	0.92	2.09
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG21	1:202:A:LEU:HD11	10	1.57	0.92	2.09
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	10	0.99	0.18	1.05
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB2	10	0.81	0.04	0.81
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HB2	10	0.81	0.04	0.81
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HB2	10	0.81	0.04	0.81
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB3	10	0.7	0.05	0.69
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HB3	10	0.7	0.05	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HB3	10	0.7	0.05	0.69
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG21	10	0.69	0.2	0.66
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG23	10	0.69	0.2	0.66
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG22	10	0.69	0.2	0.66
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD13	10	0.6	0.09	0.61
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD11	10	0.6	0.09	0.61
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD12	10	0.6	0.09	0.61
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HD2	10	0.57	0.27	0.58
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HD2	10	0.57	0.27	0.58
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HD2	10	0.57	0.27	0.58
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	10	0.56	0.21	0.6
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG22	10	0.55	0.22	0.62
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG21	10	0.55	0.22	0.62
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG23	10	0.55	0.22	0.62
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB2	10	0.54	0.07	0.55
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB3	10	0.54	0.07	0.55
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG21	10	0.52	0.07	0.52
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG22	10	0.52	0.07	0.52
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG23	10	0.52	0.07	0.52
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	10	0.36	0.13	0.34
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG12	10	0.34	0.02	0.34
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG13	10	0.34	0.02	0.34
(1,770)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HA	10	0.33	0.06	0.32
(1,770)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HA	10	0.33	0.06	0.32
(1,770)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HA	10	0.33	0.06	0.32
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD13	1:99:A:SER:HB3	10	0.33	0.1	0.36
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD11	1:99:A:SER:HB3	10	0.33	0.1	0.36
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD12	1:99:A:SER:HB3	10	0.33	0.1	0.36
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD13	10	0.32	0.16	0.29
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD11	10	0.32	0.16	0.29
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD12	10	0.32	0.16	0.29
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD11	10	0.32	0.37	0.2
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD12	10	0.32	0.37	0.2
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD13	10	0.32	0.37	0.2
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD22	10	0.31	0.23	0.22
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD23	10	0.31	0.23	0.22
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD21	10	0.31	0.23	0.22
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB3	10	0.29	0.15	0.26
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB2	10	0.29	0.15	0.26
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG13	10	0.28	0.09	0.28
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG11	10	0.28	0.09	0.28
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG12	10	0.28	0.09	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB3	10	0.28	0.13	0.26
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB2	10	0.28	0.13	0.26
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	10	0.27	0.02	0.28
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	10	0.25	0.18	0.17
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG22	10	0.24	0.11	0.21
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG21	10	0.24	0.11	0.21
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG23	10	0.24	0.11	0.21
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	10	0.23	0.05	0.23
(1,562)	1:191:A:ILE:HG21	1:157:A:ALA:HB1	10	0.22	0.08	0.2
(1,562)	1:191:A:ILE:HG22	1:157:A:ALA:HB2	10	0.22	0.08	0.2
(1,562)	1:191:A:ILE:HG22	1:157:A:ALA:HB1	10	0.22	0.08	0.2
(1,562)	1:191:A:ILE:HG22	1:157:A:ALA:HB3	10	0.22	0.08	0.2
(1,562)	1:191:A:ILE:HG23	1:157:A:ALA:HB1	10	0.22	0.08	0.2
(1,562)	1:191:A:ILE:HG23	1:157:A:ALA:HB2	10	0.22	0.08	0.2
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	10	0.22	0.07	0.24
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	10	0.22	0.05	0.23
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG12	10	0.21	0.08	0.2
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG13	10	0.21	0.08	0.2
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG11	10	0.21	0.08	0.2
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG22	10	0.19	0.06	0.2
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG23	10	0.19	0.06	0.2
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG21	10	0.19	0.06	0.2
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD11	10	0.18	0.03	0.18
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD13	10	0.18	0.03	0.18
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD12	10	0.18	0.03	0.18
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	10	0.17	0.02	0.16
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB3	10	0.16	0.07	0.14
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB2	10	0.16	0.07	0.14
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	10	0.16	0.02	0.16
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	10	0.16	0.03	0.16
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	10	0.14	0.02	0.13
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	10	0.14	0.02	0.13
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	10	0.12	0.02	0.11
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	10	0.11	0.01	0.1
(1,42)	1:115:A:LEU:HD11	1:82:A:LEU:HB2	9	1.42	1.2	0.78
(1,42)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HB2	9	1.42	1.2	0.78
(1,42)	1:115:A:LEU:HD13	1:82:A:LEU:HB2	9	1.42	1.2	0.78
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	9	1.14	0.4	1.17
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	9	0.88	0.4	1.11
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	9	0.75	0.52	0.89
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG21	9	0.72	0.42	0.73
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG22	9	0.72	0.42	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG23	9	0.72	0.42	0.73
(1,271)	1:170:A:ALA:HB2	1:177:A:THR:HG21	9	0.71	0.19	0.73
(1,271)	1:170:A:ALA:HB2	1:177:A:THR:HG22	9	0.71	0.19	0.73
(1,271)	1:170:A:ALA:HB1	1:177:A:THR:HG21	9	0.71	0.19	0.73
(1,271)	1:170:A:ALA:HB3	1:177:A:THR:HG23	9	0.71	0.19	0.73
(1,271)	1:170:A:ALA:HB3	1:177:A:THR:HG21	9	0.71	0.19	0.73
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB2	9	0.67	0.12	0.7
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB3	9	0.67	0.12	0.7
(1,657)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG21	9	0.64	0.21	0.7
(1,657)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG23	9	0.64	0.21	0.7
(1,657)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG21	9	0.64	0.21	0.7
(1,657)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG23	9	0.64	0.21	0.7
(1,657)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG21	9	0.64	0.21	0.7
(1,657)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG23	9	0.64	0.21	0.7
(1,657)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG22	9	0.64	0.21	0.7
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	9	0.57	0.2	0.66
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	9	0.57	0.2	0.66
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG22	9	0.55	0.26	0.67
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG23	9	0.55	0.26	0.67
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG21	9	0.55	0.26	0.67
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD13	9	0.49	0.01	0.49
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD12	9	0.49	0.01	0.49
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD11	9	0.49	0.01	0.49
(1,71)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HD11	9	0.46	0.19	0.43
(1,71)	1:70:A:MET:HE1	1:92:A:ILE:HD12	9	0.46	0.19	0.43
(1,71)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HD13	9	0.46	0.19	0.43
(1,71)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HD11	9	0.46	0.19	0.43
(1,71)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HD12	9	0.46	0.19	0.43
(1,71)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HD13	9	0.46	0.19	0.43
(1,71)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HD12	9	0.46	0.19	0.43
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD12	9	0.4	0.02	0.4
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD11	9	0.4	0.02	0.4
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD13	9	0.4	0.02	0.4
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	9	0.33	0.14	0.31
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	9	0.28	0.02	0.27
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD11	9	0.26	0.09	0.26
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD13	9	0.26	0.09	0.26
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD12	9	0.26	0.09	0.26
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	9	0.25	0.03	0.25
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	9	0.23	0.07	0.2
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	9	0.22	0.03	0.24
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD12	9	0.22	0.03	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD11	9	0.22	0.03	0.23
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD13	9	0.22	0.03	0.23
(1,1225)	1:137:A:THR:HG23	1:169:A:THR:HG21	9	0.19	0.06	0.17
(1,1225)	1:137:A:THR:HG21	1:169:A:THR:HG21	9	0.19	0.06	0.17
(1,1225)	1:137:A:THR:HG21	1:169:A:THR:HG22	9	0.19	0.06	0.17
(1,1225)	1:137:A:THR:HG23	1:169:A:THR:HG23	9	0.19	0.06	0.17
(1,1225)	1:137:A:THR:HG22	1:169:A:THR:HG22	9	0.19	0.06	0.17
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	9	0.17	0.06	0.13
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	9	0.17	0.05	0.15
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	9	0.16	0.03	0.16
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	9	0.15	0.04	0.15
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	9	0.15	0.05	0.13
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	9	0.15	0.03	0.15
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB1	9	0.14	0.03	0.15
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB2	9	0.14	0.03	0.15
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB3	9	0.14	0.03	0.15
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	9	0.14	0.02	0.15
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	9	0.14	0.02	0.13
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	9	0.13	0.02	0.13
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	9	0.12	0.02	0.12
(1,658)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG13	8	2.44	0.59	2.65
(1,658)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG12	8	2.44	0.59	2.65
(1,658)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG12	8	2.44	0.59	2.65
(1,658)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG11	8	2.44	0.59	2.65
(1,658)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG13	8	2.44	0.59	2.65
(1,40)	1:115:A:LEU:HD11	1:82:A:LEU:HD23	8	1.89	1.14	1.96
(1,40)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HD22	8	1.89	1.14	1.96
(1,40)	1:115:A:LEU:HD13	1:82:A:LEU:HD21	8	1.89	1.14	1.96
(1,40)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HD23	8	1.89	1.14	1.96
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD12	8	1.34	0.33	1.45
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD11	8	1.34	0.33	1.45
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD13	8	1.34	0.33	1.45
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD23	1:3:A:ILE:HD13	8	1.3	0.27	1.42
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD23	1:3:A:ILE:HD11	8	1.3	0.27	1.42
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD21	1:3:A:ILE:HD12	8	1.3	0.27	1.42
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD23	1:3:A:ILE:HD12	8	1.3	0.27	1.42
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD22	1:3:A:ILE:HD13	8	1.3	0.27	1.42
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD21	1:3:A:ILE:HD13	8	1.3	0.27	1.42
(1,1009)	1:172:A:SER:HB3	1:179:A:ASP:HB2	8	1.03	0.5	1.1
(1,1549)	1:167:A:PRO:HB2	1:135:A:SER:HB3	8	0.91	0.61	0.94
(1,849)	1:147:A:SER:HB2	1:97:A:GLY:HA2	8	0.78	0.54	0.8
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD13	1:110:A:HIS:HB3	8	0.74	0.57	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD11	1:110:A:HIS:HB3	8	0.74	0.57	0.52
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD12	1:110:A:HIS:HB3	8	0.74	0.57	0.52
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG23	8	0.7	0.12	0.74
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG22	8	0.7	0.12	0.74
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG21	8	0.7	0.12	0.74
(2,602)	1:152:A:THR:H	1:197:A:GLN:HE21	8	0.7	0.33	0.72
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD23	8	0.62	0.04	0.63
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD21	8	0.62	0.04	0.63
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD22	8	0.62	0.04	0.63
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB3	8	0.43	0.17	0.44
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB2	8	0.43	0.17	0.44
(1,457)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HB2	8	0.43	0.12	0.46
(1,457)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HB2	8	0.43	0.12	0.46
(1,3335)	1:200:A:THR:HG21	1:198:A:VAL:HG21	8	0.42	0.26	0.34
(1,3335)	1:200:A:THR:HG22	1:198:A:VAL:HG13	8	0.42	0.26	0.34
(1,3335)	1:200:A:THR:HG22	1:198:A:VAL:HG23	8	0.42	0.26	0.34
(1,3335)	1:200:A:THR:HG23	1:198:A:VAL:HG13	8	0.42	0.26	0.34
(1,3335)	1:200:A:THR:HG22	1:198:A:VAL:HG22	8	0.42	0.26	0.34
(1,3335)	1:200:A:THR:HG23	1:198:A:VAL:HG22	8	0.42	0.26	0.34
(1,3335)	1:200:A:THR:HG23	1:198:A:VAL:HG12	8	0.42	0.26	0.34
(1,762)	1:14:A:PRO:HG3	1:15:A:TYR:HD2	8	0.35	0.22	0.24
(1,470)	1:146:A:VAL:HG22	1:155:A:MET:HE3	8	0.31	0.24	0.22
(1,470)	1:146:A:VAL:HG21	1:155:A:MET:HE1	8	0.31	0.24	0.22
(1,470)	1:146:A:VAL:HG23	1:155:A:MET:HE3	8	0.31	0.24	0.22
(1,470)	1:146:A:VAL:HG23	1:155:A:MET:HE1	8	0.31	0.24	0.22
(1,470)	1:146:A:VAL:HG23	1:155:A:MET:HE2	8	0.31	0.24	0.22
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG23	8	0.31	0.2	0.22
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG22	8	0.31	0.2	0.22
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG21	8	0.31	0.2	0.22
(1,3368)	1:102:A:THR:HA	1:107:A:ILE:HG12	8	0.29	0.11	0.28
(1,463)	1:200:A:THR:HG21	1:197:A:GLN:H	8	0.29	0.11	0.29
(1,463)	1:200:A:THR:HG22	1:197:A:GLN:H	8	0.29	0.11	0.29
(1,463)	1:200:A:THR:HG23	1:197:A:GLN:H	8	0.29	0.11	0.29
(1,3472)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HG2	8	0.24	0.05	0.23
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	8	0.22	0.07	0.21
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	8	0.22	0.07	0.21
(1,1222)	1:169:A:THR:HG22	1:132:A:ALA:HA	8	0.22	0.09	0.22
(1,1222)	1:169:A:THR:HG23	1:132:A:ALA:HA	8	0.22	0.09	0.22
(1,1222)	1:169:A:THR:HG21	1:132:A:ALA:HA	8	0.22	0.09	0.22
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG3	8	0.21	0.09	0.16
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG2	8	0.21	0.09	0.16
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD13	8	0.2	0.08	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD11	8	0.2	0.08	0.19
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD12	8	0.2	0.08	0.19
(1,2965)	1:129:A:GLN:HE21	1:135:A:SER:HB2	8	0.19	0.04	0.2
(1,1678)	1:106:A:ASN:HD21	1:107:A:ILE:HB	8	0.16	0.03	0.17
(2,966)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HG	8	0.16	0.06	0.13
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	8	0.15	0.05	0.14
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	8	0.15	0.05	0.14
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	8	0.15	0.05	0.14
(1,1413)	1:108:A:LEU:HA	1:105:A:GLN:H	8	0.15	0.06	0.12
(1,2114)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HA	8	0.15	0.02	0.14
(1,1764)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HA	8	0.14	0.01	0.14
(1,2876)	1:75:A:SER:H	1:82:A:LEU:HG	8	0.14	0.02	0.15
(1,3545)	1:194:A:LYS:H	1:194:A:LYS:HG2	8	0.14	0.03	0.12
(1,1974)	1:37:A:PHE:H	1:35:A:GLN:HE22	8	0.13	0.02	0.14
(1,2455)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HB2	8	0.13	0.03	0.12
(1,2734)	1:169:A:THR:H	1:167:A:PRO:HA	8	0.12	0.02	0.12
(1,2197)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HG12	8	0.12	0.01	0.11
(1,834)	1:202:A:LEU:HD12	1:154:A:ALA:HB2	7	2.32	0.06	2.35
(1,834)	1:202:A:LEU:HD13	1:154:A:ALA:HB2	7	2.32	0.06	2.35
(1,834)	1:202:A:LEU:HD11	1:154:A:ALA:HB1	7	2.32	0.06	2.35
(1,834)	1:202:A:LEU:HD11	1:154:A:ALA:HB2	7	2.32	0.06	2.35
(1,834)	1:202:A:LEU:HD12	1:154:A:ALA:HB3	7	2.32	0.06	2.35
(1,834)	1:202:A:LEU:HD13	1:154:A:ALA:HB1	7	2.32	0.06	2.35
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HG3	7	1.83	0.12	1.82
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HG3	7	1.83	0.12	1.82
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD12	1:194:A:LYS:HG3	7	1.83	0.12	1.82
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD12	7	1.76	0.06	1.78
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD11	7	1.76	0.06	1.78
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD13	7	1.76	0.06	1.78
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD12	7	1.62	0.09	1.6
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD11	7	1.62	0.09	1.6
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD13	7	1.62	0.09	1.6
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD11	7	1.54	0.21	1.58
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD13	7	1.54	0.21	1.58
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD12	7	1.54	0.21	1.58
(1,919)	1:202:A:LEU:HD12	1:194:A:LYS:HB3	7	1.23	0.09	1.25
(1,919)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HB3	7	1.23	0.09	1.25
(1,919)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HB3	7	1.23	0.09	1.25
(1,28)	1:147:A:SER:HB3	1:156:A:MET:HA	7	1.2	0.47	1.36
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD11	7	0.99	0.14	1.01
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD13	7	0.99	0.14	1.01
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD12	7	0.99	0.14	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1867)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:HB3	7	0.99	0.27	1.1
(1,713)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB2	7	0.82	0.24	0.92
(1,713)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB2	7	0.82	0.24	0.92
(1,713)	1:107:A:ILE:HD11	1:101:A:ASP:HB2	7	0.82	0.24	0.92
(1,85)	1:70:A:MET:HE1	1:72:A:LEU:HD22	7	0.74	0.7	0.27
(1,85)	1:70:A:MET:HE1	1:72:A:LEU:HD21	7	0.74	0.7	0.27
(1,85)	1:70:A:MET:HE3	1:72:A:LEU:HD21	7	0.74	0.7	0.27
(1,85)	1:70:A:MET:HE3	1:72:A:LEU:HD22	7	0.74	0.7	0.27
(1,85)	1:70:A:MET:HE1	1:72:A:LEU:HD23	7	0.74	0.7	0.27
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD13	7	0.66	0.04	0.66
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD11	7	0.66	0.04	0.66
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD12	7	0.66	0.04	0.66
(1,3023)	1:23:A:ASN:HD21	1:25:A:HIS:HA	7	0.65	0.33	0.83
(1,921)	1:202:A:LEU:HD12	1:194:A:LYS:HB2	7	0.64	0.15	0.6
(1,921)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HB2	7	0.64	0.15	0.6
(1,921)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HB2	7	0.64	0.15	0.6
(1,1356)	1:69:A:ASN:HB3	1:186:A:LYS:HE3	7	0.59	0.19	0.68
(1,3270)	1:106:A:ASN:HD22	1:103:A:TYR:HD2	7	0.56	0.55	0.19
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD12	7	0.49	0.13	0.52
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD11	7	0.49	0.13	0.52
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD13	7	0.49	0.13	0.52
(1,3396)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB2	7	0.48	0.18	0.5
(1,3396)	1:117:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB3	7	0.48	0.18	0.5
(1,3396)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB3	7	0.48	0.18	0.5
(1,3396)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB2	7	0.48	0.18	0.5
(1,3396)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB3	7	0.48	0.18	0.5
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG23	7	0.48	0.24	0.49
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG22	7	0.48	0.24	0.49
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG21	7	0.48	0.24	0.49
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD22	7	0.44	0.38	0.27
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HD23	7	0.44	0.38	0.27
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD23	7	0.44	0.38	0.27
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HD21	7	0.44	0.38	0.27
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG23	1:13:A:LEU:HD23	7	0.44	0.38	0.27
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD21	7	0.44	0.38	0.27
(1,1682)	1:138:A:SER:H	1:127:A:ASN:HB3	7	0.42	0.18	0.44
(1,1740)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HB2	7	0.42	0.54	0.12
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG23	7	0.41	0.17	0.41
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG21	7	0.41	0.17	0.41
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG22	7	0.41	0.17	0.41
(1,217)	1:35:A:GLN:HB3	1:38:A:ALA:HB3	7	0.4	0.09	0.41
(1,217)	1:35:A:GLN:HB3	1:38:A:ALA:HB1	7	0.4	0.09	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD11	7	0.37	0.09	0.42
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD13	7	0.37	0.09	0.42
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HD12	7	0.37	0.09	0.42
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HD11	7	0.37	0.09	0.42
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG23	1:13:A:LEU:HD12	7	0.37	0.09	0.42
(1,2207)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:H	7	0.37	0.1	0.41
(1,2217)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HG3	7	0.34	0.04	0.32
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE1	7	0.31	0.12	0.27
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE2	7	0.31	0.12	0.27
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE3	7	0.31	0.12	0.27
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB2	1:1:A:MET:HA	7	0.31	0.12	0.26
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB3	1:1:A:MET:HA	7	0.31	0.12	0.26
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB1	1:1:A:MET:HA	7	0.31	0.12	0.26
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD13	1:46:A:GLN:HB2	7	0.31	0.22	0.24
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB2	7	0.31	0.22	0.24
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD12	1:46:A:GLN:HB2	7	0.31	0.22	0.24
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE2	7	0.27	0.16	0.2
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE1	7	0.27	0.16	0.2
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE3	7	0.27	0.16	0.2
(1,3506)	1:107:A:ILE:H	1:107:A:ILE:HG13	7	0.24	0.09	0.25
(1,3506)	1:107:A:ILE:H	1:107:A:ILE:HG12	7	0.24	0.09	0.25
(1,2950)	1:176:A:ASN:HD21	1:171:A:ILE:HG13	7	0.22	0.11	0.19
(1,501)	1:192:A:GLY:HA3	1:190:A:THR:HG21	7	0.2	0.07	0.24
(1,501)	1:192:A:GLY:HA3	1:190:A:THR:HG23	7	0.2	0.07	0.24
(1,3293)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HD11	7	0.2	0.05	0.2
(1,3293)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HD12	7	0.2	0.05	0.2
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG23	7	0.19	0.05	0.2
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG21	7	0.19	0.05	0.2
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG22	7	0.19	0.05	0.2
(2,813)	1:181:A:ARG:HE	1:180:A:TRP:HZ2	7	0.19	0.04	0.19
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG23	7	0.17	0.08	0.13
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG22	7	0.17	0.08	0.13
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG21	7	0.17	0.08	0.13
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD11	7	0.17	0.07	0.14
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD13	7	0.17	0.07	0.14
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD12	7	0.17	0.07	0.14
(1,526)	1:123:A:TRP:HA	1:141:A:TYR:HD1	7	0.16	0.04	0.14
(1,526)	1:123:A:TRP:HA	1:141:A:TYR:HD2	7	0.16	0.04	0.14
(2,180)	1:181:A:ARG:HA	1:74:A:LYS:HB3	7	0.14	0.02	0.15
(1,2939)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ASP:HB3	7	0.13	0.03	0.12
(1,999)	1:150:A:GLU:HG2	1:151:A:GLU:HA	7	0.12	0.01	0.12
(1,365)	1:36:A:LEU:HB3	1:33:A:LEU:HA	7	0.11	0.01	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(2,51)	1:3:A:ILE:HA	1:15:A:TYR:HB3	7	0.11	0.01	0.11
(1,1396)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD21	6	1.47	1.08	1.41
(1,1396)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD22	6	1.47	1.08	1.41
(1,1396)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD23	6	1.47	1.08	1.41
(1,1701)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HB2	6	1.08	0.18	1.1
(1,1645)	1:162:A:ILE:HA	1:161:A:LEU:HD21	6	0.97	0.17	0.99
(1,1645)	1:162:A:ILE:HA	1:161:A:LEU:HD22	6	0.97	0.17	0.99
(1,1645)	1:162:A:ILE:HA	1:161:A:LEU:HD23	6	0.97	0.17	0.99
(1,781)	1:21:A:LEU:HA	1:22:A:GLU:HG2	6	0.95	0.1	0.96
(1,1143)	1:82:A:LEU:HD23	1:75:A:SER:HB3	6	0.92	0.12	0.94
(1,1143)	1:82:A:LEU:HD21	1:75:A:SER:HB3	6	0.92	0.12	0.94
(1,1143)	1:82:A:LEU:HD22	1:75:A:SER:HB3	6	0.92	0.12	0.94
(1,796)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HA	6	0.85	0.05	0.86
(1,796)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HA	6	0.85	0.05	0.86
(1,796)	1:107:A:ILE:HD11	1:107:A:ILE:HA	6	0.85	0.05	0.86
(1,50)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HA	6	0.8	0.25	0.76
(1,1436)	1:147:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	6	0.78	0.02	0.77
(1,1436)	1:147:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	6	0.78	0.02	0.77
(1,1436)	1:147:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	6	0.78	0.02	0.77
(1,2631)	1:129:A:GLN:HE22	1:129:A:GLN:HB2	6	0.68	0.07	0.67
(1,795)	1:106:A:ASN:HA	1:107:A:ILE:HD12	6	0.63	0.13	0.67
(1,795)	1:106:A:ASN:HA	1:107:A:ILE:HD13	6	0.63	0.13	0.67
(1,795)	1:106:A:ASN:HA	1:107:A:ILE:HD11	6	0.63	0.13	0.67
(1,2635)	1:129:A:GLN:H	1:129:A:GLN:HB2	6	0.59	0.07	0.61
(1,1653)	1:147:A:SER:HB3	1:158:A:ALA:HB3	6	0.57	0.29	0.52
(1,1653)	1:147:A:SER:HB3	1:158:A:ALA:HB2	6	0.57	0.29	0.52
(1,623)	1:74:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD22	6	0.55	0.29	0.41
(1,623)	1:74:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD23	6	0.55	0.29	0.41
(1,623)	1:74:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD21	6	0.55	0.29	0.41
(1,852)	1:21:A:LEU:HD12	1:30:A:ALA:HB3	6	0.51	0.42	0.3
(1,852)	1:21:A:LEU:HD11	1:30:A:ALA:HB1	6	0.51	0.42	0.3
(1,852)	1:21:A:LEU:HD12	1:30:A:ALA:HB1	6	0.51	0.42	0.3
(1,852)	1:21:A:LEU:HD13	1:30:A:ALA:HB3	6	0.51	0.42	0.3
(1,852)	1:21:A:LEU:HD13	1:30:A:ALA:HB1	6	0.51	0.42	0.3
(1,2976)	1:129:A:GLN:HE21	1:129:A:GLN:HG3	6	0.46	0.04	0.47
(1,1395)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD13	6	0.42	0.33	0.28
(1,1395)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD11	6	0.42	0.33	0.28
(1,1395)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD12	6	0.42	0.33	0.28
(1,3102)	1:75:A:SER:H	1:75:A:SER:HB3	6	0.37	0.02	0.37
(1,410)	1:21:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG22	6	0.37	0.38	0.23
(1,410)	1:21:A:LEU:HD22	1:41:A:VAL:HG22	6	0.37	0.38	0.23
(1,410)	1:21:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG23	6	0.37	0.38	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,410)	1:21:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG21	6	0.37	0.38	0.23
(1,410)	1:21:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG21	6	0.37	0.38	0.23
(1,308)	1:98:A:ILE:HB	1:102:A:THR:HG23	6	0.35	0.18	0.28
(1,308)	1:98:A:ILE:HB	1:102:A:THR:HG22	6	0.35	0.18	0.28
(1,308)	1:98:A:ILE:HB	1:102:A:THR:HG21	6	0.35	0.18	0.28
(1,1359)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HD11	6	0.35	0.15	0.34
(1,1359)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HD13	6	0.35	0.15	0.34
(1,1359)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HD12	6	0.35	0.15	0.34
(1,1625)	1:5:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HB2	6	0.35	0.1	0.37
(1,1625)	1:5:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HB2	6	0.35	0.1	0.37
(1,1625)	1:5:A:ILE:HG23	1:13:A:LEU:HB2	6	0.35	0.1	0.37
(1,3423)	1:183:A:THR:HA	1:74:A:LYS:HE3	6	0.34	0.13	0.3
(1,3423)	1:183:A:THR:HA	1:74:A:LYS:HE2	6	0.34	0.13	0.3
(1,2969)	1:129:A:GLN:HE22	1:137:A:THR:HG23	6	0.34	0.06	0.32
(1,2969)	1:129:A:GLN:HE22	1:137:A:THR:HG22	6	0.34	0.06	0.32
(1,2969)	1:129:A:GLN:HE22	1:137:A:THR:HG21	6	0.34	0.06	0.32
(1,2108)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HD12	6	0.34	0.04	0.32
(1,2108)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HD13	6	0.34	0.04	0.32
(1,2108)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HD11	6	0.34	0.04	0.32
(1,3175)	1:140:A:SER:H	1:163:A:ILE:HG23	6	0.33	0.07	0.3
(1,3175)	1:140:A:SER:H	1:163:A:ILE:HG21	6	0.33	0.07	0.3
(1,3175)	1:140:A:SER:H	1:163:A:ILE:HG22	6	0.33	0.07	0.3
(1,1929)	1:68:A:ASN:H	1:68:A:ASN:HD21	6	0.31	0.02	0.3
(2,883)	1:176:A:ASN:HD22	1:170:A:ALA:HA	6	0.31	0.05	0.29
(1,36)	1:115:A:LEU:HA	1:115:A:LEU:HD23	6	0.3	0.12	0.29
(1,36)	1:115:A:LEU:HA	1:115:A:LEU:HD21	6	0.3	0.12	0.29
(1,2549)	1:115:A:LEU:H	1:115:A:LEU:HG	6	0.29	0.06	0.3
(1,1241)	1:147:A:SER:HB2	1:202:A:LEU:HD11	6	0.28	0.07	0.24
(1,1241)	1:147:A:SER:HB2	1:202:A:LEU:HD12	6	0.28	0.07	0.24
(1,1241)	1:147:A:SER:HB2	1:202:A:LEU:HD13	6	0.28	0.07	0.24
(1,3274)	1:133:A:GLY:H	1:168:A:ASN:HD22	6	0.27	0.07	0.3
(1,1145)	1:75:A:SER:HB3	1:82:A:LEU:HD11	6	0.25	0.07	0.25
(1,1145)	1:75:A:SER:HB3	1:82:A:LEU:HD13	6	0.25	0.07	0.25
(1,1145)	1:75:A:SER:HB3	1:82:A:LEU:HD12	6	0.25	0.07	0.25
(1,2180)	1:82:A:LEU:H	1:85:A:THR:HG22	6	0.24	0.11	0.24
(1,2180)	1:82:A:LEU:H	1:85:A:THR:HG21	6	0.24	0.11	0.24
(1,2180)	1:82:A:LEU:H	1:85:A:THR:HG23	6	0.24	0.11	0.24
(1,548)	1:165:A:VAL:HG12	1:183:A:THR:HB	6	0.22	0.1	0.19
(1,548)	1:165:A:VAL:HG11	1:183:A:THR:HB	6	0.22	0.1	0.19
(1,548)	1:165:A:VAL:HG13	1:183:A:THR:HB	6	0.22	0.1	0.19
(1,1346)	1:3:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG23	6	0.2	0.04	0.18
(1,1346)	1:3:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	6	0.2	0.04	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1346)	1:3:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	6	0.2	0.04	0.18
(2,764)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HB3	6	0.19	0.03	0.2
(1,847)	1:108:A:LEU:HA	1:112:A:PHE:HE2	6	0.18	0.06	0.18
(1,1950)	1:191:A:ILE:H	1:157:A:ALA:HB3	6	0.18	0.02	0.18
(1,1950)	1:191:A:ILE:H	1:157:A:ALA:HB1	6	0.18	0.02	0.18
(1,1950)	1:191:A:ILE:H	1:157:A:ALA:HB2	6	0.18	0.02	0.18
(1,1161)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB3	6	0.18	0.06	0.18
(1,1161)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB3	6	0.18	0.06	0.18
(1,1161)	1:17:A:VAL:HG13	1:13:A:LEU:HB3	6	0.18	0.06	0.18
(1,2471)	1:29:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG23	6	0.18	0.06	0.17
(1,2471)	1:29:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG21	6	0.18	0.06	0.17
(1,452)	1:18:A:PHE:HB2	1:2:A:SER:HG	6	0.17	0.05	0.17
(1,2356)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:ASP:H	6	0.16	0.05	0.16
(1,2530)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HD11	6	0.14	0.02	0.14
(1,2530)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HD12	6	0.14	0.02	0.14
(1,2530)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HD13	6	0.14	0.02	0.14
(1,2043)	1:17:A:VAL:H	1:17:A:VAL:HG21	6	0.12	0.01	0.11
(1,2043)	1:17:A:VAL:H	1:17:A:VAL:HG23	6	0.12	0.01	0.11
(1,2043)	1:17:A:VAL:H	1:17:A:VAL:HG22	6	0.12	0.01	0.11
(1,1235)	1:33:A:LEU:HA	1:59:A:GLN:HE22	6	0.11	0.01	0.11
(1,565)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HG21	5	1.72	0.06	1.73
(1,565)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HG22	5	1.72	0.06	1.73
(1,239)	1:191:A:ILE:HG12	1:47:A:LEU:HD12	5	0.79	0.7	0.3
(1,239)	1:191:A:ILE:HG12	1:47:A:LEU:HD11	5	0.79	0.7	0.3
(1,239)	1:191:A:ILE:HG12	1:47:A:LEU:HD13	5	0.79	0.7	0.3
(1,117)	1:202:A:LEU:HG	1:156:A:MET:HE3	5	0.71	0.35	0.69
(1,117)	1:202:A:LEU:HG	1:156:A:MET:HE2	5	0.71	0.35	0.69
(1,117)	1:202:A:LEU:HG	1:156:A:MET:HE1	5	0.71	0.35	0.69
(1,43)	1:115:A:LEU:HD11	1:111:A:ALA:HB1	5	0.69	0.76	0.32
(1,43)	1:115:A:LEU:HD12	1:111:A:ALA:HB2	5	0.69	0.76	0.32
(1,43)	1:115:A:LEU:HD12	1:111:A:ALA:HB1	5	0.69	0.76	0.32
(1,43)	1:115:A:LEU:HD11	1:111:A:ALA:HB2	5	0.69	0.76	0.32
(1,570)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG23	5	0.69	0.39	0.55
(1,570)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG22	5	0.69	0.39	0.55
(1,570)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG21	5	0.69	0.39	0.55
(1,570)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG21	5	0.69	0.39	0.55
(1,1818)	1:179:A:ASP:H	1:177:A:THR:HG21	5	0.62	0.32	0.48
(1,1818)	1:179:A:ASP:H	1:177:A:THR:HG22	5	0.62	0.32	0.48
(1,140)	1:142:A:SER:HB2	1:141:A:TYR:HD1	5	0.56	0.31	0.75
(1,140)	1:142:A:SER:HB2	1:141:A:TYR:HD2	5	0.56	0.31	0.75
(1,527)	1:123:A:TRP:HA	1:164:A:THR:HG21	5	0.55	0.31	0.44
(1,527)	1:123:A:TRP:HA	1:164:A:THR:HG23	5	0.55	0.31	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,527)	1:123:A:TRP:HA	1:164:A:THR:HG22	5	0.55	0.31	0.44
(1,2751)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG21	5	0.37	0.04	0.38
(1,2751)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG22	5	0.37	0.04	0.38
(1,1452)	1:14:A:PRO:HA	1:3:A:ILE:HD13	5	0.3	0.08	0.25
(1,1452)	1:14:A:PRO:HA	1:3:A:ILE:HD12	5	0.3	0.08	0.25
(1,1272)	1:147:A:SER:HB3	1:155:A:MET:HA	5	0.27	0.05	0.26
(1,3162)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE3	5	0.27	0.08	0.3
(1,97)	1:12:A:THR:HA	1:3:A:ILE:HD12	5	0.27	0.07	0.28
(1,97)	1:12:A:THR:HA	1:3:A:ILE:HD11	5	0.27	0.07	0.28
(1,97)	1:12:A:THR:HA	1:3:A:ILE:HD13	5	0.27	0.07	0.28
(1,2826)	1:103:A:TYR:H	1:106:A:ASN:HB2	5	0.24	0.11	0.17
(1,982)	1:33:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HE21	5	0.22	0.2	0.13
(1,982)	1:33:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HE21	5	0.22	0.2	0.13
(1,982)	1:33:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HE21	5	0.22	0.2	0.13
(1,3532)	1:29:A:GLN:HE21	1:155:A:MET:HG2	5	0.22	0.08	0.2
(1,204)	1:185:A:GLN:HB2	1:70:A:MET:HG2	5	0.21	0.05	0.21
(1,1041)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HB	5	0.2	0.08	0.18
(1,3106)	1:29:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HD12	5	0.19	0.05	0.17
(1,3106)	1:29:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HD11	5	0.19	0.05	0.17
(1,3106)	1:29:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HD13	5	0.19	0.05	0.17
(1,3366)	1:113:A:CYS:HA	1:114:A:ASP:HB2	5	0.18	0.03	0.19
(1,6)	1:49:A:LEU:HD22	1:189:A:ILE:HB	5	0.18	0.03	0.17
(1,6)	1:49:A:LEU:HD21	1:189:A:ILE:HB	5	0.18	0.03	0.17
(1,6)	1:49:A:LEU:HD23	1:189:A:ILE:HB	5	0.18	0.03	0.17
(1,3013)	1:176:A:ASN:HD22	1:179:A:ASP:HB3	5	0.18	0.04	0.17
(1,1412)	1:98:A:ILE:HA	1:98:A:ILE:HD12	5	0.17	0.0	0.17
(1,1412)	1:98:A:ILE:HA	1:98:A:ILE:HD11	5	0.17	0.0	0.17
(2,795)	1:70:A:MET:H	1:185:A:GLN:HB2	5	0.17	0.04	0.15
(1,1807)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE3	5	0.16	0.04	0.17
(1,2513)	1:149:A:GLY:H	1:153:A:GLY:HA2	5	0.13	0.02	0.13
(2,375)	1:95:A:VAL:HB	1:199:A:VAL:HB	5	0.13	0.01	0.13
(1,1635)	1:44:A:ASN:H	1:42:A:ASP:HA	5	0.12	0.01	0.13
(1,1801)	1:33:A:LEU:H	1:60:A:PRO:HG3	5	0.12	0.02	0.12
(1,959)	1:64:A:ILE:HA	1:65:A:ILE:HG13	5	0.12	0.01	0.11
(1,2761)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG21	5	0.11	0.01	0.11
(1,2761)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG22	5	0.11	0.01	0.11
(1,2761)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG23	5	0.11	0.01	0.11
(1,95)	1:12:A:THR:HA	1:11:A:ASN:HA	5	0.11	0.01	0.11
(1,1394)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD21	4	2.04	0.99	2.51
(1,1394)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD23	4	2.04	0.99	2.51
(1,1729)	1:163:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD22	4	1.18	0.61	1.42
(1,1729)	1:163:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD21	4	1.18	0.61	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1006)	1:186:A:LYS:HA	1:161:A:LEU:HD22	4	1.17	0.55	1.39
(1,1006)	1:186:A:LYS:HA	1:161:A:LEU:HD21	4	1.17	0.55	1.39
(1,1006)	1:186:A:LYS:HA	1:161:A:LEU:HD23	4	1.17	0.55	1.39
(1,1313)	1:126:A:ILE:HG22	1:128:A:ALA:HB3	4	1.01	0.83	0.99
(1,1313)	1:126:A:ILE:HG21	1:128:A:ALA:HB1	4	1.01	0.83	0.99
(1,1313)	1:126:A:ILE:HG23	1:128:A:ALA:HB2	4	1.01	0.83	0.99
(1,1825)	1:192:A:GLY:H	1:193:A:VAL:HG22	4	0.8	0.32	0.9
(1,2301)	1:20:A:ASN:HD21	1:17:A:VAL:HG11	4	0.76	0.03	0.74
(1,2301)	1:20:A:ASN:HD21	1:17:A:VAL:HG12	4	0.76	0.03	0.74
(1,2301)	1:20:A:ASN:HD21	1:17:A:VAL:HG13	4	0.76	0.03	0.74
(1,1046)	1:187:A:GLU:HA	1:161:A:LEU:HD12	4	0.67	0.27	0.8
(1,1046)	1:187:A:GLU:HA	1:161:A:LEU:HD11	4	0.67	0.27	0.8
(1,1046)	1:187:A:GLU:HA	1:161:A:LEU:HD13	4	0.67	0.27	0.8
(1,2911)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD21	4	0.64	0.06	0.66
(1,2911)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD22	4	0.64	0.06	0.66
(1,2911)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD23	4	0.64	0.06	0.66
(2,859)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG3	4	0.58	0.05	0.59
(1,2286)	1:174:A:ILE:H	1:174:A:ILE:HD12	4	0.51	0.04	0.52
(1,2286)	1:174:A:ILE:H	1:174:A:ILE:HD11	4	0.51	0.04	0.52
(1,2286)	1:174:A:ILE:H	1:174:A:ILE:HD13	4	0.51	0.04	0.52
(1,1780)	1:168:A:ASN:H	1:135:A:SER:HB3	4	0.51	0.05	0.48
(1,3029)	1:188:A:GLU:H	1:161:A:LEU:HD22	4	0.49	0.06	0.52
(1,3029)	1:188:A:GLU:H	1:161:A:LEU:HD23	4	0.49	0.06	0.52
(1,3029)	1:188:A:GLU:H	1:161:A:LEU:HD21	4	0.49	0.06	0.52
(1,2290)	1:154:A:ALA:H	1:203:A:GLY:HA3	4	0.48	0.33	0.48
(1,3020)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HD22	4	0.48	0.04	0.48
(1,3458)	1:44:A:ASN:HB3	1:20:A:ASN:HB2	4	0.46	0.14	0.44
(1,844)	1:98:A:ILE:HD13	1:102:A:THR:HG21	4	0.46	0.17	0.5
(1,844)	1:98:A:ILE:HD12	1:102:A:THR:HG23	4	0.46	0.17	0.5
(1,844)	1:98:A:ILE:HD12	1:102:A:THR:HG21	4	0.46	0.17	0.5
(1,1501)	1:135:A:SER:HB2	1:168:A:ASN:HD21	4	0.38	0.02	0.39
(1,467)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB2	4	0.36	0.3	0.22
(1,467)	1:200:A:THR:HG21	1:151:A:GLU:HB2	4	0.36	0.3	0.22
(1,467)	1:200:A:THR:HG22	1:151:A:GLU:HB2	4	0.36	0.3	0.22
(1,1132)	1:174:A:ILE:HA	1:174:A:ILE:HD13	4	0.35	0.01	0.35
(1,1132)	1:174:A:ILE:HA	1:174:A:ILE:HD12	4	0.35	0.01	0.35
(1,1115)	1:111:A:ALA:HB2	1:105:A:GLN:H	4	0.34	0.14	0.36
(1,1115)	1:111:A:ALA:HB3	1:105:A:GLN:H	4	0.34	0.14	0.36
(1,70)	1:70:A:MET:HE2	1:186:A:LYS:HD3	4	0.29	0.09	0.25
(1,70)	1:70:A:MET:HE1	1:186:A:LYS:HD3	4	0.29	0.09	0.25
(1,456)	1:201:A:PRO:HB3	1:200:A:THR:HG23	4	0.27	0.03	0.27
(1,456)	1:201:A:PRO:HB3	1:200:A:THR:HG21	4	0.27	0.03	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,456)	1:201:A:PRO:HB3	1:200:A:THR:HG22	4	0.27	0.03	0.27
(1,2363)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HB	4	0.26	0.04	0.28
(1,1758)	1:145:A:ILE:H	1:159:A:GLY:H	4	0.2	0.08	0.2
(1,320)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD13	4	0.2	0.02	0.19
(1,320)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD11	4	0.2	0.02	0.19
(2,349)	1:117:A:THR:HB	1:123:A:TRP:HZ2	4	0.2	0.03	0.18
(1,235)	1:191:A:ILE:HG13	1:191:A:ILE:HG23	4	0.19	0.1	0.15
(1,1988)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE3	4	0.19	0.02	0.2
(1,1076)	1:3:A:ILE:HG12	1:2:A:SER:HG	4	0.17	0.07	0.15
(1,2616)	1:106:A:ASN:HD21	1:101:A:ASP:HB2	4	0.17	0.06	0.14
(1,2291)	1:151:A:GLU:H	1:203:A:GLY:HA2	4	0.17	0.03	0.18
(1,2321)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HB	4	0.16	0.03	0.16
(1,1737)	1:134:A:HIS:H	1:131:A:ASP:HA	4	0.16	0.05	0.15
(1,336)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HG23	4	0.15	0.05	0.14
(1,336)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HG21	4	0.15	0.05	0.14
(1,845)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HB3	4	0.15	0.03	0.15
(1,478)	1:33:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	4	0.15	0.04	0.15
(1,478)	1:33:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	4	0.15	0.04	0.15
(1,1936)	1:6:A:TYR:H	1:6:A:TYR:HD2	4	0.14	0.02	0.14
(1,1728)	1:163:A:ILE:H	1:186:A:LYS:HG3	4	0.13	0.01	0.13
(1,1777)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HB	4	0.13	0.0	0.13
(1,455)	1:200:A:THR:HG23	1:201:A:PRO:HB2	4	0.13	0.02	0.12
(1,455)	1:200:A:THR:HG21	1:201:A:PRO:HB2	4	0.13	0.02	0.12
(1,455)	1:200:A:THR:HG22	1:201:A:PRO:HB2	4	0.13	0.02	0.12
(2,463)	1:185:A:GLN:HE22	1:184:A:LEU:HB2	4	0.13	0.02	0.13
(1,2226)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	4	0.12	0.03	0.12
(1,2226)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	4	0.12	0.03	0.12
(1,2226)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	4	0.12	0.03	0.12
(1,3450)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG13	4	0.12	0.01	0.12
(1,1688)	1:11:A:ASN:H	1:8:A:ASP:HB2	4	0.12	0.02	0.11
(1,3009)	1:55:A:LYS:H	1:54:A:LYS:HB2	4	0.11	0.0	0.11
(1,790)	1:7:A:PRO:HA	1:6:A:TYR:HE1	4	0.11	0.01	0.12
(1,790)	1:7:A:PRO:HA	1:6:A:TYR:HE2	4	0.11	0.01	0.12
(1,2640)	1:26:A:TYR:H	1:25:A:HIS:HB2	4	0.11	0.0	0.11
(1,1034)	1:149:A:GLY:HA3	1:201:A:PRO:HB3	4	0.11	0.02	0.1
(1,2491)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:H	4	0.11	0.01	0.11
(1,2741)	1:85:A:THR:H	1:87:A:SER:H	4	0.11	0.01	0.11
(1,2054)	1:44:A:ASN:HD21	1:46:A:GLN:HE22	4	0.11	0.01	0.11
(1,1386)	1:163:A:ILE:HG21	1:161:A:LEU:HD21	3	2.65	0.25	2.76
(1,1386)	1:163:A:ILE:HG22	1:161:A:LEU:HD23	3	2.65	0.25	2.76
(1,1386)	1:163:A:ILE:HG23	1:161:A:LEU:HD21	3	2.65	0.25	2.76
(1,928)	1:85:A:THR:HG21	1:72:A:LEU:HD22	3	1.67	0.83	2.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,928)	1:85:A:THR:HG23	1:72:A:LEU:HD21	3	1.67	0.83	2.22
(1,928)	1:85:A:THR:HG21	1:72:A:LEU:HD23	3	1.67	0.83	2.22
(1,2652)	1:72:A:LEU:H	1:73:A:LYS:HE2	3	1.43	0.11	1.49
(1,3030)	1:161:A:LEU:H	1:161:A:LEU:HD12	3	1.43	0.08	1.39
(1,3030)	1:161:A:LEU:H	1:161:A:LEU:HD11	3	1.43	0.08	1.39
(1,2828)	1:103:A:TYR:H	1:101:A:ASP:HB3	3	1.32	0.19	1.43
(1,3344)	1:95:A:VAL:HG22	1:92:A:ILE:HG12	3	0.87	0.18	0.97
(1,3344)	1:95:A:VAL:HG21	1:92:A:ILE:HG13	3	0.87	0.18	0.97
(1,3344)	1:95:A:VAL:HG23	1:92:A:ILE:HG13	3	0.87	0.18	0.97
(1,3409)	1:178:A:LYS:HB2	1:169:A:THR:HG22	3	0.64	0.3	0.61
(1,3409)	1:178:A:LYS:HB2	1:169:A:THR:HG23	3	0.64	0.3	0.61
(2,780)	1:185:A:GLN:HE21	1:73:A:LYS:HE2	3	0.54	0.11	0.58
(1,497)	1:192:A:GLY:HA3	1:193:A:VAL:HG22	3	0.37	0.18	0.33
(1,715)	1:102:A:THR:HG22	1:101:A:ASP:HB3	3	0.32	0.12	0.25
(1,715)	1:102:A:THR:HG21	1:101:A:ASP:HB3	3	0.32	0.12	0.25
(1,1456)	1:98:A:ILE:HD12	1:95:A:VAL:HB	3	0.32	0.03	0.32
(1,1314)	1:126:A:ILE:HG22	1:127:A:ASN:HA	3	0.3	0.07	0.34
(1,1314)	1:126:A:ILE:HG21	1:127:A:ASN:HA	3	0.3	0.07	0.34
(1,1314)	1:126:A:ILE:HG23	1:127:A:ASN:HA	3	0.3	0.07	0.34
(1,1748)	1:157:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	3	0.29	0.06	0.27
(1,2211)	1:82:A:LEU:H	1:83:A:THR:HG23	3	0.29	0.1	0.23
(1,2211)	1:82:A:LEU:H	1:83:A:THR:HG21	3	0.29	0.1	0.23
(1,126)	1:96:A:LEU:HG	1:158:A:ALA:HB1	3	0.29	0.1	0.34
(1,126)	1:96:A:LEU:HG	1:158:A:ALA:HB3	3	0.29	0.1	0.34
(1,126)	1:96:A:LEU:HG	1:158:A:ALA:HB2	3	0.29	0.1	0.34
(1,1577)	1:165:A:VAL:HB	1:183:A:THR:HG22	3	0.27	0.09	0.26
(1,1577)	1:165:A:VAL:HB	1:183:A:THR:HG23	3	0.27	0.09	0.26
(1,893)	1:172:A:SER:HB2	1:171:A:ILE:HG23	3	0.26	0.05	0.25
(1,893)	1:172:A:SER:HB2	1:171:A:ILE:HG21	3	0.26	0.05	0.25
(1,2573)	1:187:A:GLU:H	1:163:A:ILE:HG12	3	0.26	0.08	0.21
(1,2198)	1:105:A:GLN:H	1:107:A:ILE:HG21	3	0.24	0.15	0.16
(1,2198)	1:105:A:GLN:H	1:107:A:ILE:HG23	3	0.24	0.15	0.16
(1,1211)	1:23:A:ASN:HA	1:26:A:TYR:HD2	3	0.24	0.02	0.25
(2,673)	1:132:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HB2	3	0.22	0.04	0.19
(1,772)	1:102:A:THR:HA	1:106:A:ASN:HB3	3	0.22	0.1	0.21
(1,2617)	1:106:A:ASN:HD22	1:101:A:ASP:HB3	3	0.22	0.03	0.2
(1,1215)	1:148:A:GLN:HA	1:148:A:GLN:HE21	3	0.21	0.04	0.24
(1,2354)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HA	3	0.21	0.08	0.18
(1,3081)	1:19:A:LEU:H	1:17:A:VAL:HG22	3	0.21	0.07	0.18
(1,3081)	1:19:A:LEU:H	1:17:A:VAL:HG21	3	0.21	0.07	0.18
(2,110)	1:123:A:TRP:HA	1:125:A:HIS:HE1	3	0.21	0.13	0.12
(1,1017)	1:33:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HB3	3	0.2	0.05	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1017)	1:33:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HB3	3	0.2	0.05	0.18
(1,894)	1:172:A:SER:HA	1:171:A:ILE:HG23	3	0.19	0.08	0.17
(1,894)	1:172:A:SER:HA	1:171:A:ILE:HG21	3	0.19	0.08	0.17
(1,1702)	1:26:A:TYR:H	1:146:A:VAL:HB	3	0.19	0.11	0.12
(1,1618)	1:133:A:GLY:H	1:131:A:ASP:HB2	3	0.19	0.07	0.19
(1,3461)	1:117:A:THR:H	1:115:A:LEU:HB3	3	0.19	0.07	0.18
(1,3461)	1:117:A:THR:H	1:115:A:LEU:HB2	3	0.19	0.07	0.18
(1,348)	1:55:A:LYS:HG3	1:36:A:LEU:HB3	3	0.18	0.08	0.14
(1,2703)	1:89:A:GLN:HE21	1:72:A:LEU:HA	3	0.18	0.06	0.16
(1,3481)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:LEU:HD13	3	0.18	0.1	0.11
(1,3481)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:LEU:HD11	3	0.18	0.1	0.11
(1,3481)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:LEU:HD12	3	0.18	0.1	0.11
(1,1284)	1:166:A:THR:HA	1:167:A:PRO:HB3	3	0.17	0.04	0.2
(2,91)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB3	3	0.17	0.05	0.14
(1,2732)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HG22	3	0.16	0.05	0.13
(1,2732)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HG23	3	0.16	0.05	0.13
(1,2732)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HG21	3	0.16	0.05	0.13
(1,590)	1:36:A:LEU:HD13	1:59:A:GLN:HB3	3	0.15	0.04	0.15
(1,590)	1:36:A:LEU:HD11	1:59:A:GLN:HB3	3	0.15	0.04	0.15
(1,2418)	1:90:A:LEU:H	1:92:A:ILE:HD12	3	0.15	0.05	0.13
(1,310)	1:98:A:ILE:HB	1:95:A:VAL:H	3	0.14	0.01	0.14
(1,598)	1:36:A:LEU:HD12	1:60:A:PRO:HG2	3	0.14	0.04	0.12
(1,598)	1:36:A:LEU:HD13	1:60:A:PRO:HG2	3	0.14	0.04	0.12
(1,598)	1:36:A:LEU:HD11	1:60:A:PRO:HG2	3	0.14	0.04	0.12
(1,2643)	1:26:A:TYR:H	1:24:A:GLU:HA	3	0.14	0.03	0.14
(1,1896)	1:184:A:LEU:H	1:165:A:VAL:H	3	0.13	0.02	0.13
(2,162)	1:184:A:LEU:HA	1:72:A:LEU:HB2	3	0.13	0.02	0.13
(1,2658)	1:114:A:ASP:H	1:113:A:CYS:H	3	0.13	0.02	0.13
(1,664)	1:60:A:PRO:HG2	1:193:A:VAL:HB	3	0.12	0.02	0.11
(1,3228)	1:174:A:ILE:H	1:173:A:ASP:HA	3	0.12	0.02	0.11
(2,645)	1:185:A:GLN:HE22	1:70:A:MET:HG3	3	0.12	0.02	0.12
(1,483)	1:73:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HG	3	0.12	0.02	0.11
(1,3150)	1:28:A:ALA:H	1:28:A:ALA:HB2	3	0.12	0.01	0.11
(1,3150)	1:28:A:ALA:H	1:28:A:ALA:HB1	3	0.12	0.01	0.11
(1,3468)	1:42:A:ASP:H	1:46:A:GLN:HG2	3	0.12	0.02	0.11
(1,111)	1:147:A:SER:HA	1:24:A:GLU:HG2	3	0.11	0.01	0.11
(1,2763)	1:56:A:ALA:H	1:54:A:LYS:H	3	0.11	0.01	0.11
(1,3158)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HB	3	0.11	0.01	0.11
(2,377)	1:53:A:LEU:HB3	1:49:A:LEU:HB2	3	0.1	0.0	0.1
(1,865)	1:48:A:ASP:HB2	1:49:A:LEU:HD22	2	2.66	0.1	2.66
(1,865)	1:48:A:ASP:HB2	1:49:A:LEU:HD21	2	2.66	0.1	2.66
(1,369)	1:73:A:LYS:HG2	1:72:A:LEU:HD22	2	2.17	0.06	2.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,369)	1:73:A:LYS:HG2	1:72:A:LEU:HD21	2	2.17	0.06	2.17
(1,393)	1:73:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD22	2	2.13	0.01	2.13
(1,393)	1:73:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD21	2	2.13	0.01	2.13
(1,576)	1:95:A:VAL:HG11	1:98:A:ILE:HD12	2	2.02	0.17	2.02
(1,576)	1:95:A:VAL:HG11	1:98:A:ILE:HD13	2	2.02	0.17	2.02
(1,2249)	1:106:A:ASN:HD22	1:104:A:ILE:H	2	1.9	0.02	1.9
(1,3082)	1:86:A:LEU:H	1:72:A:LEU:HD21	2	1.76	0.01	1.76
(1,3082)	1:86:A:LEU:H	1:72:A:LEU:HD23	2	1.76	0.01	1.76
(1,17)	1:53:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	2	1.66	0.07	1.66
(1,1176)	1:74:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD22	2	1.59	0.08	1.59
(1,1176)	1:74:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD21	2	1.59	0.08	1.59
(1,1182)	1:73:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD23	2	1.5	0.03	1.5
(1,1182)	1:73:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD22	2	1.5	0.03	1.5
(1,3453)	1:142:A:SER:HB2	1:160:A:PRO:HB2	2	1.48	0.1	1.48
(1,3278)	1:125:A:HIS:H	1:164:A:THR:HG21	2	1.44	0.1	1.44
(1,14)	1:64:A:ILE:HG21	1:49:A:LEU:HD12	2	1.41	0.07	1.41
(1,14)	1:64:A:ILE:HG22	1:49:A:LEU:HD13	2	1.41	0.07	1.41
(1,2880)	1:73:A:LYS:H	1:72:A:LEU:HD22	2	1.38	0.01	1.38
(1,2880)	1:73:A:LYS:H	1:72:A:LEU:HD21	2	1.38	0.01	1.38
(1,1181)	1:83:A:THR:HA	1:72:A:LEU:HD22	2	1.3	0.14	1.3
(1,1181)	1:83:A:THR:HA	1:72:A:LEU:HD23	2	1.3	0.14	1.3
(1,16)	1:53:A:LEU:HB3	1:49:A:LEU:HD11	2	1.28	0.05	1.28
(1,313)	1:98:A:ILE:HB	1:95:A:VAL:HG13	2	1.28	0.1	1.28
(1,1183)	1:73:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD23	2	1.08	0.02	1.08
(1,1183)	1:73:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD22	2	1.08	0.02	1.08
(1,2511)	1:127:A:ASN:H	1:137:A:THR:HA	2	1.06	0.07	1.06
(1,2361)	1:49:A:LEU:HD22	1:48:A:ASP:H	2	0.96	0.1	0.96
(1,2361)	1:49:A:LEU:HD21	1:48:A:ASP:H	2	0.96	0.1	0.96
(1,51)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB3	2	0.83	0.27	0.83
(1,1146)	1:82:A:LEU:HD21	1:72:A:LEU:HD22	2	0.8	0.03	0.8
(1,1146)	1:82:A:LEU:HD21	1:72:A:LEU:HD21	2	0.8	0.03	0.8
(1,3254)	1:127:A:ASN:H	1:137:A:THR:HG23	2	0.75	0.01	0.75
(1,3254)	1:127:A:ASN:H	1:137:A:THR:HG21	2	0.75	0.01	0.75
(1,1671)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD22	2	0.73	0.08	0.73
(1,1671)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD21	2	0.73	0.08	0.73
(1,3284)	1:170:A:ALA:H	1:169:A:THR:HB	2	0.63	0.52	0.63
(1,1180)	1:82:A:LEU:HB3	1:72:A:LEU:HD22	2	0.57	0.08	0.57
(1,1180)	1:82:A:LEU:HB3	1:72:A:LEU:HD21	2	0.57	0.08	0.57
(1,1384)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG12	2	0.54	0.01	0.54
(1,547)	1:165:A:VAL:HG23	1:184:A:LEU:HD12	2	0.51	0.33	0.51
(1,547)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HD13	2	0.51	0.33	0.51
(1,1964)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HG22	2	0.51	0.01	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1964)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HG21	2	0.51	0.01	0.51
(1,1224)	1:135:A:SER:HB2	1:169:A:THR:HG22	2	0.5	0.01	0.5
(1,1224)	1:135:A:SER:HB2	1:169:A:THR:HG21	2	0.5	0.01	0.5
(1,1674)	1:106:A:ASN:HD21	1:101:A:ASP:HB3	2	0.5	0.03	0.5
(1,3145)	1:128:A:ALA:H	1:126:A:ILE:HG22	2	0.41	0.04	0.41
(1,3145)	1:128:A:ALA:H	1:126:A:ILE:HG23	2	0.41	0.04	0.41
(1,155)	1:39:A:HIS:HA	1:15:A:TYR:HE2	2	0.41	0.0	0.41
(1,1670)	1:147:A:SER:HB3	1:202:A:LEU:HG	2	0.38	0.03	0.38
(1,2638)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB3	2	0.38	0.03	0.38
(1,3208)	1:125:A:HIS:H	1:126:A:ILE:HD12	2	0.34	0.01	0.34
(1,3208)	1:125:A:HIS:H	1:126:A:ILE:HD13	2	0.34	0.01	0.34
(1,495)	1:189:A:ILE:HA	1:68:A:ASN:HD22	2	0.3	0.02	0.3
(1,2305)	1:74:A:LYS:H	1:72:A:LEU:HD23	2	0.3	0.09	0.3
(1,2305)	1:74:A:LYS:H	1:72:A:LEU:HD21	2	0.3	0.09	0.3
(1,2662)	1:174:A:ILE:H	1:173:A:ASP:HB2	2	0.3	0.01	0.3
(2,400)	1:125:A:HIS:HA	1:140:A:SER:HA	2	0.29	0.1	0.29
(1,3379)	1:60:A:PRO:HB2	1:155:A:MET:HG3	2	0.28	0.12	0.28
(1,322)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD22	2	0.28	0.04	0.28
(1,322)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD23	2	0.28	0.04	0.28
(1,1684)	1:117:A:THR:H	1:117:A:THR:HG21	2	0.28	0.04	0.28
(1,1684)	1:117:A:THR:H	1:117:A:THR:HG22	2	0.28	0.04	0.28
(1,2441)	1:31:A:ILE:H	1:155:A:MET:HE1	2	0.28	0.13	0.28
(1,2441)	1:31:A:ILE:H	1:155:A:MET:HE3	2	0.28	0.13	0.28
(1,136)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HA	2	0.26	0.1	0.26
(1,3470)	1:125:A:HIS:H	1:126:A:ILE:HG13	2	0.26	0.06	0.26
(1,12)	1:49:A:LEU:HA	1:49:A:LEU:HD11	2	0.26	0.12	0.26
(1,12)	1:49:A:LEU:HA	1:49:A:LEU:HD12	2	0.26	0.12	0.26
(1,533)	1:138:A:SER:HB2	1:165:A:VAL:HG13	2	0.24	0.05	0.24
(1,533)	1:138:A:SER:HB2	1:165:A:VAL:HG12	2	0.24	0.05	0.24
(1,80)	1:70:A:MET:HE2	1:186:A:LYS:HG2	2	0.22	0.12	0.22
(1,80)	1:70:A:MET:HE1	1:186:A:LYS:HG2	2	0.22	0.12	0.22
(1,1454)	1:5:A:ILE:HG21	1:3:A:ILE:HD11	2	0.22	0.07	0.22
(1,1454)	1:5:A:ILE:HG22	1:3:A:ILE:HD11	2	0.22	0.07	0.22
(1,2278)	1:153:A:GLY:H	1:203:A:GLY:HA3	2	0.22	0.01	0.22
(1,882)	1:108:A:LEU:HA	1:107:A:ILE:HB	2	0.21	0.09	0.21
(1,1088)	1:74:A:LYS:HA	1:74:A:LYS:HD3	2	0.21	0.08	0.21
(1,1207)	1:75:A:SER:HB3	1:181:A:ARG:HB3	2	0.2	0.1	0.2
(1,684)	1:181:A:ARG:HA	1:76:A:PHE:H	2	0.2	0.1	0.2
(1,2777)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HE1	2	0.2	0.0	0.2
(1,1486)	1:64:A:ILE:HG13	1:67:A:THR:HG21	2	0.18	0.06	0.18
(1,1486)	1:64:A:ILE:HG13	1:67:A:THR:HG23	2	0.18	0.06	0.18
(2,7)	1:135:A:SER:HB3	1:129:A:GLN:HB3	2	0.18	0.05	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

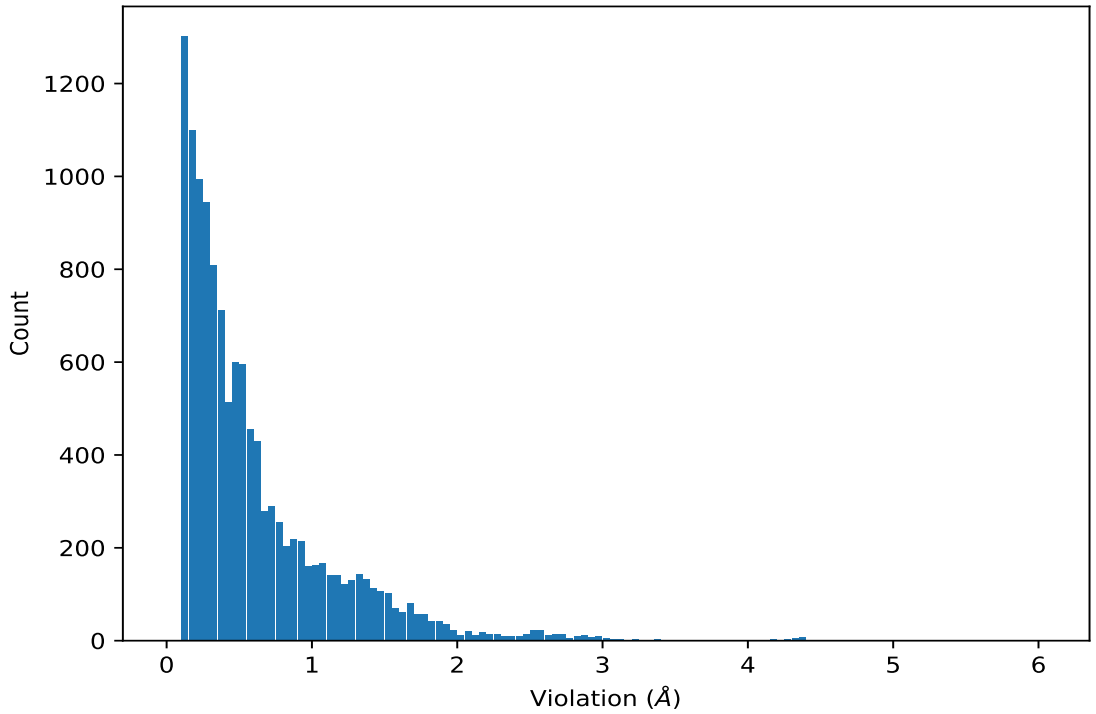
Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2144)	1:10:A:GLY:H	1:11:A:ASN:HB2	2	0.18	0.02	0.18
(1,2365)	1:155:A:MET:HA	1:148:A:GLN:H	2	0.16	0.05	0.16
(1,2688)	1:23:A:ASN:H	1:23:A:ASN:HB2	2	0.16	0.02	0.16
(1,3220)	1:199:A:VAL:H	1:200:A:THR:H	2	0.16	0.02	0.16
(2,671)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HB	2	0.15	0.04	0.15
(1,1035)	1:149:A:GLY:HA3	1:203:A:GLY:H	2	0.14	0.04	0.14
(1,588)	1:36:A:LEU:HD23	1:60:A:PRO:HD2	2	0.14	0.02	0.14
(1,588)	1:36:A:LEU:HD22	1:60:A:PRO:HD2	2	0.14	0.02	0.14
(1,885)	1:196:A:PHE:HA	1:197:A:GLN:HE21	2	0.14	0.01	0.14
(1,219)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:HG	2	0.13	0.01	0.13
(1,2859)	1:102:A:THR:H	1:101:A:ASP:HB3	2	0.13	0.02	0.13
(2,743)	1:30:A:ALA:H	1:32:A:GLN:HG3	2	0.13	0.01	0.13
(2,259)	1:55:A:LYS:HE2	1:59:A:GLN:HG3	2	0.12	0.02	0.12
(1,1506)	1:147:A:SER:HA	1:29:A:GLN:HG2	2	0.12	0.01	0.12
(1,1772)	1:107:A:ILE:H	1:105:A:GLN:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,2035)	1:138:A:SER:HB3	1:166:A:THR:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,2252)	1:74:A:LYS:H	1:74:A:LYS:HD2	2	0.12	0.0	0.12
(1,3451)	1:7:A:PRO:HA	1:7:A:PRO:HG3	2	0.12	0.01	0.12
(1,3451)	1:7:A:PRO:HA	1:7:A:PRO:HG2	2	0.12	0.01	0.12
(1,632)	1:48:A:ASP:HA	1:52:A:ALA:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,981)	1:197:A:GLN:HA	1:197:A:GLN:HE21	2	0.11	0.01	0.11
(1,1584)	1:73:A:LYS:HB3	1:71:A:THR:HB	2	0.11	0.01	0.11
(1,3251)	1:24:A:GLU:H	1:25:A:HIS:HB2	2	0.11	0.01	0.11
(1,2031)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HB	2	0.11	0.0	0.11
(1,2630)	1:79:A:LEU:H	1:78:A:THR:HG23	2	0.11	0.0	0.11
(1,2630)	1:79:A:LEU:H	1:78:A:THR:HG22	2	0.11	0.0	0.11
(1,2966)	1:129:A:GLN:HE22	1:136:A:VAL:HB	2	0.11	0.0	0.11
(1,3043)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD22	2	0.11	0.0	0.11
(1,3043)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD23	2	0.11	0.0	0.11
(1,3227)	1:97:A:GLY:H	1:98:A:ILE:H	2	0.11	0.0	0.11

[1]Number of violated models, [2]Standard deviation

9.5 All violated distance restraints (i)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations (i)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations (i)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,37)	1:115:A:LEU:HD11	1:86:A:LEU:HD11	15	6.04
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD13	2	5.28
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG21	13	4.98
(1,659)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG23	17	4.95
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG22	11	4.79
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG23	2	4.73
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG22	8	4.49
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG21	20	4.49
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG23	10	4.39
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ1	19	4.38
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG22	5	4.38
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG23	6	4.36
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG21	11	4.36
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG23	15	4.35
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG21	18	4.35
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ1	9	4.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG23	1	4.34
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG21	3	4.31
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG23	7	4.31
(1,409)	1:47:A:LEU:HD22	1:41:A:VAL:HG23	16	4.31
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG22	4	4.29
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG22	19	4.28
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG22	14	4.27
(1,409)	1:47:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG22	13	4.26
(1,409)	1:47:A:LEU:HD22	1:41:A:VAL:HG23	8	4.22
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG22	9	4.22
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG21	12	4.18
(1,37)	1:115:A:LEU:HD11	1:86:A:LEU:HD11	6	4.18
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD12	7	4.17
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG23	17	4.15
(1,659)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG23	6	4.12
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD11	12	4.11
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD13	20	3.88
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD11	5	3.85
(1,42)	1:115:A:LEU:HD13	1:82:A:LEU:HB2	15	3.77
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG22	5	3.65
(1,39)	1:115:A:LEU:HD11	1:79:A:LEU:HG	5	3.65
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD13	1:159:A:GLY:HA3	2	3.64
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	13	3.62
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	2	3.58
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG22	1:182:A:LEU:HD13	10	3.58
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	11	3.54
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD11	11	3.52
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD22	20	3.49
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD21	13	3.48
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	20	3.43
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	6	3.42
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD12	7	3.38
(1,39)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HG	11	3.37
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD13	17	3.35
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HB3	15	3.33
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	13	3.33
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD13	2	3.26
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD11	18	3.26
(1,40)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HD22	11	3.23
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	18	3.22
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD11	5	3.2
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG13	13	3.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,658)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG12	13	3.17
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	8	3.12
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG12	11	3.12
(1,1368)	1:165:A:VAL:HG12	1:167:A:PRO:HB2	11	3.12
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD12	2	3.12
(1,39)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HG	15	3.09
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	2	3.07
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD13	2	3.06
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG13	17	3.05
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	16	3.04
(1,40)	1:115:A:LEU:HD13	1:82:A:LEU:HD21	15	3.03
(1,658)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG13	17	3.01
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD13	1:159:A:GLY:HA3	9	3.0
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	15	3.0
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD21	13	3.0
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD12	3	2.99
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	2	2.99
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HB3	11	2.98
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG22	5	2.98
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	2	2.98
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	9	2.98
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD23	20	2.98
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	13	2.97
(1,39)	1:115:A:LEU:HD11	1:79:A:LEU:HG	13	2.95
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD11	6	2.94
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD13	19	2.94
(1,118)	1:202:A:LEU:HD23	1:156:A:MET:HE1	8	2.93
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG23	1	2.92
(1,40)	1:115:A:LEU:HD13	1:82:A:LEU:HD21	13	2.92
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD11	7	2.91
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	11	2.91
(1,281)	1:167:A:PRO:HA	1:165:A:VAL:HG12	11	2.9
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD13	20	2.89
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG23	6	2.88
(1,1386)	1:163:A:ILE:HG22	1:161:A:LEU:HD23	2	2.88
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD11	1:159:A:GLY:HA3	5	2.88
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	3	2.87
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD13	4	2.87
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	7	2.87
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG21	10	2.86
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	1	2.86
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD13	2	2.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD13	17	2.85
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG22	8	2.84
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD12	1	2.84
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD12	12	2.84
(1,40)	1:115:A:LEU:HD11	1:82:A:LEU:HD23	5	2.83
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD12	13	2.82
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG23	9	2.81
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD11	1	2.81
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	4	2.81
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	5	2.8
(1,1394)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD23	2	2.77
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD11	5	2.77
(1,1386)	1:163:A:ILE:HG23	1:161:A:LEU:HD21	5	2.76
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	18	2.76
(1,865)	1:48:A:ASP:HB2	1:49:A:LEU:HD22	8	2.76
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	6	2.75
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD23	2	2.74
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	5	2.73
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG23	2	2.73
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG22	3	2.73
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG23	4	2.73
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD21	13	2.73
(1,658)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG13	2	2.73
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	20	2.73
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD21	13	2.71
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	2	2.71
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	16	2.71
(1,658)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG12	11	2.71
(1,37)	1:115:A:LEU:HD11	1:86:A:LEU:HD12	16	2.71
(1,1396)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD21	5	2.69
(1,1394)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD21	5	2.69
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD23	7	2.69
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD13	9	2.69
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD13	18	2.68
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD21	5	2.68
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	19	2.68
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	15	2.68
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD12	8	2.67
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	1	2.67
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD23	8	2.66
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	9	2.66
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	15	2.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD23	1	2.65
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD21	16	2.65
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	4	2.64
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD11	9	2.64
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	13	2.64
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	11	2.63
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG22	2	2.62
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD13	1:189:A:ILE:HB	5	2.61
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	8	2.61
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	5	2.61
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	10	2.61
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	20	2.61
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD11	10	2.6
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG22	1:202:A:LEU:HD11	5	2.59
(1,658)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG12	8	2.59
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	8	2.59
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	18	2.58
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD22	20	2.58
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	4	2.58
(1,383)	1:165:A:VAL:HG21	1:163:A:ILE:HA	11	2.58
(1,1396)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD21	2	2.57
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	13	2.57
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	3	2.57
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	2	2.56
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG23	6	2.56
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	10	2.56
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	12	2.56
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	14	2.56
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	16	2.56
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG11	2	2.55
(1,865)	1:48:A:ASP:HB2	1:49:A:LEU:HD21	11	2.55
(1,682)	1:161:A:LEU:HD12	1:186:A:LYS:HD3	5	2.55
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	2	2.55
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	6	2.55
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	19	2.55
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD22	15	2.54
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD12	1:189:A:ILE:HB	2	2.54
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG22	16	2.54
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	20	2.54
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG22	9	2.53
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD13	13	2.53
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD11	16	2.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	17	2.53
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	4	2.52
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	7	2.52
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD11	1:79:A:LEU:HB3	13	2.51
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG22	3	2.51
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG23	7	2.51
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG23	8	2.51
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG23	18	2.51
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	18	2.51
(1,42)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HB2	11	2.51
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG23	11	2.5
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG22	13	2.5
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG23	15	2.5
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	17	2.5
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD13	19	2.5
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD13	20	2.5
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	7	2.49
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	2	2.49
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	12	2.49
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD12	14	2.49
(1,492)	1:33:A:LEU:HB2	1:32:A:GLN:HB3	11	2.49
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	2	2.49
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD11	1:79:A:LEU:HB3	5	2.48
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	12	2.48
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD12	8	2.48
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	20	2.47
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG23	14	2.47
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	5	2.46
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG22	1:182:A:LEU:HD12	9	2.46
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	9	2.45
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG23	13	2.44
(1,41)	1:115:A:LEU:HD13	1:83:A:THR:HG21	15	2.44
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	3	2.43
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	4	2.43
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD11	6	2.43
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	1	2.43
(1,37)	1:115:A:LEU:HD11	1:86:A:LEU:HD11	19	2.42
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD12	3	2.4
(1,118)	1:202:A:LEU:HD22	1:156:A:MET:HE2	2	2.4
(1,37)	1:115:A:LEU:HD12	1:86:A:LEU:HD13	10	2.4
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD13	17	2.39
(1,834)	1:202:A:LEU:HD12	1:154:A:ALA:HB3	13	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD13	15	2.39
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG22	11	2.39
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD22	1	2.38
(1,1396)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD21	9	2.37
(1,834)	1:202:A:LEU:HD12	1:154:A:ALA:HB2	2	2.37
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	11	2.37
(1,834)	1:202:A:LEU:HD13	1:154:A:ALA:HB2	6	2.35
(1,834)	1:202:A:LEU:HD11	1:154:A:ALA:HB2	11	2.35
(1,1394)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD21	9	2.34
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	20	2.33
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	20	2.32
(1,834)	1:202:A:LEU:HD11	1:154:A:ALA:HB1	8	2.32
(1,42)	1:115:A:LEU:HD13	1:82:A:LEU:HB2	13	2.32
(1,1386)	1:163:A:ILE:HG21	1:161:A:LEU:HD21	9	2.31
(1,658)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG12	6	2.31
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG21	11	2.3
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD12	14	2.3
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG22	1:182:A:LEU:HD13	19	2.29
(1,744)	1:186:A:LYS:HG3	1:184:A:LEU:HD11	5	2.29
(1,928)	1:85:A:THR:HG23	1:72:A:LEU:HD21	20	2.28
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG22	1:182:A:LEU:HD13	4	2.27
(1,834)	1:202:A:LEU:HD13	1:154:A:ALA:HB1	17	2.27
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG23	6	2.27
(1,462)	1:202:A:LEU:HD23	1:200:A:THR:HG23	17	2.27
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD12	8	2.27
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	6	2.26
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD21	15	2.26
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	10	2.26
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD22	8	2.25
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD12	14	2.25
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	6	2.25
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG21	2	2.24
(1,714)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB3	20	2.23
(1,369)	1:73:A:LYS:HG2	1:72:A:LEU:HD22	20	2.23
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG13	11	2.22
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HB3	14	2.22
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	10	2.22
(1,928)	1:85:A:THR:HG21	1:72:A:LEU:HD23	13	2.22
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG11	12	2.21
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD22	8	2.21
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG21	1:202:A:LEU:HD12	17	2.21
(1,39)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HG	14	2.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	13	2.2
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	14	2.2
(1,43)	1:115:A:LEU:HD12	1:111:A:ALA:HB1	15	2.2
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD22	7	2.19
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD11	7	2.19
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG23	1:202:A:LEU:HD13	6	2.19
(1,834)	1:202:A:LEU:HD12	1:154:A:ALA:HB2	5	2.19
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG13	2	2.19
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	9	2.19
(1,576)	1:95:A:VAL:HG11	1:98:A:ILE:HD13	5	2.19
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG12	1	2.18
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG22	16	2.18
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD11	1:110:A:HIS:HB3	15	2.18
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG21	1:202:A:LEU:HD12	2	2.17
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD12	1:189:A:ILE:HB	9	2.17
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD12	12	2.17
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	3	2.17
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG11	20	2.16
(1,791)	1:2:A:SER:HA	1:17:A:VAL:HA	20	2.16
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG22	5	2.16
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG23	1:182:A:LEU:HD12	18	2.15
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	10	2.15
(1,393)	1:73:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD22	20	2.14
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG13	4	2.13
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG11	17	2.12
(1,393)	1:73:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD21	13	2.12
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG13	14	2.11
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG21	1:202:A:LEU:HD11	13	2.11
(1,908)	1:17:A:VAL:HB	1:2:A:SER:HA	20	2.11
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	8	2.11
(1,369)	1:73:A:LYS:HG2	1:72:A:LEU:HD21	13	2.11
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG11	19	2.1
(1,723)	1:151:A:GLU:HG3	1:152:A:THR:HA	19	2.1
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	14	2.1
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG13	18	2.09
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	17	2.09
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	8	2.09
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG22	14	2.08
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	12	2.08
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	20	2.08
(1,714)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB3	11	2.08
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	5	2.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG23	1:202:A:LEU:HD13	11	2.07
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	1	2.07
(1,714)	1:107:A:ILE:HD11	1:101:A:ASP:HB3	6	2.07
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG11	10	2.07
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG13	15	2.07
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG13	19	2.07
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD21	1:13:A:LEU:HD23	16	2.06
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD21	11	2.06
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	19	2.06
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	13	2.06
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:SER:HB3	5	2.05
(1,461)	1:200:A:THR:HG22	1:202:A:LEU:HD12	20	2.05
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:SER:HB3	3	2.04
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:SER:HB3	4	2.04
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HG3	17	2.03
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:SER:HB3	8	2.03
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:SER:HB3	15	2.03
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG13	17	2.03
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG23	1:182:A:LEU:HD12	17	2.01
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	16	2.01
(1,85)	1:70:A:MET:HE3	1:72:A:LEU:HD21	3	2.01
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG13	16	2.0
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	11	2.0
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG13	12	2.0
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG11	15	1.99
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG23	16	1.99
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	20	1.99
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	9	1.98
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG21	15	1.98
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG23	20	1.98
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	19	1.98
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG12	18	1.98
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	10	1.97
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:SER:HB3	18	1.97
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	6	1.97
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG11	1	1.97
(1,42)	1:115:A:LEU:HD11	1:82:A:LEU:HB2	5	1.97
(1,37)	1:115:A:LEU:HD12	1:86:A:LEU:HD13	4	1.97
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HG3	5	1.96
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG13	5	1.96
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	2	1.96
(1,814)	1:37:A:PHE:HB3	1:33:A:LEU:HD13	17	1.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	15	1.96
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD13	11	1.96
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG21	9	1.95
(1,239)	1:191:A:ILE:HG12	1:47:A:LEU:HD12	2	1.95
(1,39)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HG	1	1.95
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	1	1.94
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG23	11	1.94
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD13	17	1.94
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD11	1	1.94
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD13	5	1.94
(1,461)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HD13	16	1.94
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG12	10	1.94
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	17	1.93
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG23	10	1.93
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	14	1.93
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG13	16	1.93
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	17	1.92
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG21	16	1.92
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	19	1.92
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG23	3	1.91
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	16	1.91
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	20	1.91
(1,2249)	1:106:A:ASN:HD22	1:104:A:ILE:H	4	1.91
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD11	4	1.91
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	6	1.91
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD13	2	1.91
(1,1313)	1:126:A:ILE:HG22	1:128:A:ALA:HB3	1	1.91
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD13	4	1.91
(1,682)	1:161:A:LEU:HD13	1:186:A:LYS:HD3	3	1.91
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG12	2	1.91
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG12	13	1.91
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG21	4	1.9
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG21	5	1.9
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	8	1.9
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG23	18	1.9
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	11	1.9
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG23	1:182:A:LEU:HD12	1	1.9
(1,579)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG13	20	1.9
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	9	1.9
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG12	15	1.9
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG12	18	1.9
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG13	8	1.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG22	1	1.89
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	16	1.89
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD11	1:32:A:GLN:HB3	20	1.89
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG21	8	1.89
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	1	1.89
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	11	1.89
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	19	1.89
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG13	20	1.89
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	16	1.88
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	8	1.88
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG23	12	1.88
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG21	14	1.88
(1,2249)	1:106:A:ASN:HD22	1:104:A:ILE:H	13	1.88
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD11	11	1.88
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	8	1.88
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	18	1.87
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	7	1.87
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD11	8	1.87
(1,461)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HD12	1	1.87
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	3	1.87
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG12	14	1.87
(1,411)	1:21:A:LEU:HD13	1:41:A:VAL:HG21	18	1.87
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	3	1.87
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	11	1.87
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG21	19	1.86
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG22	15	1.86
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	3	1.86
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG11	15	1.86
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	9	1.86
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	19	1.86
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG12	4	1.86
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	6	1.86
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG12	12	1.86
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HG3	13	1.85
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	14	1.85
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	3	1.85
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD13	1:32:A:GLN:HB3	11	1.85
(1,864)	1:33:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	13	1.85
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD13	15	1.85
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG13	5	1.85
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	7	1.85
(1,376)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HG3	17	1.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	5	1.84
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	15	1.84
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	5	1.84
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	10	1.84
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	5	1.84
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG11	7	1.84
(1,576)	1:95:A:VAL:HG11	1:98:A:ILE:HD12	1	1.84
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	11	1.83
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	13	1.83
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG13	6	1.83
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG21	13	1.83
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG22	1:202:A:LEU:HD11	8	1.83
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG21	3	1.83
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG21	5	1.83
(1,437)	1:42:A:ASP:HA	1:41:A:VAL:HG11	17	1.83
(1,411)	1:21:A:LEU:HD13	1:41:A:VAL:HG23	16	1.83
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	15	1.83
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD12	1:194:A:LYS:HG3	11	1.82
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG22	14	1.82
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	6	1.82
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	1	1.82
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD13	20	1.82
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG21	4	1.82
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG22	13	1.82
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG22	18	1.82
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	16	1.82
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	10	1.81
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	13	1.81
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD13	11	1.81
(1,565)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HG22	13	1.81
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	4	1.8
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	15	1.8
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG11	4	1.8
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	7	1.8
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG23	15	1.8
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD11	7	1.8
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD11	1	1.8
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB1	1:17:A:VAL:HG23	11	1.8
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB1	1:17:A:VAL:HG23	19	1.8
(1,864)	1:33:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG13	12	1.8
(1,829)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HG21	5	1.8
(1,214)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HB3	11	1.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	1	1.79
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	6	1.79
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	8	1.79
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	9	1.79
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG12	10	1.79
(1,2759)	1:48:A:ASP:H	1:41:A:VAL:HG22	17	1.79
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	20	1.79
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD11	13	1.79
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD12	1:32:A:GLN:HB3	15	1.79
(1,864)	1:33:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG12	11	1.79
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD12	8	1.79
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG22	13	1.79
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	2	1.78
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	12	1.78
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	16	1.78
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD12	2	1.78
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD11	5	1.78
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD13	6	1.78
(1,1313)	1:126:A:ILE:HG23	1:128:A:ALA:HB2	17	1.78
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG21	6	1.78
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	12	1.78
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	13	1.78
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	15	1.78
(1,214)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HB3	7	1.78
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	18	1.78
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG13	3	1.77
(1,3082)	1:86:A:LEU:H	1:72:A:LEU:HD21	20	1.77
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	1	1.77
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	20	1.77
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD11	1:32:A:GLN:HB3	2	1.77
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	20	1.77
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	6	1.77
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	7	1.76
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	19	1.76
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	15	1.76
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG22	3	1.76
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	3	1.76
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	16	1.76
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG23	13	1.76
(1,376)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HG3	18	1.76
(1,3387)	1:198:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG13	9	1.75
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD11	13	1.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3082)	1:86:A:LEU:H	1:72:A:LEU:HD23	13	1.75
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	3	1.75
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	12	1.75
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	16	1.75
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	19	1.75
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	4	1.75
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	10	1.75
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD11	13	1.75
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB2	1:126:A:ILE:HA	17	1.75
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD12	17	1.75
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	20	1.75
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG21	8	1.75
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD13	1:32:A:GLN:HB3	9	1.75
(1,864)	1:33:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG12	4	1.75
(1,659)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG23	20	1.75
(1,376)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HG3	19	1.75
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	3	1.74
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD12	1:194:A:LYS:HG3	6	1.74
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG21	16	1.74
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	10	1.74
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG23	13	1.74
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	14	1.74
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ3	1:40:A:GLU:HG2	14	1.74
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD13	1:32:A:GLN:HB3	1	1.74
(1,864)	1:33:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	8	1.74
(1,565)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HG21	3	1.74
(1,376)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HG3	8	1.74
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	13	1.74
(1,17)	1:53:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	8	1.74
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	12	1.73
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HG3	2	1.73
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	13	1.73
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	4	1.73
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	5	1.73
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	9	1.73
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	16	1.73
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	17	1.73
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD12	1:32:A:GLN:HB3	14	1.73
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG11	18	1.73
(1,565)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HG22	8	1.73
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	15	1.73
(1,214)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HB3	8	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	11	1.72
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	2	1.72
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	17	1.72
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD11	11	1.72
(1,1729)	1:163:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD21	2	1.72
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG23	17	1.72
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD11	1:32:A:GLN:HB3	12	1.72
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD13	1:32:A:GLN:HB3	19	1.72
(1,214)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HB3	12	1.72
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	14	1.71
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD12	2	1.71
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	19	1.71
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	19	1.71
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	20	1.71
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	20	1.71
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	7	1.71
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD13	1:32:A:GLN:HB3	3	1.71
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD13	1:32:A:GLN:HB3	13	1.71
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	4	1.71
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG23	20	1.71
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG11	9	1.71
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	15	1.7
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	6	1.7
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	18	1.7
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD13	11	1.7
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	5	1.7
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG22	5	1.7
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD12	1:32:A:GLN:HB3	8	1.7
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	3	1.7
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	20	1.7
(1,214)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HB3	13	1.7
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	20	1.7
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	18	1.69
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	18	1.69
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	5	1.69
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ3	1:40:A:GLU:HG2	15	1.69
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	17	1.69
(1,864)	1:33:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG13	16	1.69
(1,565)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HG21	17	1.69
(1,411)	1:21:A:LEU:HD13	1:41:A:VAL:HG21	12	1.69
(1,376)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HG3	11	1.69
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	20	1.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,214)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HB3	6	1.69
(1,214)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HB3	15	1.69
(1,214)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HB3	16	1.69
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	20	1.68
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD13	11	1.68
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	5	1.68
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	16	1.68
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	6	1.68
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	10	1.68
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	13	1.68
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	6	1.68
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	12	1.68
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD11	1:32:A:GLN:HB3	4	1.68
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD12	1:32:A:GLN:HB3	16	1.68
(1,682)	1:161:A:LEU:HD12	1:186:A:LYS:HD3	18	1.68
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	19	1.68
(1,214)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HB3	2	1.68
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	6	1.67
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	14	1.67
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	11	1.67
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	19	1.67
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	3	1.67
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	4	1.67
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	14	1.67
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	11	1.67
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	16	1.67
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	18	1.67
(1,1176)	1:74:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD22	20	1.67
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG11	19	1.67
(1,864)	1:33:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG13	20	1.67
(1,659)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG21	16	1.67
(1,411)	1:21:A:LEU:HD11	1:41:A:VAL:HG22	4	1.67
(1,411)	1:21:A:LEU:HD11	1:41:A:VAL:HG21	20	1.67
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	13	1.67
(1,214)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HB3	5	1.67
(1,214)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HB3	20	1.67
(1,3429)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HG3	8	1.66
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	3	1.66
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	10	1.66
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	8	1.66
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	7	1.66
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	11	1.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	9	1.66
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	2	1.66
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD11	2	1.66
(1,1740)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HB2	2	1.66
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	8	1.66
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	13	1.66
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	18	1.66
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD11	1:32:A:GLN:HB3	5	1.66
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD12	1:32:A:GLN:HB3	7	1.66
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD13	1:32:A:GLN:HB3	10	1.66
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD11	5	1.66
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	16	1.66
(1,411)	1:21:A:LEU:HD11	1:41:A:VAL:HG22	9	1.66
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	17	1.66
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	1	1.66
(1,214)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HB3	1	1.66
(1,214)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HB3	4	1.66
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	16	1.65
(1,3443)	1:46:A:GLN:HG3	1:44:A:ASN:HB2	2	1.65
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG23	17	1.65
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	9	1.65
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	4	1.65
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	15	1.65
(1,2581)	1:27:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	14	1.65
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	13	1.65
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ3	1:40:A:GLU:HG2	19	1.65
(1,1226)	1:169:A:THR:HG23	1:178:A:LYS:HZ1	20	1.65
(1,1006)	1:186:A:LYS:HA	1:161:A:LEU:HD21	2	1.65
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	7	1.64
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	10	1.64
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	14	1.64
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	20	1.64
(1,1549)	1:167:A:PRO:HB2	1:135:A:SER:HB3	20	1.64
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	11	1.64
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	17	1.64
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	10	1.64
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD11	5	1.64
(1,658)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG12	5	1.64
(1,569)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG11	5	1.64
(1,565)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HG22	9	1.64
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	11	1.64
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	6	1.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	9	1.63
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	6	1.63
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	4	1.63
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	12	1.63
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	17	1.63
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	16	1.63
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG22	1	1.63
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD11	1:32:A:GLN:HB3	6	1.63
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	14	1.63
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG23	10	1.63
(1,376)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HG3	14	1.63
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HB3	18	1.62
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD12	17	1.62
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	9	1.62
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	10	1.62
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	19	1.62
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	8	1.62
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	9	1.62
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	8	1.62
(1,2430)	1:156:A:MET:H	1:29:A:GLN:HB2	15	1.62
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	19	1.62
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD12	15	1.62
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	2	1.62
(1,1578)	1:154:A:ALA:HA	1:202:A:LEU:HD11	8	1.62
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG13	17	1.62
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG22	1	1.62
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG22	14	1.62
(1,743)	1:186:A:LYS:HG2	1:184:A:LEU:HD13	13	1.62
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	14	1.62
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	20	1.61
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	1	1.61
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	2	1.61
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	4	1.61
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	3	1.61
(1,376)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HG3	5	1.61
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	3	1.61
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	10	1.61
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	10	1.61
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD13	6	1.6
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	5	1.6
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD12	14	1.6
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	1	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG22	19	1.6
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	10	1.6
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	8	1.6
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	12	1.6
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	16	1.6
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	5	1.6
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	20	1.59
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	17	1.59
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ3	1:40:A:GLU:HG2	4	1.59
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	15	1.59
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	10	1.59
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	2	1.59
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	1	1.59
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	13	1.59
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	11	1.59
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	14	1.59
(1,28)	1:147:A:SER:HB3	1:156:A:MET:HA	4	1.59
(1,17)	1:53:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	11	1.59
(1,3453)	1:142:A:SER:HB2	1:160:A:PRO:HB2	2	1.58
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	20	1.58
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG21	13	1.58
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	13	1.58
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD13	6	1.58
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	7	1.58
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB3	1:126:A:ILE:HA	1	1.58
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	8	1.58
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	14	1.58
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG13	11	1.58
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG23	6	1.58
(1,411)	1:21:A:LEU:HD13	1:41:A:VAL:HG23	8	1.58
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	17	1.58
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG23	1	1.57
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	8	1.57
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	14	1.57
(1,2743)	1:59:A:GLN:HE21	1:55:A:LYS:HG3	12	1.57
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD12	17	1.57
(1,1729)	1:163:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD22	5	1.57
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG13	5	1.57
(1,1092)	1:33:A:LEU:HD13	1:32:A:GLN:HB3	18	1.57
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	1	1.57
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	12	1.57
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	10	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD11	5	1.56
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	18	1.56
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	20	1.56
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG11	14	1.56
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	16	1.56
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	20	1.56
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	14	1.56
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	5	1.56
(1,1009)	1:172:A:SER:HB3	1:179:A:ASP:HB2	17	1.56
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD13	1	1.56
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	4	1.56
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	18	1.56
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	8	1.56
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	3	1.56
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	11	1.55
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HB3	1	1.55
(1,3270)	1:106:A:ASN:HD22	1:103:A:TYR:HD2	4	1.55
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG21	12	1.55
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	14	1.55
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	1	1.55
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ3	1:40:A:GLU:HG2	6	1.55
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	19	1.55
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	6	1.55
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG11	12	1.55
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG13	17	1.55
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HB2	18	1.55
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD23	11	1.55
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	3	1.55
(1,411)	1:21:A:LEU:HD13	1:41:A:VAL:HG21	3	1.55
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	4	1.55
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	11	1.55
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	16	1.55
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	17	1.55
(1,28)	1:147:A:SER:HB3	1:156:A:MET:HA	3	1.55
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	19	1.54
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD12	17	1.54
(1,3278)	1:125:A:HIS:H	1:164:A:THR:HG21	1	1.54
(1,3030)	1:161:A:LEU:H	1:161:A:LEU:HD12	5	1.54
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	17	1.54
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	14	1.54
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD21	1:3:A:ILE:HD12	5	1.54
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	8	1.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG13	1	1.54
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	17	1.54
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	12	1.54
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	7	1.54
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	2	1.54
(1,835)	1:202:A:LEU:HD23	1:154:A:ALA:HB1	4	1.54
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	5	1.54
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	5	1.54
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD22	20	1.54
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	7	1.54
(1,461)	1:200:A:THR:HG22	1:202:A:LEU:HD12	14	1.54
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	9	1.54
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	15	1.54
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	17	1.54
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	3	1.54
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	13	1.54
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	11	1.54
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	2	1.53
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	2	1.53
(1,2652)	1:72:A:LEU:H	1:73:A:LYS:HE2	16	1.53
(1,1182)	1:73:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD22	13	1.53
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB1	1:17:A:VAL:HG21	2	1.53
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HB2	5	1.53
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	13	1.53
(1,1006)	1:186:A:LYS:HA	1:161:A:LEU:HD21	5	1.53
(1,835)	1:202:A:LEU:HD22	1:154:A:ALA:HB3	7	1.53
(1,835)	1:202:A:LEU:HD22	1:154:A:ALA:HB3	15	1.53
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	5	1.53
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	2	1.53
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	18	1.53
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG23	17	1.53
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	7	1.53
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	20	1.53
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	15	1.52
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	4	1.52
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	10	1.52
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG22	18	1.52
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	18	1.52
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB2	15	1.52
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	17	1.52
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	3	1.52
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	20	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG11	20	1.52
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG12	10	1.52
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	10	1.52
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	17	1.52
(1,835)	1:202:A:LEU:HD21	1:154:A:ALA:HB1	3	1.52
(1,835)	1:202:A:LEU:HD23	1:154:A:ALA:HB1	10	1.52
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	15	1.52
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	3	1.52
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	6	1.52
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	19	1.52
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	4	1.52
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD11	5	1.51
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	4	1.51
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	7	1.51
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	12	1.51
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG22	11	1.51
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	20	1.51
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	18	1.51
(1,1176)	1:74:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD21	13	1.51
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG23	12	1.51
(1,1009)	1:172:A:SER:HB3	1:179:A:ASP:HB2	15	1.51
(1,864)	1:33:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG12	5	1.51
(1,849)	1:147:A:SER:HB2	1:97:A:GLY:HA2	4	1.51
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	2	1.51
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	19	1.51
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	10	1.51
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD13	12	1.51
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	3	1.51
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	2	1.51
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	10	1.51
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	20	1.51
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	20	1.5
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	12	1.5
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	11	1.5
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB3	7	1.5
(1,1549)	1:167:A:PRO:HB2	1:135:A:SER:HB3	6	1.5
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD23	1:3:A:ILE:HD13	1	1.5
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	13	1.5
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	15	1.5
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG22	1:182:A:LEU:HD12	8	1.5
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	2	1.5
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	12	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HB2	10	1.5
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	20	1.5
(1,1009)	1:172:A:SER:HB3	1:179:A:ASP:HB2	7	1.5
(1,1009)	1:172:A:SER:HB3	1:179:A:ASP:HB2	11	1.5
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG23	2	1.5
(1,411)	1:21:A:LEU:HD11	1:41:A:VAL:HG23	7	1.5
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	7	1.5
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	2	1.5
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	7	1.5
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	9	1.5
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	1	1.49
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	17	1.49
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	15	1.49
(1,3291)	1:155:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD11	8	1.49
(1,2652)	1:72:A:LEU:H	1:73:A:LYS:HE2	7	1.49
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG23	2	1.49
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG22	7	1.49
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	3	1.49
(1,835)	1:202:A:LEU:HD21	1:154:A:ALA:HB3	9	1.49
(1,835)	1:202:A:LEU:HD22	1:154:A:ALA:HB3	18	1.49
(1,599)	1:36:A:LEU:HD22	1:33:A:LEU:HD21	2	1.49
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	1	1.49
(1,411)	1:21:A:LEU:HD11	1:41:A:VAL:HG22	5	1.49
(1,376)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HG3	6	1.49
(1,325)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD13	14	1.49
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	3	1.49
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	4	1.49
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	2	1.49
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	6	1.49
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	7	1.49
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	14	1.48
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	5	1.48
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	13	1.48
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG22	15	1.48
(1,2828)	1:103:A:TYR:H	1:101:A:ASP:HB3	20	1.48
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	13	1.48
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	1	1.48
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	20	1.48
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	10	1.48
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	9	1.48
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	19	1.48
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	16	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1549)	1:167:A:PRO:HB2	1:135:A:SER:HB3	13	1.48
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD22	1:3:A:ILE:HD13	8	1.48
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	17	1.48
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	2	1.48
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	18	1.48
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	9	1.48
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	10	1.48
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	16	1.48
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	1	1.48
(1,14)	1:64:A:ILE:HG22	1:49:A:LEU:HD13	11	1.48
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD12	2	1.47
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	10	1.47
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	8	1.47
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	11	1.47
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD11	5	1.47
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	18	1.47
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG12	15	1.47
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD22	1:3:A:ILE:HD13	15	1.47
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG11	3	1.47
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	11	1.47
(1,1182)	1:73:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD23	20	1.47
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HB2	12	1.47
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	1	1.47
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD21	1:161:A:LEU:HD11	16	1.47
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	6	1.47
(1,835)	1:202:A:LEU:HD21	1:154:A:ALA:HB2	19	1.47
(1,409)	1:47:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG22	2	1.47
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	7	1.47
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD22	17	1.47
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	5	1.47
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD13	11	1.46
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	12	1.46
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	17	1.46
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	13	1.46
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	18	1.46
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	16	1.46
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD13	15	1.46
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	12	1.46
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG12	7	1.46
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	6	1.46
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	6	1.46
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	7	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	9	1.46
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	10	1.46
(1,864)	1:33:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	6	1.46
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD13	19	1.46
(1,835)	1:202:A:LEU:HD23	1:154:A:ALA:HB3	14	1.46
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	14	1.46
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	12	1.46
(1,28)	1:147:A:SER:HB3	1:156:A:MET:HA	5	1.46
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	4	1.45
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	17	1.45
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	2	1.45
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	15	1.45
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	6	1.45
(1,2339)	1:168:A:ASN:HD22	1:169:A:THR:HG21	11	1.45
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	2	1.45
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	11	1.45
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	7	1.45
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	18	1.45
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	17	1.45
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	11	1.45
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	9	1.45
(1,864)	1:33:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	10	1.45
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	3	1.45
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	2	1.45
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG21	19	1.45
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	8	1.45
(1,326)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD22	2	1.45
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	8	1.45
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	9	1.45
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	12	1.45
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	15	1.45
(1,15)	1:49:A:LEU:HD22	1:64:A:ILE:HG22	15	1.45
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD13	6	1.44
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	9	1.44
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	3	1.44
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	15	1.44
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	16	1.44
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	1	1.44
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	10	1.44
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD11	10	1.44
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	17	1.44
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	20	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	9	1.44
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG13	16	1.44
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG11	18	1.44
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	1	1.44
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	5	1.44
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	5	1.44
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	12	1.44
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	20	1.44
(1,411)	1:21:A:LEU:HD11	1:41:A:VAL:HG22	14	1.44
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	1	1.44
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	5	1.44
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	19	1.44
(1,326)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD22	1	1.44
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD23	7	1.44
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD11	18	1.44
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	9	1.44
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	5	1.44
(1,85)	1:70:A:MET:HE1	1:72:A:LEU:HD22	1	1.44
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	5	1.43
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG22	8	1.43
(1,2828)	1:103:A:TYR:H	1:101:A:ASP:HB3	11	1.43
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	5	1.43
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	9	1.43
(1,1181)	1:83:A:THR:HA	1:72:A:LEU:HD23	13	1.43
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	15	1.43
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	2	1.43
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	11	1.43
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	12	1.43
(1,376)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HG3	16	1.43
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	13	1.43
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD13	9	1.43
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	10	1.43
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	13	1.43
(1,216)	1:34:A:ALA:HB1	1:35:A:GLN:HB2	17	1.43
(1,216)	1:34:A:ALA:HB2	1:35:A:GLN:HB2	19	1.43
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	7	1.43
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	11	1.43
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	18	1.42
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG21	19	1.42
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	11	1.42
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	18	1.42
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	16	1.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	2	1.42
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	4	1.42
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	4	1.42
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	7	1.42
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	19	1.42
(1,753)	1:31:A:ILE:HG22	1:32:A:GLN:HE21	9	1.42
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	16	1.42
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	1	1.42
(1,367)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HG3	10	1.42
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD21	10	1.42
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD22	15	1.42
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	14	1.42
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	16	1.42
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	15	1.42
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	18	1.42
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	19	1.41
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	9	1.41
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	7	1.41
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	6	1.41
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	7	1.41
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG13	4	1.41
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD13	5	1.41
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	3	1.41
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	14	1.41
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	3	1.41
(1,682)	1:161:A:LEU:HD13	1:186:A:LYS:HD3	16	1.41
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	3	1.41
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	13	1.41
(1,549)	1:165:A:VAL:HG23	1:164:A:THR:HG21	11	1.41
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	2	1.41
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	7	1.41
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	6	1.41
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	15	1.41
(1,216)	1:34:A:ALA:HB1	1:35:A:GLN:HB2	18	1.41
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	7	1.4
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	11	1.4
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	4	1.4
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	20	1.4
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ3	1:40:A:GLU:HG2	17	1.4
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB3	12	1.4
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD12	12	1.4
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	18	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1549)	1:167:A:PRO:HB2	1:135:A:SER:HB3	18	1.4
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG11	6	1.4
(1,1369)	1:165:A:VAL:HG12	1:167:A:PRO:HB3	11	1.4
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	15	1.4
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	18	1.4
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	10	1.4
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	15	1.4
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	9	1.4
(1,864)	1:33:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	2	1.4
(1,835)	1:202:A:LEU:HD22	1:154:A:ALA:HB1	1	1.4
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	16	1.4
(1,461)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HD12	3	1.4
(1,461)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HD11	18	1.4
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD21	9	1.4
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD23	12	1.4
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	12	1.4
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	14	1.4
(1,216)	1:34:A:ALA:HB2	1:35:A:GLN:HB2	2	1.4
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	5	1.4
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	16	1.4
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	2	1.39
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	18	1.39
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG13	1:92:A:ILE:HG13	12	1.39
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD11	13	1.39
(1,3030)	1:161:A:LEU:H	1:161:A:LEU:HD12	9	1.39
(1,2880)	1:73:A:LYS:H	1:72:A:LEU:HD22	20	1.39
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG23	20	1.39
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	8	1.39
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD13	19	1.39
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	10	1.39
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	19	1.39
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG11	16	1.39
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD21	20	1.39
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	12	1.39
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	4	1.39
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD12	20	1.39
(1,849)	1:147:A:SER:HB2	1:97:A:GLY:HA2	3	1.39
(1,658)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG11	7	1.39
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	4	1.39
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	11	1.39
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD12	15	1.39
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	6	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	18	1.39
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	20	1.39
(1,3453)	1:142:A:SER:HB2	1:160:A:PRO:HB2	18	1.38
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD11	20	1.38
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	19	1.38
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	20	1.38
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	13	1.38
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	6	1.38
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	8	1.38
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD23	1:3:A:ILE:HD12	16	1.38
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG12	11	1.38
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG11	15	1.38
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	9	1.38
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD11	20	1.38
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HB2	17	1.38
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD13	17	1.38
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	20	1.38
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD23	12	1.38
(1,569)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG13	1	1.38
(1,411)	1:21:A:LEU:HD13	1:41:A:VAL:HG23	1	1.38
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	9	1.38
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD12	10	1.38
(1,313)	1:98:A:ILE:HB	1:95:A:VAL:HG13	5	1.38
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	2	1.38
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	11	1.38
(1,216)	1:34:A:ALA:HB1	1:35:A:GLN:HB2	13	1.38
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	13	1.38
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	16	1.38
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG23	5	1.37
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	12	1.37
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	18	1.37
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	10	1.37
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	18	1.37
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	12	1.37
(1,1944)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG21	11	1.37
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	14	1.37
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	4	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG11	9	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG13	14	1.37
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG13	20	1.37
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	5	1.37
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	5	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,835)	1:202:A:LEU:HD21	1:154:A:ALA:HB2	12	1.37
(1,682)	1:161:A:LEU:HD12	1:186:A:LYS:HD3	11	1.37
(1,325)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD11	1	1.37
(1,216)	1:34:A:ALA:HB1	1:35:A:GLN:HB2	15	1.37
(1,214)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HB3	17	1.37
(1,119)	1:193:A:VAL:HG21	1:156:A:MET:HE1	2	1.37
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	12	1.36
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	3	1.36
(1,3030)	1:161:A:LEU:H	1:161:A:LEU:HD11	2	1.36
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	10	1.36
(1,2880)	1:73:A:LYS:H	1:72:A:LEU:HD21	13	1.36
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	5	1.36
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	14	1.36
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	12	1.36
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	7	1.36
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	5	1.36
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	6	1.36
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	2	1.36
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG12	4	1.36
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	7	1.36
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	14	1.36
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	14	1.36
(1,919)	1:202:A:LEU:HD12	1:194:A:LYS:HB3	17	1.36
(1,682)	1:161:A:LEU:HD13	1:186:A:LYS:HD3	7	1.36
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	4	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD23	3	1.36
(1,326)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD23	14	1.36
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	16	1.36
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	16	1.36
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	18	1.36
(1,216)	1:34:A:ALA:HB1	1:35:A:GLN:HB2	12	1.36
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	18	1.36
(1,28)	1:147:A:SER:HB3	1:156:A:MET:HA	18	1.36
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	14	1.35
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	2	1.35
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	6	1.35
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	7	1.35
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	16	1.35
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG13	2	1.35
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	9	1.35
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	15	1.35
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	15	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG22	6	1.35
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG22	8	1.35
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG11	2	1.35
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG13	3	1.35
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG11	8	1.35
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG11	13	1.35
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	8	1.35
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	13	1.35
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD13	13	1.35
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	6	1.35
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	7	1.35
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	13	1.35
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	1	1.35
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	12	1.35
(1,599)	1:36:A:LEU:HD21	1:33:A:LEU:HD21	1	1.35
(1,599)	1:36:A:LEU:HD21	1:33:A:LEU:HD22	14	1.35
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	8	1.35
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD22	18	1.35
(1,326)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD21	19	1.35
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	9	1.35
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	18	1.35
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	12	1.35
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	1	1.35
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	15	1.35
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	19	1.35
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	17	1.35
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	11	1.34
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	15	1.34
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	7	1.34
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	8	1.34
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	3	1.34
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	6	1.34
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	11	1.34
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	20	1.34
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB3	1:17:A:VAL:HG21	20	1.34
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	12	1.34
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	3	1.34
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	13	1.34
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	18	1.34
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	18	1.34
(1,659)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG22	18	1.34
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	7	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	8	1.34
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	18	1.34
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG21	11	1.34
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD23	5	1.34
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD22	8	1.34
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD12	16	1.34
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	8	1.34
(1,216)	1:34:A:ALA:HB2	1:35:A:GLN:HB2	11	1.34
(1,216)	1:34:A:ALA:HB1	1:35:A:GLN:HB2	20	1.34
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	5	1.34
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	15	1.34
(1,50)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HA	2	1.34
(1,14)	1:64:A:ILE:HG21	1:49:A:LEU:HD12	8	1.34
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG13	1:92:A:ILE:HG13	16	1.33
(1,3278)	1:125:A:HIS:H	1:164:A:THR:HG21	17	1.33
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD12	2	1.33
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	3	1.33
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	4	1.33
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	17	1.33
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	15	1.33
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	17	1.33
(1,2415)	1:165:A:VAL:HG11	1:137:A:THR:H	11	1.33
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	17	1.33
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	14	1.33
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	3	1.33
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	18	1.33
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG13	12	1.33
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	2	1.33
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	15	1.33
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	15	1.33
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	19	1.33
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	20	1.33
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD13	15	1.33
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	16	1.33
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	15	1.33
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	16	1.33
(1,599)	1:36:A:LEU:HD21	1:33:A:LEU:HD22	13	1.33
(1,411)	1:21:A:LEU:HD13	1:41:A:VAL:HG23	17	1.33
(1,326)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD23	6	1.33
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD12	17	1.33
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	1	1.33
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD22	2	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,117)	1:202:A:LEU:HG	1:156:A:MET:HE2	19	1.33
(1,16)	1:53:A:LEU:HB3	1:49:A:LEU:HD11	8	1.33
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	6	1.32
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD11	8	1.32
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	13	1.32
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	5	1.32
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	13	1.32
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	16	1.32
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	2	1.32
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	5	1.32
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG13	15	1.32
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	13	1.32
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD12	12	1.32
(1,659)	1:202:A:LEU:HD23	1:199:A:VAL:HG21	15	1.32
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	11	1.32
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG23	15	1.32
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	14	1.32
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD21	4	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD13	5	1.32
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD11	11	1.32
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	4	1.32
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	8	1.32
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	2	1.31
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	5	1.31
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	19	1.31
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	1	1.31
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	14	1.31
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	3	1.31
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	5	1.31
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	9	1.31
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	4	1.31
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG23	2	1.31
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	17	1.31
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	8	1.31
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	16	1.31
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD11	1:189:A:ILE:HB	12	1.31
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD11	1:189:A:ILE:HB	20	1.31
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	1	1.31
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD12	5	1.31
(1,599)	1:36:A:LEU:HD22	1:33:A:LEU:HD22	10	1.31
(1,599)	1:36:A:LEU:HD21	1:33:A:LEU:HD21	15	1.31
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	10	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,461)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HD11	9	1.31
(1,325)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD12	2	1.31
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD11	7	1.31
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD11	8	1.31
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD12	13	1.31
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	20	1.31
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	5	1.31
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD22	9	1.31
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	12	1.3
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB3	5	1.3
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	7	1.3
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	16	1.3
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	18	1.3
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG22	18	1.3
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG21	19	1.3
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	15	1.3
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	5	1.3
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	11	1.3
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	19	1.3
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	14	1.3
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	14	1.3
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	7	1.3
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	5	1.3
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB3	11	1.3
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG23	4	1.3
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	16	1.3
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG11	7	1.3
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD12	2	1.3
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	13	1.3
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	4	1.3
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	18	1.3
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD12	14	1.3
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	2	1.3
(1,919)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HB3	6	1.3
(1,852)	1:21:A:LEU:HD13	1:30:A:ALA:HB1	20	1.3
(1,835)	1:202:A:LEU:HD21	1:154:A:ALA:HB2	20	1.3
(1,682)	1:161:A:LEU:HD12	1:186:A:LYS:HD3	4	1.3
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	10	1.3
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	17	1.3
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	6	1.3
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	15	1.3
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	3	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	4	1.3
(1,37)	1:115:A:LEU:HD11	1:86:A:LEU:HD11	5	1.3
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	2	1.29
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HB3	10	1.29
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG23	6	1.29
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	4	1.29
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	9	1.29
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	6	1.29
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	18	1.29
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ3	1:40:A:GLU:HG2	13	1.29
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG13	4	1.29
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	8	1.29
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD21	1:3:A:ILE:HD13	13	1.29
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	11	1.29
(1,835)	1:202:A:LEU:HD22	1:154:A:ALA:HB1	16	1.29
(1,682)	1:161:A:LEU:HD12	1:186:A:LYS:HD3	17	1.29
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD12	3	1.29
(1,325)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD11	4	1.29
(1,325)	1:17:A:VAL:HG13	1:19:A:LEU:HD12	6	1.29
(1,325)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD12	19	1.29
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	8	1.29
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	1	1.29
(1,216)	1:34:A:ALA:HB1	1:35:A:GLN:HB2	6	1.29
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	11	1.29
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	13	1.29
(1,86)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HE3	14	1.29
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	2	1.28
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	2	1.28
(1,2839)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG13	7	1.28
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG21	12	1.28
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG23	20	1.28
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	3	1.28
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	10	1.28
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	3	1.28
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	8	1.28
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG11	10	1.28
(1,1729)	1:163:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD22	9	1.28
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	4	1.28
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	2	1.28
(1,659)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG22	14	1.28
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	18	1.28
(1,539)	1:165:A:VAL:HG13	1:184:A:LEU:HG	6	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	1	1.28
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	9	1.28
(1,461)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HD13	12	1.28
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	20	1.28
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	4	1.28
(1,214)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HB3	9	1.28
(1,214)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HB3	14	1.28
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE1	1	1.28
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	5	1.27
(1,3270)	1:106:A:ASN:HD22	1:103:A:TYR:HD2	13	1.27
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG21	10	1.27
(1,2652)	1:72:A:LEU:H	1:73:A:LYS:HE2	10	1.27
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	6	1.27
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	7	1.27
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	5	1.27
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ1	1:40:A:GLU:HG2	8	1.27
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	16	1.27
(1,1703)	1:26:A:TYR:H	1:29:A:GLN:HB3	1	1.27
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	9	1.27
(1,1269)	1:155:A:MET:HA	1:29:A:GLN:HB2	19	1.27
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	11	1.27
(1,919)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HB3	5	1.27
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB2	15	1.27
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	9	1.27
(1,682)	1:161:A:LEU:HD12	1:186:A:LYS:HD3	13	1.27
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG21	12	1.27
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	20	1.27
(1,461)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HD13	19	1.27
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD23	13	1.27
(1,326)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD23	20	1.27
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	3	1.27
(1,239)	1:191:A:ILE:HG12	1:47:A:LEU:HD13	15	1.27
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	8	1.27
(1,214)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HB3	19	1.27
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	1	1.27
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	1	1.26
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB1	3	1.26
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	11	1.26
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	14	1.26
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	16	1.26
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG13	19	1.26
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	6	1.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	8	1.26
(1,1701)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HB2	4	1.26
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB2	3	1.26
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	2	1.26
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG23	11	1.26
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	5	1.26
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD21	1:161:A:LEU:HD13	11	1.26
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG21	15	1.26
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	5	1.26
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD23	5	1.26
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD22	7	1.26
(1,539)	1:165:A:VAL:HG13	1:184:A:LEU:HG	20	1.26
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	9	1.26
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	19	1.26
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	17	1.26
(1,216)	1:34:A:ALA:HB3	1:35:A:GLN:HB2	7	1.26
(1,214)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HB3	3	1.26
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	7	1.26
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	14	1.25
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB2	7	1.25
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	9	1.25
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	13	1.25
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	5	1.25
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	9	1.25
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	6	1.25
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG11	1	1.25
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	11	1.25
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG13	17	1.25
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	4	1.25
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	9	1.25
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	12	1.25
(1,1645)	1:162:A:ILE:HA	1:161:A:LEU:HD21	2	1.25
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	3	1.25
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG22	10	1.25
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD22	19	1.25
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	6	1.25
(1,1006)	1:186:A:LYS:HA	1:161:A:LEU:HD22	9	1.25
(1,919)	1:202:A:LEU:HD12	1:194:A:LYS:HB3	2	1.25
(1,849)	1:147:A:SER:HB2	1:97:A:GLY:HA2	5	1.25
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	12	1.25
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	15	1.25
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	6	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	19	1.25
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	3	1.25
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	5	1.25
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	9	1.25
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	4	1.25
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	14	1.25
(1,37)	1:115:A:LEU:HD11	1:86:A:LEU:HD12	3	1.25
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	14	1.24
(1,3393)	1:83:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB3	6	1.24
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB2	11	1.24
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	12	1.24
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	20	1.24
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	9	1.24
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG13	12	1.24
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD12	3	1.24
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG22	18	1.24
(1,1226)	1:169:A:THR:HG23	1:178:A:LYS:HZ3	16	1.24
(1,1223)	1:169:A:THR:HG21	1:135:A:SER:HB3	20	1.24
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HB2	8	1.24
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HB2	16	1.24
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	16	1.24
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	8	1.24
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	12	1.24
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	14	1.24
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	1	1.24
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	1	1.24
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	10	1.24
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	5	1.24
(1,3393)	1:83:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB2	9	1.23
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	15	1.23
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	19	1.23
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	8	1.23
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	4	1.23
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	7	1.23
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	13	1.23
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	6	1.23
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD13	8	1.23
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	12	1.23
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	13	1.23
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	20	1.23
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD11	6	1.23
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG13	10	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG23	12	1.23
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG22	19	1.23
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	5	1.23
(1,919)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HB3	13	1.23
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	14	1.23
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	11	1.23
(1,659)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG23	4	1.23
(1,570)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG22	5	1.23
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	7	1.23
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE1	5	1.23
(1,16)	1:53:A:LEU:HB3	1:49:A:LEU:HD11	11	1.23
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	15	1.22
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	9	1.22
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	6	1.22
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	8	1.22
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	15	1.22
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	4	1.22
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD13	4	1.22
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	3	1.22
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	13	1.22
(1,1174)	1:34:A:ALA:HB2	1:17:A:VAL:HG23	9	1.22
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD12	10	1.22
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD22	1:161:A:LEU:HD13	4	1.22
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	3	1.22
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	5	1.22
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB2	8	1.22
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	6	1.22
(1,539)	1:165:A:VAL:HG12	1:184:A:LEU:HG	13	1.22
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	17	1.22
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	6	1.22
(1,461)	1:200:A:THR:HG22	1:202:A:LEU:HD11	10	1.22
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	9	1.22
(1,28)	1:147:A:SER:HB3	1:156:A:MET:HA	8	1.22
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:31:A:ILE:HG21	17	1.21
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB1	15	1.21
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB3	19	1.21
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG23	15	1.21
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	11	1.21
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	1	1.21
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	12	1.21
(1,2474)	1:46:A:GLN:H	1:44:A:ASN:HB2	2	1.21
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	9	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG11	19	1.21
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	3	1.21
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	15	1.21
(1,1701)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HB2	20	1.21
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	11	1.21
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HD23	2	1.21
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG22	14	1.21
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	14	1.21
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	9	1.21
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB1	14	1.21
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB1	15	1.21
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB2	3	1.21
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB2	6	1.21
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	18	1.21
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	20	1.21
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	8	1.21
(1,599)	1:36:A:LEU:HD21	1:33:A:LEU:HD21	3	1.21
(1,410)	1:21:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG21	20	1.21
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	14	1.21
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	6	1.21
(1,214)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HB3	10	1.21
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	6	1.2
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HB3	18	1.2
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	20	1.2
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	19	1.2
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	18	1.2
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	19	1.2
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	8	1.2
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	14	1.2
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB1	9	1.2
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HB2	11	1.2
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	14	1.2
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	3	1.2
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD12	1:189:A:ILE:HB	1	1.2
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD13	3	1.2
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB2	2	1.2
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB1	12	1.2
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	13	1.2
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	13	1.2
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	18	1.2
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	5	1.2
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	13	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	13	1.2
(1,119)	1:193:A:VAL:HG23	1:156:A:MET:HE2	7	1.2
(2,864)	1:19:A:LEU:H	1:2:A:SER:HA	20	1.19
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	4	1.19
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	10	1.19
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	18	1.19
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HB3	16	1.19
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	18	1.19
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG13	20	1.19
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	17	1.19
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	1	1.19
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	5	1.19
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG22	15	1.19
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG21	20	1.19
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD12	9	1.19
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB2	17	1.19
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB2	19	1.19
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	10	1.19
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	11	1.19
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	7	1.19
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	14	1.19
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB1	4	1.19
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB1	9	1.19
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	16	1.19
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	17	1.19
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	14	1.19
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG23	5	1.19
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG22	9	1.19
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG21	12	1.19
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD22	19	1.19
(1,539)	1:165:A:VAL:HG12	1:184:A:LEU:HG	7	1.19
(1,461)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HD12	15	1.19
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	11	1.19
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD12	2	1.19
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	5	1.18
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	19	1.18
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD13	20	1.18
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	10	1.18
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	4	1.18
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	3	1.18
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	14	1.18
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	9	1.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	12	1.18
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	8	1.18
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	12	1.18
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	16	1.18
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD11	9	1.18
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	16	1.18
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	14	1.18
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	19	1.18
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	20	1.18
(1,1010)	1:172:A:SER:HB2	1:179:A:ASP:HB2	15	1.18
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB1	19	1.18
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	9	1.18
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	8	1.18
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	9	1.18
(1,539)	1:165:A:VAL:HG13	1:184:A:LEU:HG	18	1.18
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	14	1.18
(1,491)	1:33:A:LEU:HB2	1:60:A:PRO:HG3	17	1.18
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	17	1.18
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	9	1.18
(1,313)	1:98:A:ILE:HB	1:95:A:VAL:HG13	1	1.18
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	11	1.17
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG23	12	1.17
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	16	1.17
(1,3393)	1:83:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB3	4	1.17
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HB3	7	1.17
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG21	11	1.17
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	19	1.17
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	6	1.17
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	5	1.17
(1,1440)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG22	7	1.17
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB1	3	1.17
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	15	1.17
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	20	1.17
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD11	1:189:A:ILE:HB	16	1.17
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB2	19	1.17
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	4	1.17
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	7	1.17
(1,628)	1:61:A:ASP:HB2	1:193:A:VAL:H	12	1.17
(1,341)	1:36:A:LEU:HD11	1:55:A:LYS:HG3	17	1.17
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD23	16	1.17
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	10	1.17
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	2	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	4	1.17
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	14	1.17
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	16	1.17
(1,37)	1:115:A:LEU:HD13	1:86:A:LEU:HD12	12	1.17
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	2	1.16
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	12	1.16
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	20	1.16
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	20	1.16
(1,1789)	1:185:A:GLN:HE22	1:185:A:GLN:HB2	2	1.16
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	17	1.16
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	19	1.16
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	3	1.16
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	11	1.16
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	16	1.16
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	17	1.16
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	19	1.16
(1,1181)	1:83:A:THR:HA	1:72:A:LEU:HD22	20	1.16
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	18	1.16
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	7	1.16
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	15	1.16
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	19	1.16
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	15	1.16
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	10	1.16
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	12	1.16
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	16	1.16
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	7	1.16
(1,248)	1:151:A:GLU:HB2	1:152:A:THR:HB	17	1.16
(2,602)	1:152:A:THR:H	1:197:A:GLN:HE21	10	1.15
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	1	1.15
(1,3284)	1:170:A:ALA:H	1:169:A:THR:HB	20	1.15
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	2	1.15
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG23	9	1.15
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	11	1.15
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	18	1.15
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	3	1.15
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	13	1.15
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	4	1.15
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	5	1.15
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	6	1.15
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	9	1.15
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	13	1.15
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	18	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	6	1.15
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	16	1.15
(1,1042)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:HA	17	1.15
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	9	1.15
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	15	1.15
(1,919)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HB3	11	1.15
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	13	1.15
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB1	11	1.15
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	4	1.15
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	15	1.15
(1,682)	1:161:A:LEU:HD12	1:186:A:LYS:HD3	15	1.15
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	2	1.15
(1,539)	1:165:A:VAL:HG12	1:184:A:LEU:HG	14	1.15
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	15	1.15
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	2	1.15
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	11	1.15
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	10	1.14
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	4	1.14
(1,3533)	1:155:A:MET:H	1:155:A:MET:HG2	19	1.14
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	20	1.14
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HB3	12	1.14
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	13	1.14
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	9	1.14
(1,2511)	1:127:A:ASN:H	1:137:A:THR:HA	17	1.14
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	1	1.14
(1,1867)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:HB3	19	1.14
(1,1825)	1:192:A:GLY:H	1:193:A:VAL:HG22	5	1.14
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG11	1:193:A:VAL:HG22	5	1.14
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	1	1.14
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	2	1.14
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	8	1.14
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	10	1.14
(1,1405)	1:77:A:SER:HB2	1:78:A:THR:HA	12	1.14
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	9	1.14
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	11	1.14
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	1	1.14
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	7	1.14
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB3	10	1.14
(1,461)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HD11	4	1.14
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	1	1.14
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	3	1.14
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	11	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	7	1.14
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	8	1.13
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	9	1.13
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	18	1.13
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	11	1.13
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	20	1.13
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	11	1.13
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	11	1.13
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HB3	2	1.13
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB2	12	1.13
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG11	5	1.13
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	1	1.13
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG12	9	1.13
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	5	1.13
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	2	1.13
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	14	1.13
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	3	1.13
(1,1653)	1:147:A:SER:HB3	1:158:A:ALA:HB2	18	1.13
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	7	1.13
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG12	5	1.13
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	6	1.13
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	12	1.13
(1,863)	1:193:A:VAL:HG22	1:33:A:LEU:HD11	11	1.13
(1,830)	1:62:A:LEU:HB2	1:63:A:ALA:HB1	5	1.13
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG22	7	1.13
(1,539)	1:165:A:VAL:HG12	1:184:A:LEU:HG	4	1.13
(1,539)	1:165:A:VAL:HG13	1:184:A:LEU:HG	19	1.13
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	3	1.13
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	19	1.13
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD22	18	1.13
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	5	1.12
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	10	1.12
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	10	1.12
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	3	1.12
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	17	1.12
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	15	1.12
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	5	1.12
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG13	10	1.12
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	6	1.12
(1,1867)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:HB3	14	1.12
(1,1701)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HB2	13	1.12
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	17	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB1	12	1.12
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB2	4	1.12
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	6	1.11
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	17	1.11
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	12	1.11
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	1	1.11
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	9	1.11
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	17	1.11
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB3	6	1.11
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD13	17	1.11
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	3	1.11
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	2	1.11
(1,2565)	1:168:A:ASN:HD22	1:135:A:SER:HA	4	1.11
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	2	1.11
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG13	18	1.11
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	9	1.11
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	13	1.11
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	17	1.11
(1,1867)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:HB3	3	1.11
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	4	1.11
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	9	1.11
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG22	1:182:A:LEU:HD12	16	1.11
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	3	1.11
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	4	1.11
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD11	2	1.11
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	2	1.11
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	10	1.11
(1,961)	1:111:A:ALA:HB1	1:107:A:ILE:HG22	17	1.11
(1,682)	1:161:A:LEU:HD11	1:186:A:LYS:HD3	8	1.11
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG21	4	1.11
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	14	1.11
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD22	15	1.11
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	12	1.11
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	15	1.11
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	1	1.11
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	8	1.11
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	8	1.11
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	12	1.11
(1,28)	1:147:A:SER:HB3	1:156:A:MET:HA	15	1.11
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	16	1.1
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	2	1.1
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	1	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HB3	17	1.1
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	9	1.1
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG23	17	1.1
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	6	1.1
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG13	13	1.1
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG11	16	1.1
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG11	20	1.1
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	13	1.1
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	16	1.1
(1,2229)	1:51:A:LYS:HZ3	1:40:A:GLU:HG2	9	1.1
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	7	1.1
(1,1867)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:HB3	10	1.1
(1,1818)	1:179:A:ASP:H	1:177:A:THR:HG22	11	1.1
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD13	3	1.1
(1,1183)	1:73:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD22	13	1.1
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	11	1.1
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	8	1.1
(1,961)	1:111:A:ALA:HB1	1:107:A:ILE:HG23	19	1.1
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB1	1	1.1
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG21	11	1.1
(1,623)	1:74:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD22	16	1.1
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB1	2	1.1
(1,539)	1:165:A:VAL:HG12	1:184:A:LEU:HG	5	1.1
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	8	1.1
(1,325)	1:17:A:VAL:HG12	1:19:A:LEU:HD12	20	1.1
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	6	1.1
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	18	1.1
(1,119)	1:193:A:VAL:HG23	1:156:A:MET:HE3	8	1.1
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	6	1.1
(1,51)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB3	2	1.1
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	13	1.09
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	5	1.09
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	19	1.09
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	4	1.09
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	11	1.09
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	2	1.09
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	7	1.09
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HB3	1	1.09
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	16	1.09
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	11	1.09
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG13	4	1.09
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG13	5	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG13	11	1.09
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	3	1.09
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	15	1.09
(1,1867)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:HB3	9	1.09
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD13	5	1.09
(1,1701)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HB2	18	1.09
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	12	1.09
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HD2	20	1.09
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB3	4	1.09
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ1	11	1.09
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HB2	9	1.09
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	9	1.09
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD11	1:189:A:ILE:HB	7	1.09
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	18	1.09
(1,781)	1:21:A:LEU:HA	1:22:A:GLU:HG2	19	1.09
(1,564)	1:33:A:LEU:HD13	1:157:A:ALA:HB2	15	1.09
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	15	1.09
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	2	1.09
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	16	1.09
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	5	1.09
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	6	1.09
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	15	1.09
(1,214)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HB3	18	1.09
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	10	1.09
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	2	1.09
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	13	1.09
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	16	1.09
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	20	1.09
(1,40)	1:115:A:LEU:HD11	1:82:A:LEU:HD23	17	1.09
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	8	1.08
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	16	1.08
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	19	1.08
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	18	1.08
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	19	1.08
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	1	1.08
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	5	1.08
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	8	1.08
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	18	1.08
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	5	1.08
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	7	1.08
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD13	2	1.08
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD11	1:79:A:LEU:HB3	17	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB3	18	1.08
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	8	1.08
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG21	7	1.08
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	15	1.08
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	13	1.08
(1,1786)	1:168:A:ASN:H	1:168:A:ASN:HD22	2	1.08
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	4	1.08
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	10	1.08
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG23	1:182:A:LEU:HD13	15	1.08
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD13	1	1.08
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HB2	1	1.08
(1,1094)	1:60:A:PRO:HB3	1:32:A:GLN:HB2	17	1.08
(1,919)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HB3	8	1.08
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	7	1.08
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD22	9	1.08
(1,461)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HD13	7	1.08
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	10	1.08
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	4	1.08
(1,376)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HG3	2	1.08
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	4	1.08
(1,326)	1:17:A:VAL:HG11	1:19:A:LEU:HD22	11	1.08
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	12	1.08
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	1	1.08
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	4	1.08
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	5	1.08
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	15	1.08
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	12	1.07
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	16	1.07
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	15	1.07
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	13	1.07
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB2	2	1.07
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG13	1:13:A:LEU:HB2	19	1.07
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	3	1.07
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB3	8	1.07
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	4	1.07
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	6	1.07
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	16	1.07
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG21	15	1.07
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	20	1.07
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	10	1.07
(1,1701)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HB2	6	1.07
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD13	1:156:A:MET:H	1	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ1	12	1.07
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD13	16	1.07
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD13	18	1.07
(1,1143)	1:82:A:LEU:HD22	1:75:A:SER:HB3	14	1.07
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	20	1.07
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD12	1:189:A:ILE:HB	10	1.07
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG22	7	1.07
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	18	1.07
(1,40)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HD23	19	1.07
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	14	1.06
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	17	1.06
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	3	1.06
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	4	1.06
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG23	13	1.06
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	20	1.06
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG11	1:92:A:ILE:HG13	18	1.06
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB2	14	1.06
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG22	11	1.06
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	10	1.06
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	16	1.06
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	17	1.06
(1,2361)	1:49:A:LEU:HD22	1:48:A:ASP:H	8	1.06
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG23	5	1.06
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG11	20	1.06
(1,1999)	1:193:A:VAL:H	1:202:A:LEU:HD13	8	1.06
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	14	1.06
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	6	1.06
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	1	1.06
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD23	1:3:A:ILE:HD11	2	1.06
(1,1183)	1:73:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD23	20	1.06
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	1	1.06
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	1	1.06
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG22	2	1.06
(1,599)	1:36:A:LEU:HD22	1:33:A:LEU:HD22	8	1.06
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	9	1.06
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG21	15	1.06
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	6	1.06
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	19	1.06
(2,602)	1:152:A:THR:H	1:197:A:GLN:HE21	9	1.05
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	2	1.05
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	6	1.05
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	9	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	4	1.05
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	14	1.05
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	16	1.05
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG23	8	1.05
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG22	18	1.05
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD12	5	1.05
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	17	1.05
(1,2828)	1:103:A:TYR:H	1:101:A:ASP:HB3	6	1.05
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG13	15	1.05
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG13	18	1.05
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	19	1.05
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	11	1.05
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG23	4	1.05
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG21	15	1.05
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG22	16	1.05
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG11	14	1.05
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	19	1.05
(1,1645)	1:162:A:ILE:HA	1:161:A:LEU:HD22	5	1.05
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ2	10	1.05
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	7	1.05
(1,599)	1:36:A:LEU:HD21	1:33:A:LEU:HD22	4	1.05
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	20	1.05
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	9	1.05
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	10	1.05
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	20	1.05
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	5	1.05
(1,256)	1:55:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG3	10	1.05
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	16	1.05
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	6	1.04
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	13	1.04
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	3	1.04
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	8	1.04
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	12	1.04
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	13	1.04
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	16	1.04
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	2	1.04
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	17	1.04
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	19	1.04
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB2	18	1.04
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	13	1.04
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB1	10	1.04
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG22	18	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	1	1.04
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	7	1.04
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	17	1.04
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	9	1.04
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG22	3	1.04
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG23	13	1.04
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG12	6	1.04
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG13	16	1.04
(1,1645)	1:162:A:ILE:HA	1:161:A:LEU:HD22	9	1.04
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	15	1.04
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG22	1	1.04
(1,1226)	1:169:A:THR:HG21	1:178:A:LYS:HZ2	13	1.04
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	2	1.04
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	14	1.04
(1,599)	1:36:A:LEU:HD22	1:33:A:LEU:HD23	17	1.04
(1,570)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG23	1	1.04
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	7	1.04
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	16	1.04
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	19	1.04
(1,103)	1:10:A:GLY:HA3	1:6:A:TYR:HA	14	1.04
(1,15)	1:49:A:LEU:HD22	1:64:A:ILE:HG23	20	1.04
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	1	1.03
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	3	1.03
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	1	1.03
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	14	1.03
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	13	1.03
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	8	1.03
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD12	11	1.03
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD13	12	1.03
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	12	1.03
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG21	1	1.03
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG23	6	1.03
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG22	19	1.03
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	10	1.03
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG21	2	1.03
(1,1867)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:HB3	17	1.03
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD13	1:156:A:MET:H	19	1.03
(1,1226)	1:169:A:THR:HG23	1:178:A:LYS:HZ2	8	1.03
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	18	1.03
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD11	1:36:A:LEU:HB3	17	1.03
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	12	1.03
(1,781)	1:21:A:LEU:HA	1:22:A:GLU:HG2	10	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	20	1.03
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	10	1.03
(1,659)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG23	1	1.03
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	19	1.03
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	9	1.03
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	13	1.03
(1,376)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HG3	4	1.03
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	11	1.03
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	17	1.03
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	18	1.03
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	16	1.02
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	20	1.02
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	15	1.02
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	7	1.02
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	15	1.02
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	3	1.02
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	7	1.02
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD11	15	1.02
(1,3409)	1:178:A:LYS:HB2	1:169:A:THR:HG22	6	1.02
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	3	1.02
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	5	1.02
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG21	12	1.02
(1,2028)	1:199:A:VAL:H	1:199:A:VAL:HG12	13	1.02
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	4	1.02
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD12	11	1.02
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HB2	2	1.02
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG23	18	1.02
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD13	1:189:A:ILE:HB	11	1.02
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	8	1.02
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD12	20	1.02
(1,713)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB2	9	1.02
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	17	1.02
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG21	6	1.02
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	1	1.02
(1,118)	1:202:A:LEU:HD22	1:156:A:MET:HE1	5	1.02
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB1	6	1.02
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	7	1.01
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	17	1.01
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	6	1.01
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	18	1.01
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	15	1.01
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	7	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	12	1.01
(1,3344)	1:95:A:VAL:HG21	1:92:A:ILE:HG13	1	1.01
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG22	1	1.01
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG23	9	1.01
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG22	10	1.01
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG23	13	1.01
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	3	1.01
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	2	1.01
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	2	1.01
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	18	1.01
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	20	1.01
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG22	8	1.01
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG21	20	1.01
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG13	4	1.01
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD12	6	1.01
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	15	1.01
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	1	1.01
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB3	2	1.01
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD21	1:67:A:THR:HG23	4	1.01
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	3	1.01
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	10	1.01
(1,849)	1:147:A:SER:HB2	1:97:A:GLY:HA2	8	1.01
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG22	8	1.01
(1,599)	1:36:A:LEU:HD23	1:33:A:LEU:HD21	16	1.01
(1,527)	1:123:A:TRP:HA	1:164:A:THR:HG22	17	1.01
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	16	1.01
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB1	13	1.01
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	10	1.0
(2,94)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HA	11	1.0
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	8	1.0
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	12	1.0
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG23	2	1.0
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	16	1.0
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB2	11	1.0
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	20	1.0
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG13	1:92:A:ILE:HG13	7	1.0
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB3	13	1.0
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB3	20	1.0
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG21	2	1.0
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG23	14	1.0
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG22	3	1.0
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	7	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	3	1.0
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	1	1.0
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG21	18	1.0
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG21	17	1.0
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD11	20	1.0
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	6	1.0
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB3	8	1.0
(1,1223)	1:169:A:THR:HG23	1:135:A:SER:HB3	13	1.0
(1,1143)	1:82:A:LEU:HD23	1:75:A:SER:HB3	15	1.0
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD23	1:67:A:THR:HG23	8	1.0
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB3	2	1.0
(1,855)	1:33:A:LEU:HD21	1:30:A:ALA:HB2	11	1.0
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB2	13	1.0
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG21	20	1.0
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB1	5	1.0
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	1	1.0
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	13	1.0
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	14	1.0
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	3	1.0
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD22	8	1.0
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	2	1.0
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	6	1.0
(1,118)	1:202:A:LEU:HD23	1:156:A:MET:HE2	11	1.0
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	7	0.99
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	10	0.99
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	7	0.99
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	9	0.99
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	18	0.99
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG13	1:92:A:ILE:HG13	9	0.99
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	9	0.99
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG23	6	0.99
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG21	17	0.99
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG22	19	0.99
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	15	0.99
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	9	0.99
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG23	4	0.99
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	4	0.99
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG12	11	0.99
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG13	14	0.99
(1,2511)	1:127:A:ASN:H	1:137:A:THR:HA	1	0.99
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	6	0.99
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	3	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG21	2	0.99
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG22	9	0.99
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG22	11	0.99
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG12	7	0.99
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	17	0.99
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	19	0.99
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	11	0.99
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	18	0.99
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	5	0.99
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD12	1:156:A:MET:H	5	0.99
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG21	1:9:A:ASP:H	20	0.99
(1,1395)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD13	1	0.99
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:VAL:HG21	18	0.99
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD13	1:189:A:ILE:HB	13	0.99
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD13	1:189:A:ILE:HB	15	0.99
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	11	0.99
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	20	0.99
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	17	0.99
(1,713)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB2	8	0.99
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG21	4	0.99
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG21	5	0.99
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG22	18	0.99
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD21	4	0.99
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	20	0.99
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	20	0.99
(1,85)	1:70:A:MET:HE3	1:72:A:LEU:HD22	8	0.99
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	2	0.99
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	12	0.98
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	13	0.98
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	16	0.98
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	1	0.98
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB1	9	0.98
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG21	3	0.98
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	13	0.98
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	7	0.98
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	10	0.98
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	11	0.98
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD11	16	0.98
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD13	10	0.98
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD11	17	0.98
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD13	7	0.98
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG11	1:15:A:TYR:HD2	15	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	4	0.98
(1,599)	1:36:A:LEU:HD21	1:33:A:LEU:HD22	18	0.98
(1,564)	1:33:A:LEU:HD13	1:157:A:ALA:HB1	8	0.98
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	4	0.98
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	4	0.98
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG22	14	0.98
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	3	0.98
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD22	1	0.98
(1,271)	1:170:A:ALA:HB3	1:177:A:THR:HG23	16	0.98
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	15	0.97
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	14	0.97
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB2	1:133:A:GLY:HA2	8	0.97
(1,3344)	1:95:A:VAL:HG23	1:92:A:ILE:HG13	5	0.97
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB2	4	0.97
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG21	20	0.97
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	12	0.97
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	15	0.97
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG23	5	0.97
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG21	14	0.97
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG11	2	0.97
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG13	3	0.97
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	8	0.97
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	4	0.97
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	20	0.97
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD11	17	0.97
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD13	13	0.97
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	19	0.97
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	12	0.97
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG22	16	0.97
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD11	1	0.97
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG22	13	0.97
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	1	0.97
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	12	0.97
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD12	18	0.97
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	7	0.97
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	14	0.97
(1,855)	1:33:A:LEU:HD21	1:30:A:ALA:HB1	5	0.97
(1,781)	1:21:A:LEU:HA	1:22:A:GLU:HG2	12	0.97
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG22	7	0.97
(1,462)	1:202:A:LEU:HD23	1:200:A:THR:HG21	15	0.97
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	8	0.97
(1,337)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB2	12	0.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	5	0.97
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	6	0.97
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD21	19	0.97
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	9	0.96
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	14	0.96
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	2	0.96
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD12	1	0.96
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG23	12	0.96
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	19	0.96
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	6	0.96
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	18	0.96
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	8	0.96
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG23	10	0.96
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	7	0.96
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	19	0.96
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	3	0.96
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	13	0.96
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD13	19	0.96
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD13	1:156:A:MET:H	10	0.96
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG22	1:9:A:ASP:H	4	0.96
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:SER:HB3	1	0.96
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:SER:HB3	13	0.96
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:VAL:HG23	1	0.96
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD12	15	0.96
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	15	0.96
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	16	0.96
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG22	15	0.96
(1,560)	1:170:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG23	20	0.96
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG21	4	0.96
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	12	0.96
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	16	0.96
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	18	0.96
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG21	2	0.96
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	3	0.96
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	13	0.96
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	17	0.95
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	15	0.95
(2,90)	1:2:A:SER:HB3	1:19:A:LEU:H	5	0.95
(1,3393)	1:83:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB2	8	0.95
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG11	1:92:A:ILE:HG13	4	0.95
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	8	0.95
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG23	2	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	5	0.95
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	9	0.95
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	16	0.95
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG12	8	0.95
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	1	0.95
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD11	18	0.95
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:SER:HB3	12	0.95
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB1	6	0.95
(1,1143)	1:82:A:LEU:HD23	1:75:A:SER:HB3	1	0.95
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD21	1:67:A:THR:HG22	12	0.95
(1,1095)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	6	0.95
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB3	1:80:A:SER:HB2	15	0.95
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	2	0.95
(1,462)	1:202:A:LEU:HD23	1:200:A:THR:HG21	7	0.95
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	8	0.95
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	17	0.95
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	9	0.94
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	10	0.94
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB3	1:133:A:GLY:HA2	17	0.94
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD13	11	0.94
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	8	0.94
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	13	0.94
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	13	0.94
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	18	0.94
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	4	0.94
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	8	0.94
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	14	0.94
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	17	0.94
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	19	0.94
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	11	0.94
(1,1645)	1:162:A:ILE:HA	1:161:A:LEU:HD21	19	0.94
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:SER:HB3	7	0.94
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:SER:HB3	20	0.94
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD13	16	0.94
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:VAL:HG23	20	0.94
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	10	0.94
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	13	0.94
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD23	1:67:A:THR:HG21	11	0.94
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD12	1:189:A:ILE:HB	14	0.94
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD21	1:161:A:LEU:HD12	20	0.94
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	9	0.94
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB1	20	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,781)	1:21:A:LEU:HA	1:22:A:GLU:HG2	13	0.94
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD12	10	0.94
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	17	0.94
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	13	0.94
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG21	3	0.94
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG21	9	0.94
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG21	14	0.94
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG23	14	0.94
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD11	3	0.94
(1,341)	1:36:A:LEU:HD13	1:55:A:LYS:HG3	9	0.94
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD21	10	0.94
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	16	0.94
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	13	0.94
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	15	0.93
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB3	1:133:A:GLY:HA2	5	0.93
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD13	17	0.93
(1,3353)	1:40:A:GLU:HG2	1:51:A:LYS:HD3	16	0.93
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG23	5	0.93
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	19	0.93
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	13	0.93
(1,2838)	1:96:A:LEU:H	1:199:A:VAL:HG21	13	0.93
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG13	12	0.93
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	20	0.93
(1,2483)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HG	2	0.93
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	6	0.93
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	15	0.93
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG23	14	0.93
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG13	13	0.93
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	12	0.93
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	5	0.93
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	8	0.93
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	5	0.93
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD11	1:156:A:MET:H	4	0.93
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD22	1:191:A:ILE:HG21	11	0.93
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD12	13	0.93
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD11	20	0.93
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	15	0.93
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD13	1:189:A:ILE:HB	17	0.93
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB3	1:80:A:SER:HB2	10	0.93
(1,961)	1:111:A:ALA:HB1	1:107:A:ILE:HG22	18	0.93
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	19	0.93
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	6	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	9	0.93
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	11	0.93
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	10	0.93
(1,713)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB2	15	0.93
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG23	2	0.93
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	6	0.93
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	9	0.93
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	12	0.93
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB3	14	0.93
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE2	19	0.93
(1,118)	1:202:A:LEU:HD23	1:156:A:MET:HE3	13	0.93
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB1	18	0.93
(2,749)	1:2:A:SER:H	1:18:A:PHE:HB3	17	0.92
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	13	0.92
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	15	0.92
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	11	0.92
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	19	0.92
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD22	10	0.92
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	19	0.92
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB3	1:133:A:GLY:HA2	14	0.92
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD13	19	0.92
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG13	1:92:A:ILE:HG13	10	0.92
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG13	1:92:A:ILE:HG13	20	0.92
(1,3023)	1:23:A:ASN:HD21	1:25:A:HIS:HA	20	0.92
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	5	0.92
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	3	0.92
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG23	5	0.92
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	3	0.92
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	11	0.92
(1,2431)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HB2	13	0.92
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	7	0.92
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	4	0.92
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	1	0.92
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	18	0.92
(1,1825)	1:192:A:GLY:H	1:193:A:VAL:HG22	1	0.92
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD11	6	0.92
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD12	1:156:A:MET:H	16	0.92
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG22	1:9:A:ASP:H	19	0.92
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ2	6	0.92
(1,1143)	1:82:A:LEU:HD23	1:75:A:SER:HB3	7	0.92
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD21	1:67:A:THR:HG23	5	0.92
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG21	10	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD13	1:189:A:ILE:HB	18	0.92
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG21	1	0.92
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG22	8	0.92
(1,713)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB2	4	0.92
(1,599)	1:36:A:LEU:HD22	1:33:A:LEU:HD21	6	0.92
(1,470)	1:146:A:VAL:HG23	1:155:A:MET:HE3	10	0.92
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD11	7	0.92
(1,397)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD3	17	0.92
(1,315)	1:143:A:LEU:HA	1:21:A:LEU:HB3	18	0.92
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	1	0.92
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	3	0.92
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	6	0.92
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB3	10	0.92
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	16	0.92
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB2	2	0.92
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	2	0.92
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG21	6	0.92
(2,602)	1:152:A:THR:H	1:197:A:GLN:HE21	15	0.91
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	4	0.91
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	6	0.91
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	9	0.91
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	4	0.91
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	10	0.91
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD12	13	0.91
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD22	17	0.91
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB2	4	0.91
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB2	9	0.91
(1,3393)	1:83:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB2	11	0.91
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	14	0.91
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG21	7	0.91
(1,3178)	1:165:A:VAL:H	1:166:A:THR:HG22	16	0.91
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	19	0.91
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG21	1	0.91
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	5	0.91
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	17	0.91
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	17	0.91
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	6	0.91
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	18	0.91
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	17	0.91
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD13	4	0.91
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD11	9	0.91
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD11	11	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG21	1:9:A:ASP:H	5	0.91
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:SER:HB3	2	0.91
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB2	12	0.91
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HB2	13	0.91
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	8	0.91
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB3	1:80:A:SER:HB2	17	0.91
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD11	4	0.91
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD12	14	0.91
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG23	12	0.91
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	7	0.91
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	9	0.91
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG21	13	0.91
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG22	8	0.91
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB1	19	0.91
(1,15)	1:49:A:LEU:HD21	1:64:A:ILE:HG21	2	0.91
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	4	0.9
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	3	0.9
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	11	0.9
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	19	0.9
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	14	0.9
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	8	0.9
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG22	3	0.9
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB3	1:133:A:GLY:HA2	19	0.9
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	14	0.9
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	13	0.9
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	14	0.9
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	18	0.9
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	7	0.9
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	17	0.9
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	18	0.9
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG23	16	0.9
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	15	0.9
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	5	0.9
(1,2304)	1:16:A:GLN:H	1:17:A:VAL:HG23	17	0.9
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	1	0.9
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD11	3	0.9
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD11	1:156:A:MET:H	3	0.9
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD11	1:156:A:MET:H	6	0.9
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD13	1:156:A:MET:H	9	0.9
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG23	6	0.9
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:SER:HB3	11	0.9
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG21	1:147:A:SER:HB3	14	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:SER:HB3	16	0.9
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD11	10	0.9
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD12	11	0.9
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD12	17	0.9
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB2	5	0.9
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	11	0.9
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	13	0.9
(1,796)	1:107:A:ILE:HD11	1:107:A:ILE:HA	6	0.9
(1,781)	1:21:A:LEU:HA	1:22:A:GLU:HG2	18	0.9
(1,564)	1:33:A:LEU:HD13	1:157:A:ALA:HB2	7	0.9
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB1	12	0.9
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB2	13	0.9
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	19	0.9
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG21	1	0.9
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG23	3	0.9
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB1	5	0.9
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	7	0.9
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB1	16	0.9
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	20	0.9
(1,118)	1:202:A:LEU:HD23	1:156:A:MET:HE1	6	0.9
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	9	0.9
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	6	0.89
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	5	0.89
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	16	0.89
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	18	0.89
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	19	0.89
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	19	0.89
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD23	18	0.89
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD12	13	0.89
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG12	1:92:A:ILE:HG12	8	0.89
(1,3023)	1:23:A:ASN:HD21	1:25:A:HIS:HA	6	0.89
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	11	0.89
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	20	0.89
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	18	0.89
(1,2517)	1:156:A:MET:H	1:155:A:MET:HE3	10	0.89
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	8	0.89
(1,1998)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HB2	19	0.89
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG22	16	0.89
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD13	14	0.89
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	9	0.89
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	19	0.89
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG21	17	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	18	0.89
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD13	12	0.89
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG22	1:9:A:ASP:H	16	0.89
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:SER:HB3	6	0.89
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:SER:HB3	9	0.89
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:SER:HB3	17	0.89
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ2	19	0.89
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD13	12	0.89
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD23	18	0.89
(1,1143)	1:82:A:LEU:HD21	1:75:A:SER:HB3	8	0.89
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD12	17	0.89
(1,796)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HA	1	0.89
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD12	4	0.89
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	14	0.89
(1,564)	1:33:A:LEU:HD13	1:157:A:ALA:HB1	14	0.89
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB1	20	0.89
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG22	3	0.89
(1,451)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG22	12	0.89
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	11	0.89
(1,397)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD3	18	0.89
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB3	4	0.89
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	18	0.89
(1,140)	1:142:A:SER:HB2	1:141:A:TYR:HD2	14	0.89
(2,602)	1:152:A:THR:H	1:197:A:GLN:HE21	14	0.88
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD13	5	0.88
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	6	0.88
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG13	1:13:A:LEU:HB2	14	0.88
(1,3335)	1:200:A:THR:HG22	1:198:A:VAL:HG23	8	0.88
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	19	0.88
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD13	2	0.88
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	1	0.88
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	15	0.88
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	20	0.88
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	7	0.88
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	10	0.88
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	10	0.88
(1,2756)	1:45:A:GLY:H	1:41:A:VAL:HG13	2	0.88
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	10	0.88
(1,2486)	1:168:A:ASN:HD22	1:129:A:GLN:HE21	17	0.88
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	12	0.88
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	19	0.88
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	12	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	9	0.88
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	10	0.88
(1,1818)	1:179:A:ASP:H	1:177:A:THR:HG21	17	0.88
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	13	0.88
(1,1645)	1:162:A:ILE:HA	1:161:A:LEU:HD22	3	0.88
(1,1469)	1:133:A:GLY:HA3	1:170:A:ALA:H	20	0.88
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG22	1:9:A:ASP:H	10	0.88
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD12	18	0.88
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB3	16	0.88
(1,1128)	1:51:A:LYS:HB2	1:40:A:GLU:HG2	16	0.88
(1,1046)	1:187:A:GLU:HA	1:161:A:LEU:HD12	2	0.88
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD11	10	0.88
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD11	14	0.88
(1,863)	1:193:A:VAL:HG22	1:33:A:LEU:HD11	12	0.88
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB1	3	0.88
(1,796)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HA	4	0.88
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD12	12	0.88
(1,713)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB2	14	0.88
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG23	4	0.88
(1,462)	1:202:A:LEU:HD23	1:200:A:THR:HG21	18	0.88
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD21	19	0.88
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	6	0.88
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG22	7	0.88
(1,15)	1:49:A:LEU:HD22	1:64:A:ILE:HG22	12	0.88
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG21	16	0.88
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG23	19	0.88
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	3	0.87
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB3	1:133:A:GLY:HA2	9	0.87
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	11	0.87
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD22	8	0.87
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	7	0.87
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	12	0.87
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	14	0.87
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	17	0.87
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	16	0.87
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	6	0.87
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	15	0.87
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	3	0.87
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	13	0.87
(1,1825)	1:192:A:GLY:H	1:193:A:VAL:HG22	19	0.87
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	3	0.87
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	7	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	10	0.87
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	16	0.87
(1,1438)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG11	19	0.87
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD11	12	0.87
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB2	10	0.87
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG22	1	0.87
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD21	1:67:A:THR:HG23	9	0.87
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB2	1:80:A:SER:HB2	6	0.87
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD13	16	0.87
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD12	6	0.87
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD12	11	0.87
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB2	7	0.87
(1,467)	1:200:A:THR:HG21	1:151:A:GLU:HB2	19	0.87
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD11	18	0.87
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	10	0.87
(1,341)	1:36:A:LEU:HD12	1:55:A:LYS:HG3	10	0.87
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	5	0.87
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	11	0.87
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	19	0.87
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	3	0.87
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	4	0.87
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	19	0.87
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB1	20	0.87
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	8	0.86
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	18	0.86
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	8	0.86
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD21	14	0.86
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB3	1:133:A:GLY:HA2	10	0.86
(1,3393)	1:83:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB2	3	0.86
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	17	0.86
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	3	0.86
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	17	0.86
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	18	0.86
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	2	0.86
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	5	0.86
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG21	3	0.86
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG22	10	0.86
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG11	1	0.86
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	6	0.86
(1,2361)	1:49:A:LEU:HD21	1:48:A:ASP:H	11	0.86
(1,2341)	1:169:A:THR:HG22	1:133:A:GLY:H	8	0.86
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	17	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	18	0.86
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	6	0.86
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	9	0.86
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	16	0.86
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG21	13	0.86
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD11	8	0.86
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	16	0.86
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	8	0.86
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD12	1:156:A:MET:H	8	0.86
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD12	4	0.86
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD21	1:67:A:THR:HG23	14	0.86
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB2	1:80:A:SER:HB2	20	0.86
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	13	0.86
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD12	18	0.86
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD13	13	0.86
(1,863)	1:193:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD12	15	0.86
(1,657)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG21	4	0.86
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD22	20	0.86
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG21	12	0.86
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	15	0.86
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	17	0.86
(1,397)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD3	11	0.86
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	20	0.86
(1,341)	1:36:A:LEU:HD13	1:55:A:LYS:HG3	8	0.86
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD22	17	0.86
(1,271)	1:170:A:ALA:HB2	1:177:A:THR:HG22	8	0.86
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB2	9	0.86
(1,118)	1:202:A:LEU:HD23	1:156:A:MET:HE1	19	0.86
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	8	0.86
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	4	0.85
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD11	11	0.85
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD12	13	0.85
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	10	0.85
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	16	0.85
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG22	20	0.85
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	3	0.85
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	15	0.85
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	2	0.85
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	4	0.85
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	8	0.85
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	19	0.85
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	5	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD11	4	0.85
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	6	0.85
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	4	0.85
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	10	0.85
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	11	0.85
(1,1595)	1:17:A:VAL:HB	1:13:A:LEU:HD13	14	0.85
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	2	0.85
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG22	1:9:A:ASP:H	17	0.85
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB2	11	0.85
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HB2	15	0.85
(1,1046)	1:187:A:GLU:HA	1:161:A:LEU:HD13	5	0.85
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD13	1:159:A:GLY:HA3	18	0.85
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB3	1:80:A:SER:HB2	11	0.85
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	17	0.85
(1,970)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG13	4	0.85
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD12	9	0.85
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD11	19	0.85
(1,796)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HA	20	0.85
(1,714)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB3	16	0.85
(1,657)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG22	10	0.85
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG22	6	0.85
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG23	20	0.85
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB2	19	0.85
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	5	0.85
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD12	13	0.85
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	16	0.85
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD11	20	0.85
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	15	0.85
(1,271)	1:170:A:ALA:HB2	1:177:A:THR:HG21	4	0.85
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	5	0.84
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	20	0.84
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD11	14	0.84
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB2	6	0.84
(1,3403)	1:134:A:HIS:HB3	1:133:A:GLY:HA2	6	0.84
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	5	0.84
(1,3023)	1:23:A:ASN:HD21	1:25:A:HIS:HA	18	0.84
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	2	0.84
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	4	0.84
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	8	0.84
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	10	0.84
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	8	0.84
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	11	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	16	0.84
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	6	0.84
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	4	0.84
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG23	13	0.84
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	19	0.84
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	2	0.84
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	7	0.84
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD13	5	0.84
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	15	0.84
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	2	0.84
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	7	0.84
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	17	0.84
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD11	6	0.84
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD13	1:46:A:GLN:HB2	2	0.84
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD13	1:189:A:ILE:HB	4	0.84
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB1	1:80:A:SER:HB2	18	0.84
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG23	13	0.84
(1,921)	1:202:A:LEU:HD12	1:194:A:LYS:HB2	17	0.84
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB3	9	0.84
(1,796)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HA	13	0.84
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG22	6	0.84
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG21	14	0.84
(1,656)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG12	13	0.84
(1,627)	1:82:A:LEU:HB3	1:74:A:LYS:HB3	16	0.84
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG21	13	0.84
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB2	3	0.84
(1,547)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HD13	11	0.84
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG22	9	0.84
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD11	6	0.84
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	7	0.84
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	10	0.84
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	13	0.84
(1,341)	1:36:A:LEU:HD12	1:55:A:LYS:HG3	1	0.84
(1,271)	1:170:A:ALA:HB2	1:177:A:THR:HG22	13	0.84
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB3	2	0.84
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	9	0.84
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	7	0.83
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	14	0.83
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD12	3	0.83
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	3	0.83
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD23	11	0.83
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB3	16	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3023)	1:23:A:ASN:HD21	1:25:A:HIS:HA	16	0.83
(1,2972)	1:129:A:GLN:HE21	1:168:A:ASN:HB2	1	0.83
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	16	0.83
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	13	0.83
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG23	4	0.83
(1,2436)	1:77:A:SER:HB2	1:75:A:SER:H	1	0.83
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG22	10	0.83
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	20	0.83
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG23	20	0.83
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	13	0.83
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	15	0.83
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD11	1	0.83
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	14	0.83
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	9	0.83
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD12	8	0.83
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	18	0.83
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG23	1:147:A:SER:HB3	10	0.83
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD11	8	0.83
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB3	7	0.83
(1,1146)	1:82:A:LEU:HD21	1:72:A:LEU:HD21	13	0.83
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD12	20	0.83
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	20	0.83
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD12	3	0.83
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB2	1	0.83
(1,462)	1:202:A:LEU:HD21	1:200:A:THR:HG23	10	0.83
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	12	0.83
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	12	0.83
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB3	8	0.83
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	17	0.83
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	14	0.83
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	2	0.82
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	13	0.82
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD11	16	0.82
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD13	4	0.82
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD21	11	0.82
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD21	17	0.82
(1,3023)	1:23:A:ASN:HD21	1:25:A:HIS:HA	10	0.82
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	7	0.82
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG23	5	0.82
(1,2290)	1:154:A:ALA:H	1:203:A:GLY:HA3	1	0.82
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG23	18	0.82
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB3	8	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	1	0.82
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	7	0.82
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD21	16	0.82
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	9	0.82
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	11	0.82
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG11	1	0.82
(1,1435)	1:146:A:VAL:HG22	1:147:A:SER:HB3	19	0.82
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB3	12	0.82
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HB2	7	0.82
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HB2	10	0.82
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HB2	18	0.82
(1,1226)	1:169:A:THR:HG23	1:178:A:LYS:HZ2	18	0.82
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG13	1:15:A:TYR:HD2	1	0.82
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB2	1:80:A:SER:HB2	3	0.82
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB1	1:80:A:SER:HB2	4	0.82
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB3	1:80:A:SER:HB2	19	0.82
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG22	11	0.82
(1,921)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HB2	5	0.82
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB2	8	0.82
(1,852)	1:21:A:LEU:HD11	1:30:A:ALA:HB1	19	0.82
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB2	2	0.82
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB3	13	0.82
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG22	18	0.82
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG22	19	0.82
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	2	0.82
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD11	3	0.82
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	10	0.82
(1,15)	1:49:A:LEU:HD21	1:64:A:ILE:HG23	13	0.82
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD11	7	0.81
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB3	12	0.81
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	4	0.81
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	8	0.81
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	9	0.81
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG23	16	0.81
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD13	18	0.81
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	19	0.81
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG22	13	0.81
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	2	0.81
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	12	0.81
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	8	0.81
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	8	0.81
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	20	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	9	0.81
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD23	5	0.81
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG21	1:12:A:THR:HB	2	0.81
(1,1436)	1:147:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG11	18	0.81
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD12	15	0.81
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ3	4	0.81
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG22	3	0.81
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	18	0.81
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	8	0.81
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG23	11	0.81
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG23	14	0.81
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD11	12	0.81
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD11	12	0.81
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB2	11	0.81
(1,657)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG23	8	0.81
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB3	4	0.81
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB3	18	0.81
(1,466)	1:200:A:THR:HG22	1:151:A:GLU:HB3	16	0.81
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	10	0.81
(1,397)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD3	8	0.81
(1,341)	1:36:A:LEU:HD12	1:55:A:LYS:HG3	7	0.81
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	10	0.81
(1,118)	1:202:A:LEU:HD21	1:156:A:MET:HE3	17	0.81
(1,71)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HD12	8	0.81
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	19	0.8
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD22	12	0.8
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB2	17	0.8
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG13	1:13:A:LEU:HB2	20	0.8
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD11	12	0.8
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG12	1:92:A:ILE:HG13	14	0.8
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	10	0.8
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	13	0.8
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD22	19	0.8
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	8	0.8
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	10	0.8
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	12	0.8
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD12	10	0.8
(1,2301)	1:20:A:ASN:HD21	1:17:A:VAL:HG13	12	0.8
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD12	19	0.8
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	2	0.8
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	8	0.8
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD11	7	0.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	19	0.8
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD13	13	0.8
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB2	13	0.8
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	2	0.8
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	5	0.8
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	11	0.8
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	12	0.8
(1,1671)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD22	8	0.8
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG21	1	0.8
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	3	0.8
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB2	9	0.8
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD22	12	0.8
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD12	15	0.8
(1,863)	1:193:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD12	14	0.8
(1,659)	1:202:A:LEU:HD21	1:199:A:VAL:HG21	10	0.8
(1,550)	1:165:A:VAL:HG12	1:163:A:ILE:HB	3	0.8
(1,527)	1:123:A:TRP:HA	1:164:A:THR:HG21	1	0.8
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	12	0.8
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD11	15	0.8
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	19	0.8
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	1	0.8
(1,18)	1:49:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HB3	12	0.8
(1,18)	1:49:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HB3	20	0.8
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	4	0.79
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	13	0.79
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB2	10	0.79
(1,3396)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB2	15	0.79
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD21	4	0.79
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	6	0.79
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	12	0.79
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG11	12	0.79
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG22	11	0.79
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG21	18	0.79
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	2	0.79
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD12	7	0.79
(1,2290)	1:154:A:ALA:H	1:203:A:GLY:HA3	8	0.79
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	10	0.79
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD11	18	0.79
(1,1810)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HD11	2	0.79
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB3	16	0.79
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	13	0.79
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	2	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG21	17	0.79
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD11	1:110:A:HIS:HB3	7	0.79
(1,1436)	1:147:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	4	0.79
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG21	1:137:A:THR:H	18	0.79
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HB2	4	0.79
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB2	19	0.79
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	19	0.79
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:VAL:HG22	10	0.79
(1,1027)	1:81:A:ALA:HB1	1:80:A:SER:HB2	16	0.79
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD12	3	0.79
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	6	0.79
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	9	0.79
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	10	0.79
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	17	0.79
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB1	11	0.79
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD13	9	0.79
(1,341)	1:36:A:LEU:HD11	1:55:A:LYS:HG3	2	0.79
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG21	5	0.79
(1,140)	1:142:A:SER:HB2	1:141:A:TYR:HD1	1	0.79
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	5	0.79
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	13	0.79
(1,50)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HA	18	0.79
(1,18)	1:49:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HB3	13	0.79
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	19	0.79
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	10	0.78
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	14	0.78
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	16	0.78
(2,359)	1:108:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HB2	15	0.78
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD11	19	0.78
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD13	4	0.78
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD11	8	0.78
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD12	10	0.78
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD13	16	0.78
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	3	0.78
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	11	0.78
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	7	0.78
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG23	14	0.78
(1,2566)	1:137:A:THR:HG22	1:168:A:ASN:HD22	9	0.78
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	20	0.78
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD12	2	0.78
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD11	4	0.78
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD11	13	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	10	0.78
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	12	0.78
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG12	17	0.78
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG22	11	0.78
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	18	0.78
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	7	0.78
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD12	1:156:A:MET:H	12	0.78
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD13	1:156:A:MET:H	14	0.78
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG23	1:12:A:THR:HB	16	0.78
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG22	1:9:A:ASP:H	3	0.78
(1,1436)	1:147:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	5	0.78
(1,1356)	1:69:A:ASN:HB3	1:186:A:LYS:HE3	14	0.78
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HB2	19	0.78
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD12	1:189:A:ILE:HB	19	0.78
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	14	0.78
(1,909)	1:2:A:SER:HA	1:13:A:LEU:HD12	20	0.78
(1,656)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG12	18	0.78
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD21	9	0.78
(1,466)	1:200:A:THR:HG21	1:151:A:GLU:HB3	19	0.78
(1,462)	1:202:A:LEU:HD22	1:200:A:THR:HG21	20	0.78
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	11	0.78
(1,397)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD3	19	0.78
(1,341)	1:36:A:LEU:HD12	1:55:A:LYS:HG3	20	0.78
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG12	10	0.78
(1,240)	1:191:A:ILE:HG13	1:52:A:ALA:HB1	17	0.78
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD23	15	0.78
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	9	0.78
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	5	0.78
(1,42)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HB2	14	0.78
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	10	0.77
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	2	0.77
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG21	1	0.77
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG2	4	0.77
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG2	9	0.77
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD12	6	0.77
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	5	0.77
(1,3335)	1:200:A:THR:HG23	1:198:A:VAL:HG13	5	0.77
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	13	0.77
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD22	7	0.77
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	12	0.77
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	6	0.77
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	9	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	15	0.77
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD11	3	0.77
(1,2631)	1:129:A:GLN:HE22	1:129:A:GLN:HB2	4	0.77
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG23	5	0.77
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	11	0.77
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD12	14	0.77
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	16	0.77
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD11	3	0.77
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD12	14	0.77
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	10	0.77
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG21	8	0.77
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	20	0.77
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	3	0.77
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG22	10	0.77
(1,1873)	1:74:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	16	0.77
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD12	16	0.77
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	20	0.77
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	19	0.77
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD21	13	0.77
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HD2	12	0.77
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HD2	13	0.77
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD13	1:156:A:MET:H	7	0.77
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD11	1:156:A:MET:H	13	0.77
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG22	17	0.77
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB1	19	0.77
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ1	5	0.77
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB2	3	0.77
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	5	0.77
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	6	0.77
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD11	9	0.77
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HB2	6	0.77
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD11	7	0.77
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	12	0.77
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	1	0.77
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD12	16	0.77
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	10	0.77
(1,795)	1:106:A:ASN:HA	1:107:A:ILE:HD12	1	0.77
(1,781)	1:21:A:LEU:HA	1:22:A:GLU:HG2	1	0.77
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG23	8	0.77
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG22	19	0.77
(1,625)	1:74:A:LYS:HB3	1:74:A:LYS:HD2	16	0.77
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG21	16	0.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD22	8	0.77
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	14	0.77
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	17	0.77
(1,341)	1:36:A:LEU:HD12	1:55:A:LYS:HG3	12	0.77
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB3	2	0.77
(1,117)	1:202:A:LEU:HG	1:156:A:MET:HE1	15	0.77
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	10	0.77
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	12	0.77
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	17	0.76
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD12	19	0.76
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD11	3	0.76
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD11	18	0.76
(1,3254)	1:127:A:ASN:H	1:137:A:THR:HG23	1	0.76
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD21	6	0.76
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	14	0.76
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	12	0.76
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG21	2	0.76
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD13	6	0.76
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	1	0.76
(1,2341)	1:169:A:THR:HG22	1:133:A:GLY:H	16	0.76
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	3	0.76
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD12	6	0.76
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD11	9	0.76
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD11	18	0.76
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	19	0.76
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG23	1	0.76
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG22	7	0.76
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG21	16	0.76
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	2	0.76
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD13	9	0.76
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB1	11	0.76
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	20	0.76
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	16	0.76
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG22	4	0.76
(1,1611)	1:69:A:ASN:HA	1:68:A:ASN:HD22	12	0.76
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG23	11	0.76
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG23	13	0.76
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG21	4	0.76
(1,1436)	1:147:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	8	0.76
(1,1436)	1:147:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG13	15	0.76
(1,1395)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD11	14	0.76
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG12	1:166:A:THR:HG22	18	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1356)	1:69:A:ASN:HB3	1:186:A:LYS:HE3	15	0.76
(1,1243)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HB2	14	0.76
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	2	0.76
(1,1146)	1:82:A:LEU:HD21	1:72:A:LEU:HD22	20	0.76
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	19	0.76
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD13	7	0.76
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG23	14	0.76
(1,921)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HB2	6	0.76
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	6	0.76
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	18	0.76
(1,656)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG12	11	0.76
(1,656)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG13	17	0.76
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG22	11	0.76
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG21	17	0.76
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB1	9	0.76
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD13	1	0.76
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD11	4	0.76
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	5	0.76
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD22	2	0.76
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	14	0.76
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	19	0.76
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	7	0.76
(1,50)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HA	13	0.76
(1,18)	1:49:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HB3	1	0.76
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	7	0.76
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB2	16	0.75
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB2	18	0.75
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG2	20	0.75
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	9	0.75
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	12	0.75
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	15	0.75
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	4	0.75
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	19	0.75
(1,2914)	1:194:A:LYS:H	1:62:A:LEU:HB3	2	0.75
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	17	0.75
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	3	0.75
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	5	0.75
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	16	0.75
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	12	0.75
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG12	17	0.75
(1,2301)	1:20:A:ASN:HD21	1:17:A:VAL:HG11	1	0.75
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	14	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	10	0.75
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	3	0.75
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD12	1:110:A:HIS:HB3	10	0.75
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG21	1:12:A:THR:HB	3	0.75
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG22	1:12:A:THR:HB	13	0.75
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG22	10	0.75
(1,1436)	1:147:A:SER:HB3	1:146:A:VAL:HG12	3	0.75
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB3	19	0.75
(1,1223)	1:169:A:THR:HG21	1:135:A:SER:HB3	4	0.75
(1,1223)	1:169:A:THR:HG21	1:135:A:SER:HB3	6	0.75
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:VAL:HG23	7	0.75
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG11	1:15:A:TYR:HD2	7	0.75
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG21	7	0.75
(1,714)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB3	10	0.75
(1,656)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG13	12	0.75
(1,623)	1:74:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD22	20	0.75
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD22	10	0.75
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD21	13	0.75
(1,593)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	13	0.75
(1,564)	1:33:A:LEU:HD13	1:157:A:ALA:HB2	16	0.75
(1,397)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD3	5	0.75
(1,140)	1:142:A:SER:HB2	1:141:A:TYR:HD2	3	0.75
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	3	0.75
(1,50)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HA	6	0.75
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	4	0.75
(1,18)	1:49:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HB3	15	0.75
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	16	0.75
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	7	0.74
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	12	0.74
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	17	0.74
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	10	0.74
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG23	12	0.74
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	7	0.74
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	13	0.74
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG2	16	0.74
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD12	8	0.74
(1,3254)	1:127:A:ASN:H	1:137:A:THR:HG21	17	0.74
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	11	0.74
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	1	0.74
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG23	2	0.74
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG23	8	0.74
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	2	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	4	0.74
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	6	0.74
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	9	0.74
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	12	0.74
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	15	0.74
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	18	0.74
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG21	12	0.74
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	4	0.74
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	11	0.74
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD11	17	0.74
(1,2301)	1:20:A:ASN:HD21	1:17:A:VAL:HG12	15	0.74
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD13	18	0.74
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	19	0.74
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD13	12	0.74
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	16	0.74
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD11	20	0.74
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	19	0.74
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	6	0.74
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	16	0.74
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB3	1	0.74
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG22	1:137:A:THR:H	12	0.74
(1,1223)	1:169:A:THR:HG22	1:135:A:SER:HB3	8	0.74
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG21	6	0.74
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD12	10	0.74
(1,1046)	1:187:A:GLU:HA	1:161:A:LEU:HD12	9	0.74
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	7	0.74
(1,796)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HA	11	0.74
(1,795)	1:106:A:ASN:HA	1:107:A:ILE:HD13	13	0.74
(1,656)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG13	20	0.74
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	12	0.74
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD13	8	0.74
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	7	0.74
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG11	9	0.74
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	12	0.74
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	6	0.74
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	2	0.73
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	14	0.73
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	3	0.73
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	14	0.73
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD13	15	0.73
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	2	0.73
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG13	6	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	1	0.73
(1,2631)	1:129:A:GLN:HE22	1:129:A:GLN:HB2	20	0.73
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD12	13	0.73
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	7	0.73
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	8	0.73
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	11	0.73
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	14	0.73
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	17	0.73
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	19	0.73
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG21	4	0.73
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	9	0.73
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	5	0.73
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	14	0.73
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	5	0.73
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD12	8	0.73
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	20	0.73
(1,2301)	1:20:A:ASN:HD21	1:17:A:VAL:HG12	10	0.73
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD13	13	0.73
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG23	6	0.73
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD13	9	0.73
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG23	15	0.73
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	18	0.73
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	20	0.73
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD13	5	0.73
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	2	0.73
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	6	0.73
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	15	0.73
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD12	3	0.73
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	7	0.73
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	5	0.73
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG22	20	0.73
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG22	1:137:A:THR:H	3	0.73
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	13	0.73
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HB3	18	0.73
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG22	18	0.73
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	14	0.73
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD22	9	0.73
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD11	7	0.73
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG11	1:15:A:TYR:HD2	9	0.73
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG23	5	0.73
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD11	5	0.73
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD11	11	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD12	11	0.73
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	20	0.73
(1,863)	1:193:A:VAL:HG22	1:33:A:LEU:HD12	2	0.73
(1,713)	1:107:A:ILE:HD11	1:101:A:ASP:HB2	13	0.73
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	7	0.73
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB2	3	0.73
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD12	4	0.73
(1,271)	1:170:A:ALA:HB1	1:177:A:THR:HG21	12	0.73
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	4	0.73
(1,39)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HG	20	0.73
(1,18)	1:49:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HB3	10	0.73
(1,15)	1:49:A:LEU:HD22	1:64:A:ILE:HG21	10	0.73
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	1	0.72
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	7	0.72
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB3	10	0.72
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG13	1:1:A:MET:HB2	3	0.72
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	6	0.72
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	19	0.72
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	16	0.72
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	12	0.72
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	1	0.72
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	15	0.72
(1,2631)	1:129:A:GLN:HE22	1:129:A:GLN:HB2	2	0.72
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	10	0.72
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	13	0.72
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	9	0.72
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	1	0.72
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD13	4	0.72
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG21	2	0.72
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	20	0.72
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD11	11	0.72
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	10	0.72
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD11	1:156:A:MET:H	11	0.72
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	15	0.72
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG23	8	0.72
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB2	1:96:A:LEU:HB3	17	0.72
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB2	1:96:A:LEU:HB3	18	0.72
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	3	0.72
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	4	0.72
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	16	0.72
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HB3	15	0.72
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD12	11	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD12	16	0.72
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB1	4	0.72
(1,714)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB3	1	0.72
(1,657)	1:98:A:ILE:HD13	1:199:A:VAL:HG23	5	0.72
(1,656)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG13	19	0.72
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD21	3	0.72
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD21	14	0.72
(1,466)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB3	1	0.72
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD11	10	0.72
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	16	0.72
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD11	13	0.72
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	14	0.72
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG11	16	0.72
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	3	0.72
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	10	0.72
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	15	0.72
(1,18)	1:49:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HB3	14	0.72
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD13	6	0.71
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD12	9	0.71
(1,3531)	1:35:A:GLN:H	1:33:A:LEU:HD12	18	0.71
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG2	1	0.71
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD23	16	0.71
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	15	0.71
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	10	0.71
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	14	0.71
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD11	7	0.71
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	14	0.71
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	19	0.71
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG21	7	0.71
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG12	5	0.71
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	10	0.71
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD23	2	0.71
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD21	8	0.71
(1,2566)	1:137:A:THR:HG22	1:168:A:ASN:HD22	4	0.71
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG22	9	0.71
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	4	0.71
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	6	0.71
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	16	0.71
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	13	0.71
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD12	3	0.71
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	5	0.71
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	7	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD13	11	0.71
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	16	0.71
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	19	0.71
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB3	5	0.71
(1,1701)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HB2	2	0.71
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	14	0.71
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD13	16	0.71
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG12	19	0.71
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG23	1:137:A:THR:H	7	0.71
(1,1356)	1:69:A:ASN:HB3	1:186:A:LYS:HE3	10	0.71
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD11	2	0.71
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD12	8	0.71
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	3	0.71
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD21	6	0.71
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	4	0.71
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD23	16	0.71
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG12	1:15:A:TYR:HD2	12	0.71
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD12	1:189:A:ILE:HB	6	0.71
(1,961)	1:111:A:ALA:HB1	1:107:A:ILE:HG23	20	0.71
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD11	6	0.71
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	8	0.71
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB1	10	0.71
(1,656)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG13	15	0.71
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD21	1	0.71
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	19	0.71
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG13	14	0.71
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB2	6	0.71
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	19	0.71
(1,466)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB3	18	0.71
(1,341)	1:36:A:LEU:HD11	1:55:A:LYS:HG3	4	0.71
(1,308)	1:98:A:ILE:HB	1:102:A:THR:HG21	8	0.71
(1,271)	1:170:A:ALA:HB3	1:177:A:THR:HG21	19	0.71
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	11	0.71
(1,37)	1:115:A:LEU:HD11	1:86:A:LEU:HD11	14	0.71
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	9	0.7
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB2	7	0.7
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	8	0.7
(1,3393)	1:83:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB3	5	0.7
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HB3	19	0.7
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	5	0.7
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	8	0.7
(1,2911)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD21	9	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	5	0.7
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	8	0.7
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	7	0.7
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	16	0.7
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG23	6	0.7
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG22	3	0.7
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	8	0.7
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG23	9	0.7
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG23	13	0.7
(1,2566)	1:137:A:THR:HG21	1:168:A:ASN:HD22	19	0.7
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	17	0.7
(1,2435)	1:29:A:GLN:H	1:29:A:GLN:HB3	20	0.7
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	3	0.7
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	7	0.7
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	8	0.7
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	14	0.7
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	4	0.7
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	19	0.7
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	20	0.7
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG22	2	0.7
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG21	15	0.7
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD11	11	0.7
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	14	0.7
(1,1682)	1:138:A:SER:H	1:127:A:ASN:HB3	2	0.7
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	4	0.7
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG22	18	0.7
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	11	0.7
(1,1453)	1:13:A:LEU:HD23	1:3:A:ILE:HD12	7	0.7
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG21	2	0.7
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG21	15	0.7
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG23	18	0.7
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB3	12	0.7
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB1	13	0.7
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG21	1:137:A:THR:H	1	0.7
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG22	1:137:A:THR:H	14	0.7
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	1	0.7
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	4	0.7
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:VAL:HG21	9	0.7
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:VAL:HG22	16	0.7
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG11	1:15:A:TYR:HD2	17	0.7
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD12	14	0.7
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD12	14	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD12	19	0.7
(1,970)	1:132:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG13	16	0.7
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB1	17	0.7
(1,795)	1:106:A:ASN:HA	1:107:A:ILE:HD11	6	0.7
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD12	19	0.7
(1,714)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB3	13	0.7
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG22	10	0.7
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG23	16	0.7
(1,657)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG23	3	0.7
(1,604)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HG2	11	0.7
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD22	4	0.7
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	6	0.7
(1,466)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB3	13	0.7
(1,462)	1:202:A:LEU:HD23	1:200:A:THR:HG23	16	0.7
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	2	0.7
(1,439)	1:18:A:PHE:HB3	1:2:A:SER:HA	7	0.7
(1,397)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD3	14	0.7
(1,341)	1:36:A:LEU:HD13	1:55:A:LYS:HG3	6	0.7
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD22	11	0.7
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	5	0.7
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE3	14	0.7
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	20	0.7
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	9	0.69
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	6	0.69
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG22	11	0.69
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD21	12	0.69
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG2	1:53:A:LEU:HB3	9	0.69
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	18	0.69
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD21	14	0.69
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	15	0.69
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	18	0.69
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	3	0.69
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD11	17	0.69
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	20	0.69
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG21	3	0.69
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG13	19	0.69
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	6	0.69
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG23	19	0.69
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD21	7	0.69
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	18	0.69
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG21	8	0.69
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	15	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	6	0.69
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	13	0.69
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG21	4	0.69
(1,1712)	1:52:A:ALA:H	1:51:A:LYS:HE3	4	0.69
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB2	4	0.69
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG22	9	0.69
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG21	11	0.69
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG22	1:137:A:THR:H	5	0.69
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ2	9	0.69
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	3	0.69
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB3	9	0.69
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HB3	10	0.69
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:VAL:HG23	15	0.69
(1,1143)	1:82:A:LEU:HD23	1:75:A:SER:HB3	20	0.69
(1,1009)	1:172:A:SER:HB3	1:179:A:ASP:HB2	14	0.69
(1,762)	1:14:A:PRO:HG3	1:15:A:TYR:HD2	5	0.69
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG23	9	0.69
(1,657)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG21	1	0.69
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD22	2	0.69
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD22	18	0.69
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG21	2	0.69
(1,466)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB3	12	0.69
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG13	17	0.69
(1,423)	1:56:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HD12	12	0.69
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG23	11	0.69
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG21	19	0.69
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG12	6	0.69
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	7	0.69
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD21	11	0.69
(1,117)	1:202:A:LEU:HG	1:156:A:MET:HE3	7	0.69
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	5	0.68
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	11	0.68
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	9	0.68
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB2	1	0.68
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	8	0.68
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD13	20	0.68
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	17	0.68
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	3	0.68
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG11	16	0.68
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	20	0.68
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD23	3	0.68
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG22	18	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD13	1	0.68
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	15	0.68
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	7	0.68
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG21	7	0.68
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD11	4	0.68
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD11	8	0.68
(1,1753)	1:157:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	11	0.68
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG21	20	0.68
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB3	20	0.68
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG22	7	0.68
(1,1653)	1:147:A:SER:HB3	1:158:A:ALA:HB3	3	0.68
(1,1645)	1:162:A:ILE:HA	1:161:A:LEU:HD23	14	0.68
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB3	4	0.68
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	18	0.68
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD22	1:144:A:PHE:HZ	1	0.68
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG22	1:9:A:ASP:H	15	0.68
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG22	3	0.68
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG22	1:137:A:THR:H	13	0.68
(1,1356)	1:69:A:ASN:HB3	1:186:A:LYS:HE3	5	0.68
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ2	6	0.68
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ2	16	0.68
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	11	0.68
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	13	0.68
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD12	1	0.68
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD11	4	0.68
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD12	17	0.68
(1,961)	1:111:A:ALA:HB1	1:107:A:ILE:HG23	12	0.68
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD13	13	0.68
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB1	6	0.68
(1,659)	1:202:A:LEU:HD22	1:199:A:VAL:HG22	3	0.68
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	16	0.68
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	20	0.68
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	6	0.68
(1,301)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB3	17	0.68
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	1	0.68
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG23	16	0.68
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	14	0.68
(1,39)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HG	18	0.68
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	7	0.67
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	14	0.67
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	8	0.67
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	9	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3458)	1:44:A:ASN:HB3	1:20:A:ASN:HB2	20	0.67
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	4	0.67
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	11	0.67
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG21	10	0.67
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG22	18	0.67
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	9	0.67
(1,2566)	1:137:A:THR:HG21	1:168:A:ASN:HD22	3	0.67
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD11	11	0.67
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	18	0.67
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG22	6	0.67
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	12	0.67
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD11	1	0.67
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	17	0.67
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD21	10	0.67
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD11	1	0.67
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	3	0.67
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD13	19	0.67
(1,1740)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HB2	1	0.67
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG22	16	0.67
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	4	0.67
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HD2	14	0.67
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG21	12	0.67
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	13	0.67
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG23	1:193:A:VAL:HG22	13	0.67
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG23	1:137:A:THR:H	8	0.67
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG23	1:137:A:THR:H	9	0.67
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ2	7	0.67
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HB3	7	0.67
(1,1223)	1:169:A:THR:HG21	1:135:A:SER:HB3	19	0.67
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	20	0.67
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	1	0.67
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	9	0.67
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD11	4	0.67
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD11	8	0.67
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG22	9	0.67
(1,855)	1:33:A:LEU:HD23	1:30:A:ALA:HB3	18	0.67
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD21	15	0.67
(1,569)	1:95:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG11	18	0.67
(1,564)	1:33:A:LEU:HD11	1:157:A:ALA:HB2	10	0.67
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG21	1	0.67
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG21	8	0.67
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	13	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	5	0.67
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	17	0.67
(1,18)	1:49:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HB3	18	0.67
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	6	0.66
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	9	0.66
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	4	0.66
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	5	0.66
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	16	0.66
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	18	0.66
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	13	0.66
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	2	0.66
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	11	0.66
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	18	0.66
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB3	14	0.66
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG2	1:53:A:LEU:HB3	20	0.66
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HB3	3	0.66
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	19	0.66
(1,2911)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD23	14	0.66
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	19	0.66
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG11	3	0.66
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG11	8	0.66
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG12	13	0.66
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	9	0.66
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	17	0.66
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG21	20	0.66
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG11	2	0.66
(1,2315)	1:57:A:GLN:H	1:53:A:LEU:HD13	15	0.66
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	10	0.66
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG21	19	0.66
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD11	18	0.66
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG21	6	0.66
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	4	0.66
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	11	0.66
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB2	1	0.66
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	10	0.66
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG21	5	0.66
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG21	8	0.66
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB1	3	0.66
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	13	0.66
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG21	3	0.66
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG12	1:166:A:THR:HG22	20	0.66
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG23	1:137:A:THR:H	19	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD23	8	0.66
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD21	13	0.66
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	14	0.66
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	4	0.66
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD13	9	0.66
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HB3	4	0.66
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG12	1:15:A:TYR:HD2	5	0.66
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD12	1:155:A:MET:HE3	20	0.66
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD12	13	0.66
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD13	2	0.66
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	16	0.66
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD13	3	0.66
(1,604)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HG2	7	0.66
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	5	0.66
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG11	16	0.66
(1,569)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG11	11	0.66
(1,555)	1:170:A:ALA:HB3	1:132:A:ALA:HA	20	0.66
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG23	15	0.66
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG13	10	0.66
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD12	19	0.66
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	3	0.66
(1,341)	1:36:A:LEU:HD13	1:55:A:LYS:HG3	15	0.66
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	3	0.66
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG21	17	0.66
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG13	2	0.66
(2,780)	1:185:A:GLN:HE21	1:73:A:LYS:HE2	7	0.65
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	19	0.65
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	20	0.65
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	5	0.65
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	6	0.65
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	9	0.65
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HB3	7	0.65
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	1	0.65
(1,2911)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD23	12	0.65
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG21	4	0.65
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	5	0.65
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG23	8	0.65
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	7	0.65
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	8	0.65
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	13	0.65
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	14	0.65
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD11	12	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG11	7	0.65
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG11	8	0.65
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG22	3	0.65
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG23	12	0.65
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	19	0.65
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	20	0.65
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	13	0.65
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG22	12	0.65
(1,1943)	1:164:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	1	0.65
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	15	0.65
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB1	5	0.65
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	7	0.65
(1,1671)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD21	11	0.65
(1,1664)	1:137:A:THR:HG22	1:166:A:THR:HG21	15	0.65
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	17	0.65
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	9	0.65
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG22	20	0.65
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD12	1:156:A:MET:H	20	0.65
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	7	0.65
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	18	0.65
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD11	19	0.65
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB1	8	0.65
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD21	5	0.65
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	20	0.65
(1,1180)	1:82:A:LEU:HB3	1:72:A:LEU:HD21	13	0.65
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG13	1:15:A:TYR:HD2	14	0.65
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HA	18	0.65
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	17	0.65
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD12	1:159:A:GLY:HA3	1	0.65
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	18	0.65
(1,844)	1:98:A:ILE:HD13	1:102:A:THR:HG21	8	0.65
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB2	5	0.65
(1,798)	1:107:A:ILE:HD12	1:104:A:ILE:HA	14	0.65
(1,714)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB3	3	0.65
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	20	0.65
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG12	12	0.65
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	12	0.65
(1,529)	1:84:A:THR:HG23	1:88:A:GLU:H	14	0.65
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG23	5	0.65
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG23	17	0.65
(1,469)	1:146:A:VAL:HG21	1:29:A:GLN:HB3	17	0.65
(1,397)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD3	16	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG12	12	0.65
(1,271)	1:170:A:ALA:HB2	1:177:A:THR:HG21	10	0.65
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	18	0.65
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	19	0.65
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	19	0.65
(1,71)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HD11	4	0.65
(2,859)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG3	9	0.64
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	2	0.64
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	9	0.64
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	3	0.64
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	3	0.64
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG22	5	0.64
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	12	0.64
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	6	0.64
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	2	0.64
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	17	0.64
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	16	0.64
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	16	0.64
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	9	0.64
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG11	9	0.64
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD11	14	0.64
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG22	12	0.64
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	1	0.64
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	1	0.64
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	2	0.64
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	4	0.64
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	5	0.64
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	16	0.64
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	17	0.64
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	19	0.64
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	1	0.64
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	20	0.64
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD21	9	0.64
(1,2566)	1:137:A:THR:HG23	1:168:A:ASN:HD22	2	0.64
(1,2566)	1:137:A:THR:HG22	1:168:A:ASN:HD22	8	0.64
(1,2566)	1:137:A:THR:HG23	1:168:A:ASN:HD22	15	0.64
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD12	17	0.64
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD12	18	0.64
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	10	0.64
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	14	0.64
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG22	7	0.64
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD12	18	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	8	0.64
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	10	0.64
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	16	0.64
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG21	4	0.64
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	20	0.64
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG23	3	0.64
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG23	9	0.64
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG21	14	0.64
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD13	18	0.64
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD23	13	0.64
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB3	17	0.64
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG22	8	0.64
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG23	10	0.64
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG21	14	0.64
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG23	16	0.64
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG23	19	0.64
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	16	0.64
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB2	1	0.64
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB1	2	0.64
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD12	1:156:A:MET:H	2	0.64
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	1	0.64
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	4	0.64
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HB3	3	0.64
(1,1223)	1:169:A:THR:HG22	1:135:A:SER:HB3	18	0.64
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	8	0.64
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG12	1:15:A:TYR:HD2	4	0.64
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	15	0.64
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD13	18	0.64
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	6	0.64
(1,961)	1:111:A:ALA:HB2	1:107:A:ILE:HG23	4	0.64
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD12	8	0.64
(1,795)	1:106:A:ASN:HA	1:107:A:ILE:HD12	20	0.64
(1,714)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB3	18	0.64
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG22	18	0.64
(1,608)	1:62:A:LEU:HA	1:193:A:VAL:HG21	10	0.64
(1,593)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG13	18	0.64
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG11	13	0.64
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG11	20	0.64
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB3	15	0.64
(1,529)	1:84:A:THR:HG22	1:88:A:GLU:H	20	0.64
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG22	6	0.64
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG12	2	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD11	1	0.64
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	18	0.64
(1,341)	1:36:A:LEU:HD13	1:55:A:LYS:HG3	19	0.64
(1,247)	1:31:A:ILE:HG22	1:33:A:LEU:H	1	0.64
(1,247)	1:31:A:ILE:HG21	1:33:A:LEU:H	18	0.64
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	13	0.64
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	13	0.64
(1,119)	1:193:A:VAL:HG23	1:156:A:MET:HE2	15	0.64
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	3	0.64
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE3	9	0.64
(1,37)	1:115:A:LEU:HD13	1:86:A:LEU:HD12	20	0.64
(1,18)	1:49:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HB3	3	0.64
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	15	0.63
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	20	0.63
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	12	0.63
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG21	18	0.63
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG2	1:53:A:LEU:HB3	4	0.63
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD21	1	0.63
(1,3423)	1:183:A:THR:HA	1:74:A:LYS:HE3	15	0.63
(1,3393)	1:83:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB3	1	0.63
(1,3358)	1:61:A:ASP:HB3	1:155:A:MET:HG3	19	0.63
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG11	1:92:A:ILE:HG13	15	0.63
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	2	0.63
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	11	0.63
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD12	9	0.63
(1,2852)	1:46:A:GLN:HE21	1:44:A:ASN:HB2	6	0.63
(1,2841)	1:165:A:VAL:H	1:138:A:SER:HB2	10	0.63
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	18	0.63
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG11	16	0.63
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	20	0.63
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	3	0.63
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	6	0.63
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	7	0.63
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	8	0.63
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	10	0.63
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	11	0.63
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	15	0.63
(1,2635)	1:129:A:GLN:H	1:129:A:GLN:HB2	4	0.63
(1,2635)	1:129:A:GLN:H	1:129:A:GLN:HB2	20	0.63
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD13	15	0.63
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD21	1	0.63
(1,2566)	1:137:A:THR:HG22	1:168:A:ASN:HD22	7	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2566)	1:137:A:THR:HG22	1:168:A:ASN:HD22	11	0.63
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	1	0.63
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG23	2	0.63
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG23	4	0.63
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG23	5	0.63
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG22	2	0.63
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD11	17	0.63
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	13	0.63
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD13	9	0.63
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD11	20	0.63
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	6	0.63
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD13	12	0.63
(1,2117)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD13	14	0.63
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG22	4	0.63
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG23	20	0.63
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD11	3	0.63
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	12	0.63
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	14	0.63
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB1	1:126:A:ILE:HA	2	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG21	12	0.63
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG21	13	0.63
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	17	0.63
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD22	20	0.63
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD11	2	0.63
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD23	1	0.63
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD23	2	0.63
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD21	16	0.63
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ1	10	0.63
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	6	0.63
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	14	0.63
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD11	4	0.63
(1,1244)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HB3	14	0.63
(1,1223)	1:169:A:THR:HG21	1:135:A:SER:HB3	12	0.63
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	19	0.63
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD12	13	0.63
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD21	1	0.63
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG13	1:15:A:TYR:HD2	19	0.63
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HA	7	0.63
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	5	0.63
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	9	0.63
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	20	0.63
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD11	17	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,932)	1:82:A:LEU:HB3	1:85:A:THR:HG22	8	0.63
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB1	8	0.63
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	11	0.63
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG13	11	0.63
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG13	14	0.63
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG12	19	0.63
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG12	20	0.63
(1,529)	1:84:A:THR:HG23	1:88:A:GLU:H	18	0.63
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG21	3	0.63
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG22	7	0.63
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG23	16	0.63
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG12	1	0.63
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG13	15	0.63
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	7	0.63
(1,247)	1:31:A:ILE:HG21	1:33:A:LEU:H	7	0.63
(1,247)	1:31:A:ILE:HG22	1:33:A:LEU:H	12	0.63
(1,247)	1:31:A:ILE:HG23	1:33:A:LEU:H	19	0.63
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	15	0.63
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	1	0.63
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	18	0.63
(1,18)	1:49:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HB3	9	0.63
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	18	0.62
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	6	0.62
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB3	11	0.62
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG22	1:161:A:LEU:HB2	2	0.62
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD12	14	0.62
(1,3344)	1:95:A:VAL:HG22	1:92:A:ILE:HG12	8	0.62
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD12	17	0.62
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD11	7	0.62
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	10	0.62
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	11	0.62
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	12	0.62
(1,2631)	1:129:A:GLN:HE22	1:129:A:GLN:HB2	13	0.62
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD22	11	0.62
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD21	16	0.62
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG11	6	0.62
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG22	9	0.62
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	8	0.62
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	3	0.62
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	9	0.62
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG23	15	0.62
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	9	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG23	13	0.62
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD13	7	0.62
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	6	0.62
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	13	0.62
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	11	0.62
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB3	11	0.62
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	14	0.62
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	16	0.62
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	17	0.62
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD22	1:191:A:ILE:HG22	8	0.62
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG22	1:12:A:THR:HB	11	0.62
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	9	0.62
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	14	0.62
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG22	16	0.62
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG13	1:193:A:VAL:HG22	19	0.62
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG23	1:137:A:THR:H	10	0.62
(1,1359)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HD11	8	0.62
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	18	0.62
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	15	0.62
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB3	19	0.62
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD11	3	0.62
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	15	0.62
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD22	14	0.62
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG11	1:15:A:TYR:HD2	10	0.62
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HA	5	0.62
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HA	15	0.62
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD11	13	0.62
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	1	0.62
(1,1007)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HG	9	0.62
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD12	4	0.62
(1,970)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG13	13	0.62
(1,933)	1:85:A:THR:HG22	1:83:A:THR:HA	8	0.62
(1,863)	1:193:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD12	7	0.62
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD21	13	0.62
(1,560)	1:170:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG22	8	0.62
(1,550)	1:165:A:VAL:HG11	1:163:A:ILE:HB	18	0.62
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG22	4	0.62
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG22	9	0.62
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG22	10	0.62
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG23	11	0.62
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG23	14	0.62
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG21	19	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,469)	1:146:A:VAL:HG23	1:29:A:GLN:HB3	18	0.62
(1,466)	1:200:A:THR:HG22	1:151:A:GLU:HB3	11	0.62
(1,466)	1:200:A:THR:HG22	1:151:A:GLU:HB3	14	0.62
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG13	7	0.62
(1,341)	1:36:A:LEU:HD13	1:55:A:LYS:HG3	3	0.62
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG21	15	0.62
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG12	7	0.62
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG23	2	0.62
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE1	16	0.62
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	2	0.62
(1,247)	1:31:A:ILE:HG23	1:33:A:LEU:H	10	0.62
(1,247)	1:31:A:ILE:HG22	1:33:A:LEU:H	11	0.62
(1,247)	1:31:A:ILE:HG23	1:33:A:LEU:H	14	0.62
(1,247)	1:31:A:ILE:HG22	1:33:A:LEU:H	20	0.62
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	3	0.62
(1,119)	1:193:A:VAL:HG21	1:156:A:MET:HE2	4	0.62
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE3	4	0.62
(1,76)	1:70:A:MET:HE3	1:72:A:LEU:HB3	3	0.62
(1,45)	1:3:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	2	0.62
(2,859)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG3	10	0.61
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	18	0.61
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	15	0.61
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB2	2	0.61
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	2	0.61
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB2	11	0.61
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	15	0.61
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	15	0.61
(1,3409)	1:178:A:LYS:HB2	1:169:A:THR:HG22	4	0.61
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	17	0.61
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG21	14	0.61
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	6	0.61
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG13	20	0.61
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	13	0.61
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	18	0.61
(1,2635)	1:129:A:GLN:H	1:129:A:GLN:HB2	6	0.61
(1,2635)	1:129:A:GLN:H	1:129:A:GLN:HB2	13	0.61
(1,2631)	1:129:A:GLN:HE22	1:129:A:GLN:HB2	6	0.61
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD22	5	0.61
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD12	20	0.61
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG23	7	0.61
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG23	11	0.61
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG22	19	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG23	18	0.61
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG23	16	0.61
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD12	9	0.61
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD13	10	0.61
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	15	0.61
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	2	0.61
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	9	0.61
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG21	6	0.61
(1,1653)	1:147:A:SER:HB3	1:158:A:ALA:HB2	8	0.61
(1,1629)	1:162:A:ILE:HA	1:184:A:LEU:HD11	5	0.61
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	7	0.61
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HD2	16	0.61
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD13	1:156:A:MET:H	18	0.61
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD13	11	0.61
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	6	0.61
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	12	0.61
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG21	1:193:A:VAL:HG23	14	0.61
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	14	0.61
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	5	0.61
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD21	8	0.61
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	16	0.61
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HA	10	0.61
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD21	1:67:A:THR:HG23	17	0.61
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD12	16	0.61
(1,982)	1:33:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HE21	17	0.61
(1,939)	1:202:A:LEU:HB2	1:202:A:LEU:HD13	5	0.61
(1,855)	1:33:A:LEU:HD22	1:30:A:ALA:HB2	16	0.61
(1,794)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HG23	17	0.61
(1,657)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG21	6	0.61
(1,602)	1:55:A:LYS:HE3	1:36:A:LEU:HD23	11	0.61
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG13	15	0.61
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG11	12	0.61
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG12	15	0.61
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG12	17	0.61
(1,569)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG11	14	0.61
(1,569)	1:95:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG12	15	0.61
(1,529)	1:84:A:THR:HG22	1:88:A:GLU:H	13	0.61
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG23	18	0.61
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG22	20	0.61
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	19	0.61
(1,497)	1:192:A:GLY:HA3	1:193:A:VAL:HG22	5	0.61
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG23	5	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,469)	1:146:A:VAL:HG23	1:29:A:GLN:HB3	16	0.61
(1,466)	1:200:A:THR:HG21	1:151:A:GLU:HB3	9	0.61
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	6	0.61
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG13	18	0.61
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	15	0.61
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE1	9	0.61
(1,247)	1:31:A:ILE:HG21	1:33:A:LEU:H	13	0.61
(1,247)	1:31:A:ILE:HG22	1:33:A:LEU:H	15	0.61
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	8	0.61
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD23	16	0.61
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	6	0.61
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE1	12	0.61
(1,50)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HA	4	0.61
(1,40)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HD22	8	0.61
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	4	0.6
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	6	0.6
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	14	0.6
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	18	0.6
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG3	10	0.6
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	14	0.6
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	7	0.6
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	1	0.6
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	3	0.6
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	5	0.6
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	6	0.6
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	9	0.6
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	11	0.6
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	18	0.6
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	19	0.6
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	20	0.6
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD11	5	0.6
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	20	0.6
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG22	13	0.6
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	18	0.6
(1,2635)	1:129:A:GLN:H	1:129:A:GLN:HB2	18	0.6
(1,2631)	1:129:A:GLN:HE22	1:129:A:GLN:HB2	18	0.6
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	17	0.6
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD23	17	0.6
(1,2566)	1:137:A:THR:HG21	1:168:A:ASN:HD22	12	0.6
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD11	14	0.6
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG22	6	0.6
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	6	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD11	17	0.6
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	16	0.6
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	16	0.6
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	19	0.6
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB1	2	0.6
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB3	17	0.6
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD13	15	0.6
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG21	19	0.6
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	3	0.6
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB3	17	0.6
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG23	18	0.6
(1,1663)	1:137:A:THR:HG22	1:128:A:ALA:HB3	5	0.6
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	9	0.6
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	1	0.6
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD11	20	0.6
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	18	0.6
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG22	1:12:A:THR:HB	6	0.6
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB3	1:1:A:MET:HA	20	0.6
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG22	1:137:A:THR:H	6	0.6
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG21	1:137:A:THR:H	15	0.6
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD11	10	0.6
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD22	1:149:A:GLY:H	18	0.6
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD21	1	0.6
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	10	0.6
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	12	0.6
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:VAL:HG23	14	0.6
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD11	4	0.6
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	6	0.6
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	13	0.6
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	17	0.6
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD11	1:155:A:MET:HE2	5	0.6
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD12	1:36:A:LEU:HB3	9	0.6
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD11	17	0.6
(1,971)	1:132:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG12	8	0.6
(1,921)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HB2	8	0.6
(1,854)	1:33:A:LEU:HD12	1:30:A:ALA:HB3	17	0.6
(1,794)	1:107:A:ILE:HD11	1:107:A:ILE:HG23	15	0.6
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG12	18	0.6
(1,569)	1:95:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG12	19	0.6
(1,560)	1:170:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG22	12	0.6
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG21	13	0.6
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	12	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	20	0.6
(1,469)	1:146:A:VAL:HG21	1:29:A:GLN:HB3	10	0.6
(1,462)	1:202:A:LEU:HD23	1:200:A:THR:HG21	1	0.6
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG22	5	0.6
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB3	7	0.6
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	7	0.6
(1,341)	1:36:A:LEU:HD13	1:55:A:LYS:HG3	14	0.6
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE2	18	0.6
(1,247)	1:31:A:ILE:HG23	1:33:A:LEU:H	2	0.6
(1,247)	1:31:A:ILE:HG21	1:33:A:LEU:H	4	0.6
(1,247)	1:31:A:ILE:HG21	1:33:A:LEU:H	6	0.6
(1,247)	1:31:A:ILE:HG23	1:33:A:LEU:H	16	0.6
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD23	10	0.6
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE3	11	0.6
(1,45)	1:3:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	11	0.6
(1,45)	1:3:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	19	0.6
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	19	0.59
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB2	17	0.59
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	13	0.59
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	16	0.59
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	6	0.59
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	14	0.59
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG2	17	0.59
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB3	15	0.59
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD11	10	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	2	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	4	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	7	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	8	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	10	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	12	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	13	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	14	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	15	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	16	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	17	0.59
(1,3212)	1:44:A:ASN:HD22	1:44:A:ASN:HB2	20	0.59
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB1	8	0.59
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	1	0.59
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	13	0.59
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	16	0.59
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG23	9	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD11	5	0.59
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	9	0.59
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	16	0.59
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	12	0.59
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	19	0.59
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	7	0.59
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD22	10	0.59
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD22	4	0.59
(1,2566)	1:137:A:THR:HG23	1:168:A:ASN:HD22	20	0.59
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD11	15	0.59
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD11	16	0.59
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB1	15	0.59
(1,2341)	1:169:A:THR:HG23	1:133:A:GLY:H	13	0.59
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD13	16	0.59
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	9	0.59
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	12	0.59
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG23	1	0.59
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG22	2	0.59
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG21	8	0.59
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG22	11	0.59
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG21	18	0.59
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD11	1	0.59
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	1	0.59
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD21	8	0.59
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	9	0.59
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD23	14	0.59
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB2	5	0.59
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG23	4	0.59
(1,1780)	1:168:A:ASN:H	1:135:A:SER:HB3	20	0.59
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	7	0.59
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	11	0.59
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG23	2	0.59
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	1	0.59
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	5	0.59
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD21	1:144:A:PHE:HZ	16	0.59
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD13	3	0.59
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB1	5	0.59
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ1	13	0.59
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	5	0.59
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	19	0.59
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	15	0.59
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD22	14	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD12	6	0.59
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	8	0.59
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD13	1:36:A:LEU:HB3	6	0.59
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG21	18	0.59
(1,971)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG12	10	0.59
(1,863)	1:193:A:VAL:HG22	1:33:A:LEU:HD11	4	0.59
(1,849)	1:147:A:SER:HB2	1:97:A:GLY:HA2	1	0.59
(1,762)	1:14:A:PRO:HG3	1:15:A:TYR:HD2	8	0.59
(1,762)	1:14:A:PRO:HG3	1:15:A:TYR:HD2	13	0.59
(1,714)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB3	17	0.59
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	4	0.59
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG12	3	0.59
(1,569)	1:95:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG12	17	0.59
(1,529)	1:84:A:THR:HG23	1:88:A:GLU:H	16	0.59
(1,505)	1:192:A:GLY:HA3	1:191:A:ILE:HG21	12	0.59
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	10	0.59
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG11	5	0.59
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG13	8	0.59
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG12	19	0.59
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG21	8	0.59
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	6	0.59
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB1	12	0.59
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	2	0.59
(1,247)	1:31:A:ILE:HG21	1:33:A:LEU:H	8	0.59
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE3	2	0.59
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	8	0.59
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE1	13	0.59
(1,42)	1:115:A:LEU:HD11	1:82:A:LEU:HB2	17	0.59
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB1	7	0.59
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB3	8	0.59
(2,780)	1:185:A:GLN:HE21	1:73:A:LYS:HE2	16	0.58
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	11	0.58
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	16	0.58
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	9	0.58
(1,3393)	1:83:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB3	18	0.58
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB3	9	0.58
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD11	9	0.58
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	2	0.58
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	9	0.58
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB3	17	0.58
(1,3050)	1:96:A:LEU:H	1:96:A:LEU:HB2	16	0.58
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	3	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	10	0.58
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG21	14	0.58
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	8	0.58
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	6	0.58
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	8	0.58
(1,2669)	1:134:A:HIS:H	1:133:A:GLY:HA2	20	0.58
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD21	13	0.58
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD13	19	0.58
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG11	9	0.58
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG13	12	0.58
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG11	15	0.58
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG21	10	0.58
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD11	12	0.58
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG23	8	0.58
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG22	11	0.58
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG23	10	0.58
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD12	11	0.58
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB2	8	0.58
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD21	2	0.58
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	3	0.58
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD23	4	0.58
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD21	7	0.58
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD21	18	0.58
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB2	14	0.58
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD11	7	0.58
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB3	12	0.58
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG22	11	0.58
(1,1664)	1:137:A:THR:HG22	1:166:A:THR:HG22	20	0.58
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	20	0.58
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	13	0.58
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB3	12	0.58
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD22	17	0.58
(1,1561)	1:33:A:LEU:HD13	1:156:A:MET:H	15	0.58
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG23	1:12:A:THR:HB	8	0.58
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD22	1:144:A:PHE:HZ	4	0.58
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD23	1:144:A:PHE:HZ	6	0.58
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD21	1:144:A:PHE:HZ	7	0.58
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG22	1:9:A:ASP:H	13	0.58
(1,1441)	1:194:A:LYS:HB2	1:193:A:VAL:HG13	5	0.58
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB1	20	0.58
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG23	1:137:A:THR:H	4	0.58
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB2	1:27:A:TYR:HA	12	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	18	0.58
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG22	10	0.58
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	12	0.58
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD21	1:149:A:GLY:H	19	0.58
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	5	0.58
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	18	0.58
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:VAL:HG22	13	0.58
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG12	1:15:A:TYR:HD2	13	0.58
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	4	0.58
(1,971)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG12	6	0.58
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	7	0.58
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD13	10	0.58
(1,794)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HG22	19	0.58
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG23	15	0.58
(1,604)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HG2	8	0.58
(1,593)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	12	0.58
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG11	16	0.58
(1,550)	1:165:A:VAL:HG11	1:163:A:ILE:HB	6	0.58
(1,469)	1:146:A:VAL:HG21	1:29:A:GLN:HB3	9	0.58
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG11	4	0.58
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	9	0.58
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG11	1	0.58
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	4	0.58
(1,247)	1:31:A:ILE:HG22	1:33:A:LEU:H	3	0.58
(1,247)	1:31:A:ILE:HG22	1:33:A:LEU:H	5	0.58
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE1	16	0.58
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE1	17	0.58
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	2	0.58
(1,71)	1:70:A:MET:HE1	1:92:A:ILE:HD12	5	0.58
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB1	15	0.58
(2,859)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG3	14	0.57
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	9	0.57
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	3	0.57
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	8	0.57
(2,602)	1:152:A:THR:H	1:197:A:GLN:HE21	17	0.57
(2,602)	1:152:A:THR:H	1:197:A:GLN:HE21	19	0.57
(2,464)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HE3	20	0.57
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	2	0.57
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	7	0.57
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	2	0.57
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	4	0.57
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	19	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	4	0.57
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB3	18	0.57
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	8	0.57
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	12	0.57
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	1	0.57
(1,2843)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	15	0.57
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG23	12	0.57
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	5	0.57
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	3	0.57
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	5	0.57
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	16	0.57
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD22	12	0.57
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG23	15	0.57
(1,2322)	1:20:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HD22	17	0.57
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD12	20	0.57
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG21	12	0.57
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	11	0.57
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	19	0.57
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	11	0.57
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	13	0.57
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG23	17	0.57
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB2	2	0.57
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD12	17	0.57
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD13	17	0.57
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG21	12	0.57
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	1	0.57
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG22	3	0.57
(1,1664)	1:137:A:THR:HG21	1:166:A:THR:HG21	9	0.57
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	14	0.57
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	10	0.57
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD22	10	0.57
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD13	1:110:A:HIS:HB3	2	0.57
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG22	1:12:A:THR:HB	4	0.57
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG23	1:12:A:THR:HB	12	0.57
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD22	1:144:A:PHE:HZ	5	0.57
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD21	1:144:A:PHE:HZ	10	0.57
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD22	1:144:A:PHE:HZ	13	0.57
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG23	7	0.57
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG11	1:166:A:THR:HG21	7	0.57
(1,1356)	1:69:A:ASN:HB3	1:186:A:LYS:HE3	2	0.57
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	8	0.57
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	11	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG22	19	0.57
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	12	0.57
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	14	0.57
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD13	15	0.57
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD12	12	0.57
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG21	1	0.57
(1,604)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HG2	6	0.57
(1,604)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HG2	12	0.57
(1,592)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG23	13	0.57
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB3	2	0.57
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG23	19	0.57
(1,477)	1:146:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD12	17	0.57
(1,466)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB3	15	0.57
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG11	13	0.57
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG11	16	0.57
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	1	0.57
(1,341)	1:36:A:LEU:HD12	1:55:A:LYS:HG3	5	0.57
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	10	0.57
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	15	0.57
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	18	0.57
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE1	7	0.57
(1,91)	1:35:A:GLN:HB3	1:36:A:LEU:HG	18	0.57
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	17	0.57
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	13	0.56
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	12	0.56
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	20	0.56
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	10	0.56
(1,3488)	1:53:A:LEU:H	1:54:A:LYS:HG3	19	0.56
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG23	1:161:A:LEU:HB2	1	0.56
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG22	1:161:A:LEU:HB2	18	0.56
(1,3393)	1:83:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB2	19	0.56
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	3	0.56
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	5	0.56
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	6	0.56
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	7	0.56
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	8	0.56
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	11	0.56
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	12	0.56
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	13	0.56
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	15	0.56
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	12	0.56
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	17	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG21	13	0.56
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	9	0.56
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	4	0.56
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG21	5	0.56
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	16	0.56
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	16	0.56
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD22	13	0.56
(1,2566)	1:137:A:THR:HG22	1:168:A:ASN:HD22	5	0.56
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG12	4	0.56
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG12	10	0.56
(1,2286)	1:174:A:ILE:H	1:174:A:ILE:HD13	4	0.56
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB2	11	0.56
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB3	16	0.56
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB2	17	0.56
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD12	11	0.56
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG23	7	0.56
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG21	11	0.56
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	13	0.56
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG21	7	0.56
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	20	0.56
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG23	5	0.56
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG22	14	0.56
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD11	2	0.56
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD12	4	0.56
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD11	12	0.56
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	5	0.56
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	20	0.56
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	1	0.56
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	13	0.56
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB1	6	0.56
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD13	5	0.56
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	10	0.56
(1,1682)	1:138:A:SER:H	1:127:A:ASN:HB3	16	0.56
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	11	0.56
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB3	5	0.56
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD22	15	0.56
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	5	0.56
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	15	0.56
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG23	1:12:A:THR:HB	15	0.56
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD21	1:144:A:PHE:HZ	3	0.56
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB3	1:96:A:LEU:HB3	13	0.56
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG12	1:166:A:THR:HG23	6	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG23	9	0.56
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG12	1	0.56
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD23	7	0.56
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	12	0.56
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG22	4	0.56
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	6	0.56
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG22	7	0.56
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG22	8	0.56
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	13	0.56
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD21	1:149:A:GLY:H	12	0.56
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD22	1:149:A:GLY:H	15	0.56
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	6	0.56
(1,1223)	1:169:A:THR:HG21	1:135:A:SER:HB3	9	0.56
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	18	0.56
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	3	0.56
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:VAL:HG21	12	0.56
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG12	1:15:A:TYR:HD2	3	0.56
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD11	17	0.56
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	3	0.56
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	10	0.56
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	16	0.56
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	18	0.56
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	19	0.56
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD11	1:155:A:MET:HE1	11	0.56
(1,974)	1:186:A:LYS:HG3	1:161:A:LEU:HD11	8	0.56
(1,921)	1:202:A:LEU:HD12	1:194:A:LYS:HB2	2	0.56
(1,656)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG12	16	0.56
(1,604)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HG2	20	0.56
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	5	0.56
(1,529)	1:84:A:THR:HG22	1:88:A:GLU:H	11	0.56
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	15	0.56
(1,457)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HB2	13	0.56
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG11	3	0.56
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG13	6	0.56
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB3	2	0.56
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG11	4	0.56
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG12	13	0.56
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	20	0.56
(1,51)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB3	4	0.56
(1,50)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HA	20	0.56
(1,45)	1:3:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	10	0.56
(1,15)	1:49:A:LEU:HD21	1:64:A:ILE:HG21	1	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	19	0.55
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	17	0.55
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	10	0.55
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG22	6	0.55
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	4	0.55
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	5	0.55
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	19	0.55
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB2	13	0.55
(1,3396)	1:117:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB3	3	0.55
(1,3396)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HB3	8	0.55
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB2	19	0.55
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	1	0.55
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	17	0.55
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	18	0.55
(1,3029)	1:188:A:GLU:H	1:161:A:LEU:HD22	19	0.55
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	7	0.55
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG12	14	0.55
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD12	1	0.55
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD13	3	0.55
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD12	9	0.55
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD11	14	0.55
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	10	0.55
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	19	0.55
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	6	0.55
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG21	4	0.55
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG22	8	0.55
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG13	3	0.55
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG13	20	0.55
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG23	13	0.55
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG23	13	0.55
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	16	0.55
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG13	12	0.55
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD23	15	0.55
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG23	14	0.55
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	17	0.55
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG23	11	0.55
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD12	6	0.55
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD11	13	0.55
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	6	0.55
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	2	0.55
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB2	11	0.55
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB3	18	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB1	6	0.55
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB1	8	0.55
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG22	1	0.55
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG21	12	0.55
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG23	13	0.55
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD21	5	0.55
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	18	0.55
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	3	0.55
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HD2	1	0.55
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	5	0.55
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD13	12	0.55
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG21	1:12:A:THR:HB	9	0.55
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG23	1:12:A:THR:HB	20	0.55
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG13	3	0.55
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG22	1:163:A:ILE:HG13	5	0.55
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG22	1:163:A:ILE:HG13	8	0.55
(1,1384)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG12	1	0.55
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB2	1:96:A:LEU:HB3	12	0.55
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG22	1:137:A:THR:H	20	0.55
(1,1337)	1:3:A:ILE:HG12	1:13:A:LEU:HD22	15	0.55
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG22	9	0.55
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	14	0.55
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG22	16	0.55
(1,1281)	1:165:A:VAL:HG21	1:182:A:LEU:HD13	11	0.55
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD11	7	0.55
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD22	1:149:A:GLY:H	7	0.55
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD21	7	0.55
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:VAL:HG22	4	0.55
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HA	12	0.55
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	14	0.55
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB1	8	0.55
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD11	1:159:A:GLY:HA3	16	0.55
(1,990)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HD12	2	0.55
(1,971)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG12	12	0.55
(1,863)	1:193:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD12	8	0.55
(1,844)	1:98:A:ILE:HD12	1:102:A:THR:HG23	9	0.55
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	6	0.55
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG23	1	0.55
(1,570)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG23	8	0.55
(1,469)	1:146:A:VAL:HG21	1:29:A:GLN:HB3	13	0.55
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG12	14	0.55
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD12	8	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	20	0.55
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB3	9	0.55
(1,341)	1:36:A:LEU:HD12	1:55:A:LYS:HG3	13	0.55
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG13	3	0.55
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	3	0.55
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD21	6	0.55
(1,115)	1:65:A:ILE:HG12	1:156:A:MET:HE2	15	0.55
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	11	0.55
(1,45)	1:3:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	9	0.55
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG23	4	0.55
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	4	0.54
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	12	0.54
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	14	0.54
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	3	0.54
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	20	0.54
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB2	11	0.54
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	3	0.54
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	10	0.54
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG21	6	0.54
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB2	7	0.54
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	1	0.54
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	3	0.54
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	20	0.54
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB3	7	0.54
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	12	0.54
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	6	0.54
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	7	0.54
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	5	0.54
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG23	4	0.54
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG21	15	0.54
(1,2911)	1:21:A:LEU:H	1:19:A:LEU:HD22	18	0.54
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD13	6	0.54
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	4	0.54
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	17	0.54
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	2	0.54
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	9	0.54
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	15	0.54
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	4	0.54
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	1	0.54
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD23	6	0.54
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD21	18	0.54
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG23	1	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2482)	1:4:A:GLU:H	1:12:A:THR:HG21	8	0.54
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:H	19	0.54
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG21	14	0.54
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB1	3	0.54
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB3	18	0.54
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD13	2	0.54
(1,2285)	1:195:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HD13	16	0.54
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD12	17	0.54
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG22	12	0.54
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	3	0.54
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG22	3	0.54
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG22	9	0.54
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG21	17	0.54
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD13	14	0.54
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD12	20	0.54
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB3	11	0.54
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB3	19	0.54
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB3	2	0.54
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD11	14	0.54
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD12	18	0.54
(1,1797)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG12	15	0.54
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	3	0.54
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB2	1:31:A:ILE:HB	17	0.54
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB3	1:31:A:ILE:HB	19	0.54
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB1	19	0.54
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG21	6	0.54
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG21	9	0.54
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD11	7	0.54
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HD2	9	0.54
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG21	16	0.54
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG23	1:12:A:THR:HB	1	0.54
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD21	1:144:A:PHE:HZ	9	0.54
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	1	0.54
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG21	1:163:A:ILE:HG13	6	0.54
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG13	9	0.54
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG13	11	0.54
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG13	15	0.54
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB2	1:96:A:LEU:HB3	2	0.54
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG22	1	0.54
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG11	1:166:A:THR:HG23	14	0.54
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG22	16	0.54
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB1	1:27:A:TYR:HA	5	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB1	1:27:A:TYR:HA	17	0.54
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	20	0.54
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	2	0.54
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	11	0.54
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	2	0.54
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD23	1:149:A:GLY:H	4	0.54
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	3	0.54
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	16	0.54
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG11	1:15:A:TYR:HD2	6	0.54
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	18	0.54
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD12	1:36:A:LEU:HB3	10	0.54
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	19	0.54
(1,971)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG12	13	0.54
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	5	0.54
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	12	0.54
(1,714)	1:107:A:ILE:HD11	1:101:A:ASP:HB3	7	0.54
(1,671)	1:138:A:SER:HB3	1:164:A:THR:HG23	3	0.54
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	8	0.54
(1,560)	1:170:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG22	10	0.54
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB3	18	0.54
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	2	0.54
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	7	0.54
(1,529)	1:84:A:THR:HG22	1:88:A:GLU:H	17	0.54
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	3	0.54
(1,469)	1:146:A:VAL:HG23	1:29:A:GLN:HB3	6	0.54
(1,457)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HB2	20	0.54
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG11	11	0.54
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG11	12	0.54
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG11	18	0.54
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB2	16	0.54
(1,341)	1:36:A:LEU:HD11	1:55:A:LYS:HG3	11	0.54
(1,341)	1:36:A:LEU:HD13	1:55:A:LYS:HG3	16	0.54
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG11	8	0.54
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	13	0.54
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	9	0.54
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	15	0.54
(1,191)	1:102:A:THR:HB	1:93:A:GLU:HB2	3	0.54
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	17	0.54
(1,119)	1:193:A:VAL:HG23	1:156:A:MET:HE1	6	0.54
(1,39)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HG	12	0.54
(1,37)	1:115:A:LEU:HD13	1:86:A:LEU:HD13	9	0.54
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG21	14	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	16	0.53
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	9	0.53
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	8	0.53
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	2	0.53
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	11	0.53
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	6	0.53
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	8	0.53
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG23	4	0.53
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG23	15	0.53
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	14	0.53
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB2	7	0.53
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB2	18	0.53
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG23	1:161:A:LEU:HB2	5	0.53
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB3	3	0.53
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	11	0.53
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HB3	20	0.53
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	14	0.53
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	16	0.53
(1,3029)	1:188:A:GLU:H	1:161:A:LEU:HD23	3	0.53
(1,3020)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HD22	18	0.53
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	12	0.53
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG22	16	0.53
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD13	18	0.53
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD11	19	0.53
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	11	0.53
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	14	0.53
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG23	16	0.53
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	17	0.53
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	6	0.53
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD23	10	0.53
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB2	7	0.53
(1,2341)	1:169:A:THR:HG23	1:133:A:GLY:H	2	0.53
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	5	0.53
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG21	2	0.53
(1,2286)	1:174:A:ILE:H	1:174:A:ILE:HD12	8	0.53
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG21	6	0.53
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	9	0.53
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG21	14	0.53
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG21	15	0.53
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD12	14	0.53
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	15	0.53
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG22	2	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG21	18	0.53
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB3	17	0.53
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	8	0.53
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB3	18	0.53
(1,1674)	1:106:A:ASN:HD21	1:101:A:ASP:HB3	11	0.53
(1,1664)	1:137:A:THR:HG22	1:166:A:THR:HG22	2	0.53
(1,1664)	1:137:A:THR:HG23	1:166:A:THR:HG22	17	0.53
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	10	0.53
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	14	0.53
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB3	9	0.53
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	20	0.53
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG23	10	0.53
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG21	14	0.53
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG23	16	0.53
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG23	19	0.53
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	4	0.53
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	6	0.53
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	19	0.53
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD12	8	0.53
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	7	0.53
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	10	0.53
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	11	0.53
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	12	0.53
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE2	1	0.53
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG23	1:12:A:THR:HB	17	0.53
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD21	1:144:A:PHE:HZ	17	0.53
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	11	0.53
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG22	1:163:A:ILE:HG13	7	0.53
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG21	1:163:A:ILE:HG13	13	0.53
(1,1384)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG12	14	0.53
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG22	10	0.53
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG13	12	0.53
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	5	0.53
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB3	1:27:A:TYR:HA	2	0.53
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB1	1:27:A:TYR:HA	7	0.53
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB1	1:27:A:TYR:HA	8	0.53
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB3	1:27:A:TYR:HA	15	0.53
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB1	1:27:A:TYR:HA	16	0.53
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB2	1:27:A:TYR:HA	18	0.53
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	15	0.53
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD21	1:149:A:GLY:H	3	0.53
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD21	1:149:A:GLY:H	9	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD23	1:149:A:GLY:H	14	0.53
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	4	0.53
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	17	0.53
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	19	0.53
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:VAL:HG22	6	0.53
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	2	0.53
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB1	3	0.53
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB3	4	0.53
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB1	15	0.53
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD11	1:159:A:GLY:HA3	7	0.53
(1,1009)	1:172:A:SER:HB3	1:179:A:ASP:HB2	12	0.53
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	4	0.53
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	1	0.53
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB2	6	0.53
(1,798)	1:107:A:ILE:HD12	1:104:A:ILE:HA	18	0.53
(1,798)	1:107:A:ILE:HD12	1:104:A:ILE:HA	20	0.53
(1,656)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG12	14	0.53
(1,604)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HG2	13	0.53
(1,604)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HG2	16	0.53
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG13	16	0.53
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG21	14	0.53
(1,580)	1:198:A:VAL:HA	1:199:A:VAL:HG22	7	0.53
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB2	7	0.53
(1,545)	1:165:A:VAL:HG21	1:183:A:THR:HG23	17	0.53
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB2	18	0.53
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD13	5	0.53
(1,341)	1:36:A:LEU:HD11	1:55:A:LYS:HG3	18	0.53
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	16	0.53
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE2	8	0.53
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE1	17	0.53
(1,247)	1:31:A:ILE:HG22	1:33:A:LEU:H	9	0.53
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	12	0.53
(1,45)	1:3:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	6	0.53
(1,45)	1:3:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	14	0.53
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	1	0.52
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	7	0.52
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	14	0.52
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	16	0.52
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	1	0.52
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	15	0.52
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	18	0.52
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	4	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD21	13	0.52
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD11	14	0.52
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB2	5	0.52
(1,3393)	1:83:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB2	15	0.52
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB3	13	0.52
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	16	0.52
(1,3235)	1:168:A:ASN:HD22	1:168:A:ASN:HB2	10	0.52
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB1	2	0.52
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	9	0.52
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	15	0.52
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD12	3	0.52
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG11	10	0.52
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD11	10	0.52
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD11	12	0.52
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD13	13	0.52
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	2	0.52
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	15	0.52
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	18	0.52
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	16	0.52
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD23	14	0.52
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG13	14	0.52
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG22	10	0.52
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG22	5	0.52
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD12	10	0.52
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB1	2	0.52
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB2	6	0.52
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG22	7	0.52
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD13	7	0.52
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD12	15	0.52
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	16	0.52
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG23	4	0.52
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD11	17	0.52
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB3	17	0.52
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	11	0.52
(1,1964)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HG22	1	0.52
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	9	0.52
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	10	0.52
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB3	1:31:A:ILE:HB	2	0.52
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB2	1:31:A:ILE:HB	18	0.52
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	16	0.52
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	17	0.52
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG22	2	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG21	8	0.52
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD13	15	0.52
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	1	0.52
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	13	0.52
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG23	7	0.52
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	5	0.52
(1,1416)	1:69:A:ASN:HB3	1:161:A:LEU:HD11	14	0.52
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG21	1:163:A:ILE:HG13	2	0.52
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG13	10	0.52
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG21	1:163:A:ILE:HG13	18	0.52
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	19	0.52
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB3	1:27:A:TYR:HA	1	0.52
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB2	1:27:A:TYR:HA	4	0.52
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB2	1:27:A:TYR:HA	9	0.52
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB2	1:27:A:TYR:HA	10	0.52
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB2	1:27:A:TYR:HA	13	0.52
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB2	1:27:A:TYR:HA	19	0.52
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG23	1	0.52
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	3	0.52
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD13	1	0.52
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD11	5	0.52
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD23	1:149:A:GLY:H	10	0.52
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	2	0.52
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	7	0.52
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	13	0.52
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	18	0.52
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD21	15	0.52
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD11	14	0.52
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD21	13	0.52
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG12	1:15:A:TYR:HD2	18	0.52
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	7	0.52
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB1	2	0.52
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB3	9	0.52
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	13	0.52
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	16	0.52
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB1	19	0.52
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	20	0.52
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD12	1:159:A:GLY:HA3	20	0.52
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD11	1:36:A:LEU:HB3	8	0.52
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD12	1:36:A:LEU:HB3	18	0.52
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD12	1:36:A:LEU:HB3	19	0.52
(1,1009)	1:172:A:SER:HB3	1:179:A:ASP:HB2	9	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,970)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG13	18	0.52
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	10	0.52
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	17	0.52
(1,604)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HG2	2	0.52
(1,604)	1:36:A:LEU:HD13	1:35:A:GLN:HG2	4	0.52
(1,604)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HG2	5	0.52
(1,604)	1:36:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HG2	15	0.52
(1,550)	1:165:A:VAL:HG12	1:163:A:ILE:HB	12	0.52
(1,539)	1:165:A:VAL:HG11	1:184:A:LEU:HG	17	0.52
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	19	0.52
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB2	17	0.52
(1,469)	1:146:A:VAL:HG21	1:29:A:GLN:HB3	3	0.52
(1,469)	1:146:A:VAL:HG21	1:29:A:GLN:HB3	4	0.52
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG13	9	0.52
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB1	11	0.52
(1,397)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD3	6	0.52
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	12	0.52
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	16	0.52
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	19	0.52
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB1	20	0.52
(1,74)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HG3	3	0.52
(1,45)	1:3:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	4	0.52
(1,42)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HB2	19	0.52
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	2	0.51
(2,336)	1:97:A:GLY:HA2	1:25:A:HIS:HE1	8	0.51
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	1	0.51
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	16	0.51
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	10	0.51
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	11	0.51
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG22	8	0.51
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	1	0.51
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	3	0.51
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	5	0.51
(1,3393)	1:83:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB3	10	0.51
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	14	0.51
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG13	1:92:A:ILE:HG13	13	0.51
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HB3	8	0.51
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	1	0.51
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	20	0.51
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG22	8	0.51
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG22	15	0.51
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	3	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	20	0.51
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	19	0.51
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD11	7	0.51
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	6	0.51
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	4	0.51
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	9	0.51
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	10	0.51
(1,2566)	1:137:A:THR:HG23	1:168:A:ASN:HD22	1	0.51
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG13	16	0.51
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG23	20	0.51
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD12	12	0.51
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB2	14	0.51
(1,2286)	1:174:A:ILE:H	1:174:A:ILE:HD11	19	0.51
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD11	10	0.51
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD21	4	0.51
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD21	8	0.51
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD23	13	0.51
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	3	0.51
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	13	0.51
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG23	19	0.51
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD13	16	0.51
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB3	5	0.51
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	9	0.51
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	13	0.51
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	3	0.51
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	3	0.51
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	9	0.51
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	17	0.51
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB3	19	0.51
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	13	0.51
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	15	0.51
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	5	0.51
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB2	1:31:A:ILE:HB	6	0.51
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	16	0.51
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD12	19	0.51
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB2	1	0.51
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG23	5	0.51
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG21	7	0.51
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	3	0.51
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD11	12	0.51
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD12	15	0.51
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	4	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	8	0.51
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	16	0.51
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	18	0.51
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE2	5	0.51
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD22	1:144:A:PHE:HZ	8	0.51
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG22	1:163:A:ILE:HG13	16	0.51
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG21	1:163:A:ILE:HG13	19	0.51
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB1	1:27:A:TYR:HA	3	0.51
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB3	1:27:A:TYR:HA	6	0.51
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB3	1:27:A:TYR:HA	11	0.51
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB3	1:27:A:TYR:HA	14	0.51
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	8	0.51
(1,1224)	1:135:A:SER:HB2	1:169:A:THR:HG22	16	0.51
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	16	0.51
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	2	0.51
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	8	0.51
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	1	0.51
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB1	6	0.51
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD13	1:159:A:GLY:HA3	11	0.51
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD12	1:36:A:LEU:HB3	3	0.51
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD13	1:36:A:LEU:HB3	4	0.51
(1,971)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG12	19	0.51
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	3	0.51
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	6	0.51
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	14	0.51
(1,863)	1:193:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD13	18	0.51
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	15	0.51
(1,753)	1:31:A:ILE:HG22	1:32:A:GLN:HE21	17	0.51
(1,604)	1:36:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HG2	1	0.51
(1,592)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG21	18	0.51
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG12	2	0.51
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG12	13	0.51
(1,560)	1:170:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG23	16	0.51
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	4	0.51
(1,471)	1:146:A:VAL:HG23	1:26:A:TYR:HA	19	0.51
(1,469)	1:146:A:VAL:HG21	1:29:A:GLN:HB3	8	0.51
(1,453)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HB	11	0.51
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG11	14	0.51
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB1	14	0.51
(1,217)	1:35:A:GLN:HB3	1:38:A:ALA:HB1	10	0.51
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE1	17	0.51
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	9	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB2	4	0.51
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB2	6	0.51
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB3	14	0.51
(2,859)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG3	15	0.5
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	11	0.5
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	18	0.5
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG3	5	0.5
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG21	7	0.5
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	2	0.5
(1,3396)	1:117:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB3	13	0.5
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD12	5	0.5
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	9	0.5
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	18	0.5
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	20	0.5
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	3	0.5
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	13	0.5
(1,3029)	1:188:A:GLU:H	1:161:A:LEU:HD21	14	0.5
(1,3020)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HD22	10	0.5
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG22	1	0.5
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG23	2	0.5
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG21	11	0.5
(1,2971)	1:129:A:GLN:HE22	1:168:A:ASN:HB2	15	0.5
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	6	0.5
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	9	0.5
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	19	0.5
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	20	0.5
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG22	10	0.5
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG22	11	0.5
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD11	4	0.5
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD13	11	0.5
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD11	20	0.5
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG21	17	0.5
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD13	4	0.5
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG21	9	0.5
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG21	12	0.5
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG21	19	0.5
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	2	0.5
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD21	3	0.5
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	5	0.5
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD22	14	0.5
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	19	0.5
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD22	20	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	5	0.5
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD11	8	0.5
(1,2566)	1:137:A:THR:HG21	1:168:A:ASN:HD22	6	0.5
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD12	14	0.5
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG23	5	0.5
(1,2411)	1:126:A:ILE:H	1:164:A:THR:HG23	8	0.5
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB2	9	0.5
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB1	11	0.5
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB3	16	0.5
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG23	11	0.5
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG21	15	0.5
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB3	2	0.5
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB1	9	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD21	2	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	7	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD23	9	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD21	10	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	12	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	16	0.5
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD21	18	0.5
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD12	15	0.5
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	8	0.5
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG23	6	0.5
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	6	0.5
(1,1964)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HG21	5	0.5
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	15	0.5
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB2	20	0.5
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	14	0.5
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	19	0.5
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB3	1:126:A:ILE:HA	16	0.5
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB2	1:31:A:ILE:HB	20	0.5
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD11	14	0.5
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG22	20	0.5
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG23	1	0.5
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	2	0.5
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	3	0.5
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	9	0.5
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	17	0.5
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	19	0.5
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	11	0.5
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE3	11	0.5
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	1	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG21	1:9:A:ASP:H	8	0.5
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	14	0.5
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	3	0.5
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	20	0.5
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG13	17	0.5
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG11	1:166:A:THR:HG23	5	0.5
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG11	1:166:A:THR:HG23	13	0.5
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG11	13	0.5
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG13	17	0.5
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	7	0.5
(1,1224)	1:135:A:SER:HB2	1:169:A:THR:HG21	17	0.5
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	7	0.5
(1,1180)	1:82:A:LEU:HB3	1:72:A:LEU:HD22	20	0.5
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD21	5	0.5
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG12	1:15:A:TYR:HD2	11	0.5
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	10	0.5
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	11	0.5
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	12	0.5
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD11	4	0.5
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD1	18	0.5
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	12	0.5
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB3	11	0.5
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB3	12	0.5
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	14	0.5
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	17	0.5
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	2	0.5
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	17	0.5
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD11	1:36:A:LEU:HB3	14	0.5
(1,928)	1:85:A:THR:HG21	1:72:A:LEU:HD22	8	0.5
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	9	0.5
(1,863)	1:193:A:VAL:HG23	1:33:A:LEU:HD13	9	0.5
(1,753)	1:31:A:ILE:HG23	1:32:A:GLN:HE21	2	0.5
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD13	15	0.5
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD11	19	0.5
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	7	0.5
(1,593)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	7	0.5
(1,593)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	11	0.5
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG21	15	0.5
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG13	8	0.5
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	6	0.5
(1,516)	1:64:A:ILE:HG22	1:191:A:ILE:HB	17	0.5
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG23	1	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,463)	1:200:A:THR:HG21	1:197:A:GLN:H	6	0.5
(1,457)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HB2	16	0.5
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB1	17	0.5
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	9	0.5
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	18	0.5
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB2	6	0.5
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB1	11	0.5
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	16	0.5
(1,217)	1:35:A:GLN:HB3	1:38:A:ALA:HB3	18	0.5
(1,129)	1:111:A:ALA:HA	1:110:A:HIS:HB3	15	0.5
(1,117)	1:202:A:LEU:HG	1:156:A:MET:HE2	14	0.5
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	18	0.5
(1,36)	1:115:A:LEU:HA	1:115:A:LEU:HD23	17	0.5
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB1	1	0.5
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB3	2	0.5
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB3	12	0.5
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB1	20	0.5
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD11	3	0.5
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	1	0.49
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	18	0.49
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	19	0.49
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	6	0.49
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	9	0.49
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	10	0.49
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	13	0.49
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB3	2	0.49
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG2	1:53:A:LEU:HB3	8	0.49
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	16	0.49
(1,3175)	1:140:A:SER:H	1:163:A:ILE:HG23	1	0.49
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB1	1	0.49
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB1	6	0.49
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	8	0.49
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	2	0.49
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG21	10	0.49
(1,2976)	1:129:A:GLN:HE21	1:129:A:GLN:HG3	4	0.49
(1,2976)	1:129:A:GLN:HE21	1:129:A:GLN:HG3	20	0.49
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	4	0.49
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	8	0.49
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	12	0.49
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG23	19	0.49
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	16	0.49
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG23	1	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD11	16	0.49
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD13	20	0.49
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	1	0.49
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	3	0.49
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG12	7	0.49
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG11	13	0.49
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG12	20	0.49
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB2	12	0.49
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	18	0.49
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	4	0.49
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	7	0.49
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	14	0.49
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG11	13	0.49
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG21	17	0.49
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD13	6	0.49
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD13	20	0.49
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:H	13	0.49
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD11	7	0.49
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB3	1	0.49
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB2	8	0.49
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB1	12	0.49
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB1	19	0.49
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB3	20	0.49
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG12	15	0.49
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB3	14	0.49
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB2	19	0.49
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD12	13	0.49
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD23	3	0.49
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	5	0.49
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	11	0.49
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG22	4	0.49
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG21	18	0.49
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD11	17	0.49
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG23	10	0.49
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB3	3	0.49
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	10	0.49
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	12	0.49
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB3	16	0.49
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	15	0.49
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG11	1	0.49
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG11	10	0.49
(1,1682)	1:138:A:SER:H	1:127:A:ASN:HB3	20	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	9	0.49
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD21	14	0.49
(1,1550)	1:137:A:THR:HG21	1:167:A:PRO:HB2	5	0.49
(1,1550)	1:137:A:THR:HG21	1:167:A:PRO:HB2	10	0.49
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD13	13	0.49
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	6	0.49
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	14	0.49
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	1	0.49
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG22	1:12:A:THR:HB	10	0.49
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG22	10	0.49
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	17	0.49
(1,1437)	1:146:A:VAL:HG22	1:193:A:VAL:HG21	12	0.49
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB2	15	0.49
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG21	1:163:A:ILE:HG13	4	0.49
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG21	1:163:A:ILE:HG13	12	0.49
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG13	10	0.49
(1,1321)	1:28:A:ALA:HB3	1:27:A:TYR:HA	20	0.49
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	9	0.49
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD22	1:149:A:GLY:H	16	0.49
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	9	0.49
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	10	0.49
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	11	0.49
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	10	0.49
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG23	3	0.49
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD13	8	0.49
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	6	0.49
(1,1115)	1:111:A:ALA:HB3	1:105:A:GLN:H	19	0.49
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD22	20	0.49
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB3	5	0.49
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD13	1:155:A:MET:HE2	1	0.49
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD13	1:36:A:LEU:HB3	5	0.49
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	16	0.49
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	19	0.49
(1,971)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG12	9	0.49
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	15	0.49
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	18	0.49
(1,721)	1:151:A:GLU:HG3	1:203:A:GLY:HA2	19	0.49
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD13	3	0.49
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD13	6	0.49
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD13	9	0.49
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD12	13	0.49
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD13	14	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD12	18	0.49
(1,715)	1:102:A:THR:HG22	1:101:A:ASP:HB3	20	0.49
(1,592)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG22	11	0.49
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG11	9	0.49
(1,550)	1:165:A:VAL:HG11	1:163:A:ILE:HB	19	0.49
(1,529)	1:84:A:THR:HG22	1:88:A:GLU:H	10	0.49
(1,516)	1:64:A:ILE:HG23	1:191:A:ILE:HB	5	0.49
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	1	0.49
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	16	0.49
(1,469)	1:146:A:VAL:HG23	1:29:A:GLN:HB3	11	0.49
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG23	15	0.49
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB1	5	0.49
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB1	10	0.49
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB2	18	0.49
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB1	9	0.49
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE1	2	0.49
(1,118)	1:202:A:LEU:HD21	1:156:A:MET:HE3	16	0.49
(1,118)	1:202:A:LEU:HD23	1:156:A:MET:HE1	20	0.49
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB1	3	0.49
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB1	13	0.49
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD11	1	0.49
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD13	7	0.49
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD12	10	0.49
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD11	18	0.49
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	4	0.48
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	13	0.48
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD12	1	0.48
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD12	12	0.48
(1,3497)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG12	17	0.48
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG23	19	0.48
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	13	0.48
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	17	0.48
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	1	0.48
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	9	0.48
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	19	0.48
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	9	0.48
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	3	0.48
(1,3333)	1:26:A:TYR:HB3	1:29:A:GLN:HB3	15	0.48
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB3	15	0.48
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	20	0.48
(1,3105)	1:29:A:GLN:HE22	1:202:A:LEU:HD12	16	0.48
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	1	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	3	0.48
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	6	0.48
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG22	12	0.48
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	10	0.48
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	15	0.48
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG21	1	0.48
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG21	8	0.48
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD13	17	0.48
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	20	0.48
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG23	13	0.48
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	6	0.48
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	10	0.48
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	3	0.48
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	5	0.48
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	11	0.48
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG13	17	0.48
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB1	4	0.48
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB2	10	0.48
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB2	13	0.48
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB2	17	0.48
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	10	0.48
(1,2302)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HG11	1	0.48
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	4	0.48
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD11	6	0.48
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD23	1	0.48
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	6	0.48
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD23	14	0.48
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD12	5	0.48
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG21	12	0.48
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB3	1	0.48
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	5	0.48
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB3	15	0.48
(1,1818)	1:179:A:ASP:H	1:177:A:THR:HG21	3	0.48
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	18	0.48
(1,1780)	1:168:A:ASN:H	1:135:A:SER:HB3	6	0.48
(1,1780)	1:168:A:ASN:H	1:135:A:SER:HB3	13	0.48
(1,1780)	1:168:A:ASN:H	1:135:A:SER:HB3	18	0.48
(1,1664)	1:137:A:THR:HG22	1:166:A:THR:HG23	1	0.48
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB3	1:31:A:ILE:HB	11	0.48
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB2	1:31:A:ILE:HB	13	0.48
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB2	1:31:A:ILE:HB	15	0.48
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD12	2	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	9	0.48
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	20	0.48
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG22	3	0.48
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG21	17	0.48
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD21	12	0.48
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	1	0.48
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	2	0.48
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD11	1:110:A:HIS:HB3	16	0.48
(1,1541)	1:64:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	20	0.48
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD22	1:191:A:ILE:HG23	20	0.48
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	19	0.48
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG21	12	0.48
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG22	1:12:A:THR:HB	5	0.48
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD23	1:144:A:PHE:HZ	12	0.48
(1,1460)	1:5:A:ILE:HG23	1:9:A:ASP:H	18	0.48
(1,1385)	1:163:A:ILE:HG23	1:163:A:ILE:HG13	20	0.48
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG11	4	0.48
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG12	6	0.48
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	17	0.48
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	1	0.48
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	14	0.48
(1,1226)	1:169:A:THR:HG23	1:178:A:LYS:HZ3	3	0.48
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD23	11	0.48
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	9	0.48
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	13	0.48
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD11	13	0.48
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	10	0.48
(1,1050)	1:161:A:LEU:HD12	1:189:A:ILE:HB	8	0.48
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD12	1:36:A:LEU:HB3	1	0.48
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD11	1:36:A:LEU:HB3	7	0.48
(1,1007)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HG	3	0.48
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG22	2	0.48
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	18	0.48
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	4	0.48
(1,795)	1:106:A:ASN:HA	1:107:A:ILE:HD13	11	0.48
(1,794)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HG23	8	0.48
(1,728)	1:151:A:GLU:HG2	1:151:A:GLU:HB3	19	0.48
(1,714)	1:107:A:ILE:HD11	1:101:A:ASP:HB3	4	0.48
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	15	0.48
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG13	6	0.48
(1,516)	1:64:A:ILE:HG21	1:191:A:ILE:HB	6	0.48
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	13	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB3	14	0.48
(1,469)	1:146:A:VAL:HG22	1:29:A:GLN:HB3	14	0.48
(1,466)	1:200:A:THR:HG22	1:151:A:GLU:HB3	5	0.48
(1,411)	1:21:A:LEU:HD12	1:41:A:VAL:HG22	19	0.48
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	9	0.48
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD21	9	0.48
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE2	5	0.48
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	2	0.48
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	4	0.48
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	10	0.48
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE2	9	0.48
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	20	0.48
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB3	5	0.48
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB3	9	0.48
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB3	11	0.48
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB2	17	0.48
(1,15)	1:49:A:LEU:HD21	1:64:A:ILE:HG21	3	0.48
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD21	6	0.48
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD21	7	0.48
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD23	18	0.48
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD13	6	0.48
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	3	0.47
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	4	0.47
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	15	0.47
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	12	0.47
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	4	0.47
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	20	0.47
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD21	4	0.47
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD13	2	0.47
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	13	0.47
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG23	9	0.47
(1,2976)	1:129:A:GLN:HE21	1:129:A:GLN:HG3	6	0.47
(1,2976)	1:129:A:GLN:HE21	1:129:A:GLN:HG3	13	0.47
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	2	0.47
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	3	0.47
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	7	0.47
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG23	13	0.47
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG23	18	0.47
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG22	20	0.47
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	17	0.47
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD13	15	0.47
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD11	17	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	8	0.47
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	13	0.47
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	15	0.47
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	17	0.47
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD22	15	0.47
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	12	0.47
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD21	12	0.47
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD22	16	0.47
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD21	20	0.47
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:H	11	0.47
(1,2341)	1:169:A:THR:HG22	1:133:A:GLY:H	1	0.47
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB1	20	0.47
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD12	4	0.47
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	17	0.47
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	19	0.47
(1,2215)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD22	20	0.47
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD11	15	0.47
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD12	18	0.47
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	12	0.47
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	4	0.47
(1,1967)	1:34:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HD22	17	0.47
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	12	0.47
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	5	0.47
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	7	0.47
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	12	0.47
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB1	5	0.47
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB3	4	0.47
(1,1674)	1:106:A:ASN:HD21	1:101:A:ASP:HB3	20	0.47
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	1	0.47
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	8	0.47
(1,1549)	1:167:A:PRO:HB2	1:135:A:SER:HB3	5	0.47
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD13	1	0.47
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD11	5	0.47
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	15	0.47
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG23	13	0.47
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG13	1:193:A:VAL:HG23	6	0.47
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	9	0.47
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	10	0.47
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	18	0.47
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG13	16	0.47
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	10	0.47
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB1	17	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG23	18	0.47
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD21	1:149:A:GLY:H	20	0.47
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	12	0.47
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	20	0.47
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	14	0.47
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD21	4	0.47
(1,1164)	1:17:A:VAL:HG13	1:15:A:TYR:HD2	2	0.47
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	15	0.47
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD23	1:81:A:ALA:H	18	0.47
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD11	3	0.47
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD11	15	0.47
(1,1099)	1:32:A:GLN:HB3	1:33:A:LEU:HA	11	0.47
(1,1074)	1:64:A:ILE:HB	1:63:A:ALA:HB2	7	0.47
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	7	0.47
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	19	0.47
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD13	2	0.47
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD11	1:155:A:MET:HE1	13	0.47
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD13	1:155:A:MET:HE1	19	0.47
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD11	1:36:A:LEU:HB3	16	0.47
(1,921)	1:202:A:LEU:HD11	1:194:A:LYS:HB2	13	0.47
(1,798)	1:107:A:ILE:HD11	1:104:A:ILE:HA	6	0.47
(1,794)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HG23	5	0.47
(1,770)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HA	12	0.47
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB3	9	0.47
(1,716)	1:126:A:ILE:HB	1:126:A:ILE:HD13	5	0.47
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	2	0.47
(1,593)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG12	4	0.47
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG23	16	0.47
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG11	3	0.47
(1,560)	1:170:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG21	6	0.47
(1,550)	1:165:A:VAL:HG12	1:163:A:ILE:HB	9	0.47
(1,550)	1:165:A:VAL:HG12	1:163:A:ILE:HB	16	0.47
(1,529)	1:84:A:THR:HG22	1:88:A:GLU:H	3	0.47
(1,529)	1:84:A:THR:HG22	1:88:A:GLU:H	9	0.47
(1,516)	1:64:A:ILE:HG21	1:191:A:ILE:HB	2	0.47
(1,516)	1:64:A:ILE:HG21	1:191:A:ILE:HB	8	0.47
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB3	9	0.47
(1,457)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HB2	1	0.47
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG21	7	0.47
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG21	18	0.47
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	4	0.47
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	10	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG22	16	0.47
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE3	4	0.47
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	19	0.47
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE2	3	0.47
(1,119)	1:193:A:VAL:HG21	1:156:A:MET:HE3	11	0.47
(1,71)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HD11	14	0.47
(1,45)	1:3:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	3	0.47
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	12	0.47
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB2	18	0.47
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD23	10	0.47
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	3	0.46
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	15	0.46
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	13	0.46
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD12	8	0.46
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG3	1	0.46
(1,3498)	1:11:A:ASN:HD22	1:13:A:LEU:HD22	20	0.46
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	16	0.46
(1,3483)	1:61:A:ASP:H	1:155:A:MET:HG3	19	0.46
(1,3458)	1:44:A:ASN:HB3	1:20:A:ASN:HB2	19	0.46
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	10	0.46
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	4	0.46
(1,3359)	1:61:A:ASP:HB2	1:155:A:MET:HG3	19	0.46
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG13	1:92:A:ILE:HG13	3	0.46
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HB3	12	0.46
(1,3270)	1:106:A:ASN:HD22	1:103:A:TYR:HD2	20	0.46
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	14	0.46
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	3	0.46
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	4	0.46
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	9	0.46
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG23	3	0.46
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG23	7	0.46
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG22	17	0.46
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG21	19	0.46
(1,2976)	1:129:A:GLN:HE21	1:129:A:GLN:HG3	18	0.46
(1,2969)	1:129:A:GLN:HE22	1:137:A:THR:HG23	2	0.46
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	11	0.46
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	16	0.46
(1,2950)	1:176:A:ASN:HD21	1:171:A:ILE:HG13	16	0.46
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG23	12	0.46
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG21	16	0.46
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD11	13	0.46
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	19	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD11	12	0.46
(1,2826)	1:103:A:TYR:H	1:106:A:ASN:HB2	13	0.46
(1,2755)	1:46:A:GLN:HE21	1:41:A:VAL:HG21	2	0.46
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG21	8	0.46
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	16	0.46
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	2	0.46
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	19	0.46
(1,2566)	1:137:A:THR:HG21	1:168:A:ASN:HD22	13	0.46
(1,2566)	1:137:A:THR:HG21	1:168:A:ASN:HD22	16	0.46
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG12	11	0.46
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB1	7	0.46
(1,2198)	1:105:A:GLN:H	1:107:A:ILE:HG23	14	0.46
(1,2180)	1:82:A:LEU:H	1:85:A:THR:HG22	8	0.46
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	10	0.46
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD13	13	0.46
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	14	0.46
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB3	18	0.46
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	19	0.46
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB2	20	0.46
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	6	0.46
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB3	18	0.46
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG11	12	0.46
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB1	19	0.46
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	11	0.46
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	3	0.46
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	4	0.46
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB2	1:31:A:ILE:HB	12	0.46
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB2	10	0.46
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB3	14	0.46
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD11	13	0.46
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG23	18	0.46
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG23	1:13:A:LEU:HD12	15	0.46
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG23	2	0.46
(1,1550)	1:137:A:THR:HG22	1:167:A:PRO:HB2	1	0.46
(1,1549)	1:167:A:PRO:HB2	1:135:A:SER:HB3	1	0.46
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD12	7	0.46
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD13	10	0.46
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG23	6	0.46
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG22	10	0.46
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG21	1:12:A:THR:HB	7	0.46
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB3	12	0.46
(1,1403)	1:77:A:SER:HB2	1:81:A:ALA:HB3	18	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG11	5	0.46
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG21	20	0.46
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG21	20	0.46
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	15	0.46
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	17	0.46
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:H	10	0.46
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD12	17	0.46
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	4	0.46
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	5	0.46
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	6	0.46
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	8	0.46
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	9	0.46
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	14	0.46
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	20	0.46
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	14	0.46
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	19	0.46
(1,798)	1:107:A:ILE:HD12	1:104:A:ILE:HA	17	0.46
(1,798)	1:107:A:ILE:HD11	1:104:A:ILE:HA	19	0.46
(1,714)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB3	2	0.46
(1,714)	1:107:A:ILE:HD11	1:101:A:ASP:HB3	19	0.46
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG23	19	0.46
(1,516)	1:64:A:ILE:HG21	1:191:A:ILE:HB	1	0.46
(1,516)	1:64:A:ILE:HG22	1:191:A:ILE:HB	18	0.46
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	3	0.46
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB2	4	0.46
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	6	0.46
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB3	12	0.46
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	15	0.46
(1,469)	1:146:A:VAL:HG23	1:29:A:GLN:HB3	7	0.46
(1,469)	1:146:A:VAL:HG22	1:29:A:GLN:HB3	15	0.46
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB1	15	0.46
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD22	18	0.46
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	8	0.46
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB3	4	0.46
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	13	0.46
(1,247)	1:31:A:ILE:HG21	1:33:A:LEU:H	17	0.46
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE3	20	0.46
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	9	0.46
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD22	3	0.46
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	11	0.46
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	17	0.46
(1,44)	1:5:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	5	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	9	0.46
(1,39)	1:115:A:LEU:HD11	1:79:A:LEU:HG	17	0.46
(1,39)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HG	19	0.46
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB1	16	0.46
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD12	12	0.46
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	11	0.45
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	2	0.45
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	18	0.45
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD12	3	0.45
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	20	0.45
(1,3335)	1:200:A:THR:HG22	1:198:A:VAL:HG22	7	0.45
(1,3145)	1:128:A:ALA:H	1:126:A:ILE:HG22	1	0.45
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB1	10	0.45
(1,3020)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HD22	6	0.45
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	14	0.45
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG21	5	0.45
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG23	14	0.45
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	13	0.45
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG22	3	0.45
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	12	0.45
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	1	0.45
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	11	0.45
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	19	0.45
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD12	5	0.45
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD13	8	0.45
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	11	0.45
(1,2685)	1:23:A:ASN:HD22	1:23:A:ASN:HB2	12	0.45
(1,2566)	1:137:A:THR:HG22	1:168:A:ASN:HD22	14	0.45
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG11	18	0.45
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	5	0.45
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG22	7	0.45
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	18	0.45
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG23	15	0.45
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	15	0.45
(1,2286)	1:174:A:ILE:H	1:174:A:ILE:HD13	14	0.45
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB3	12	0.45
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD12	10	0.45
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD11	20	0.45
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	12	0.45
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB1	7	0.45
(1,1976)	1:37:A:PHE:H	1:38:A:ALA:HB3	15	0.45
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	14	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	16	0.45
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB2	7	0.45
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	15	0.45
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD11	12	0.45
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD12	13	0.45
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB1	16	0.45
(1,1648)	1:34:A:ALA:HB1	1:31:A:ILE:HB	7	0.45
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB2	2	0.45
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD12	1	0.45
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG23	1:13:A:LEU:HD12	13	0.45
(1,1583)	1:90:A:LEU:HA	1:93:A:GLU:HB3	8	0.45
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG22	13	0.45
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD13	1:110:A:HIS:HB3	20	0.45
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG21	18	0.45
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE2	6	0.45
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG21	17	0.45
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	9	0.45
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG22	19	0.45
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG13	1:193:A:VAL:HG23	18	0.45
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	2	0.45
(1,1396)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD21	19	0.45
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB3	1:96:A:LEU:HB3	3	0.45
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG23	8	0.45
(1,1320)	1:31:A:ILE:HG13	1:28:A:ALA:HB1	2	0.45
(1,1282)	1:166:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HG23	17	0.45
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD12	1:99:A:SER:HB3	8	0.45
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD22	15	0.45
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD23	1:81:A:ALA:H	8	0.45
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD21	1:81:A:ALA:H	19	0.45
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	20	0.45
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	9	0.45
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	15	0.45
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	20	0.45
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD13	9	0.45
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	3	0.45
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD13	1:159:A:GLY:HA3	13	0.45
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD13	1:159:A:GLY:HA3	15	0.45
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD13	1:155:A:MET:HE2	15	0.45
(1,971)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG12	3	0.45
(1,921)	1:202:A:LEU:HD13	1:194:A:LYS:HB2	11	0.45
(1,794)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HG23	2	0.45
(1,753)	1:31:A:ILE:HG22	1:32:A:GLN:HE21	11	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,753)	1:31:A:ILE:HG22	1:32:A:GLN:HE21	12	0.45
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	9	0.45
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	3	0.45
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	9	0.45
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	8	0.45
(1,593)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG13	20	0.45
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG12	4	0.45
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG11	7	0.45
(1,577)	1:96:A:LEU:HA	1:95:A:VAL:HG11	10	0.45
(1,529)	1:84:A:THR:HG22	1:88:A:GLU:H	1	0.45
(1,516)	1:64:A:ILE:HG21	1:191:A:ILE:HB	3	0.45
(1,516)	1:64:A:ILE:HG23	1:191:A:ILE:HB	19	0.45
(1,516)	1:64:A:ILE:HG23	1:191:A:ILE:HB	20	0.45
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB3	20	0.45
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG12	11	0.45
(1,466)	1:200:A:THR:HG21	1:151:A:GLU:HB3	2	0.45
(1,457)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HB2	11	0.45
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	14	0.45
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG11	5	0.45
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	2	0.45
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	12	0.45
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB1	5	0.45
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB1	8	0.45
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	9	0.45
(1,217)	1:35:A:GLN:HB3	1:38:A:ALA:HB1	19	0.45
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE1	17	0.45
(1,90)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HG	17	0.45
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	2	0.45
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD11	5	0.45
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD13	9	0.45
(2,670)	1:131:A:ASP:H	1:168:A:ASN:HB2	20	0.44
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	5	0.44
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	12	0.44
(2,251)	1:149:A:GLY:HA3	1:150:A:GLU:HG3	17	0.44
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	13	0.44
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG23	18	0.44
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	15	0.44
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG21	14	0.44
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	12	0.44
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	6	0.44
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	3	0.44
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	15	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD11	7	0.44
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	3	0.44
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	11	0.44
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB2	16	0.44
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	16	0.44
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	13	0.44
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG21	7	0.44
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD13	1	0.44
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD12	2	0.44
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	7	0.44
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	8	0.44
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	13	0.44
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG21	10	0.44
(1,2635)	1:129:A:GLN:H	1:129:A:GLN:HB2	2	0.44
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD23	9	0.44
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD21	15	0.44
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD22	1	0.44
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG21	3	0.44
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:H	3	0.44
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	3	0.44
(1,2372)	1:65:A:ILE:H	1:66:A:ALA:HB1	5	0.44
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD12	11	0.44
(1,2207)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:H	19	0.44
(1,2156)	1:177:A:THR:H	1:171:A:ILE:HG13	13	0.44
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD13	6	0.44
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	1	0.44
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	5	0.44
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	6	0.44
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	18	0.44
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB3	1	0.44
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB2	10	0.44
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB2	14	0.44
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB1	4	0.44
(1,1682)	1:138:A:SER:H	1:127:A:ASN:HB3	18	0.44
(1,1653)	1:147:A:SER:HB3	1:158:A:ALA:HB2	5	0.44
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD13	12	0.44
(1,1610)	1:57:A:GLN:HB2	1:63:A:ALA:HB1	15	0.44
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD11	1	0.44
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE3	20	0.44
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG21	1:12:A:THR:HB	14	0.44
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	1	0.44
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	11	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	8	0.44
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB2	1:84:A:THR:HB	4	0.44
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	1	0.44
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:VAL:HG21	8	0.44
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD12	1:159:A:GLY:HA3	10	0.44
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD13	3	0.44
(1,1007)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HG	5	0.44
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	13	0.44
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	15	0.44
(1,863)	1:193:A:VAL:HG21	1:33:A:LEU:HD11	6	0.44
(1,844)	1:98:A:ILE:HD12	1:102:A:THR:HG21	12	0.44
(1,795)	1:106:A:ASN:HA	1:107:A:ILE:HD13	4	0.44
(1,714)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB3	5	0.44
(1,714)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB3	9	0.44
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD13	10	0.44
(1,527)	1:123:A:TRP:HA	1:164:A:THR:HG22	12	0.44
(1,516)	1:64:A:ILE:HG23	1:191:A:ILE:HB	4	0.44
(1,516)	1:64:A:ILE:HG22	1:191:A:ILE:HB	9	0.44
(1,516)	1:64:A:ILE:HG23	1:191:A:ILE:HB	13	0.44
(1,516)	1:64:A:ILE:HG21	1:191:A:ILE:HB	14	0.44
(1,469)	1:146:A:VAL:HG23	1:29:A:GLN:HB3	2	0.44
(1,450)	1:18:A:PHE:HB3	1:17:A:VAL:HG12	20	0.44
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG22	14	0.44
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG21	15	0.44
(1,271)	1:170:A:ALA:HB1	1:177:A:THR:HG21	9	0.44
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	7	0.44
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	11	0.44
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	14	0.44
(1,70)	1:70:A:MET:HE2	1:186:A:LYS:HD3	2	0.44
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	12	0.44
(1,43)	1:115:A:LEU:HD11	1:111:A:ALA:HB1	10	0.44
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG13	6	0.44
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG23	5	0.44
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD13	13	0.44
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	16	0.43
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	18	0.43
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	3	0.43
(1,3458)	1:44:A:ASN:HB3	1:20:A:ASN:HB2	2	0.43
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	13	0.43
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	12	0.43
(1,3396)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB3	19	0.43
(1,3368)	1:102:A:THR:HA	1:107:A:ILE:HG12	5	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG11	1:92:A:ILE:HG13	19	0.43
(1,3020)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HD22	16	0.43
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG21	4	0.43
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG21	6	0.43
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG22	18	0.43
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD13	7	0.43
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	17	0.43
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD12	13	0.43
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	18	0.43
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD12	13	0.43
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	14	0.43
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	14	0.43
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD22	12	0.43
(1,2579)	1:46:A:GLN:H	1:21:A:LEU:HD21	20	0.43
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG22	11	0.43
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	12	0.43
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	6	0.43
(1,2338)	1:176:A:ASN:HD21	1:169:A:THR:HG23	3	0.43
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB1	3	0.43
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB1	6	0.43
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB3	8	0.43
(1,2217)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HG3	18	0.43
(1,2211)	1:82:A:LEU:H	1:83:A:THR:HG21	13	0.43
(1,2207)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:H	10	0.43
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	14	0.43
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD12	9	0.43
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD12	12	0.43
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	18	0.43
(1,1946)	1:176:A:ASN:HD21	1:170:A:ALA:HB2	3	0.43
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	2	0.43
(1,1682)	1:138:A:SER:H	1:127:A:ASN:HB3	4	0.43
(1,1625)	1:5:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HB2	8	0.43
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG21	15	0.43
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD12	14	0.43
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	17	0.43
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG21	4	0.43
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG22	9	0.43
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG22	17	0.43
(1,1452)	1:14:A:PRO:HA	1:3:A:ILE:HD13	8	0.43
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG22	9	0.43
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD11	13	0.43
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD11	20	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	14	0.43
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	7	0.43
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB2	1:96:A:LEU:HB3	1	0.43
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	1	0.43
(1,1280)	1:99:A:SER:HB2	1:98:A:ILE:HD12	6	0.43
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD11	1:99:A:SER:HB3	2	0.43
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD21	9	0.43
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD11	8	0.43
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	1	0.43
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	3	0.43
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	7	0.43
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	10	0.43
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	12	0.43
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD23	1:81:A:ALA:H	16	0.43
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD21	1:81:A:ALA:H	17	0.43
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD12	19	0.43
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	1	0.43
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	13	0.43
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	18	0.43
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD12	1:36:A:LEU:HB3	13	0.43
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	10	0.43
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	2	0.43
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	4	0.43
(1,755)	1:14:A:PRO:HG3	1:13:A:LEU:HD13	3	0.43
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	2	0.43
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	11	0.43
(1,623)	1:74:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD21	13	0.43
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB2	11	0.43
(1,550)	1:165:A:VAL:HG13	1:163:A:ILE:HB	14	0.43
(1,548)	1:165:A:VAL:HG12	1:183:A:THR:HB	17	0.43
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG23	15	0.43
(1,516)	1:64:A:ILE:HG22	1:191:A:ILE:HB	7	0.43
(1,516)	1:64:A:ILE:HG22	1:191:A:ILE:HB	11	0.43
(1,516)	1:64:A:ILE:HG21	1:191:A:ILE:HB	16	0.43
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB3	5	0.43
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG21	3	0.43
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	10	0.43
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD23	20	0.43
(1,119)	1:193:A:VAL:HG21	1:156:A:MET:HE1	12	0.43
(1,71)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HD12	10	0.43
(1,44)	1:5:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	16	0.43
(1,44)	1:5:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	17	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	8	0.43
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	15	0.43
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	16	0.43
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	17	0.43
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG13	18	0.43
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	6	0.42
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	7	0.42
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	10	0.42
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB3	8	0.42
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	8	0.42
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	5	0.42
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	19	0.42
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	7	0.42
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	14	0.42
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	17	0.42
(1,3368)	1:102:A:THR:HA	1:107:A:ILE:HG12	17	0.42
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG12	1:92:A:ILE:HG13	11	0.42
(1,3258)	1:34:A:ALA:H	1:155:A:MET:HE1	17	0.42
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB1	19	0.42
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	20	0.42
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	14	0.42
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD11	8	0.42
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD13	20	0.42
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	19	0.42
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG23	17	0.42
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG22	10	0.42
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG12	17	0.42
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	6	0.42
(1,2751)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG22	13	0.42
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	3	0.42
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	3	0.42
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	13	0.42
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD13	19	0.42
(1,2566)	1:137:A:THR:HG21	1:168:A:ASN:HD22	18	0.42
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD23	14	0.42
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG22	8	0.42
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG21	12	0.42
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	4	0.42
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	8	0.42
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD13	11	0.42
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD13	17	0.42
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD13	18	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	15	0.42
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	20	0.42
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	4	0.42
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	7	0.42
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB3	18	0.42
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD13	2	0.42
(1,2207)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:H	3	0.42
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	5	0.42
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	18	0.42
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	20	0.42
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	4	0.42
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	16	0.42
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	20	0.42
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	14	0.42
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	13	0.42
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	7	0.42
(1,1818)	1:179:A:ASP:H	1:177:A:THR:HG21	15	0.42
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD12	11	0.42
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD11	8	0.42
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HD11	8	0.42
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD13	1:110:A:HIS:HB3	12	0.42
(1,1550)	1:137:A:THR:HG23	1:167:A:PRO:HB2	6	0.42
(1,1550)	1:137:A:THR:HG21	1:167:A:PRO:HB2	7	0.42
(1,1550)	1:137:A:THR:HG21	1:167:A:PRO:HB2	8	0.42
(1,1550)	1:137:A:THR:HG23	1:167:A:PRO:HB2	13	0.42
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE1	17	0.42
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG22	6	0.42
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG22	3	0.42
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD22	1:144:A:PHE:HZ	15	0.42
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD12	9	0.42
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	16	0.42
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG21	2	0.42
(1,1371)	1:165:A:VAL:HG22	1:137:A:THR:H	2	0.42
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG12	18	0.42
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD12	9	0.42
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD11	1:99:A:SER:HB3	3	0.42
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD21	3	0.42
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD22	7	0.42
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	6	0.42
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG21	7	0.42
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD21	1:81:A:ALA:H	5	0.42
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	9	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD21	1:81:A:ALA:H	14	0.42
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	7	0.42
(1,1115)	1:111:A:ALA:HB3	1:105:A:GLN:H	17	0.42
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD13	12	0.42
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD13	1:46:A:GLN:HB3	2	0.42
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	11	0.42
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	16	0.42
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD12	15	0.42
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	5	0.42
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	11	0.42
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	12	0.42
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	9	0.42
(1,794)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HG22	10	0.42
(1,753)	1:31:A:ILE:HG22	1:32:A:GLN:HE21	5	0.42
(1,714)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB3	8	0.42
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	12	0.42
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG13	9	0.42
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG23	3	0.42
(1,592)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG21	7	0.42
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG21	18	0.42
(1,457)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HB2	6	0.42
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG23	6	0.42
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG22	11	0.42
(1,308)	1:98:A:ILE:HB	1:102:A:THR:HG23	6	0.42
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	3	0.42
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG22	6	0.42
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG22	12	0.42
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE2	3	0.42
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD23	18	0.42
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	17	0.42
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG23	2	0.42
(1,71)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HD13	6	0.42
(1,15)	1:49:A:LEU:HD23	1:64:A:ILE:HG22	18	0.42
(2,757)	1:69:A:ASN:HD22	1:68:A:ASN:HD22	8	0.41
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	13	0.41
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	16	0.41
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	14	0.41
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG21	1	0.41
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	10	0.41
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB2	17	0.41
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	12	0.41
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	4	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3335)	1:200:A:THR:HG22	1:198:A:VAL:HG13	3	0.41
(1,3102)	1:75:A:SER:H	1:75:A:SER:HB3	1	0.41
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG21	17	0.41
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD13	1	0.41
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	7	0.41
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG22	9	0.41
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	15	0.41
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD12	7	0.41
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG12	5	0.41
(1,2746)	1:71:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	4	0.41
(1,2638)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB3	9	0.41
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	7	0.41
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	3	0.41
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD22	18	0.41
(1,2551)	1:156:A:MET:H	1:193:A:VAL:HG12	10	0.41
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG23	5	0.41
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG12	5	0.41
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD13	9	0.41
(1,2441)	1:31:A:ILE:H	1:155:A:MET:HE1	17	0.41
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD13	9	0.41
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB3	4	0.41
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB2	5	0.41
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD12	17	0.41
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD13	20	0.41
(1,2207)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:H	9	0.41
(1,2207)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:H	14	0.41
(1,2108)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HD13	13	0.41
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD13	8	0.41
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD11	11	0.41
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD11	16	0.41
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD11	19	0.41
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ3	9	0.41
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	18	0.41
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	7	0.41
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	11	0.41
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD11	5	0.41
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	10	0.41
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG12	7	0.41
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	11	0.41
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	17	0.41
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB2	9	0.41
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB2	13	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD11	3	0.41
(1,1670)	1:147:A:SER:HB3	1:202:A:LEU:HG	5	0.41
(1,1663)	1:137:A:THR:HG22	1:128:A:ALA:HB2	7	0.41
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD12	11	0.41
(1,1625)	1:5:A:ILE:HG23	1:13:A:LEU:HB2	13	0.41
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	10	0.41
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG21	1:18:A:PHE:HD2	3	0.41
(1,1550)	1:137:A:THR:HG23	1:167:A:PRO:HB2	16	0.41
(1,1550)	1:137:A:THR:HG23	1:167:A:PRO:HB2	19	0.41
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD13	3	0.41
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD22	1:191:A:ILE:HG21	16	0.41
(1,1501)	1:135:A:SER:HB2	1:168:A:ASN:HD21	13	0.41
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG21	8	0.41
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	12	0.41
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD12	5	0.41
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD12	6	0.41
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD13	4	0.41
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG23	12	0.41
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	17	0.41
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD23	10	0.41
(1,1219)	1:169:A:THR:HG22	1:180:A:TRP:H	7	0.41
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG21	11	0.41
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD11	17	0.41
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:H	20	0.41
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD21	1:81:A:ALA:H	2	0.41
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	4	0.41
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD22	1:81:A:ALA:H	13	0.41
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD11	18	0.41
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD21	7	0.41
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	10	0.41
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	15	0.41
(1,1009)	1:172:A:SER:HB3	1:179:A:ASP:HB2	8	0.41
(1,1007)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HG	4	0.41
(1,992)	1:55:A:LYS:HE3	1:191:A:ILE:HD13	2	0.41
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	4	0.41
(1,970)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG13	10	0.41
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD13	9	0.41
(1,798)	1:107:A:ILE:HD11	1:104:A:ILE:HA	7	0.41
(1,753)	1:31:A:ILE:HG21	1:32:A:GLN:HE21	18	0.41
(1,714)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB3	15	0.41
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	16	0.41
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	7	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	13	0.41
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	4	0.41
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	14	0.41
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	1	0.41
(1,570)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG21	7	0.41
(1,494)	1:190:A:THR:HB	1:68:A:ASN:HD21	11	0.41
(1,469)	1:146:A:VAL:HG22	1:29:A:GLN:HB3	20	0.41
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG23	13	0.41
(1,402)	1:160:A:PRO:HD2	1:144:A:PHE:HD1	11	0.41
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE2	6	0.41
(1,217)	1:35:A:GLN:HB3	1:38:A:ALA:HB1	9	0.41
(1,155)	1:39:A:HIS:HA	1:15:A:TYR:HE2	10	0.41
(1,155)	1:39:A:HIS:HA	1:15:A:TYR:HE2	11	0.41
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	2	0.41
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	12	0.41
(1,44)	1:5:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	4	0.41
(1,44)	1:5:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	20	0.41
(1,37)	1:115:A:LEU:HD12	1:86:A:LEU:HD11	8	0.41
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD22	1	0.41
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	1	0.4
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	10	0.4
(2,110)	1:123:A:TRP:HA	1:125:A:HIS:HE1	10	0.4
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	6	0.4
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	3	0.4
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD11	2	0.4
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	2	0.4
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	14	0.4
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG21	11	0.4
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	4	0.4
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	1	0.4
(1,3379)	1:60:A:PRO:HB2	1:155:A:MET:HG3	10	0.4
(1,3102)	1:75:A:SER:H	1:75:A:SER:HB3	14	0.4
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	5	0.4
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	19	0.4
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	3	0.4
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	11	0.4
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	15	0.4
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB3	5	0.4
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	13	0.4
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD11	19	0.4
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	12	0.4
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	1	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG12	7	0.4
(1,2768)	1:56:A:ALA:H	1:47:A:LEU:HD12	11	0.4
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG12	16	0.4
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	1	0.4
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	5	0.4
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	19	0.4
(1,2673)	1:143:A:LEU:H	1:142:A:SER:HB3	1	0.4
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	1	0.4
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	2	0.4
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	18	0.4
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD11	14	0.4
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG22	10	0.4
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG21	18	0.4
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG21	19	0.4
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG11	7	0.4
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	15	0.4
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	14	0.4
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD23	8	0.4
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD11	7	0.4
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD13	1	0.4
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	1	0.4
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ3	13	0.4
(1,2048)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HG21	20	0.4
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	13	0.4
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	19	0.4
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG12	20	0.4
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	17	0.4
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB1	4	0.4
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB2	6	0.4
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB3	18	0.4
(1,1663)	1:137:A:THR:HG21	1:128:A:ALA:HB1	3	0.4
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	2	0.4
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG21	18	0.4
(1,1550)	1:137:A:THR:HG23	1:167:A:PRO:HB2	12	0.4
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD23	1:191:A:ILE:HG22	5	0.4
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	8	0.4
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	13	0.4
(1,1501)	1:135:A:SER:HB2	1:168:A:ASN:HD21	18	0.4
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG23	1:12:A:THR:HB	18	0.4
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG21	5	0.4
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	14	0.4
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	15	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG23	15	0.4
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG22	17	0.4
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD12	3	0.4
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD11	18	0.4
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD13	19	0.4
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB1	1:84:A:THR:HB	19	0.4
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD12	5	0.4
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB2	1:96:A:LEU:HB3	4	0.4
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD13	1:99:A:SER:HB3	9	0.4
(1,1227)	1:20:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG23	20	0.4
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	17	0.4
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD13	2	0.4
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD11	12	0.4
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:H	12	0.4
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HA	16	0.4
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD23	1:81:A:ALA:H	11	0.4
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	4	0.4
(1,1073)	1:64:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	12	0.4
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD12	1:155:A:MET:HE1	12	0.4
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	6	0.4
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	17	0.4
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	11	0.4
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	13	0.4
(1,794)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HG21	3	0.4
(1,794)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HG21	12	0.4
(1,770)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HA	19	0.4
(1,764)	1:85:A:THR:HG21	1:82:A:LEU:HG	8	0.4
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	20	0.4
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	18	0.4
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	14	0.4
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	12	0.4
(1,569)	1:95:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG12	2	0.4
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG11	9	0.4
(1,560)	1:170:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG23	4	0.4
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB3	8	0.4
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB3	11	0.4
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG21	2	0.4
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	16	0.4
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG11	2	0.4
(1,15)	1:49:A:LEU:HD21	1:64:A:ILE:HG22	9	0.4
(2,400)	1:125:A:HIS:HA	1:140:A:SER:HA	16	0.39
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	16	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	18	0.39
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD21	1:18:A:PHE:HD2	2	0.39
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	13	0.39
(1,3506)	1:107:A:ILE:H	1:107:A:ILE:HG12	15	0.39
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG23	17	0.39
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	12	0.39
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB3	10	0.39
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB3	4	0.39
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	19	0.39
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	2	0.39
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	5	0.39
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	9	0.39
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	18	0.39
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	19	0.39
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD22	6	0.39
(1,3396)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB2	2	0.39
(1,3374)	1:79:A:LEU:HB3	1:82:A:LEU:HD12	1	0.39
(1,3368)	1:102:A:THR:HA	1:107:A:ILE:HG12	3	0.39
(1,3309)	1:70:A:MET:HE1	1:70:A:MET:HB2	13	0.39
(1,3029)	1:188:A:GLU:H	1:161:A:LEU:HD22	8	0.39
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	18	0.39
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	10	0.39
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG22	10	0.39
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	10	0.39
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG22	2	0.39
(1,2929)	1:139:A:TYR:H	1:163:A:ILE:HG23	6	0.39
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB2	10	0.39
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB3	16	0.39
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	10	0.39
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG23	7	0.39
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG23	17	0.39
(1,2751)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG22	8	0.39
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	3	0.39
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB2	13	0.39
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	14	0.39
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	16	0.39
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD13	11	0.39
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG21	6	0.39
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG12	2	0.39
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG12	3	0.39
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD13	3	0.39
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:H	7	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	1	0.39
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	12	0.39
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	20	0.39
(1,2305)	1:74:A:LYS:H	1:72:A:LEU:HD23	20	0.39
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD11	14	0.39
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD13	5	0.39
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD11	4	0.39
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD13	5	0.39
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	4	0.39
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	11	0.39
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB3	15	0.39
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	1	0.39
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	7	0.39
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	20	0.39
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB3	16	0.39
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	16	0.39
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD13	13	0.39
(1,1550)	1:137:A:THR:HG23	1:167:A:PRO:HB2	3	0.39
(1,1550)	1:137:A:THR:HG21	1:167:A:PRO:HB2	14	0.39
(1,1550)	1:137:A:THR:HG22	1:167:A:PRO:HB2	15	0.39
(1,1550)	1:137:A:THR:HG23	1:167:A:PRO:HB2	18	0.39
(1,1550)	1:137:A:THR:HG22	1:167:A:PRO:HB2	20	0.39
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD11	4	0.39
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD23	1:191:A:ILE:HG22	15	0.39
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG22	19	0.39
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	16	0.39
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD13	7	0.39
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD11	9	0.39
(1,1496)	1:3:A:ILE:HG22	1:12:A:THR:HB	19	0.39
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG22	4	0.39
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	6	0.39
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	7	0.39
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	16	0.39
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG11	1:193:A:VAL:HG21	2	0.39
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG21	4	0.39
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD12	14	0.39
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD11	17	0.39
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD11	18	0.39
(1,1396)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD22	3	0.39
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB1	1:96:A:LEU:HB3	7	0.39
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG12	1:166:A:THR:HG22	19	0.39
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG11	14	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1359)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HD11	5	0.39
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD11	1:99:A:SER:HB3	10	0.39
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG21	18	0.39
(1,1219)	1:169:A:THR:HG21	1:180:A:TRP:H	3	0.39
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD12	18	0.39
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	20	0.39
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD22	6	0.39
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD11	9	0.39
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	9	0.39
(1,971)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG12	2	0.39
(1,798)	1:107:A:ILE:HD12	1:104:A:ILE:HA	1	0.39
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	16	0.39
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	8	0.39
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	17	0.39
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	10	0.39
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	19	0.39
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG21	17	0.39
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	6	0.39
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD13	11	0.39
(1,623)	1:74:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD23	15	0.39
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	3	0.39
(1,592)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG22	12	0.39
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	5	0.39
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG23	11	0.39
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	15	0.39
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG13	10	0.39
(1,560)	1:170:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG21	19	0.39
(1,474)	1:146:A:VAL:HG21	1:30:A:ALA:HB3	19	0.39
(1,469)	1:146:A:VAL:HG22	1:29:A:GLN:HB3	5	0.39
(1,469)	1:146:A:VAL:HG23	1:29:A:GLN:HB3	12	0.39
(1,466)	1:200:A:THR:HG21	1:151:A:GLU:HB3	8	0.39
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG23	17	0.39
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG22	19	0.39
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	5	0.39
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	9	0.39
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG22	18	0.39
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	7	0.39
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	1	0.39
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	6	0.39
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	14	0.39
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB2	1	0.39
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	1	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	9	0.39
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	20	0.39
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD12	4	0.39
(2,883)	1:176:A:ASN:HD22	1:170:A:ALA:HA	17	0.38
(2,780)	1:185:A:GLN:HE21	1:73:A:LYS:HE2	10	0.38
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	20	0.38
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	12	0.38
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD13	7	0.38
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD11	10	0.38
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD12	17	0.38
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	3	0.38
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	14	0.38
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	15	0.38
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	19	0.38
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB2	18	0.38
(1,3513)	1:30:A:ALA:H	1:26:A:TYR:HB3	20	0.38
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	2	0.38
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	7	0.38
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	19	0.38
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG21	9	0.38
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG21	1:161:A:LEU:HB2	11	0.38
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	8	0.38
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	14	0.38
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB2	8	0.38
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB3	12	0.38
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	20	0.38
(1,3117)	1:59:A:GLN:HE22	1:56:A:ALA:HB1	5	0.38
(1,3102)	1:75:A:SER:H	1:75:A:SER:HB3	15	0.38
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD12	8	0.38
(1,2976)	1:129:A:GLN:HE21	1:129:A:GLN:HG3	2	0.38
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	12	0.38
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	19	0.38
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	4	0.38
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	9	0.38
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG12	4	0.38
(1,2760)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG13	12	0.38
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	8	0.38
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	17	0.38
(1,2751)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG21	17	0.38
(1,2733)	1:170:A:ALA:H	1:177:A:THR:HG21	6	0.38
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB3	2	0.38
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB2	15	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	15	0.38
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	17	0.38
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD13	17	0.38
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	13	0.38
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD21	3	0.38
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	7	0.38
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	1	0.38
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	9	0.38
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	10	0.38
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	11	0.38
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	14	0.38
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD12	4	0.38
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB3	2	0.38
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG23	7	0.38
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD12	8	0.38
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB2	10	0.38
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB1	13	0.38
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD12	3	0.38
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD12	9	0.38
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD13	12	0.38
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD11	6	0.38
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD13	7	0.38
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD13	12	0.38
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	19	0.38
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB1	17	0.38
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD11	2	0.38
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD12	3	0.38
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	14	0.38
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	9	0.38
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	5	0.38
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD21	3	0.38
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG11	8	0.38
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB1	12	0.38
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	2	0.38
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	13	0.38
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	15	0.38
(1,1663)	1:137:A:THR:HG23	1:128:A:ALA:HB1	15	0.38
(1,1663)	1:137:A:THR:HG21	1:128:A:ALA:HB3	19	0.38
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD11	4	0.38
(1,1625)	1:5:A:ILE:HG23	1:13:A:LEU:HB2	16	0.38
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG22	12	0.38
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG22	19	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1577)	1:165:A:VAL:HB	1:183:A:THR:HG22	11	0.38
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD12	8	0.38
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG22	1	0.38
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD13	17	0.38
(1,1501)	1:135:A:SER:HB2	1:168:A:ASN:HD21	6	0.38
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG22	16	0.38
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	8	0.38
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	12	0.38
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB3	1:84:A:THR:HB	3	0.38
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD11	6	0.38
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD13	19	0.38
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	5	0.38
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	10	0.38
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB1	1:96:A:LEU:HB3	20	0.38
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD12	9	0.38
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB3	3	0.38
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD23	4	0.38
(1,1241)	1:147:A:SER:HB2	1:202:A:LEU:HD12	10	0.38
(1,1223)	1:169:A:THR:HG21	1:135:A:SER:HB3	5	0.38
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	10	0.38
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	19	0.38
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD11	16	0.38
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HB2	3	0.38
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	4	0.38
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	18	0.38
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD22	1:67:A:THR:HG23	19	0.38
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD13	5	0.38
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD12	6	0.38
(1,1025)	1:109:A:SER:HA	1:112:A:PHE:HB3	19	0.38
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD12	1:155:A:MET:HE3	14	0.38
(1,794)	1:107:A:ILE:HD12	1:107:A:ILE:HG23	18	0.38
(1,770)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HA	18	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	2	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	4	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	6	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	9	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	11	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	13	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	14	0.38
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	17	0.38
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	19	0.38
(1,623)	1:74:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD23	6	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG21	16	0.38
(1,569)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG11	6	0.38
(1,536)	1:165:A:VAL:HG22	1:163:A:ILE:HG22	11	0.38
(1,516)	1:64:A:ILE:HG22	1:191:A:ILE:HB	12	0.38
(1,502)	1:192:A:GLY:HA2	1:157:A:ALA:HB1	7	0.38
(1,469)	1:146:A:VAL:HG21	1:29:A:GLN:HB3	1	0.38
(1,466)	1:200:A:THR:HG21	1:151:A:GLU:HB3	3	0.38
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG11	12	0.38
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG22	14	0.38
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	13	0.38
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	19	0.38
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE1	11	0.38
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	8	0.38
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	18	0.38
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	4	0.38
(1,217)	1:35:A:GLN:HB3	1:38:A:ALA:HB3	3	0.38
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	8	0.38
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	15	0.38
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	20	0.38
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD22	8	0.38
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG13	12	0.38
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE2	10	0.38
(1,84)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HB	8	0.38
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	8	0.38
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	8	0.38
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	16	0.38
(1,44)	1:5:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	13	0.38
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	10	0.38
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD12	14	0.38
(2,883)	1:176:A:ASN:HD22	1:170:A:ALA:HA	15	0.37
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	7	0.37
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	6	0.37
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	13	0.37
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	4	0.37
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	18	0.37
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	9	0.37
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	8	0.37
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD13	9	0.37
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG22	16	0.37
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	4	0.37
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	16	0.37
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	18	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG23	7	0.37
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	6	0.37
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	4	0.37
(1,3162)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE3	5	0.37
(1,3145)	1:128:A:ALA:H	1:126:A:ILE:HG23	17	0.37
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	11	0.37
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD12	12	0.37
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG22	14	0.37
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	5	0.37
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	8	0.37
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	10	0.37
(1,2946)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HB2	20	0.37
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	8	0.37
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD11	9	0.37
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	6	0.37
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	15	0.37
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB3	19	0.37
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	20	0.37
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	7	0.37
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	16	0.37
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB2	20	0.37
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	7	0.37
(1,2573)	1:187:A:GLU:H	1:163:A:ILE:HG12	17	0.37
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD12	12	0.37
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	3	0.37
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG21	13	0.37
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD13	5	0.37
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG11	12	0.37
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG11	13	0.37
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG11	18	0.37
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	20	0.37
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	4	0.37
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	5	0.37
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	2	0.37
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	11	0.37
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	14	0.37
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD13	6	0.37
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD11	15	0.37
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD13	20	0.37
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD12	2	0.37
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG22	8	0.37
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD11	18	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	6	0.37
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD13	8	0.37
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	18	0.37
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	20	0.37
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG23	6	0.37
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	9	0.37
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	18	0.37
(1,1839)	1:18:A:PHE:H	1:19:A:LEU:HD12	20	0.37
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB2	15	0.37
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	4	0.37
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	5	0.37
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	11	0.37
(1,1748)	1:157:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	19	0.37
(1,1716)	1:113:A:CYS:H	1:111:A:ALA:HB2	15	0.37
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	6	0.37
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG21	3	0.37
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD12	16	0.37
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD13	19	0.37
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE1	13	0.37
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG22	13	0.37
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG22	15	0.37
(1,1452)	1:14:A:PRO:HA	1:3:A:ILE:HD13	1	0.37
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG23	8	0.37
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD11	2	0.37
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD11	9	0.37
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD11	12	0.37
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	13	0.37
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	18	0.37
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB2	3	0.37
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB3	11	0.37
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD13	7	0.37
(1,1294)	1:40:A:GLU:HG3	1:55:A:LYS:HB3	12	0.37
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD22	18	0.37
(1,1241)	1:147:A:SER:HB2	1:202:A:LEU:HD12	9	0.37
(1,1222)	1:169:A:THR:HG22	1:132:A:ALA:HA	1	0.37
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG21	3	0.37
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD11	5	0.37
(1,1130)	1:82:A:LEU:HD23	1:81:A:ALA:H	6	0.37
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	11	0.37
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD13	1:36:A:LEU:HB3	2	0.37
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD13	1:36:A:LEU:HB3	12	0.37
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	12	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	20	0.37
(1,971)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG12	15	0.37
(1,970)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG13	3	0.37
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	18	0.37
(1,798)	1:107:A:ILE:HD12	1:104:A:ILE:HA	8	0.37
(1,794)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HG23	16	0.37
(1,753)	1:31:A:ILE:HG21	1:32:A:GLN:HE21	7	0.37
(1,753)	1:31:A:ILE:HG22	1:32:A:GLN:HE21	20	0.37
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	15	0.37
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	1	0.37
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	3	0.37
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	7	0.37
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB1	8	0.37
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	12	0.37
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	13	0.37
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	2	0.37
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG23	10	0.37
(1,569)	1:95:A:VAL:HG12	1:199:A:VAL:HG12	4	0.37
(1,560)	1:170:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG22	9	0.37
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG22	3	0.37
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG23	18	0.37
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG21	20	0.37
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG11	14	0.37
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD22	1	0.37
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD22	3	0.37
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD23	5	0.37
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD21	9	0.37
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG12	14	0.37
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG13	19	0.37
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB3	18	0.37
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	12	0.37
(1,271)	1:170:A:ALA:HB2	1:177:A:THR:HG21	6	0.37
(1,235)	1:191:A:ILE:HG13	1:191:A:ILE:HG23	15	0.37
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	11	0.37
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	17	0.37
(1,126)	1:96:A:LEU:HG	1:158:A:ALA:HB1	17	0.37
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	4	0.37
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	10	0.37
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	1	0.37
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	7	0.37
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	19	0.37
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	1	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG11	5	0.37
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG13	7	0.37
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	11	0.37
(1,12)	1:49:A:LEU:HA	1:49:A:LEU:HD12	11	0.37
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD12	2	0.37
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD12	16	0.37
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	2	0.36
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	16	0.36
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	6	0.36
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	17	0.36
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	14	0.36
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD13	5	0.36
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG23	5	0.36
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	6	0.36
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	11	0.36
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG21	1:161:A:LEU:HB2	10	0.36
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	6	0.36
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	11	0.36
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	15	0.36
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB2	16	0.36
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG3	1	0.36
(1,3102)	1:75:A:SER:H	1:75:A:SER:HB3	20	0.36
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG21	16	0.36
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	18	0.36
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	18	0.36
(1,2969)	1:129:A:GLN:HE22	1:137:A:THR:HG22	4	0.36
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	14	0.36
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	3	0.36
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	11	0.36
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	15	0.36
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	11	0.36
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	19	0.36
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG11	15	0.36
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG22	14	0.36
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	4	0.36
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	17	0.36
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	12	0.36
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	11	0.36
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD11	7	0.36
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD12	14	0.36
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG23	15	0.36
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	17	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2453)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HD12	19	0.36
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	2	0.36
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:H	6	0.36
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB3	1:146:A:VAL:H	16	0.36
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD11	19	0.36
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD12	1	0.36
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD13	5	0.36
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD11	8	0.36
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD12	4	0.36
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD11	8	0.36
(1,2108)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HD13	4	0.36
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD13	14	0.36
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	17	0.36
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	19	0.36
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	5	0.36
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	6	0.36
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	16	0.36
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB1	12	0.36
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB3	20	0.36
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	1	0.36
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	6	0.36
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	8	0.36
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	12	0.36
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	20	0.36
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB1	1:126:A:ILE:HA	4	0.36
(1,1625)	1:5:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HB2	7	0.36
(1,1625)	1:5:A:ILE:HG23	1:13:A:LEU:HB2	15	0.36
(1,1550)	1:137:A:THR:HG21	1:167:A:PRO:HB2	11	0.36
(1,1550)	1:137:A:THR:HG23	1:167:A:PRO:HB2	17	0.36
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	10	0.36
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	2	0.36
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG23	18	0.36
(1,1456)	1:98:A:ILE:HD12	1:95:A:VAL:HB	10	0.36
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	16	0.36
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG22	20	0.36
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD12	3	0.36
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD12	11	0.36
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD13	15	0.36
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	3	0.36
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	11	0.36
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	17	0.36
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB2	1:96:A:LEU:HB3	9	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD12	15	0.36
(1,1272)	1:147:A:SER:HB3	1:155:A:MET:HA	5	0.36
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD22	1	0.36
(1,1237)	1:202:A:LEU:HD22	1:149:A:GLY:H	1	0.36
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	20	0.36
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB3	1	0.36
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD12	9	0.36
(1,1132)	1:174:A:ILE:HA	1:174:A:ILE:HD13	6	0.36
(1,1132)	1:174:A:ILE:HA	1:174:A:ILE:HD12	7	0.36
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD12	10	0.36
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD13	11	0.36
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD1	5	0.36
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	7	0.36
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD11	8	0.36
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD11	1:36:A:LEU:HB3	15	0.36
(1,1007)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HG	1	0.36
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	10	0.36
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	8	0.36
(1,752)	1:31:A:ILE:HG23	1:34:A:ALA:HB2	6	0.36
(1,752)	1:31:A:ILE:HG22	1:34:A:ALA:HB1	14	0.36
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	16	0.36
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB2	18	0.36
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	18	0.36
(1,657)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG21	2	0.36
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	14	0.36
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG21	8	0.36
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	7	0.36
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG21	14	0.36
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG23	17	0.36
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	19	0.36
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG23	20	0.36
(1,562)	1:191:A:ILE:HG22	1:157:A:ALA:HB1	10	0.36
(1,550)	1:165:A:VAL:HG12	1:163:A:ILE:HB	1	0.36
(1,540)	1:165:A:VAL:HG23	1:184:A:LEU:HG	18	0.36
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG23	12	0.36
(1,516)	1:64:A:ILE:HG21	1:191:A:ILE:HB	10	0.36
(1,466)	1:200:A:THR:HG22	1:151:A:GLU:HB3	10	0.36
(1,463)	1:200:A:THR:HG23	1:197:A:GLN:H	16	0.36
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG21	2	0.36
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD11	11	0.36
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG22	4	0.36
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB2	1	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,366)	1:82:A:LEU:HD22	1:78:A:THR:H	10	0.36
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	1	0.36
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG11	15	0.36
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE3	13	0.36
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	5	0.36
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	11	0.36
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	5	0.36
(1,136)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HA	2	0.36
(1,84)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HB	20	0.36
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	15	0.36
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	6	0.36
(1,44)	1:5:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	10	0.36
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	11	0.36
(1,44)	1:5:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	15	0.36
(1,39)	1:115:A:LEU:HD12	1:79:A:LEU:HG	8	0.36
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	4	0.36
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG22	6	0.36
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD12	19	0.36
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	1	0.35
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	13	0.35
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD12	16	0.35
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	5	0.35
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	18	0.35
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	15	0.35
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD21	8	0.35
(1,3423)	1:183:A:THR:HA	1:74:A:LYS:HE2	16	0.35
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB2	16	0.35
(1,3274)	1:133:A:GLY:H	1:168:A:ASN:HD22	16	0.35
(1,3208)	1:125:A:HIS:H	1:126:A:ILE:HD12	17	0.35
(1,3102)	1:75:A:SER:H	1:75:A:SER:HB3	7	0.35
(1,3102)	1:75:A:SER:H	1:75:A:SER:HB3	8	0.35
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG23	1	0.35
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD13	19	0.35
(1,3007)	1:55:A:LYS:H	1:40:A:GLU:HG3	5	0.35
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB1	4	0.35
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	9	0.35
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	7	0.35
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	6	0.35
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	15	0.35
(1,2840)	1:97:A:GLY:H	1:199:A:VAL:HG22	7	0.35
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG21	4	0.35
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	14	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG22	11	0.35
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	9	0.35
(1,2751)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG21	3	0.35
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	13	0.35
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	2	0.35
(1,2638)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB3	1	0.35
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	3	0.35
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	18	0.35
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	20	0.35
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	20	0.35
(1,2549)	1:115:A:LEU:H	1:115:A:LEU:HG	19	0.35
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD13	1	0.35
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD12	5	0.35
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	6	0.35
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	13	0.35
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG22	9	0.35
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG11	6	0.35
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:H	17	0.35
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB2	17	0.35
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD12	16	0.35
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD12	20	0.35
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	5	0.35
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	14	0.35
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB3	1	0.35
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	4	0.35
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD23	6	0.35
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	13	0.35
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD12	10	0.35
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD12	13	0.35
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD12	11	0.35
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	10	0.35
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	5	0.35
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	10	0.35
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG22	20	0.35
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	6	0.35
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	7	0.35
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	5	0.35
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	8	0.35
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	14	0.35
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	19	0.35
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	2	0.35
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB3	3	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1795)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	15	0.35
(1,1702)	1:26:A:TYR:H	1:146:A:VAL:HB	19	0.35
(1,1670)	1:147:A:SER:HB3	1:202:A:LEU:HG	8	0.35
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD11	1	0.35
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG23	6	0.35
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG21	16	0.35
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD13	9	0.35
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG22	19	0.35
(1,1501)	1:135:A:SER:HB2	1:168:A:ASN:HD21	20	0.35
(1,1495)	1:12:A:THR:HB	1:5:A:ILE:HG21	20	0.35
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD13	8	0.35
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD12	16	0.35
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	8	0.35
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	19	0.35
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	20	0.35
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	5	0.35
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	12	0.35
(1,1396)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD23	14	0.35
(1,1394)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD23	14	0.35
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG23	16	0.35
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG23	17	0.35
(1,1314)	1:126:A:ILE:HG23	1:127:A:ASN:HA	17	0.35
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD23	14	0.35
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	6	0.35
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	7	0.35
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	14	0.35
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	1	0.35
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD13	14	0.35
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD21	8	0.35
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:H	15	0.35
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HA	17	0.35
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD13	1	0.35
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	3	0.35
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD12	6	0.35
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD13	1:159:A:GLY:HA3	4	0.35
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD13	1:159:A:GLY:HA3	17	0.35
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD12	7	0.35
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD11	17	0.35
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	20	0.35
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	12	0.35
(1,852)	1:21:A:LEU:HD12	1:30:A:ALA:HB3	11	0.35
(1,772)	1:102:A:THR:HA	1:106:A:ASN:HB3	6	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,770)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HA	15	0.35
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	7	0.35
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	18	0.35
(1,686)	1:191:A:ILE:HG13	1:63:A:ALA:HB3	5	0.35
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	6	0.35
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	18	0.35
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	7	0.35
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	10	0.35
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG23	9	0.35
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB2	14	0.35
(1,550)	1:165:A:VAL:HG13	1:163:A:ILE:HB	5	0.35
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG22	15	0.35
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG22	1	0.35
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG23	9	0.35
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG22	16	0.35
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG21	19	0.35
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG11	15	0.35
(1,470)	1:146:A:VAL:HG22	1:155:A:MET:HE3	6	0.35
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD21	11	0.35
(1,366)	1:82:A:LEU:HD22	1:78:A:THR:H	7	0.35
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG12	16	0.35
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG13	20	0.35
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	14	0.35
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE1	7	0.35
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE3	12	0.35
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE2	14	0.35
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	10	0.35
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	5	0.35
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD11	17	0.35
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	3	0.35
(1,141)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HD23	14	0.35
(1,119)	1:193:A:VAL:HG23	1:156:A:MET:HE2	14	0.35
(1,119)	1:193:A:VAL:HG23	1:156:A:MET:HE2	18	0.35
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE2	20	0.35
(1,45)	1:3:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	13	0.35
(1,36)	1:115:A:LEU:HA	1:115:A:LEU:HD21	8	0.35
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG11	3	0.35
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG23	8	0.35
(2,636)	1:132:A:ALA:H	1:170:A:ALA:HA	20	0.34
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	17	0.34
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	5	0.34
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	20	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	17	0.34
(1,3495)	1:11:A:ASN:HD21	1:5:A:ILE:HG23	10	0.34
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	1	0.34
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	1	0.34
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	8	0.34
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	20	0.34
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG21	6	0.34
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	13	0.34
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	1	0.34
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB2	2	0.34
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	9	0.34
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	18	0.34
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD11	14	0.34
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG21	13	0.34
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG22	18	0.34
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG22	18	0.34
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	14	0.34
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG13	1	0.34
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD11	19	0.34
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	19	0.34
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	10	0.34
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	13	0.34
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD12	6	0.34
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD12	13	0.34
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD13	15	0.34
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD11	18	0.34
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD13	19	0.34
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	9	0.34
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	4	0.34
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	13	0.34
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD11	16	0.34
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD21	9	0.34
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD23	10	0.34
(1,2549)	1:115:A:LEU:H	1:115:A:LEU:HG	11	0.34
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD12	19	0.34
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	20	0.34
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG21	4	0.34
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG21	14	0.34
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	11	0.34
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG22	14	0.34
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG21	16	0.34
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	3	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD13	13	0.34
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	18	0.34
(1,2341)	1:169:A:THR:HG22	1:133:A:GLY:H	3	0.34
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD11	16	0.34
(1,2207)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:H	17	0.34
(1,2148)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG11	5	0.34
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG22	14	0.34
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	18	0.34
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG22	12	0.34
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD12	15	0.34
(1,1994)	1:193:A:VAL:H	1:65:A:ILE:HD12	19	0.34
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	5	0.34
(1,1980)	1:183:A:THR:H	1:165:A:VAL:HB	11	0.34
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	8	0.34
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG21	12	0.34
(1,1929)	1:68:A:ASN:H	1:68:A:ASN:HD21	12	0.34
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	3	0.34
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	11	0.34
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB2	17	0.34
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB2	18	0.34
(1,1792)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HB2	7	0.34
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG23	13	0.34
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG22	1:202:A:LEU:HD13	1	0.34
(1,1550)	1:137:A:THR:HG21	1:167:A:PRO:HB2	9	0.34
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE1	12	0.34
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG23	7	0.34
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	6	0.34
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	10	0.34
(1,1433)	1:125:A:HIS:HA	1:126:A:ILE:HD12	15	0.34
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB3	1:84:A:THR:HB	6	0.34
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB3	1:84:A:THR:HB	13	0.34
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	6	0.34
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	15	0.34
(1,1381)	1:158:A:ALA:HB2	1:96:A:LEU:HB3	8	0.34
(1,1359)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HD11	2	0.34
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD11	8	0.34
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG12	2	0.34
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG22	10	0.34
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG23	14	0.34
(1,1314)	1:126:A:ILE:HG21	1:127:A:ASN:HA	4	0.34
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB3	6	0.34
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD11	1:99:A:SER:HB3	7	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG22	13	0.34
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG23	1	0.34
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD11	1	0.34
(1,1179)	1:82:A:LEU:HB2	1:72:A:LEU:HD22	17	0.34
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:H	7	0.34
(1,1132)	1:174:A:ILE:HA	1:174:A:ILE:HD12	3	0.34
(1,1132)	1:174:A:ILE:HA	1:174:A:ILE:HD13	17	0.34
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	1	0.34
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	3	0.34
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD13	3	0.34
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD11	16	0.34
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG23	15	0.34
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	10	0.34
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	3	0.34
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	2	0.34
(1,798)	1:107:A:ILE:HD12	1:104:A:ILE:HA	10	0.34
(1,752)	1:31:A:ILE:HG22	1:34:A:ALA:HB3	19	0.34
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	4	0.34
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	9	0.34
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	20	0.34
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	20	0.34
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	13	0.34
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG23	3	0.34
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG11	3	0.34
(1,562)	1:191:A:ILE:HG21	1:157:A:ALA:HB1	19	0.34
(1,560)	1:170:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG22	13	0.34
(1,537)	1:165:A:VAL:HG12	1:165:A:VAL:H	18	0.34
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG21	5	0.34
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG22	6	0.34
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG11	13	0.34
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG12	17	0.34
(1,447)	1:18:A:PHE:HB3	1:3:A:ILE:HD11	15	0.34
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	11	0.34
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	17	0.34
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD21	16	0.34
(1,366)	1:82:A:LEU:HD23	1:78:A:THR:H	18	0.34
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG13	12	0.34
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG13	15	0.34
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG12	18	0.34
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	15	0.34
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	16	0.34
(1,126)	1:96:A:LEU:HG	1:158:A:ALA:HB3	18	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	5	0.34
(1,80)	1:70:A:MET:HE1	1:186:A:LYS:HG2	14	0.34
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	12	0.34
(1,45)	1:3:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	7	0.34
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	7	0.34
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG13	13	0.34
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	17	0.33
(2,791)	1:89:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB2	18	0.33
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	16	0.33
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	11	0.33
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	15	0.33
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD13	4	0.33
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	3	0.33
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	12	0.33
(1,3532)	1:29:A:GLN:HE21	1:155:A:MET:HG2	5	0.33
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	7	0.33
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	8	0.33
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	12	0.33
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	7	0.33
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	12	0.33
(1,3481)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:LEU:HD13	1	0.33
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB3	12	0.33
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB2	17	0.33
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG22	1:161:A:LEU:HB2	12	0.33
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB3	13	0.33
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB3	19	0.33
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB3	14	0.33
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB2	10	0.33
(1,3274)	1:133:A:GLY:H	1:168:A:ASN:HD22	14	0.33
(1,3175)	1:140:A:SER:H	1:163:A:ILE:HG23	8	0.33
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG23	15	0.33
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG22	9	0.33
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG21	13	0.33
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG23	15	0.33
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG21	18	0.33
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB1	6	0.33
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	1	0.33
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD12	16	0.33
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD13	19	0.33
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	20	0.33
(1,2653)	1:89:A:GLN:HE22	1:70:A:MET:HE3	3	0.33
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD13	4	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD13	20	0.33
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	5	0.33
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	2	0.33
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	8	0.33
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG21	12	0.33
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG23	2	0.33
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB2	1:146:A:VAL:H	10	0.33
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	1	0.33
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	10	0.33
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	14	0.33
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG21	11	0.33
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG22	13	0.33
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	7	0.33
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	8	0.33
(1,2354)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HA	20	0.33
(1,2276)	1:80:A:SER:H	1:81:A:ALA:HB2	15	0.33
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD21	19	0.33
(1,2217)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HG3	3	0.33
(1,2217)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HG3	10	0.33
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD13	13	0.33
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD11	16	0.33
(1,2147)	1:63:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG23	5	0.33
(1,2108)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HD13	11	0.33
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD13	9	0.33
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	7	0.33
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ3	17	0.33
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG23	16	0.33
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG21	18	0.33
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	3	0.33
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG11	10	0.33
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG13	19	0.33
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	3	0.33
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB1	1	0.33
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HD12	5	0.33
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG23	2	0.33
(1,1550)	1:137:A:THR:HG22	1:167:A:PRO:HB2	2	0.33
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD11	6	0.33
(1,1543)	1:29:A:GLN:HA	1:33:A:LEU:HD13	18	0.33
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE1	15	0.33
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	11	0.33
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG23	5	0.33
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	8	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG11	1:193:A:VAL:HG22	3	0.33
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB1	1:84:A:THR:HB	15	0.33
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD12	10	0.33
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	9	0.33
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	12	0.33
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	14	0.33
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	19	0.33
(1,1359)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HD13	14	0.33
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD11	4	0.33
(1,1356)	1:69:A:ASN:HB3	1:186:A:LYS:HE3	1	0.33
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG22	20	0.33
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG21	1	0.33
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD13	10	0.33
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD12	11	0.33
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD11	5	0.33
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HA	14	0.33
(1,1145)	1:75:A:SER:HB3	1:82:A:LEU:HD11	14	0.33
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD11	19	0.33
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD13	20	0.33
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	3	0.33
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	19	0.33
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	5	0.33
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG23	1	0.33
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	6	0.33
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	11	0.33
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	17	0.33
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD12	9	0.33
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	8	0.33
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	20	0.33
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB2	12	0.33
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	16	0.33
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB3	19	0.33
(1,592)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG23	20	0.33
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG23	1	0.33
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	4	0.33
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG23	13	0.33
(1,537)	1:165:A:VAL:HG11	1:165:A:VAL:H	14	0.33
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG22	8	0.33
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG23	17	0.33
(1,497)	1:192:A:GLY:HA3	1:193:A:VAL:HG22	1	0.33
(1,463)	1:200:A:THR:HG21	1:197:A:GLN:H	1	0.33
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG23	7	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,366)	1:82:A:LEU:HD21	1:78:A:THR:H	5	0.33
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	7	0.33
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	1	0.33
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG23	10	0.33
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG21	20	0.33
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	3	0.33
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB3	9	0.33
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	16	0.33
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	7	0.33
(1,97)	1:12:A:THR:HA	1:3:A:ILE:HD11	12	0.33
(1,84)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HB	1	0.33
(1,71)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HD11	7	0.33
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	14	0.33
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD13	17	0.33
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	2	0.33
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	16	0.32
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	4	0.32
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	7	0.32
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	1	0.32
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	2	0.32
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	9	0.32
(1,3506)	1:107:A:ILE:H	1:107:A:ILE:HG12	19	0.32
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	19	0.32
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	14	0.32
(1,3472)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HG2	1	0.32
(1,3470)	1:125:A:HIS:H	1:126:A:ILE:HG13	17	0.32
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	6	0.32
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	17	0.32
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	18	0.32
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	16	0.32
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	2	0.32
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	20	0.32
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB2	12	0.32
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG12	1:92:A:ILE:HG13	6	0.32
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	17	0.32
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG2	19	0.32
(1,3274)	1:133:A:GLY:H	1:168:A:ASN:HD22	17	0.32
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	10	0.32
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	12	0.32
(1,3208)	1:125:A:HIS:H	1:126:A:ILE:HD13	4	0.32
(1,3162)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE3	10	0.32
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG21	3	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG22	8	0.32
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG22	9	0.32
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD12	3	0.32
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD11	4	0.32
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD12	2	0.32
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG21	3	0.32
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG22	7	0.32
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG21	19	0.32
(1,2969)	1:129:A:GLN:HE22	1:137:A:THR:HG21	13	0.32
(1,2969)	1:129:A:GLN:HE22	1:137:A:THR:HG21	18	0.32
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD13	1	0.32
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	3	0.32
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	9	0.32
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG11	1	0.32
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG12	4	0.32
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG13	5	0.32
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG11	6	0.32
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG13	16	0.32
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG22	9	0.32
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	8	0.32
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	7	0.32
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	8	0.32
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	17	0.32
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD22	15	0.32
(1,2549)	1:115:A:LEU:H	1:115:A:LEU:HG	13	0.32
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	3	0.32
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	1	0.32
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD12	20	0.32
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	9	0.32
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	8	0.32
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB2	12	0.32
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB3	19	0.32
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD13	12	0.32
(1,2341)	1:169:A:THR:HG22	1:133:A:GLY:H	18	0.32
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	15	0.32
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD12	19	0.32
(1,2217)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HG3	9	0.32
(1,2217)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HG3	14	0.32
(1,2217)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HG3	17	0.32
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG22	7	0.32
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG22	15	0.32
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD13	19	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	15	0.32
(1,2108)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HD12	20	0.32
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	2	0.32
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG23	4	0.32
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG22	6	0.32
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG23	9	0.32
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	10	0.32
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	13	0.32
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG12	19	0.32
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG22	3	0.32
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG21	7	0.32
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG13	3	0.32
(1,1867)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:HB3	18	0.32
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD12	1	0.32
(1,1663)	1:137:A:THR:HG22	1:128:A:ALA:HB2	11	0.32
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG21	17	0.32
(1,1550)	1:137:A:THR:HG21	1:167:A:PRO:HB2	4	0.32
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG23	10	0.32
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	2	0.32
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	15	0.32
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE1	20	0.32
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE2	8	0.32
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE1	18	0.32
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD11	1	0.32
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD13	10	0.32
(1,1456)	1:98:A:ILE:HD12	1:95:A:VAL:HB	7	0.32
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD13	1	0.32
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	3	0.32
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	11	0.32
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB2	1:1:A:MET:HA	12	0.32
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	8	0.32
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	13	0.32
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	13	0.32
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	16	0.32
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG23	15	0.32
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	5	0.32
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:H	2	0.32
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:H	16	0.32
(1,1145)	1:75:A:SER:HB3	1:82:A:LEU:HD11	1	0.32
(1,1119)	1:151:A:GLU:HB2	1:203:A:GLY:HA2	19	0.32
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD12	7	0.32
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	9	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD13	3	0.32
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD13	6	0.32
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD12	1:159:A:GLY:HA3	8	0.32
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD13	11	0.32
(1,1007)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HG	15	0.32
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	2	0.32
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	7	0.32
(1,915)	1:149:A:GLY:HA3	1:194:A:LYS:HB3	13	0.32
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	19	0.32
(1,893)	1:172:A:SER:HB2	1:171:A:ILE:HG21	5	0.32
(1,770)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HA	9	0.32
(1,753)	1:31:A:ILE:HG21	1:32:A:GLN:HE21	4	0.32
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB3	3	0.32
(1,714)	1:107:A:ILE:HD13	1:101:A:ASP:HB3	14	0.32
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	5	0.32
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	13	0.32
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	14	0.32
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	4	0.32
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	8	0.32
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	18	0.32
(1,592)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG23	5	0.32
(1,569)	1:95:A:VAL:HG11	1:199:A:VAL:HG13	7	0.32
(1,562)	1:191:A:ILE:HG21	1:157:A:ALA:HB1	1	0.32
(1,550)	1:165:A:VAL:HG12	1:163:A:ILE:HB	15	0.32
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	2	0.32
(1,537)	1:165:A:VAL:HG11	1:165:A:VAL:H	7	0.32
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG21	4	0.32
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG21	13	0.32
(1,495)	1:189:A:ILE:HA	1:68:A:ASN:HD22	3	0.32
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG21	20	0.32
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG23	6	0.32
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD21	18	0.32
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG12	11	0.32
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG13	17	0.32
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG12	20	0.32
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	18	0.32
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB2	7	0.32
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB2	8	0.32
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB1	10	0.32
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB1	13	0.32
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	3	0.32
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD11	9	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	6	0.32
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	12	0.32
(1,118)	1:202:A:LEU:HD22	1:156:A:MET:HE2	14	0.32
(1,84)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HB	16	0.32
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB3	7	0.32
(1,44)	1:5:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	19	0.32
(1,43)	1:115:A:LEU:HD12	1:111:A:ALA:HB1	17	0.32
(1,40)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HD23	14	0.32
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG12	1	0.32
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG21	5	0.32
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG21	15	0.32
(2,966)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HG	17	0.31
(2,883)	1:176:A:ASN:HD22	1:170:A:ALA:HA	11	0.31
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	12	0.31
(2,40)	1:52:A:ALA:HA	1:47:A:LEU:HG	2	0.31
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	17	0.31
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB3	1	0.31
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	8	0.31
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	9	0.31
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	12	0.31
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	18	0.31
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	6	0.31
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	3	0.31
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	16	0.31
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	7	0.31
(1,3393)	1:83:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB3	7	0.31
(1,3368)	1:102:A:THR:HA	1:107:A:ILE:HG12	2	0.31
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	1	0.31
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB2	11	0.31
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	8	0.31
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG11	1:92:A:ILE:HG13	2	0.31
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB2	20	0.31
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG21	19	0.31
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	17	0.31
(1,3081)	1:19:A:LEU:H	1:17:A:VAL:HG21	12	0.31
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	7	0.31
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB2	8	0.31
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB2	16	0.31
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB3	20	0.31
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD12	9	0.31
(1,2969)	1:129:A:GLN:HE22	1:137:A:THR:HG21	6	0.31
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	17	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD12	11	0.31
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB2	8	0.31
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	7	0.31
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD11	8	0.31
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD11	9	0.31
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD12	9	0.31
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG11	9	0.31
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG12	10	0.31
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG11	11	0.31
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG13	20	0.31
(1,2750)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:H	9	0.31
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	3	0.31
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	4	0.31
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	12	0.31
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD11	3	0.31
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD12	8	0.31
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD11	12	0.31
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD11	1	0.31
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD13	9	0.31
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	4	0.31
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG23	8	0.31
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG23	16	0.31
(1,2489)	1:138:A:SER:H	1:137:A:THR:HG22	4	0.31
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	19	0.31
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG13	16	0.31
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	13	0.31
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	17	0.31
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	10	0.31
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD21	14	0.31
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	20	0.31
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD13	4	0.31
(1,2217)	1:35:A:GLN:H	1:35:A:GLN:HG3	19	0.31
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD11	15	0.31
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	2	0.31
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB1	8	0.31
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	9	0.31
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	12	0.31
(1,2108)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HD12	1	0.31
(1,2108)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HD11	6	0.31
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	19	0.31
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	11	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG22	13	0.31
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG22	14	0.31
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	9	0.31
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	17	0.31
(1,1929)	1:68:A:ASN:H	1:68:A:ASN:HD21	3	0.31
(1,1929)	1:68:A:ASN:H	1:68:A:ASN:HD21	20	0.31
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG13	1	0.31
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB1	11	0.31
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	5	0.31
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	19	0.31
(1,1684)	1:117:A:THR:H	1:117:A:THR:HG21	8	0.31
(1,1653)	1:147:A:SER:HB3	1:158:A:ALA:HB2	15	0.31
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG22	8	0.31
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG21	13	0.31
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG21	20	0.31
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	1	0.31
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD21	1:191:A:ILE:HG22	3	0.31
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	6	0.31
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	17	0.31
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	19	0.31
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG22	7	0.31
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	13	0.31
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG13	1:193:A:VAL:HG23	7	0.31
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG13	1:193:A:VAL:HG22	13	0.31
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	7	0.31
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD11	1	0.31
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG23	11	0.31
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	1	0.31
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	2	0.31
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD11	1:99:A:SER:HB3	4	0.31
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD21	12	0.31
(1,1219)	1:169:A:THR:HG22	1:180:A:TRP:H	15	0.31
(1,1207)	1:75:A:SER:HB3	1:181:A:ARG:HB3	16	0.31
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD12	6	0.31
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:VAL:HG21	3	0.31
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HD23	7	0.31
(1,1115)	1:111:A:ALA:HB2	1:105:A:GLN:H	13	0.31
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD12	5	0.31
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD11	7	0.31
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD12	11	0.31
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD13	13	0.31
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD11	14	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD13	15	0.31
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD13	18	0.31
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG21	1	0.31
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG22	8	0.31
(1,1041)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HB	5	0.31
(1,985)	1:83:A:THR:HG22	1:111:A:ALA:HB2	17	0.31
(1,970)	1:132:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG13	8	0.31
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	9	0.31
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	14	0.31
(1,770)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HA	10	0.31
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	16	0.31
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	15	0.31
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	17	0.31
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB2	4	0.31
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB2	11	0.31
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB3	15	0.31
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	6	0.31
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	6	0.31
(1,569)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG11	8	0.31
(1,560)	1:170:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG23	3	0.31
(1,537)	1:165:A:VAL:HG11	1:165:A:VAL:H	4	0.31
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	9	0.31
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG22	2	0.31
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG23	7	0.31
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG22	14	0.31
(1,470)	1:146:A:VAL:HG23	1:155:A:MET:HE2	17	0.31
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG11	18	0.31
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD23	14	0.31
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD22	19	0.31
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	20	0.31
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	5	0.31
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	12	0.31
(1,322)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD22	17	0.31
(1,306)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG12	13	0.31
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	20	0.31
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB1	1	0.31
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB3	2	0.31
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB2	16	0.31
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB1	17	0.31
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB1	18	0.31
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB3	20	0.31
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	1	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD12	2	0.31
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD11	4	0.31
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD12	6	0.31
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD12	14	0.31
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	18	0.31
(1,97)	1:12:A:THR:HA	1:3:A:ILE:HD13	13	0.31
(1,82)	1:70:A:MET:HE2	1:89:A:GLN:HG3	11	0.31
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	3	0.31
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	15	0.31
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD22	13	0.31
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	4	0.31
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	7	0.31
(1,3)	1:49:A:LEU:HD21	1:49:A:LEU:HB3	10	0.31
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	12	0.3
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	3	0.3
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD11	6	0.3
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	1	0.3
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	8	0.3
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	11	0.3
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	10	0.3
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG22	9	0.3
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB2	10	0.3
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	3	0.3
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	10	0.3
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG21	1:161:A:LEU:HB2	20	0.3
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB3	11	0.3
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	13	0.3
(1,3431)	1:51:A:LYS:HG2	1:40:A:GLU:HB2	20	0.3
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB2	7	0.3
(1,3423)	1:183:A:THR:HA	1:74:A:LYS:HE3	9	0.3
(1,3423)	1:183:A:THR:HA	1:74:A:LYS:HE3	10	0.3
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB3	20	0.3
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG13	8	0.3
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB3	6	0.3
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB2	2	0.3
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	13	0.3
(1,3346)	1:95:A:VAL:HG11	1:92:A:ILE:HG13	17	0.3
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	4	0.3
(1,3175)	1:140:A:SER:H	1:163:A:ILE:HG21	3	0.3
(1,3175)	1:140:A:SER:H	1:163:A:ILE:HG21	17	0.3
(1,3162)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE3	2	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG22	17	0.3
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB2	14	0.3
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG22	4	0.3
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	9	0.3
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	18	0.3
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB3	3	0.3
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB3	11	0.3
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG22	4	0.3
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG22	5	0.3
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG22	11	0.3
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB1	18	0.3
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	17	0.3
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	15	0.3
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD11	20	0.3
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB2	14	0.3
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD11	10	0.3
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD13	15	0.3
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD12	10	0.3
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	4	0.3
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	5	0.3
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	13	0.3
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	15	0.3
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD12	12	0.3
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD12	20	0.3
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG22	8	0.3
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG11	18	0.3
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG11	8	0.3
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG11	19	0.3
(1,2751)	1:78:A:THR:H	1:78:A:THR:HG22	9	0.3
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	6	0.3
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG23	11	0.3
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB3	11	0.3
(1,2662)	1:174:A:ILE:H	1:173:A:ASP:HB2	14	0.3
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	5	0.3
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD11	9	0.3
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD11	10	0.3
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD13	16	0.3
(1,2614)	1:50:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD22	18	0.3
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	8	0.3
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	10	0.3
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	6	0.3
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	11	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	12	0.3
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD13	9	0.3
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD12	16	0.3
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	18	0.3
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD11	4	0.3
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	5	0.3
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	16	0.3
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	3	0.3
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD23	16	0.3
(1,2225)	1:36:A:LEU:H	1:33:A:LEU:HD12	18	0.3
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD11	14	0.3
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG21	3	0.3
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB1	3	0.3
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	14	0.3
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	17	0.3
(1,2055)	1:46:A:GLN:HE22	1:51:A:LYS:HZ1	10	0.3
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	15	0.3
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	1	0.3
(1,1929)	1:68:A:ASN:H	1:68:A:ASN:HD21	19	0.3
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG11	15	0.3
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	1	0.3
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	16	0.3
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD11	18	0.3
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	8	0.3
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	17	0.3
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB1	3	0.3
(1,1758)	1:145:A:ILE:H	1:159:A:GLY:H	19	0.3
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB3	1:126:A:ILE:HA	6	0.3
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	11	0.3
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD22	1	0.3
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD23	1:191:A:ILE:HG23	9	0.3
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE3	14	0.3
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE1	7	0.3
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE3	9	0.3
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE3	12	0.3
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG21	5	0.3
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	10	0.3
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	17	0.3
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG23	14	0.3
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB1	1:84:A:THR:HB	17	0.3
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	17	0.3
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB1	7	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	12	0.3
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	15	0.3
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD21	20	0.3
(1,1225)	1:137:A:THR:HG21	1:169:A:THR:HG22	8	0.3
(1,1222)	1:169:A:THR:HG21	1:132:A:ALA:HA	17	0.3
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	5	0.3
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG22	15	0.3
(1,1219)	1:169:A:THR:HG22	1:180:A:TRP:H	13	0.3
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	10	0.3
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB3	1:160:A:PRO:HG3	1	0.3
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD11	19	0.3
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HD12	8	0.3
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD21	13	0.3
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD12	1	0.3
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD13	4	0.3
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD12	9	0.3
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD11	12	0.3
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	8	0.3
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	9	0.3
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	12	0.3
(1,1007)	1:117:A:THR:HG21	1:115:A:LEU:HG	6	0.3
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	7	0.3
(1,970)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG13	6	0.3
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	4	0.3
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	7	0.3
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG23	14	0.3
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG23	18	0.3
(1,894)	1:172:A:SER:HA	1:171:A:ILE:HG23	14	0.3
(1,882)	1:108:A:LEU:HA	1:107:A:ILE:HB	15	0.3
(1,859)	1:191:A:ILE:HG22	1:193:A:VAL:HG13	20	0.3
(1,798)	1:107:A:ILE:HD12	1:104:A:ILE:HA	5	0.3
(1,794)	1:107:A:ILE:HD11	1:107:A:ILE:HG21	7	0.3
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG23	15	0.3
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB3	11	0.3
(1,752)	1:31:A:ILE:HG23	1:34:A:ALA:HB2	13	0.3
(1,752)	1:31:A:ILE:HG23	1:34:A:ALA:HB2	17	0.3
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	3	0.3
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	10	0.3
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	19	0.3
(1,684)	1:181:A:ARG:HA	1:76:A:PHE:H	4	0.3
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	2	0.3
(1,672)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:HG23	1	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,656)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG13	7	0.3
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	12	0.3
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	13	0.3
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	17	0.3
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	20	0.3
(1,581)	1:81:A:ALA:HA	1:84:A:THR:HG22	8	0.3
(1,537)	1:165:A:VAL:HG11	1:165:A:VAL:H	13	0.3
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	16	0.3
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG22	10	0.3
(1,518)	1:53:A:LEU:HB2	1:64:A:ILE:HG23	11	0.3
(1,457)	1:200:A:THR:HG21	1:202:A:LEU:HB2	2	0.3
(1,456)	1:201:A:PRO:HB3	1:200:A:THR:HG23	17	0.3
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG22	16	0.3
(1,410)	1:21:A:LEU:HD22	1:41:A:VAL:HG22	19	0.3
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	13	0.3
(1,396)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD2	18	0.3
(1,366)	1:82:A:LEU:HD22	1:78:A:THR:H	15	0.3
(1,348)	1:55:A:LYS:HG3	1:36:A:LEU:HB3	17	0.3
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	1	0.3
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	8	0.3
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG22	18	0.3
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG21	19	0.3
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	10	0.3
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	11	0.3
(1,292)	1:33:A:LEU:HB2	1:157:A:ALA:HB3	17	0.3
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB3	5	0.3
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB2	6	0.3
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB1	11	0.3
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB3	15	0.3
(1,239)	1:191:A:ILE:HG12	1:47:A:LEU:HD11	8	0.3
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD12	7	0.3
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	11	0.3
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD11	18	0.3
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	19	0.3
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	20	0.3
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	10	0.3
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	19	0.3
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG11	19	0.3
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	16	0.3
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	20	0.3
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	18	0.3
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	11	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB2	15	0.3
(1,45)	1:3:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	5	0.3
(1,44)	1:5:A:ILE:HG22	1:11:A:ASN:H	8	0.3
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB2	10	0.3
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	6	0.3
(1,3)	1:49:A:LEU:HD21	1:49:A:LEU:HB3	12	0.3
(1,3)	1:49:A:LEU:HD21	1:49:A:LEU:HB3	15	0.3
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	20	0.29
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	11	0.29
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD11	13	0.29
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG22	2	0.29
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	15	0.29
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	9	0.29
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	8	0.29
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	8	0.29
(1,3464)	1:113:A:CYS:H	1:112:A:PHE:HB2	19	0.29
(1,3458)	1:44:A:ASN:HB3	1:20:A:ASN:HB2	11	0.29
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG3	1:53:A:LEU:HB3	16	0.29
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	13	0.29
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB2	6	0.29
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	8	0.29
(1,3293)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HD11	10	0.29
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	1	0.29
(1,3175)	1:140:A:SER:H	1:163:A:ILE:HG23	5	0.29
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB2	6	0.29
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	19	0.29
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG22	10	0.29
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG21	12	0.29
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG22	14	0.29
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	16	0.29
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD13	7	0.29
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB2	14	0.29
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD12	14	0.29
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG22	8	0.29
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG21	12	0.29
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB1	13	0.29
(1,2964)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB2	16	0.29
(1,2950)	1:176:A:ASN:HD21	1:171:A:ILE:HG13	1	0.29
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB2	4	0.29
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD12	3	0.29
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD11	11	0.29
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD12	3	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD13	13	0.29
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG23	17	0.29
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	6	0.29
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	12	0.29
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	16	0.29
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD12	2	0.29
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG11	2	0.29
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG11	12	0.29
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG11	3	0.29
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG12	13	0.29
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG12	15	0.29
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG11	17	0.29
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	4	0.29
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB3	19	0.29
(1,2662)	1:174:A:ILE:H	1:173:A:ASP:HB2	2	0.29
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	20	0.29
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD13	11	0.29
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	7	0.29
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	14	0.29
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	4	0.29
(1,2566)	1:137:A:THR:HG22	1:168:A:ASN:HD22	10	0.29
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD22	7	0.29
(1,2549)	1:115:A:LEU:H	1:115:A:LEU:HG	8	0.29
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD12	7	0.29
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD12	17	0.29
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	6	0.29
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	9	0.29
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	16	0.29
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB2	20	0.29
(1,2363)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HB	1	0.29
(1,2363)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HB	14	0.29
(1,2309)	1:144:A:PHE:H	1:22:A:GLU:H	20	0.29
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	9	0.29
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	12	0.29
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD11	3	0.29
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD11	19	0.29
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG21	9	0.29
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	19	0.29
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD13	1	0.29
(1,2083)	1:73:A:LYS:H	1:82:A:LEU:HD12	7	0.29
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	1	0.29
(1,2023)	1:185:A:GLN:HE22	1:71:A:THR:HG21	14	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG22	2	0.29
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	16	0.29
(1,1929)	1:68:A:ASN:H	1:68:A:ASN:HD21	11	0.29
(1,1929)	1:68:A:ASN:H	1:68:A:ASN:HD21	13	0.29
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG12	5	0.29
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG11	14	0.29
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	5	0.29
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	9	0.29
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	17	0.29
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	20	0.29
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB2	7	0.29
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	6	0.29
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	7	0.29
(1,1598)	1:165:A:VAL:HA	1:166:A:THR:HG22	11	0.29
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG21	10	0.29
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	16	0.29
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	18	0.29
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE1	16	0.29
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	5	0.29
(1,1454)	1:5:A:ILE:HG22	1:3:A:ILE:HD11	20	0.29
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	9	0.29
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB2	10	0.29
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	4	0.29
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	8	0.29
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB2	1:1:A:MET:HA	7	0.29
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG11	7	0.29
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD11	10	0.29
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	2	0.29
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	5	0.29
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD13	3	0.29
(1,1088)	1:74:A:LYS:HA	1:74:A:LYS:HD3	10	0.29
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD11	10	0.29
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD11	17	0.29
(1,1076)	1:3:A:ILE:HG12	1:2:A:SER:HG	20	0.29
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG22	5	0.29
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	13	0.29
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD12	1:36:A:LEU:HB3	11	0.29
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	8	0.29
(1,971)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG12	7	0.29
(1,970)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG13	15	0.29
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	20	0.29
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG21	5	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,847)	1:108:A:LEU:HA	1:112:A:PHE:HE2	2	0.29
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB3	15	0.29
(1,798)	1:107:A:ILE:HD13	1:104:A:ILE:HA	3	0.29
(1,794)	1:107:A:ILE:HD13	1:107:A:ILE:HG23	9	0.29
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG22	14	0.29
(1,752)	1:31:A:ILE:HG22	1:34:A:ALA:HB1	16	0.29
(1,752)	1:31:A:ILE:HG23	1:34:A:ALA:HB2	18	0.29
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	1	0.29
(1,693)	1:53:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	12	0.29
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	15	0.29
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	17	0.29
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	13	0.29
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	20	0.29
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD11	19	0.29
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	9	0.29
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	14	0.29
(1,593)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG11	2	0.29
(1,560)	1:170:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG22	15	0.29
(1,550)	1:165:A:VAL:HG12	1:163:A:ILE:HB	10	0.29
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	1	0.29
(1,537)	1:165:A:VAL:HG11	1:165:A:VAL:H	5	0.29
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	10	0.29
(1,537)	1:165:A:VAL:HG12	1:165:A:VAL:H	19	0.29
(1,537)	1:165:A:VAL:HG12	1:165:A:VAL:H	20	0.29
(1,533)	1:138:A:SER:HB2	1:165:A:VAL:HG13	17	0.29
(1,495)	1:189:A:ILE:HA	1:68:A:ASN:HD22	11	0.29
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG13	14	0.29
(1,467)	1:200:A:THR:HG22	1:151:A:GLU:HB2	14	0.29
(1,463)	1:200:A:THR:HG22	1:197:A:GLN:H	8	0.29
(1,463)	1:200:A:THR:HG22	1:197:A:GLN:H	20	0.29
(1,456)	1:201:A:PRO:HB3	1:200:A:THR:HG21	2	0.29
(1,432)	1:31:A:ILE:HD13	1:30:A:ALA:H	1	0.29
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG23	2	0.29
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG12	5	0.29
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	6	0.29
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	7	0.29
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	19	0.29
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG23	10	0.29
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	10	0.29
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	12	0.29
(1,308)	1:98:A:ILE:HB	1:102:A:THR:HG23	1	0.29
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG22	11	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG21	12	0.29
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG21	13	0.29
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	1	0.29
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	15	0.29
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG22	16	0.29
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB3	4	0.29
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB2	12	0.29
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB3	14	0.29
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB2	19	0.29
(1,239)	1:191:A:ILE:HG12	1:47:A:LEU:HD13	11	0.29
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE1	11	0.29
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	2	0.29
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	18	0.29
(1,118)	1:202:A:LEU:HD21	1:156:A:MET:HE1	15	0.29
(1,68)	1:71:A:THR:HG23	1:73:A:LYS:HE2	16	0.29
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB2	3	0.29
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	18	0.29
(1,43)	1:115:A:LEU:HD11	1:111:A:ALA:HB2	18	0.29
(1,36)	1:115:A:LEU:HA	1:115:A:LEU:HD21	11	0.29
(1,36)	1:115:A:LEU:HA	1:115:A:LEU:HD21	19	0.29
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD21	5	0.29
(1,3)	1:49:A:LEU:HD22	1:49:A:LEU:HB3	14	0.29
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	16	0.29
(1,3)	1:49:A:LEU:HD22	1:49:A:LEU:HB3	19	0.29
(1,3)	1:49:A:LEU:HD21	1:49:A:LEU:HB3	20	0.29
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	12	0.29
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD12	15	0.29
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	19	0.29
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD12	20	0.29
(2,673)	1:132:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HB2	16	0.28
(2,488)	1:56:A:ALA:H	1:191:A:ILE:HG13	15	0.28
(2,449)	1:201:A:PRO:HB3	1:151:A:GLU:HB3	19	0.28
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	14	0.28
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	14	0.28
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	10	0.28
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB3	9	0.28
(1,3532)	1:29:A:GLN:HE21	1:155:A:MET:HG2	1	0.28
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	11	0.28
(1,3524)	1:48:A:ASP:H	1:51:A:LYS:HD3	20	0.28
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB2	15	0.28
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	16	0.28
(1,3494)	1:11:A:ASN:HD22	1:16:A:GLN:H	7	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3472)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HG2	5	0.28
(1,3472)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HG2	19	0.28
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	9	0.28
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG23	1:161:A:LEU:HB2	7	0.28
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG3	1:53:A:LEU:HB3	7	0.28
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB2	8	0.28
(1,3409)	1:178:A:LYS:HB2	1:169:A:THR:HG23	20	0.28
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	2	0.28
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG3	5	0.28
(1,3274)	1:133:A:GLY:H	1:168:A:ASN:HD22	10	0.28
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	3	0.28
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	7	0.28
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	5	0.28
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB2	11	0.28
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB3	16	0.28
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB1	18	0.28
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	9	0.28
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG22	11	0.28
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	6	0.28
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB2	1	0.28
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB3	15	0.28
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB1	18	0.28
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD13	10	0.28
(1,2969)	1:129:A:GLN:HE22	1:137:A:THR:HG23	20	0.28
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB3	7	0.28
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	18	0.28
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD13	13	0.28
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB1	12	0.28
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD13	4	0.28
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	1	0.28
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	2	0.28
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD12	4	0.28
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	11	0.28
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	15	0.28
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD13	2	0.28
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	14	0.28
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD11	18	0.28
(1,2566)	1:137:A:THR:HG21	1:168:A:ASN:HD22	17	0.28
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	7	0.28
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD12	2	0.28
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	8	0.28
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	9	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB2	15	0.28
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG23	8	0.28
(1,2241)	1:162:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD11	8	0.28
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD12	3	0.28
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	2	0.28
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB1	4	0.28
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	5	0.28
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	7	0.28
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB1	10	0.28
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD13	2	0.28
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	13	0.28
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	5	0.28
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG22	13	0.28
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD12	9	0.28
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD13	10	0.28
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG21	1	0.28
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG22	3	0.28
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG23	10	0.28
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	4	0.28
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG11	14	0.28
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG13	19	0.28
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG11	2	0.28
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG11	13	0.28
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	11	0.28
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	4	0.28
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	10	0.28
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	18	0.28
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	20	0.28
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	11	0.28
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	12	0.28
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD13	7	0.28
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB3	1:126:A:ILE:HA	13	0.28
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG21	11	0.28
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG22	6	0.28
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG23	12	0.28
(1,1534)	1:47:A:LEU:HD23	1:191:A:ILE:HG21	17	0.28
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	9	0.28
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE1	4	0.28
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE3	13	0.28
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG23	3	0.28
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	18	0.28
(1,1456)	1:98:A:ILE:HD12	1:95:A:VAL:HB	3	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD12	1	0.28
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	7	0.28
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD13	13	0.28
(1,1395)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD11	20	0.28
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG13	1:166:A:THR:HG23	15	0.28
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG13	8	0.28
(1,1359)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HD12	10	0.28
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	10	0.28
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG23	18	0.28
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB2	17	0.28
(1,1272)	1:147:A:SER:HB3	1:155:A:MET:HA	4	0.28
(1,1223)	1:169:A:THR:HG23	1:135:A:SER:HB3	2	0.28
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB1	1:160:A:PRO:HG3	3	0.28
(1,1184)	1:73:A:LYS:HA	1:72:A:LEU:HD12	15	0.28
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD13	3	0.28
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD11	5	0.28
(1,1080)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HD13	8	0.28
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG22	18	0.28
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	3	0.28
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD21	1:161:A:LEU:HD12	8	0.28
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG23	7	0.28
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD11	3	0.28
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	15	0.28
(1,859)	1:191:A:ILE:HG23	1:193:A:VAL:HG11	16	0.28
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG21	6	0.28
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG21	19	0.28
(1,770)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HA	4	0.28
(1,770)	1:202:A:LEU:HD23	1:201:A:PRO:HA	7	0.28
(1,770)	1:202:A:LEU:HD21	1:201:A:PRO:HA	14	0.28
(1,753)	1:31:A:ILE:HG22	1:32:A:GLN:HE21	6	0.28
(1,753)	1:31:A:ILE:HG21	1:32:A:GLN:HE21	8	0.28
(1,713)	1:107:A:ILE:HD12	1:101:A:ASP:HB2	18	0.28
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	5	0.28
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	11	0.28
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	12	0.28
(1,636)	1:70:A:MET:HA	1:71:A:THR:HG23	15	0.28
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD22	2	0.28
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB3	2	0.28
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB3	6	0.28
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB2	9	0.28
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG21	6	0.28
(1,540)	1:165:A:VAL:HG22	1:184:A:LEU:HG	7	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	8	0.28
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	12	0.28
(1,527)	1:123:A:TRP:HA	1:164:A:THR:HG23	2	0.28
(1,410)	1:21:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG21	18	0.28
(1,396)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD2	17	0.28
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD22	1	0.28
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD21	2	0.28
(1,366)	1:82:A:LEU:HD22	1:78:A:THR:H	12	0.28
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	11	0.28
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	13	0.28
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG23	20	0.28
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE1	15	0.28
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	1	0.28
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	6	0.28
(1,267)	1:51:A:LYS:HB2	1:50:A:ALA:HB2	3	0.28
(1,251)	1:152:A:THR:HB	1:203:A:GLY:HA2	14	0.28
(1,217)	1:35:A:GLN:HB3	1:38:A:ALA:HB3	17	0.28
(1,204)	1:185:A:GLN:HB2	1:70:A:MET:HG2	10	0.28
(1,97)	1:12:A:THR:HA	1:3:A:ILE:HD11	20	0.28
(1,27)	1:156:A:MET:HA	1:157:A:ALA:HB2	19	0.28
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	1	0.28
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	13	0.28
(2,883)	1:176:A:ASN:HD22	1:170:A:ALA:HA	3	0.27
(2,813)	1:181:A:ARG:HE	1:180:A:TRP:HZ2	15	0.27
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	10	0.27
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	17	0.27
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	8	0.27
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	10	0.27
(2,285)	1:183:A:THR:HA	1:165:A:VAL:HB	11	0.27
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG22	7	0.27
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB2	2	0.27
(1,3506)	1:107:A:ILE:H	1:107:A:ILE:HG12	17	0.27
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB3	20	0.27
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	19	0.27
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB2	8	0.27
(1,3461)	1:117:A:THR:H	1:115:A:LEU:HB2	5	0.27
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	20	0.27
(1,3423)	1:183:A:THR:HA	1:74:A:LYS:HE3	4	0.27
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB3	10	0.27
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB2	9	0.27
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	10	0.27
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	20	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3309)	1:70:A:MET:HE1	1:70:A:MET:HB2	1	0.27
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	19	0.27
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	9	0.27
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	15	0.27
(1,3175)	1:140:A:SER:H	1:163:A:ILE:HG22	13	0.27
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB3	5	0.27
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB3	7	0.27
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB1	12	0.27
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	1	0.27
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	3	0.27
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	4	0.27
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	6	0.27
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	12	0.27
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	14	0.27
(1,3106)	1:29:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HD12	17	0.27
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	18	0.27
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD11	9	0.27
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD12	14	0.27
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD12	15	0.27
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD11	18	0.27
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB3	5	0.27
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB3	12	0.27
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD13	15	0.27
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD11	4	0.27
(1,2923)	1:40:A:GLU:H	1:52:A:ALA:HB3	17	0.27
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	7	0.27
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	12	0.27
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	13	0.27
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	15	0.27
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	15	0.27
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD13	8	0.27
(1,2794)	1:185:A:GLN:HE21	1:165:A:VAL:HG11	15	0.27
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	8	0.27
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG11	10	0.27
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	11	0.27
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	5	0.27
(1,2703)	1:89:A:GLN:HE21	1:72:A:LEU:HA	10	0.27
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	1	0.27
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	4	0.27
(1,2616)	1:106:A:ASN:HD21	1:101:A:ASP:HB2	13	0.27
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	6	0.27
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD13	10	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD12	17	0.27
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG22	9	0.27
(1,2484)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:LEU:HG	2	0.27
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	4	0.27
(1,2471)	1:29:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG21	17	0.27
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD11	1	0.27
(1,2363)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HB	5	0.27
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	1	0.27
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD21	2	0.27
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD23	11	0.27
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD21	17	0.27
(1,2269)	1:151:A:GLU:H	1:151:A:GLU:HB3	19	0.27
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD11	9	0.27
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	11	0.27
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG23	2	0.27
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG23	12	0.27
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG23	1	0.27
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	8	0.27
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	20	0.27
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	3	0.27
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD22	8	0.27
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG23	7	0.27
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG23	8	0.27
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG23	19	0.27
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG12	5	0.27
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG13	7	0.27
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG13	9	0.27
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	18	0.27
(1,1852)	1:40:A:GLU:H	1:55:A:LYS:HG2	1	0.27
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	9	0.27
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	12	0.27
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	2	0.27
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD13	7	0.27
(1,1825)	1:192:A:GLY:H	1:193:A:VAL:HG22	10	0.27
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	15	0.27
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	16	0.27
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB2	9	0.27
(1,1748)	1:157:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	1	0.27
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB3	1:126:A:ILE:HA	9	0.27
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	13	0.27
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB2	8	0.27
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	9	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	12	0.27
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB3	17	0.27
(1,1653)	1:147:A:SER:HB3	1:158:A:ALA:HB2	4	0.27
(1,1632)	1:82:A:LEU:HD21	1:74:A:LYS:HD3	4	0.27
(1,1618)	1:133:A:GLY:H	1:131:A:ASP:HB2	9	0.27
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	20	0.27
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG23	20	0.27
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD21	15	0.27
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG23	4	0.27
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG23	11	0.27
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG22	15	0.27
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	4	0.27
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG23	14	0.27
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	12	0.27
(1,1424)	1:13:A:LEU:HA	1:3:A:ILE:HD11	14	0.27
(1,1395)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD11	12	0.27
(1,1387)	1:163:A:ILE:HG23	1:164:A:THR:HG23	13	0.27
(1,1356)	1:69:A:ASN:HB3	1:186:A:LYS:HE3	8	0.27
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	1	0.27
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG12	5	0.27
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	9	0.27
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG11	18	0.27
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	1	0.27
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	4	0.27
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD11	14	0.27
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	15	0.27
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	20	0.27
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD13	1:99:A:SER:HB3	1	0.27
(1,1225)	1:137:A:THR:HG23	1:169:A:THR:HG21	12	0.27
(1,1223)	1:169:A:THR:HG22	1:135:A:SER:HB3	3	0.27
(1,1222)	1:169:A:THR:HG21	1:132:A:ALA:HA	16	0.27
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	9	0.27
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	16	0.27
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	5	0.27
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:H	1	0.27
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HA	1	0.27
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HA	8	0.27
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HA	9	0.27
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD21	1:77:A:SER:HA	11	0.27
(1,1117)	1:111:A:ALA:HB1	1:83:A:THR:HA	5	0.27
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	20	0.27
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB2	3	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG21	2	0.27
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG21	3	0.27
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	2	0.27
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB1	7	0.27
(1,1049)	1:47:A:LEU:HD23	1:161:A:LEU:HD11	3	0.27
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD13	10	0.27
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD11	18	0.27
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD12	19	0.27
(1,1041)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HB	14	0.27
(1,1017)	1:33:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HB3	17	0.27
(1,916)	1:202:A:LEU:HB3	1:194:A:LYS:HB3	1	0.27
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG23	12	0.27
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG23	13	0.27
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG21	20	0.27
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB2	12	0.27
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG21	3	0.27
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG22	7	0.27
(1,770)	1:202:A:LEU:HD22	1:201:A:PRO:HA	3	0.27
(1,762)	1:14:A:PRO:HG3	1:15:A:TYR:HD2	6	0.27
(1,752)	1:31:A:ILE:HG23	1:34:A:ALA:HB1	4	0.27
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB1	5	0.27
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	10	0.27
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD23	6	0.27
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB1	1	0.27
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB3	3	0.27
(1,592)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG23	17	0.27
(1,550)	1:165:A:VAL:HG13	1:163:A:ILE:HB	7	0.27
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	3	0.27
(1,537)	1:165:A:VAL:HG12	1:165:A:VAL:H	6	0.27
(1,501)	1:192:A:GLY:HA3	1:190:A:THR:HG23	15	0.27
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG13	20	0.27
(1,432)	1:31:A:ILE:HD11	1:30:A:ALA:H	17	0.27
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG12	20	0.27
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	3	0.27
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	12	0.27
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	19	0.27
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	12	0.27
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD21	10	0.27
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	9	0.27
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	18	0.27
(1,308)	1:98:A:ILE:HB	1:102:A:THR:HG22	4	0.27
(1,308)	1:98:A:ILE:HB	1:102:A:THR:HG21	12	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG23	17	0.27
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE2	1	0.27
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE3	20	0.27
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	13	0.27
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	14	0.27
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD11	13	0.27
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE1	1	0.27
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE1	5	0.27
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	18	0.27
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE3	16	0.27
(1,117)	1:202:A:LEU:HG	1:156:A:MET:HE3	12	0.27
(1,97)	1:12:A:THR:HA	1:3:A:ILE:HD12	16	0.27
(1,85)	1:70:A:MET:HE1	1:72:A:LEU:HD21	2	0.27
(1,36)	1:115:A:LEU:HA	1:115:A:LEU:HD21	13	0.27
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD12	6	0.27
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD12	13	0.27
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	14	0.27
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	16	0.27
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD12	17	0.27
(2,883)	1:176:A:ASN:HD22	1:170:A:ALA:HA	2	0.26
(2,605)	1:38:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HG2	20	0.26
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG23	8	0.26
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	15	0.26
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	1	0.26
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG23	5	0.26
(1,3472)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HG2	8	0.26
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	18	0.26
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG22	1:161:A:LEU:HB2	4	0.26
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG3	1:53:A:LEU:HB3	13	0.26
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	7	0.26
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB2	15	0.26
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	19	0.26
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB2	8	0.26
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	18	0.26
(1,3335)	1:200:A:THR:HG23	1:198:A:VAL:HG22	9	0.26
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	5	0.26
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	15	0.26
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	6	0.26
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	7	0.26
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	14	0.26
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	19	0.26
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB2	2	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB3	8	0.26
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB1	13	0.26
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB1	19	0.26
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	2	0.26
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	5	0.26
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	19	0.26
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	20	0.26
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG21	6	0.26
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	6	0.26
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB1	2	0.26
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB1	7	0.26
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB3	19	0.26
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD11	10	0.26
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB2	3	0.26
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	1	0.26
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG23	5	0.26
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	3	0.26
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	4	0.26
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	6	0.26
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	8	0.26
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	9	0.26
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	11	0.26
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	14	0.26
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	18	0.26
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	20	0.26
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD11	18	0.26
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD11	18	0.26
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	7	0.26
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	18	0.26
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG23	5	0.26
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	17	0.26
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	19	0.26
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG12	14	0.26
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	13	0.26
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	4	0.26
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	8	0.26
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	11	0.26
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD12	5	0.26
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD11	7	0.26
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD12	14	0.26
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	6	0.26
(1,2617)	1:106:A:ASN:HD22	1:101:A:ASP:HB3	20	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	17	0.26
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	5	0.26
(1,2590)	1:194:A:LYS:H	1:65:A:ILE:HD12	3	0.26
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD23	4	0.26
(1,2542)	1:191:A:ILE:H	1:47:A:LEU:HD11	15	0.26
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD11	1	0.26
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	12	0.26
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	16	0.26
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB3	11	0.26
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD12	6	0.26
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD11	18	0.26
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	10	0.26
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	8	0.26
(1,2341)	1:169:A:THR:HG23	1:133:A:GLY:H	15	0.26
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD21	5	0.26
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	11	0.26
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	14	0.26
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	17	0.26
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD13	6	0.26
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB3	2	0.26
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG11	16	0.26
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	11	0.26
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG11	4	0.26
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG11	18	0.26
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	2	0.26
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	3	0.26
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	7	0.26
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	12	0.26
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	13	0.26
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	4	0.26
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD13	8	0.26
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	14	0.26
(1,1758)	1:145:A:ILE:H	1:159:A:GLY:H	2	0.26
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB2	1:126:A:ILE:HA	7	0.26
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	4	0.26
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	1	0.26
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB2	2	0.26
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	3	0.26
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	6	0.26
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB2	14	0.26
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	20	0.26
(1,1596)	1:14:A:PRO:HA	1:13:A:LEU:HD11	5	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD13	2	0.26
(1,1577)	1:165:A:VAL:HB	1:183:A:THR:HG22	8	0.26
(1,1559)	1:115:A:LEU:HD11	1:110:A:HIS:HB3	18	0.26
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	20	0.26
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE1	2	0.26
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG23	2	0.26
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG23	9	0.26
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	6	0.26
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	20	0.26
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	4	0.26
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB2	1:84:A:THR:HB	1	0.26
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	4	0.26
(1,1413)	1:108:A:LEU:HA	1:105:A:GLN:H	1	0.26
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB2	1:1:A:MET:HA	2	0.26
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB1	1:1:A:MET:HA	16	0.26
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD13	6	0.26
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	4	0.26
(1,1346)	1:3:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	13	0.26
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD11	4	0.26
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG22	4	0.26
(1,1272)	1:147:A:SER:HB3	1:155:A:MET:HA	8	0.26
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	12	0.26
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	11	0.26
(1,1211)	1:23:A:ASN:HA	1:26:A:TYR:HD2	20	0.26
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:VAL:HG22	5	0.26
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:H	13	0.26
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:H	18	0.26
(1,1161)	1:17:A:VAL:HG13	1:13:A:LEU:HB3	19	0.26
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD13	1:46:A:GLN:HB3	3	0.26
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB3	7	0.26
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	13	0.26
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	14	0.26
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD12	1:159:A:GLY:HA3	12	0.26
(1,1007)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HG	12	0.26
(1,1006)	1:186:A:LYS:HA	1:161:A:LEU:HD23	14	0.26
(1,929)	1:85:A:THR:HG23	1:86:A:LEU:HA	8	0.26
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	6	0.26
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG23	8	0.26
(1,859)	1:191:A:ILE:HG22	1:193:A:VAL:HG12	4	0.26
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB3	18	0.26
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG22	5	0.26
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG22	10	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB2	15	0.26
(1,665)	1:62:A:LEU:HB3	1:193:A:VAL:HB	10	0.26
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD11	4	0.26
(1,623)	1:74:A:LYS:HB3	1:72:A:LEU:HD22	2	0.26
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	2	0.26
(1,593)	1:36:A:LEU:HD13	1:193:A:VAL:HG12	5	0.26
(1,593)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG11	19	0.26
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB1	12	0.26
(1,550)	1:165:A:VAL:HG13	1:163:A:ILE:HB	13	0.26
(1,540)	1:165:A:VAL:HG23	1:184:A:LEU:HG	1	0.26
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	3	0.26
(1,529)	1:84:A:THR:HG21	1:88:A:GLU:H	8	0.26
(1,511)	1:64:A:ILE:HG21	1:64:A:ILE:HG12	17	0.26
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG23	7	0.26
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG23	11	0.26
(1,501)	1:192:A:GLY:HA3	1:190:A:THR:HG23	17	0.26
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG22	11	0.26
(1,432)	1:31:A:ILE:HD12	1:30:A:ALA:H	12	0.26
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG11	4	0.26
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG11	13	0.26
(1,396)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD2	19	0.26
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	20	0.26
(1,366)	1:82:A:LEU:HD21	1:78:A:THR:H	14	0.26
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	6	0.26
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	14	0.26
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	16	0.26
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	20	0.26
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG21	16	0.26
(1,246)	1:64:A:ILE:HA	1:191:A:ILE:HG13	15	0.26
(1,119)	1:193:A:VAL:HG22	1:156:A:MET:HE1	13	0.26
(1,84)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HB	12	0.26
(1,82)	1:70:A:MET:HE1	1:89:A:GLN:HG3	4	0.26
(1,82)	1:70:A:MET:HE2	1:89:A:GLN:HG3	6	0.26
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	20	0.26
(1,44)	1:5:A:ILE:HG23	1:11:A:ASN:H	3	0.26
(1,44)	1:5:A:ILE:HG21	1:11:A:ASN:H	14	0.26
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG23	17	0.26
(1,15)	1:49:A:LEU:HD21	1:64:A:ILE:HG22	17	0.26
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD22	3	0.26
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD13	20	0.26
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	2	0.26
(1,3)	1:49:A:LEU:HD21	1:49:A:LEU:HB3	3	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	5	0.26
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	17	0.26
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	4	0.26
(2,950)	1:140:A:SER:H	1:125:A:HIS:HA	2	0.25
(2,883)	1:176:A:ASN:HD22	1:170:A:ALA:HA	7	0.25
(2,795)	1:70:A:MET:H	1:185:A:GLN:HB2	18	0.25
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	8	0.25
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	10	0.25
(2,297)	1:19:A:LEU:HA	1:20:A:ASN:HD22	20	0.25
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	2	0.25
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	11	0.25
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB2	4	0.25
(1,3506)	1:107:A:ILE:H	1:107:A:ILE:HG13	18	0.25
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	4	0.25
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	3	0.25
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	8	0.25
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	3	0.25
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	4	0.25
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	11	0.25
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	16	0.25
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	16	0.25
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB2	2	0.25
(1,3424)	1:17:A:VAL:HG13	1:13:A:LEU:HB2	1	0.25
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB2	4	0.25
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB2	7	0.25
(1,3380)	1:32:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HG2	12	0.25
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	4	0.25
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	16	0.25
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	20	0.25
(1,3335)	1:200:A:THR:HG21	1:198:A:VAL:HG21	1	0.25
(1,3309)	1:70:A:MET:HE1	1:70:A:MET:HB2	5	0.25
(1,3309)	1:70:A:MET:HE2	1:70:A:MET:HB2	14	0.25
(1,3305)	1:115:A:LEU:HD11	1:79:A:LEU:HB3	10	0.25
(1,3293)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HD12	9	0.25
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	1	0.25
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	18	0.25
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	3	0.25
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	8	0.25
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	11	0.25
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	13	0.25
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	3	0.25
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	20	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG21	5	0.25
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB2	1	0.25
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB1	9	0.25
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB1	10	0.25
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	7	0.25
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	10	0.25
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	13	0.25
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	15	0.25
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	16	0.25
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	17	0.25
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	20	0.25
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG22	5	0.25
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	18	0.25
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	13	0.25
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	12	0.25
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD11	10	0.25
(1,3028)	1:189:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD23	3	0.25
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB3	6	0.25
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD12	17	0.25
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	6	0.25
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	12	0.25
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	20	0.25
(1,2965)	1:129:A:GLN:HE21	1:135:A:SER:HB2	12	0.25
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD13	1	0.25
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	2	0.25
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	3	0.25
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	5	0.25
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	10	0.25
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	16	0.25
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	17	0.25
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	11	0.25
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD11	6	0.25
(1,2826)	1:103:A:TYR:H	1:106:A:ASN:HB2	6	0.25
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG22	19	0.25
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD13	15	0.25
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	8	0.25
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	16	0.25
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG11	14	0.25
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	5	0.25
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB1	9	0.25
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	14	0.25
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	18	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	10	0.25
(1,2472)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HB	13	0.25
(1,2470)	1:148:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG11	19	0.25
(1,2450)	1:158:A:ALA:HB1	1:146:A:VAL:H	1	0.25
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	7	0.25
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG22	4	0.25
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	9	0.25
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG21	7	0.25
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	7	0.25
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	9	0.25
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	17	0.25
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG22	3	0.25
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	14	0.25
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	7	0.25
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG13	6	0.25
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG13	11	0.25
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	6	0.25
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	8	0.25
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	10	0.25
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	19	0.25
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	20	0.25
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD13	14	0.25
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	6	0.25
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG21	7	0.25
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD13	14	0.25
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	18	0.25
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	8	0.25
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	10	0.25
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	19	0.25
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	18	0.25
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	9	0.25
(1,1597)	1:15:A:TYR:HA	1:13:A:LEU:HD23	2	0.25
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG21	3	0.25
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG22	7	0.25
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG22	18	0.25
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE2	3	0.25
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE3	4	0.25
(1,1526)	1:60:A:PRO:HG3	1:155:A:MET:HE2	14	0.25
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	8	0.25
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	11	0.25
(1,1486)	1:64:A:ILE:HG13	1:67:A:THR:HG23	15	0.25
(1,1452)	1:14:A:PRO:HA	1:3:A:ILE:HD12	3	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG12	20	0.25
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD11	2	0.25
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG11	13	0.25
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	3	0.25
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	10	0.25
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD12	11	0.25
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD12	17	0.25
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB3	4	0.25
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB2	7	0.25
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD11	7	0.25
(1,1241)	1:147:A:SER:HB2	1:202:A:LEU:HD11	7	0.25
(1,1223)	1:169:A:THR:HG22	1:135:A:SER:HB3	1	0.25
(1,1222)	1:169:A:THR:HG21	1:132:A:ALA:HA	5	0.25
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	4	0.25
(1,1215)	1:148:A:GLN:HA	1:148:A:GLN:HE21	14	0.25
(1,1211)	1:23:A:ASN:HA	1:26:A:TYR:HD2	1	0.25
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB2	1:160:A:PRO:HG3	11	0.25
(1,1158)	1:82:A:LEU:HD22	1:77:A:SER:HA	2	0.25
(1,1145)	1:75:A:SER:HB3	1:82:A:LEU:HD11	8	0.25
(1,1145)	1:75:A:SER:HB3	1:82:A:LEU:HD12	15	0.25
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HD13	20	0.25
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	3	0.25
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG23	7	0.25
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG21	13	0.25
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	4	0.25
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB1	17	0.25
(1,996)	1:179:A:ASP:HB3	1:171:A:ILE:HA	20	0.25
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	15	0.25
(1,893)	1:172:A:SER:HB2	1:171:A:ILE:HG23	1	0.25
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB1	10	0.25
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	15	0.25
(1,816)	1:33:A:LEU:HD11	1:55:A:LYS:HZ3	17	0.25
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG22	11	0.25
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG21	13	0.25
(1,724)	1:151:A:GLU:HG3	1:151:A:GLU:HA	19	0.25
(1,715)	1:102:A:THR:HG21	1:101:A:ASP:HB3	6	0.25
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	5	0.25
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	5	0.25
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	10	0.25
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB3	8	0.25
(1,592)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG22	4	0.25
(1,548)	1:165:A:VAL:HG11	1:183:A:THR:HB	12	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,540)	1:165:A:VAL:HG22	1:184:A:LEU:HG	10	0.25
(1,537)	1:165:A:VAL:HG13	1:165:A:VAL:H	15	0.25
(1,511)	1:64:A:ILE:HG23	1:64:A:ILE:HG12	1	0.25
(1,511)	1:64:A:ILE:HG22	1:64:A:ILE:HG12	4	0.25
(1,511)	1:64:A:ILE:HG23	1:64:A:ILE:HG12	6	0.25
(1,511)	1:64:A:ILE:HG23	1:64:A:ILE:HG12	8	0.25
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG22	2	0.25
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG22	3	0.25
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG23	9	0.25
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG22	10	0.25
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG21	13	0.25
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG22	16	0.25
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG21	19	0.25
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG21	20	0.25
(1,501)	1:192:A:GLY:HA3	1:190:A:THR:HG23	19	0.25
(1,456)	1:201:A:PRO:HB3	1:200:A:THR:HG22	11	0.25
(1,452)	1:18:A:PHE:HB2	1:2:A:SER:HG	12	0.25
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	3	0.25
(1,396)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD2	5	0.25
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	13	0.25
(1,217)	1:35:A:GLN:HB3	1:38:A:ALA:HB1	14	0.25
(1,204)	1:185:A:GLN:HB2	1:70:A:MET:HG2	11	0.25
(1,70)	1:70:A:MET:HE1	1:186:A:LYS:HD3	5	0.25
(1,70)	1:70:A:MET:HE2	1:186:A:LYS:HD3	14	0.25
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG22	11	0.25
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD21	9	0.25
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD23	12	0.25
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD11	10	0.25
(2,764)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HB3	7	0.24
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	1	0.24
(2,349)	1:117:A:THR:HB	1:123:A:TRP:HZ2	19	0.24
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	7	0.24
(2,91)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB3	20	0.24
(2,7)	1:135:A:SER:HB3	1:129:A:GLN:HB3	17	0.24
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	4	0.24
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	10	0.24
(1,3457)	1:44:A:ASN:HB2	1:20:A:ASN:HB2	20	0.24
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	10	0.24
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	12	0.24
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	20	0.24
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG3	1:53:A:LEU:HB3	3	0.24
(1,3393)	1:83:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB2	17	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3368)	1:102:A:THR:HA	1:107:A:ILE:HG12	16	0.24
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	3	0.24
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	11	0.24
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	12	0.24
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	14	0.24
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	19	0.24
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	2	0.24
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	4	0.24
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	16	0.24
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	17	0.24
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	18	0.24
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	19	0.24
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	11	0.24
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB2	15	0.24
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB3	17	0.24
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	8	0.24
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	18	0.24
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	1	0.24
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	8	0.24
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG22	7	0.24
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	14	0.24
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB1	13	0.24
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB2	17	0.24
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD13	11	0.24
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD11	13	0.24
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG21	16	0.24
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	1	0.24
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD12	10	0.24
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	3	0.24
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	6	0.24
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	19	0.24
(1,2783)	1:30:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	10	0.24
(1,2780)	1:105:A:GLN:HE21	1:104:A:ILE:HD13	11	0.24
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	13	0.24
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	17	0.24
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	19	0.24
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	12	0.24
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	9	0.24
(1,2629)	1:79:A:LEU:H	1:82:A:LEU:HD12	1	0.24
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	5	0.24
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	1	0.24
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD13	5	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG22	19	0.24
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	12	0.24
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	17	0.24
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	8	0.24
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB2	13	0.24
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	5	0.24
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD11	13	0.24
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	9	0.24
(1,2356)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:ASP:H	14	0.24
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD23	18	0.24
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD13	10	0.24
(1,2180)	1:82:A:LEU:H	1:85:A:THR:HG21	11	0.24
(1,2180)	1:82:A:LEU:H	1:85:A:THR:HG23	18	0.24
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	17	0.24
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD13	14	0.24
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	15	0.24
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG23	2	0.24
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	3	0.24
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD12	1	0.24
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD13	7	0.24
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG13	6	0.24
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	14	0.24
(1,1841)	1:20:A:ASN:H	1:19:A:LEU:HD13	9	0.24
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	1	0.24
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	19	0.24
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG23	2	0.24
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	4	0.24
(1,1819)	1:96:A:LEU:H	1:98:A:ILE:HB	13	0.24
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD11	10	0.24
(1,1748)	1:157:A:ALA:H	1:193:A:VAL:HG22	5	0.24
(1,1684)	1:117:A:THR:H	1:117:A:THR:HG22	19	0.24
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB1	1:126:A:ILE:HA	3	0.24
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	12	0.24
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB3	5	0.24
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	13	0.24
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB3	19	0.24
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	6	0.24
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	20	0.24
(1,1593)	1:5:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD13	7	0.24
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG23	5	0.24
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG22	1	0.24
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG22	14	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG21	9	0.24
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	4	0.24
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	3	0.24
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	13	0.24
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD13	16	0.24
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	3	0.24
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	15	0.24
(1,1452)	1:14:A:PRO:HA	1:3:A:ILE:HD12	16	0.24
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	6	0.24
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	11	0.24
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG12	1:193:A:VAL:HG21	11	0.24
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB2	1:84:A:THR:HB	8	0.24
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	13	0.24
(1,1372)	1:165:A:VAL:HG11	1:166:A:THR:HG21	17	0.24
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD11	12	0.24
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG22	6	0.24
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG22	9	0.24
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB2	3	0.24
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD11	6	0.24
(1,1291)	1:33:A:LEU:HA	1:155:A:MET:HE1	17	0.24
(1,1272)	1:147:A:SER:HB3	1:155:A:MET:HA	15	0.24
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD21	19	0.24
(1,1241)	1:147:A:SER:HB2	1:202:A:LEU:HD13	14	0.24
(1,1215)	1:148:A:GLN:HA	1:148:A:GLN:HE21	12	0.24
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB3	1:160:A:PRO:HG3	2	0.24
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	19	0.24
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:H	4	0.24
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:H	9	0.24
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HD13	11	0.24
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD22	1:53:A:LEU:HD13	19	0.24
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD13	1	0.24
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD11	20	0.24
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB2	12	0.24
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB2	16	0.24
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	5	0.24
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	15	0.24
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	20	0.24
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	11	0.24
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	20	0.24
(1,1015)	1:33:A:LEU:HD13	1:36:A:LEU:HB3	20	0.24
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	6	0.24
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	8	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD12	12	0.24
(1,898)	1:196:A:PHE:HA	1:198:A:VAL:H	13	0.24
(1,859)	1:191:A:ILE:HG23	1:193:A:VAL:HG12	11	0.24
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG11	13	0.24
(1,852)	1:21:A:LEU:HD11	1:30:A:ALA:HB1	14	0.24
(1,852)	1:21:A:LEU:HD12	1:30:A:ALA:HB1	15	0.24
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG22	8	0.24
(1,752)	1:31:A:ILE:HG23	1:34:A:ALA:HB1	8	0.24
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	8	0.24
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	2	0.24
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	6	0.24
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD13	15	0.24
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	4	0.24
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	19	0.24
(1,589)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD11	17	0.24
(1,557)	1:133:A:GLY:H	1:170:A:ALA:HB1	20	0.24
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	14	0.24
(1,516)	1:64:A:ILE:HG22	1:191:A:ILE:HB	15	0.24
(1,511)	1:64:A:ILE:HG23	1:64:A:ILE:HG12	2	0.24
(1,511)	1:64:A:ILE:HG23	1:64:A:ILE:HG12	3	0.24
(1,511)	1:64:A:ILE:HG22	1:64:A:ILE:HG12	5	0.24
(1,511)	1:64:A:ILE:HG23	1:64:A:ILE:HG12	14	0.24
(1,511)	1:64:A:ILE:HG21	1:64:A:ILE:HG12	18	0.24
(1,511)	1:64:A:ILE:HG22	1:64:A:ILE:HG12	19	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG22	1	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG21	4	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG21	5	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG22	6	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG22	8	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG23	12	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG22	14	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG23	17	0.24
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG23	18	0.24
(1,501)	1:192:A:GLY:HA3	1:190:A:THR:HG23	8	0.24
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG11	7	0.24
(1,470)	1:146:A:VAL:HG23	1:155:A:MET:HE2	18	0.24
(1,463)	1:200:A:THR:HG23	1:197:A:GLN:H	11	0.24
(1,456)	1:201:A:PRO:HB3	1:200:A:THR:HG23	6	0.24
(1,432)	1:31:A:ILE:HD11	1:30:A:ALA:H	16	0.24
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	8	0.24
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	3	0.24
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD21	11	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,336)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HG23	9	0.24
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	3	0.24
(1,322)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD23	20	0.24
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG23	3	0.24
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	2	0.24
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	12	0.24
(1,300)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HB2	20	0.24
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	4	0.24
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG22	7	0.24
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG23	3	0.24
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	17	0.24
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB3	11	0.24
(1,31)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG13	12	0.24
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG23	1	0.24
(1,3)	1:49:A:LEU:HD23	1:49:A:LEU:HB3	9	0.24
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD13	1	0.24
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD12	7	0.24
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD12	9	0.24
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	12	0.23
(2,602)	1:152:A:THR:H	1:197:A:GLN:HE21	2	0.23
(2,602)	1:152:A:THR:H	1:197:A:GLN:HE21	8	0.23
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	9	0.23
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	12	0.23
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	8	0.23
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	15	0.23
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	18	0.23
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	13	0.23
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	17	0.23
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	18	0.23
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	2	0.23
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	3	0.23
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG23	1:161:A:LEU:HB2	15	0.23
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB2	3	0.23
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB3	5	0.23
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	8	0.23
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	11	0.23
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB3	10	0.23
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB3	17	0.23
(1,3368)	1:102:A:THR:HA	1:107:A:ILE:HG12	8	0.23
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	11	0.23
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	20	0.23
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	7	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	13	0.23
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	2	0.23
(1,3216)	1:45:A:GLY:H	1:44:A:ASN:HB2	20	0.23
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	12	0.23
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	16	0.23
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG23	1	0.23
(1,3106)	1:29:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HD11	5	0.23
(1,3013)	1:176:A:ASN:HD22	1:179:A:ASP:HB3	9	0.23
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	15	0.23
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB1	9	0.23
(1,2999)	1:132:A:ALA:H	1:132:A:ALA:HB1	10	0.23
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD12	10	0.23
(1,2986)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HG22	20	0.23
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG23	20	0.23
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	14	0.23
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD11	12	0.23
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG23	1	0.23
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG21	3	0.23
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG21	4	0.23
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG21	5	0.23
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	11	0.23
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	2	0.23
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	11	0.23
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	7	0.23
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	16	0.23
(1,2732)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HG21	12	0.23
(1,2683)	1:24:A:GLU:H	1:23:A:ASN:HB2	2	0.23
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	3	0.23
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	7	0.23
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	11	0.23
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	20	0.23
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	14	0.23
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	15	0.23
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD12	2	0.23
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	10	0.23
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD12	6	0.23
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD12	14	0.23
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	15	0.23
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD12	9	0.23
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD13	19	0.23
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD13	3	0.23
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD11	10	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	12	0.23
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	13	0.23
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	6	0.23
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	10	0.23
(1,2273)	1:80:A:SER:H	1:82:A:LEU:HD22	7	0.23
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	13	0.23
(1,2211)	1:82:A:LEU:H	1:83:A:THR:HG23	17	0.23
(1,2180)	1:82:A:LEU:H	1:85:A:THR:HG21	20	0.23
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	1	0.23
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	19	0.23
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	3	0.23
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG23	10	0.23
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD12	2	0.23
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD13	17	0.23
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG22	5	0.23
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG22	12	0.23
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG12	16	0.23
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	16	0.23
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	1	0.23
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	12	0.23
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	15	0.23
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	9	0.23
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB2	10	0.23
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB3	16	0.23
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG22	14	0.23
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE1	6	0.23
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG22	8	0.23
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG21	13	0.23
(1,1472)	1:21:A:LEU:HD21	1:144:A:PHE:HZ	14	0.23
(1,1452)	1:14:A:PRO:HA	1:3:A:ILE:HD13	15	0.23
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD11	19	0.23
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	10	0.23
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB3	1:84:A:THR:HB	20	0.23
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB3	1:1:A:MET:HA	11	0.23
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG11	6	0.23
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	11	0.23
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	15	0.23
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	19	0.23
(1,1346)	1:3:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	7	0.23
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD12	3	0.23
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	15	0.23
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	12	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB1	2	0.23
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB1	15	0.23
(1,1241)	1:147:A:SER:HB2	1:202:A:LEU:HD11	12	0.23
(1,1241)	1:147:A:SER:HB2	1:202:A:LEU:HD11	19	0.23
(1,1225)	1:137:A:THR:HG23	1:169:A:THR:HG21	3	0.23
(1,1219)	1:169:A:THR:HG22	1:180:A:TRP:H	9	0.23
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	15	0.23
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB3	1:160:A:PRO:HG3	9	0.23
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB2	11	0.23
(1,1175)	1:44:A:ASN:HA	1:17:A:VAL:HG22	10	0.23
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:H	3	0.23
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	15	0.23
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	17	0.23
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	5	0.23
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD21	1:53:A:LEU:HD12	2	0.23
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD13	1:46:A:GLN:HB3	8	0.23
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG22	14	0.23
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	1	0.23
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	5	0.23
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	10	0.23
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB1	18	0.23
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD12	1:159:A:GLY:HA3	14	0.23
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD13	1	0.23
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD12	12	0.23
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD12	13	0.23
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD13	14	0.23
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD12	1:155:A:MET:HE2	2	0.23
(1,1007)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HG	2	0.23
(1,1007)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HG	7	0.23
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	12	0.23
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	8	0.23
(1,970)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG13	2	0.23
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG23	6	0.23
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	7	0.23
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	18	0.23
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG23	9	0.23
(1,859)	1:191:A:ILE:HG22	1:193:A:VAL:HG11	9	0.23
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG11	15	0.23
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG13	19	0.23
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB3	7	0.23
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB3	9	0.23
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	8	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG21	12	0.23
(1,753)	1:31:A:ILE:HG22	1:32:A:GLN:HE21	3	0.23
(1,715)	1:102:A:THR:HG22	1:101:A:ASP:HB3	11	0.23
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	11	0.23
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	17	0.23
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD13	8	0.23
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD22	4	0.23
(1,589)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HD11	1	0.23
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD11	5	0.23
(1,589)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HD12	15	0.23
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB1	9	0.23
(1,540)	1:165:A:VAL:HG22	1:184:A:LEU:HG	17	0.23
(1,537)	1:165:A:VAL:HG11	1:165:A:VAL:H	17	0.23
(1,526)	1:123:A:TRP:HA	1:141:A:TYR:HD2	19	0.23
(1,511)	1:64:A:ILE:HG21	1:64:A:ILE:HG12	9	0.23
(1,511)	1:64:A:ILE:HG23	1:64:A:ILE:HG12	10	0.23
(1,511)	1:64:A:ILE:HG21	1:64:A:ILE:HG12	12	0.23
(1,511)	1:64:A:ILE:HG22	1:64:A:ILE:HG12	13	0.23
(1,511)	1:64:A:ILE:HG23	1:64:A:ILE:HG12	16	0.23
(1,511)	1:64:A:ILE:HG22	1:64:A:ILE:HG12	20	0.23
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG13	12	0.23
(1,396)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD2	14	0.23
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD23	6	0.23
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD21	12	0.23
(1,339)	1:85:A:THR:HG22	1:87:A:SER:H	8	0.23
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG22	4	0.23
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	7	0.23
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	10	0.23
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	17	0.23
(1,320)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD13	9	0.23
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG21	2	0.23
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	1	0.23
(1,144)	1:5:A:ILE:HA	1:6:A:TYR:HB3	13	0.23
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	7	0.23
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	15	0.23
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	7	0.23
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	12	0.23
(1,71)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HD11	18	0.23
(1,52)	1:129:A:GLN:HB2	1:135:A:SER:HB2	5	0.23
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB1	19	0.23
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG22	2	0.23
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD13	3	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD13	5	0.23
(1,2)	1:49:A:LEU:HB2	1:49:A:LEU:HD13	18	0.23
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	4	0.22
(2,5)	1:127:A:ASN:HB3	1:139:A:TYR:HB3	1	0.22
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	6	0.22
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	15	0.22
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	20	0.22
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	16	0.22
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB3	19	0.22
(1,3506)	1:107:A:ILE:H	1:107:A:ILE:HG13	12	0.22
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	7	0.22
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	15	0.22
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	1	0.22
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	8	0.22
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	10	0.22
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	3	0.22
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	5	0.22
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	6	0.22
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	7	0.22
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	14	0.22
(1,3432)	1:35:A:GLN:HA	1:1:A:MET:HB3	5	0.22
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD23	3	0.22
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB2	16	0.22
(1,3366)	1:113:A:CYS:HA	1:114:A:ASP:HB2	8	0.22
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	5	0.22
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	17	0.22
(1,3361)	1:186:A:LYS:HG2	1:70:A:MET:HB3	19	0.22
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	12	0.22
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	10	0.22
(1,3309)	1:70:A:MET:HE1	1:70:A:MET:HB2	15	0.22
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	2	0.22
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	8	0.22
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	10	0.22
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	17	0.22
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	1	0.22
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG22	7	0.22
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG21	12	0.22
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG21	13	0.22
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	6	0.22
(1,3124)	1:48:A:ASP:H	1:40:A:GLU:HB2	11	0.22
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	7	0.22
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	14	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	16	0.22
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	5	0.22
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD13	3	0.22
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD11	19	0.22
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD12	9	0.22
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	4	0.22
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB2	2	0.22
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB2	15	0.22
(1,2965)	1:129:A:GLN:HE21	1:135:A:SER:HB2	8	0.22
(1,2965)	1:129:A:GLN:HE21	1:135:A:SER:HB2	19	0.22
(1,2953)	1:171:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	14	0.22
(1,2950)	1:176:A:ASN:HD21	1:171:A:ILE:HG13	14	0.22
(1,2916)	1:62:A:LEU:H	1:62:A:LEU:HB3	19	0.22
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	5	0.22
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG22	2	0.22
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG22	12	0.22
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG23	16	0.22
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	2	0.22
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	5	0.22
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	7	0.22
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	10	0.22
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	3	0.22
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	12	0.22
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	18	0.22
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	3	0.22
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG12	2	0.22
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG12	18	0.22
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	8	0.22
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	18	0.22
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	20	0.22
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG23	13	0.22
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	7	0.22
(1,2549)	1:115:A:LEU:H	1:115:A:LEU:HG	3	0.22
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	11	0.22
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	13	0.22
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	11	0.22
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD13	3	0.22
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD12	9	0.22
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD11	15	0.22
(1,2471)	1:29:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG23	18	0.22
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB2	18	0.22
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD12	14	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	1	0.22
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	6	0.22
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	8	0.22
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD11	18	0.22
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD11	20	0.22
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	11	0.22
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	13	0.22
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	16	0.22
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	18	0.22
(1,2278)	1:153:A:GLY:H	1:203:A:GLY:HA3	8	0.22
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	1	0.22
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	10	0.22
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	11	0.22
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	12	0.22
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	19	0.22
(1,2211)	1:82:A:LEU:H	1:83:A:THR:HG21	20	0.22
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG23	4	0.22
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD11	13	0.22
(1,2120)	1:203:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	13	0.22
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	8	0.22
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD11	3	0.22
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG23	6	0.22
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	12	0.22
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	11	0.22
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG21	14	0.22
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG23	20	0.22
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD11	3	0.22
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	4	0.22
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	15	0.22
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	10	0.22
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	13	0.22
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG23	3	0.22
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD12	19	0.22
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	20	0.22
(1,1818)	1:179:A:ASP:H	1:177:A:THR:HG21	20	0.22
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB3	10	0.22
(1,1807)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE3	4	0.22
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	18	0.22
(1,1737)	1:134:A:HIS:H	1:131:A:ASP:HA	9	0.22
(1,1663)	1:137:A:THR:HG22	1:128:A:ALA:HB1	10	0.22
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB2	4	0.22
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	1	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG21	14	0.22
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG22	1	0.22
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG22	15	0.22
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	6	0.22
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD13	19	0.22
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	19	0.22
(1,1439)	1:146:A:VAL:HG13	1:193:A:VAL:HG21	12	0.22
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD11	20	0.22
(1,1378)	1:38:A:ALA:HB1	1:1:A:MET:HA	17	0.22
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	16	0.22
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	20	0.22
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	6	0.22
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	14	0.22
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD11	19	0.22
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB3	18	0.22
(1,1272)	1:147:A:SER:HB3	1:155:A:MET:HA	3	0.22
(1,1246)	1:148:A:GLN:HA	1:202:A:LEU:HD22	16	0.22
(1,1226)	1:169:A:THR:HG22	1:178:A:LYS:HZ2	7	0.22
(1,1223)	1:169:A:THR:HG21	1:135:A:SER:HB3	7	0.22
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG23	4	0.22
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	2	0.22
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	8	0.22
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB3	1:160:A:PRO:HG3	5	0.22
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB1	1:160:A:PRO:HG3	6	0.22
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD23	3	0.22
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:H	14	0.22
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HB2	4	0.22
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD12	10	0.22
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	14	0.22
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB2	8	0.22
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD13	1:46:A:GLN:HB3	12	0.22
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD23	8	0.22
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	1	0.22
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	9	0.22
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	12	0.22
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	14	0.22
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	19	0.22
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	6	0.22
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	1	0.22
(1,970)	1:132:A:ALA:HB2	1:171:A:ILE:HG13	7	0.22
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD12	13	0.22
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	5	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,859)	1:191:A:ILE:HG22	1:193:A:VAL:HG13	10	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG13	12	0.22
(1,859)	1:191:A:ILE:HG23	1:193:A:VAL:HG11	18	0.22
(1,849)	1:147:A:SER:HB2	1:97:A:GLY:HA2	6	0.22
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG21	18	0.22
(1,753)	1:31:A:ILE:HG23	1:32:A:GLN:HE21	14	0.22
(1,753)	1:31:A:ILE:HG23	1:32:A:GLN:HE21	15	0.22
(1,734)	1:85:A:THR:HG21	1:72:A:LEU:HA	8	0.22
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD13	1	0.22
(1,592)	1:36:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG22	2	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HD12	3	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD13	4	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD12	6	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD11	7	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD12	8	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HD12	9	0.22
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD11	12	0.22
(1,562)	1:191:A:ILE:HG22	1:157:A:ALA:HB1	6	0.22
(1,511)	1:64:A:ILE:HG21	1:64:A:ILE:HG12	7	0.22
(1,511)	1:64:A:ILE:HG21	1:64:A:ILE:HG12	11	0.22
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB2	12	0.22
(1,396)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD2	8	0.22
(1,396)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD2	11	0.22
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	8	0.22
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG22	6	0.22
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	16	0.22
(1,140)	1:142:A:SER:HB2	1:141:A:TYR:HD1	19	0.22
(1,85)	1:70:A:MET:HE3	1:72:A:LEU:HD21	11	0.22
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB1	5	0.22
(1,39)	1:115:A:LEU:HD13	1:79:A:LEU:HG	7	0.22
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	1	0.22
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG23	3	0.22
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG22	7	0.22
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG21	20	0.22
(1,6)	1:49:A:LEU:HD21	1:189:A:ILE:HB	2	0.22
(2,764)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HB3	16	0.21
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	15	0.21
(2,610)	1:29:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HE22	2	0.21
(2,291)	1:165:A:VAL:HB	1:184:A:LEU:HG	11	0.21
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	11	0.21
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	17	0.21
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	1	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	1	0.21
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	12	0.21
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	13	0.21
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	13	0.21
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB3	1	0.21
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	5	0.21
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG23	4	0.21
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG23	15	0.21
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	20	0.21
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	20	0.21
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	4	0.21
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	15	0.21
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG2	1:53:A:LEU:HB3	1	0.21
(1,3423)	1:183:A:THR:HA	1:74:A:LYS:HE3	7	0.21
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	17	0.21
(1,3393)	1:83:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB2	13	0.21
(1,3309)	1:70:A:MET:HE2	1:70:A:MET:HB2	6	0.21
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	16	0.21
(1,3293)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HD12	11	0.21
(1,3289)	1:150:A:GLU:H	1:201:A:PRO:HB3	19	0.21
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	6	0.21
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB1	4	0.21
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	6	0.21
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	4	0.21
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD11	4	0.21
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD13	11	0.21
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD12	11	0.21
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	5	0.21
(1,2965)	1:129:A:GLN:HE21	1:135:A:SER:HB2	15	0.21
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	4	0.21
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	10	0.21
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD11	5	0.21
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD12	11	0.21
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD12	16	0.21
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD11	17	0.21
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG23	11	0.21
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG22	9	0.21
(1,2804)	1:127:A:ASN:HD21	1:139:A:TYR:HB3	16	0.21
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	4	0.21
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	17	0.21
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	5	0.21
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	6	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	20	0.21
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	16	0.21
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	5	0.21
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	7	0.21
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	10	0.21
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB2	18	0.21
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	15	0.21
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	5	0.21
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	9	0.21
(1,2573)	1:187:A:GLU:H	1:163:A:ILE:HG12	15	0.21
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD11	9	0.21
(1,2549)	1:115:A:LEU:H	1:115:A:LEU:HG	17	0.21
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	1	0.21
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	3	0.21
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	6	0.21
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	18	0.21
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	19	0.21
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	20	0.21
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	15	0.21
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD13	11	0.21
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB1	4	0.21
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	14	0.21
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	18	0.21
(1,2418)	1:90:A:LEU:H	1:92:A:ILE:HD12	7	0.21
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD12	3	0.21
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD11	9	0.21
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD11	16	0.21
(1,2365)	1:155:A:MET:HA	1:148:A:GLN:H	19	0.21
(1,2321)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HB	20	0.21
(1,2305)	1:74:A:LYS:H	1:72:A:LEU:HD21	13	0.21
(1,2278)	1:153:A:GLY:H	1:203:A:GLY:HA3	1	0.21
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	2	0.21
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	4	0.21
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	8	0.21
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	16	0.21
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	18	0.21
(1,2216)	1:35:A:GLN:H	1:36:A:LEU:HD12	18	0.21
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	8	0.21
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG23	9	0.21
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD13	8	0.21
(1,1992)	1:193:A:VAL:H	1:193:A:VAL:HG22	5	0.21
(1,1988)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE3	11	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1950)	1:191:A:ILE:H	1:157:A:ALA:HB3	12	0.21
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	19	0.21
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD13	1	0.21
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD12	9	0.21
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	17	0.21
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB1	19	0.21
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	18	0.21
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	20	0.21
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	4	0.21
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	8	0.21
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	16	0.21
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	15	0.21
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG23	1:13:A:LEU:HD23	13	0.21
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	8	0.21
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE3	3	0.21
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	18	0.21
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD13	5	0.21
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD11	11	0.21
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD13	14	0.21
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	7	0.21
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	9	0.21
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	19	0.21
(1,1413)	1:108:A:LEU:HA	1:105:A:GLN:H	10	0.21
(1,1399)	1:26:A:TYR:HA	1:29:A:GLN:HB3	6	0.21
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG12	3	0.21
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	9	0.21
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	3	0.21
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB2	5	0.21
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	15	0.21
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB3	9	0.21
(1,1284)	1:166:A:THR:HA	1:167:A:PRO:HB3	17	0.21
(1,1211)	1:23:A:ASN:HA	1:26:A:TYR:HD2	6	0.21
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	11	0.21
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	3	0.21
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	19	0.21
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:H	6	0.21
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:H	17	0.21
(1,1161)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB3	11	0.21
(1,1161)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB3	18	0.21
(1,1148)	1:77:A:SER:HB2	1:82:A:LEU:HD12	17	0.21
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB2	17	0.21
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD12	1:46:A:GLN:HB3	5	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD22	4	0.21
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	10	0.21
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	16	0.21
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG21	4	0.21
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG21	16	0.21
(1,859)	1:191:A:ILE:HG23	1:193:A:VAL:HG13	14	0.21
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB1	3	0.21
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB1	4	0.21
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	2	0.21
(1,772)	1:102:A:THR:HA	1:106:A:ASN:HB3	1	0.21
(1,762)	1:14:A:PRO:HG3	1:15:A:TYR:HD2	1	0.21
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB2	20	0.21
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	6	0.21
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	3	0.21
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD11	17	0.21
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD21	7	0.21
(1,592)	1:36:A:LEU:HD11	1:193:A:VAL:HG23	9	0.21
(1,589)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD13	2	0.21
(1,589)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD11	10	0.21
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD13	11	0.21
(1,589)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HD12	14	0.21
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD12	16	0.21
(1,589)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD13	18	0.21
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD11	20	0.21
(1,570)	1:95:A:VAL:HG13	1:199:A:VAL:HG21	6	0.21
(1,562)	1:191:A:ILE:HG22	1:157:A:ALA:HB2	4	0.21
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	12	0.21
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	13	0.21
(1,470)	1:146:A:VAL:HG21	1:155:A:MET:HE1	9	0.21
(1,469)	1:146:A:VAL:HG23	1:29:A:GLN:HB3	19	0.21
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG21	12	0.21
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	17	0.21
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD21	16	0.21
(1,366)	1:82:A:LEU:HD22	1:78:A:THR:H	1	0.21
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG22	18	0.21
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD21	16	0.21
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	19	0.21
(1,204)	1:185:A:GLN:HB2	1:70:A:MET:HG2	18	0.21
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG13	13	0.21
(1,82)	1:70:A:MET:HE1	1:89:A:GLN:HG3	2	0.21
(1,70)	1:70:A:MET:HE1	1:186:A:LYS:HD3	15	0.21
(1,9)	1:47:A:LEU:HD21	1:49:A:LEU:HD23	2	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,6)	1:49:A:LEU:HD22	1:189:A:ILE:HB	1	0.21
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	13	0.2
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	18	0.2
(2,813)	1:181:A:ARG:HE	1:180:A:TRP:HZ2	4	0.2
(2,813)	1:181:A:ARG:HE	1:180:A:TRP:HZ2	11	0.2
(2,764)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HB3	8	0.2
(2,764)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HB3	13	0.2
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	1	0.2
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	6	0.2
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	15	0.2
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	18	0.2
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	20	0.2
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	4	0.2
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	5	0.2
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	10	0.2
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	7	0.2
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	11	0.2
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	14	0.2
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	16	0.2
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	17	0.2
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	18	0.2
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	18	0.2
(1,3532)	1:29:A:GLN:HE21	1:155:A:MET:HG2	7	0.2
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB3	17	0.2
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	5	0.2
(1,3472)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HG2	6	0.2
(1,3472)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HG2	15	0.2
(1,3470)	1:125:A:HIS:H	1:126:A:ILE:HG13	1	0.2
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	9	0.2
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	19	0.2
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	15	0.2
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	19	0.2
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	7	0.2
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	12	0.2
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG3	1:53:A:LEU:HB3	14	0.2
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	18	0.2
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	7	0.2
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	9	0.2
(1,3335)	1:200:A:THR:HG22	1:198:A:VAL:HG23	4	0.2
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	14	0.2
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	9	0.2
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	20	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3293)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HD11	19	0.2
(1,3263)	1:137:A:THR:H	1:128:A:ALA:HB2	2	0.2
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	13	0.2
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	9	0.2
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	10	0.2
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	15	0.2
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	18	0.2
(1,3098)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG2	2	0.2
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	1	0.2
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	7	0.2
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	13	0.2
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	14	0.2
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD11	6	0.2
(1,3013)	1:176:A:ASN:HD22	1:179:A:ASP:HB3	12	0.2
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD12	7	0.2
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD12	8	0.2
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD11	9	0.2
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD11	13	0.2
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD12	20	0.2
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB1	5	0.2
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	6	0.2
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD12	9	0.2
(1,2886)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HD13	14	0.2
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD12	5	0.2
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG21	12	0.2
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	12	0.2
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	13	0.2
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	15	0.2
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	16	0.2
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	18	0.2
(1,2777)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HE1	2	0.2
(1,2777)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HE1	16	0.2
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	10	0.2
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	15	0.2
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG13	1	0.2
(1,2757)	1:39:A:HIS:H	1:41:A:VAL:HG11	4	0.2
(1,2754)	1:46:A:GLN:HE22	1:41:A:VAL:HG12	12	0.2
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	20	0.2
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	14	0.2
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG21	15	0.2
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	9	0.2
(1,2617)	1:106:A:ASN:HD22	1:101:A:ASP:HB3	11	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	10	0.2
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	18	0.2
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	14	0.2
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	16	0.2
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	3	0.2
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	11	0.2
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	12	0.2
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	13	0.2
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	19	0.2
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	20	0.2
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG21	9	0.2
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	11	0.2
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD13	5	0.2
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD13	11	0.2
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD11	14	0.2
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	15	0.2
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	17	0.2
(1,2363)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HB	18	0.2
(1,2356)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:ASP:H	5	0.2
(1,2319)	1:143:A:LEU:H	1:160:A:PRO:HG2	18	0.2
(1,2291)	1:151:A:GLU:H	1:203:A:GLY:HA2	15	0.2
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	5	0.2
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	6	0.2
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	7	0.2
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	14	0.2
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	17	0.2
(1,2144)	1:10:A:GLY:H	1:11:A:ASN:HB2	3	0.2
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG21	20	0.2
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	20	0.2
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	11	0.2
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	13	0.2
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	18	0.2
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG23	4	0.2
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD12	4	0.2
(1,1988)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE3	12	0.2
(1,1988)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE3	15	0.2
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	16	0.2
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	17	0.2
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	6	0.2
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	12	0.2
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	20	0.2
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG21	6	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB1	2	0.2
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD13	16	0.2
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	8	0.2
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	12	0.2
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	8	0.2
(1,1682)	1:138:A:SER:H	1:127:A:ASN:HB3	6	0.2
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	2	0.2
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	4	0.2
(1,1678)	1:106:A:ASN:HD21	1:107:A:ILE:HB	1	0.2
(1,1678)	1:106:A:ASN:HD21	1:107:A:ILE:HB	6	0.2
(1,1678)	1:106:A:ASN:HD21	1:107:A:ILE:HB	11	0.2
(1,1652)	1:84:A:THR:HG22	1:85:A:THR:HA	1	0.2
(1,1652)	1:84:A:THR:HG22	1:85:A:THR:HA	3	0.2
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	3	0.2
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG22	17	0.2
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE3	17	0.2
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	16	0.2
(1,1522)	1:5:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG22	20	0.2
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	3	0.2
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB3	1:84:A:THR:HB	7	0.2
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB2	1:84:A:THR:HB	14	0.2
(1,1419)	1:137:A:THR:HA	1:128:A:ALA:H	16	0.2
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB1	18	0.2
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD12	10	0.2
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	5	0.2
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	2	0.2
(1,1314)	1:126:A:ILE:HG22	1:127:A:ASN:HA	1	0.2
(1,1313)	1:126:A:ILE:HG22	1:128:A:ALA:HB3	13	0.2
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB2	1:157:A:ALA:HA	9	0.2
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD12	16	0.2
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB3	10	0.2
(1,1284)	1:166:A:THR:HA	1:167:A:PRO:HB3	1	0.2
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	12	0.2
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	2	0.2
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	7	0.2
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB3	1:160:A:PRO:HG3	4	0.2
(1,1173)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:VAL:HG22	2	0.2
(1,1145)	1:75:A:SER:HB3	1:82:A:LEU:HD13	7	0.2
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	14	0.2
(1,1118)	1:151:A:GLU:HB2	1:153:A:GLY:H	16	0.2
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	6	0.2
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB3	16	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB3	17	0.2
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD22	2	0.2
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB2	16	0.2
(1,1046)	1:187:A:GLU:HA	1:161:A:LEU:HD11	12	0.2
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD12	1:159:A:GLY:HA3	6	0.2
(1,1045)	1:161:A:LEU:HD12	1:159:A:GLY:HA3	19	0.2
(1,1007)	1:117:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HG	16	0.2
(1,1007)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HG	19	0.2
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	9	0.2
(1,970)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG13	19	0.2
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD11	15	0.2
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD11	5	0.2
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	4	0.2
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	3	0.2
(1,893)	1:172:A:SER:HB2	1:171:A:ILE:HG23	18	0.2
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG12	2	0.2
(1,859)	1:191:A:ILE:HG22	1:193:A:VAL:HG12	6	0.2
(1,844)	1:98:A:ILE:HD12	1:102:A:THR:HG23	6	0.2
(1,752)	1:31:A:ILE:HG23	1:34:A:ALA:HB1	7	0.2
(1,752)	1:31:A:ILE:HG22	1:34:A:ALA:HB3	10	0.2
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	9	0.2
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	11	0.2
(1,590)	1:36:A:LEU:HD13	1:59:A:GLN:HB3	19	0.2
(1,589)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HD11	13	0.2
(1,589)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HD12	19	0.2
(1,562)	1:191:A:ILE:HG22	1:157:A:ALA:HB3	9	0.2
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB3	17	0.2
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	6	0.2
(1,540)	1:165:A:VAL:HG23	1:184:A:LEU:HG	15	0.2
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	20	0.2
(1,527)	1:123:A:TRP:HA	1:164:A:THR:HG23	19	0.2
(1,510)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HG21	15	0.2
(1,432)	1:31:A:ILE:HD12	1:30:A:ALA:H	3	0.2
(1,432)	1:31:A:ILE:HD12	1:30:A:ALA:H	18	0.2
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	9	0.2
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG11	10	0.2
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG11	15	0.2
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG23	1	0.2
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	14	0.2
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	18	0.2
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	15	0.2
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD21	3	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD22	5	0.2
(1,366)	1:82:A:LEU:HD23	1:78:A:THR:H	16	0.2
(1,324)	1:2:A:SER:HA	1:19:A:LEU:HD23	14	0.2
(1,320)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD11	18	0.2
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG12	11	0.2
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG22	7	0.2
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG23	13	0.2
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD12	8	0.2
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG12	11	0.2
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG11	17	0.2
(1,71)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HD13	9	0.2
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB1	8	0.2
(1,43)	1:115:A:LEU:HD12	1:111:A:ALA:HB2	12	0.2
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG23	4	0.2
(2,813)	1:181:A:ARG:HE	1:180:A:TRP:HZ2	2	0.19
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	3	0.19
(2,673)	1:132:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HB2	14	0.19
(2,673)	1:132:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HB2	17	0.19
(2,671)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HB	11	0.19
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	5	0.19
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	10	0.19
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	13	0.19
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	1	0.19
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	9	0.19
(2,400)	1:125:A:HIS:HA	1:140:A:SER:HA	2	0.19
(2,349)	1:117:A:THR:HB	1:123:A:TRP:HZ2	17	0.19
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	3	0.19
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	19	0.19
(1,3545)	1:194:A:LYS:H	1:194:A:LYS:HG2	5	0.19
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	5	0.19
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	2	0.19
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	5	0.19
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	1	0.19
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	14	0.19
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	17	0.19
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	12	0.19
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	7	0.19
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	18	0.19
(1,3368)	1:102:A:THR:HA	1:107:A:ILE:HG12	10	0.19
(1,3366)	1:113:A:CYS:HA	1:114:A:ASP:HB2	10	0.19
(1,3366)	1:113:A:CYS:HA	1:114:A:ASP:HB2	19	0.19
(1,3364)	1:113:A:CYS:HA	1:112:A:PHE:HB3	14	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	6	0.19
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	14	0.19
(1,3309)	1:70:A:MET:HE2	1:70:A:MET:HB2	7	0.19
(1,3274)	1:133:A:GLY:H	1:168:A:ASN:HD22	20	0.19
(1,3270)	1:106:A:ASN:HD22	1:103:A:TYR:HD2	17	0.19
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	4	0.19
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	9	0.19
(1,3162)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE3	15	0.19
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	18	0.19
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG21	9	0.19
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	3	0.19
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	4	0.19
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	2	0.19
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	9	0.19
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	17	0.19
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD12	6	0.19
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD13	20	0.19
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD12	6	0.19
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD11	4	0.19
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD12	17	0.19
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD11	19	0.19
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	3	0.19
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	14	0.19
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	16	0.19
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	18	0.19
(1,2965)	1:129:A:GLN:HE21	1:135:A:SER:HB2	7	0.19
(1,2965)	1:129:A:GLN:HE21	1:135:A:SER:HB2	11	0.19
(1,2950)	1:176:A:ASN:HD21	1:171:A:ILE:HG13	5	0.19
(1,2944)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HA	8	0.19
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	3	0.19
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD12	6	0.19
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	2	0.19
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD13	1	0.19
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD13	15	0.19
(1,2845)	1:161:A:LEU:H	1:186:A:LYS:HD3	14	0.19
(1,2824)	1:185:A:GLN:HE21	1:71:A:THR:HG22	6	0.19
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	1	0.19
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	8	0.19
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	4	0.19
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	9	0.19
(1,2749)	1:181:A:ARG:HE	1:76:A:PHE:HB3	7	0.19
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	3	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	6	0.19
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	13	0.19
(1,2617)	1:106:A:ASN:HD22	1:101:A:ASP:HB3	6	0.19
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	6	0.19
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	17	0.19
(1,2573)	1:187:A:GLU:H	1:163:A:ILE:HG12	12	0.19
(1,2552)	1:156:A:MET:H	1:202:A:LEU:HD21	19	0.19
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	12	0.19
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	15	0.19
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	9	0.19
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD12	18	0.19
(1,2471)	1:29:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG21	10	0.19
(1,2455)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HB2	10	0.19
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	1	0.19
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	4	0.19
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	3	0.19
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	1	0.19
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	2	0.19
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	6	0.19
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	9	0.19
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	18	0.19
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	4	0.19
(1,2291)	1:151:A:GLU:H	1:203:A:GLY:HA2	4	0.19
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	3	0.19
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	9	0.19
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	15	0.19
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG21	13	0.19
(1,2114)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HA	18	0.19
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	15	0.19
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	12	0.19
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	16	0.19
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	11	0.19
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	17	0.19
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG21	16	0.19
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD12	18	0.19
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	13	0.19
(1,1955)	1:85:A:THR:H	1:72:A:LEU:HD23	17	0.19
(1,1950)	1:191:A:ILE:H	1:157:A:ALA:HB1	6	0.19
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	15	0.19
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG12	13	0.19
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	14	0.19
(1,1874)	1:73:A:LYS:H	1:73:A:LYS:HG3	17	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	14	0.19
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	11	0.19
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	12	0.19
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD12	15	0.19
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD12	4	0.19
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	8	0.19
(1,1744)	1:157:A:ALA:H	1:155:A:MET:HE1	18	0.19
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG22	1	0.19
(1,1738)	1:134:A:HIS:H	1:169:A:THR:HG21	9	0.19
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	5	0.19
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB3	1:126:A:ILE:HA	5	0.19
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD13	9	0.19
(1,1618)	1:133:A:GLY:H	1:131:A:ASP:HB2	2	0.19
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	1	0.19
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	7	0.19
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG22	1:13:A:LEU:HD21	9	0.19
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG22	1:18:A:PHE:HD2	15	0.19
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	12	0.19
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	7	0.19
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	4	0.19
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	13	0.19
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	1	0.19
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	5	0.19
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	1	0.19
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	8	0.19
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	16	0.19
(1,1346)	1:3:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG23	1	0.19
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD23	9	0.19
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	10	0.19
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG21	8	0.19
(1,1225)	1:137:A:THR:HG21	1:169:A:THR:HG21	10	0.19
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	18	0.19
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	11	0.19
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	12	0.19
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB2	1:160:A:PRO:HG3	16	0.19
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG13	1:20:A:ASN:H	8	0.19
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	13	0.19
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD23	1:67:A:THR:HG21	20	0.19
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD12	1:46:A:GLN:HB3	9	0.19
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	6	0.19
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG23	10	0.19
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG23	11	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	4	0.19
(1,971)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG12	11	0.19
(1,961)	1:111:A:ALA:HB3	1:107:A:ILE:HG21	10	0.19
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD13	10	0.19
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD13	18	0.19
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	9	0.19
(1,917)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HB3	20	0.19
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD12	4	0.19
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	9	0.19
(1,905)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HB3	15	0.19
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	4	0.19
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG23	10	0.19
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG13	3	0.19
(1,859)	1:191:A:ILE:HG21	1:193:A:VAL:HG11	8	0.19
(1,847)	1:108:A:LEU:HA	1:112:A:PHE:HE2	1	0.19
(1,698)	1:61:A:ASP:HB3	1:155:A:MET:H	5	0.19
(1,657)	1:98:A:ILE:HD11	1:199:A:VAL:HG21	9	0.19
(1,607)	1:62:A:LEU:HA	1:63:A:ALA:HB2	5	0.19
(1,598)	1:36:A:LEU:HD13	1:60:A:PRO:HG2	13	0.19
(1,562)	1:191:A:ILE:HG23	1:157:A:ALA:HB2	17	0.19
(1,548)	1:165:A:VAL:HG11	1:183:A:THR:HB	16	0.19
(1,548)	1:165:A:VAL:HG13	1:183:A:THR:HB	19	0.19
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	2	0.19
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG13	3	0.19
(1,478)	1:33:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	10	0.19
(1,470)	1:146:A:VAL:HG21	1:155:A:MET:HE1	20	0.19
(1,463)	1:200:A:THR:HG23	1:197:A:GLN:H	5	0.19
(1,452)	1:18:A:PHE:HB2	1:2:A:SER:HG	13	0.19
(1,452)	1:18:A:PHE:HB2	1:2:A:SER:HG	16	0.19
(1,432)	1:31:A:ILE:HD12	1:30:A:ALA:H	7	0.19
(1,432)	1:31:A:ILE:HD11	1:30:A:ALA:H	9	0.19
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG23	10	0.19
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB3	6	0.19
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD21	18	0.19
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD23	15	0.19
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	2	0.19
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG23	9	0.19
(1,204)	1:185:A:GLN:HB2	1:70:A:MET:HG2	17	0.19
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE2	10	0.19
(1,194)	1:30:A:ALA:HA	1:155:A:MET:HE2	19	0.19
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	20	0.19
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG12	8	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG13	10	0.19
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	8	0.19
(1,82)	1:70:A:MET:HE1	1:89:A:GLN:HG3	10	0.19
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG23	10	0.19
(2,966)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HG	18	0.18
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	11	0.18
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	12	0.18
(2,813)	1:181:A:ARG:HE	1:180:A:TRP:HZ2	18	0.18
(2,349)	1:117:A:THR:HB	1:123:A:TRP:HZ2	8	0.18
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	7	0.18
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	19	0.18
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	20	0.18
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	4	0.18
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	1	0.18
(2,46)	1:25:A:HIS:HA	1:23:A:ASN:HB2	9	0.18
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	9	0.18
(1,3545)	1:194:A:LYS:H	1:194:A:LYS:HG2	16	0.18
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	8	0.18
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	19	0.18
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	9	0.18
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG22	6	0.18
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	19	0.18
(1,3472)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HG2	2	0.18
(1,3472)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HG2	9	0.18
(1,3461)	1:117:A:THR:H	1:115:A:LEU:HB3	3	0.18
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	4	0.18
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	6	0.18
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	11	0.18
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB3	6	0.18
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	4	0.18
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	10	0.18
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	13	0.18
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	16	0.18
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	8	0.18
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	16	0.18
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	18	0.18
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	17	0.18
(1,3270)	1:106:A:ASN:HD22	1:103:A:TYR:HD2	1	0.18
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	12	0.18
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	20	0.18
(1,3220)	1:199:A:VAL:H	1:200:A:THR:H	8	0.18
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG21	6	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG23	10	0.18
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG23	19	0.18
(1,3153)	1:29:A:GLN:H	1:28:A:ALA:HB3	3	0.18
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB3	17	0.18
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	5	0.18
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	11	0.18
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	12	0.18
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	13	0.18
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG21	13	0.18
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG23	20	0.18
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	10	0.18
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	15	0.18
(1,3081)	1:19:A:LEU:H	1:17:A:VAL:HG22	9	0.18
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD12	18	0.18
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	11	0.18
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	15	0.18
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	17	0.18
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG21	17	0.18
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	18	0.18
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	2	0.18
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	9	0.18
(1,2939)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ASP:HB3	2	0.18
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	11	0.18
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	12	0.18
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	20	0.18
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	5	0.18
(1,2876)	1:75:A:SER:H	1:82:A:LEU:HG	5	0.18
(1,2862)	1:12:A:THR:H	1:3:A:ILE:HD11	2	0.18
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	3	0.18
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	14	0.18
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	7	0.18
(1,2779)	1:197:A:GLN:HE21	1:200:A:THR:HG22	11	0.18
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	1	0.18
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	7	0.18
(1,2688)	1:23:A:ASN:H	1:23:A:ASN:HB2	1	0.18
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	18	0.18
(1,2559)	1:106:A:ASN:HD21	1:103:A:TYR:HD1	20	0.18
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	3	0.18
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	7	0.18
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG22	6	0.18
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	4	0.18
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	5	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	7	0.18
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	17	0.18
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	10	0.18
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	12	0.18
(1,2448)	1:32:A:GLN:H	1:34:A:ALA:HB2	6	0.18
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD11	2	0.18
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	4	0.18
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD11	7	0.18
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	4	0.18
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	12	0.18
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	20	0.18
(1,2377)	1:132:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	2	0.18
(1,2356)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:ASP:H	1	0.18
(1,2354)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HA	9	0.18
(1,2321)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HB	14	0.18
(1,2290)	1:154:A:ALA:H	1:203:A:GLY:HA3	6	0.18
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	11	0.18
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	16	0.18
(1,2256)	1:32:A:GLN:H	1:32:A:GLN:HB3	20	0.18
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG22	6	0.18
(1,2114)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HA	17	0.18
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	1	0.18
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	5	0.18
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	8	0.18
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG23	5	0.18
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	7	0.18
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	6	0.18
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	9	0.18
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	18	0.18
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	18	0.18
(1,2033)	1:139:A:TYR:H	1:138:A:SER:HB3	16	0.18
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG22	15	0.18
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG21	18	0.18
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	18	0.18
(1,1950)	1:191:A:ILE:H	1:157:A:ALA:HB3	5	0.18
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG13	20	0.18
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	16	0.18
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	6	0.18
(1,1678)	1:106:A:ASN:HD21	1:107:A:ILE:HB	20	0.18
(1,1663)	1:137:A:THR:HG22	1:128:A:ALA:HB3	8	0.18
(1,1663)	1:137:A:THR:HG22	1:128:A:ALA:HB2	14	0.18
(1,1661)	1:172:A:SER:HA	1:176:A:ASN:HD22	16	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1660)	1:51:A:LYS:HB2	1:52:A:ALA:HB1	15	0.18
(1,1652)	1:84:A:THR:HG22	1:85:A:THR:HA	9	0.18
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	4	0.18
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	13	0.18
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	17	0.18
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	3	0.18
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE2	20	0.18
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE2	3	0.18
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	18	0.18
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	4	0.18
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	15	0.18
(1,1448)	1:189:A:ILE:HB	1:191:A:ILE:HD13	20	0.18
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	18	0.18
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB3	1:84:A:THR:HB	9	0.18
(1,1412)	1:98:A:ILE:HA	1:98:A:ILE:HD12	7	0.18
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG11	12	0.18
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG13	14	0.18
(1,1346)	1:3:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	8	0.18
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	6	0.18
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB1	14	0.18
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	11	0.18
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	12	0.18
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	18	0.18
(1,1222)	1:169:A:THR:HG21	1:132:A:ALA:HA	14	0.18
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	19	0.18
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	6	0.18
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	16	0.18
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	20	0.18
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB2	1:160:A:PRO:HG3	7	0.18
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB3	4	0.18
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB1	6	0.18
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	7	0.18
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	8	0.18
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	18	0.18
(1,1082)	1:49:A:LEU:HA	1:47:A:LEU:HG	2	0.18
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG22	4	0.18
(1,1041)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HB	1	0.18
(1,1035)	1:149:A:GLY:HA3	1:203:A:GLY:H	16	0.18
(1,1017)	1:33:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HB3	11	0.18
(1,1007)	1:117:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HG	20	0.18
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD13	9	0.18
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	15	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,914)	1:18:A:PHE:HA	1:3:A:ILE:H	20	0.18
(1,847)	1:108:A:LEU:HA	1:112:A:PHE:HE2	9	0.18
(1,845)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HB3	19	0.18
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB3	14	0.18
(1,762)	1:14:A:PRO:HG3	1:15:A:TYR:HD2	4	0.18
(1,753)	1:31:A:ILE:HG23	1:32:A:GLN:HE21	16	0.18
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	20	0.18
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD11	13	0.18
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD23	8	0.18
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	15	0.18
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	16	0.18
(1,600)	1:33:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HD12	17	0.18
(1,547)	1:165:A:VAL:HG23	1:184:A:LEU:HD12	18	0.18
(1,533)	1:138:A:SER:HB2	1:165:A:VAL:HG12	10	0.18
(1,526)	1:123:A:TRP:HA	1:141:A:TYR:HD2	10	0.18
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG23	8	0.18
(1,498)	1:192:A:GLY:HA3	1:193:A:VAL:HG11	17	0.18
(1,497)	1:192:A:GLY:HA3	1:193:A:VAL:HG22	19	0.18
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	16	0.18
(1,466)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB3	4	0.18
(1,457)	1:200:A:THR:HG23	1:202:A:LEU:HB2	17	0.18
(1,432)	1:31:A:ILE:HD13	1:30:A:ALA:H	13	0.18
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG22	19	0.18
(1,410)	1:21:A:LEU:HD22	1:41:A:VAL:HG22	14	0.18
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	8	0.18
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	9	0.18
(1,396)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD2	16	0.18
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD23	9	0.18
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD23	17	0.18
(1,366)	1:82:A:LEU:HD23	1:78:A:THR:H	8	0.18
(1,320)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD13	14	0.18
(1,307)	1:98:A:ILE:HB	1:199:A:VAL:HG22	10	0.18
(1,298)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG12	19	0.18
(1,297)	1:33:A:LEU:HB2	1:146:A:VAL:HG23	3	0.18
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD22	9	0.18
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD21	19	0.18
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	11	0.18
(1,84)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HB	4	0.18
(1,84)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HB	9	0.18
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB3	12	0.18
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG23	9	0.18
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG22	16	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,10)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD13	15	0.18
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	6	0.17
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	14	0.17
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	16	0.17
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	9	0.17
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	19	0.17
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	7	0.17
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	12	0.17
(2,349)	1:117:A:THR:HB	1:123:A:TRP:HZ2	15	0.17
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	4	0.17
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	18	0.17
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	11	0.17
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	3	0.17
(1,3543)	1:48:A:ASP:H	1:47:A:LEU:HB2	9	0.17
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB3	20	0.17
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB3	20	0.17
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB3	1	0.17
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	6	0.17
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	17	0.17
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB2	13	0.17
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG21	10	0.17
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	12	0.17
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	16	0.17
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG23	1:161:A:LEU:HB2	16	0.17
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	4	0.17
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	9	0.17
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	19	0.17
(1,3393)	1:83:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB3	16	0.17
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	4	0.17
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	5	0.17
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	15	0.17
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	17	0.17
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	19	0.17
(1,3332)	1:26:A:TYR:HB2	1:146:A:VAL:HB	20	0.17
(1,3309)	1:70:A:MET:HE2	1:70:A:MET:HB2	11	0.17
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG3	7	0.17
(1,3293)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HD11	12	0.17
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	13	0.17
(1,3234)	1:169:A:THR:H	1:168:A:ASN:HB2	16	0.17
(1,3173)	1:97:A:GLY:H	1:96:A:LEU:HB3	16	0.17
(1,3162)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE3	14	0.17
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	7	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG22	2	0.17
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG21	8	0.17
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG21	14	0.17
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	7	0.17
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB2	9	0.17
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB2	9	0.17
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB3	19	0.17
(1,3106)	1:29:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HD13	6	0.17
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	17	0.17
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	1	0.17
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	3	0.17
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	6	0.17
(1,3013)	1:176:A:ASN:HD22	1:179:A:ASP:HB3	1	0.17
(1,3013)	1:176:A:ASN:HD22	1:179:A:ASP:HB3	20	0.17
(1,3012)	1:176:A:ASN:HD21	1:179:A:ASP:HB2	11	0.17
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD11	17	0.17
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD11	18	0.17
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD11	14	0.17
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD12	18	0.17
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	2	0.17
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	9	0.17
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	10	0.17
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	19	0.17
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB2	1	0.17
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB3	11	0.17
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB1	19	0.17
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	4	0.17
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	12	0.17
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD12	10	0.17
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	4	0.17
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	15	0.17
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	4	0.17
(1,2826)	1:103:A:TYR:H	1:106:A:ASN:HB2	1	0.17
(1,2826)	1:103:A:TYR:H	1:106:A:ASN:HB2	11	0.17
(1,2826)	1:103:A:TYR:H	1:106:A:ASN:HB2	20	0.17
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	20	0.17
(1,2773)	1:42:A:ASP:H	1:44:A:ASN:HD21	14	0.17
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	4	0.17
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG21	19	0.17
(1,2643)	1:26:A:TYR:H	1:24:A:GLU:HA	6	0.17
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	13	0.17
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	2	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2513)	1:149:A:GLY:H	1:153:A:GLY:HA2	19	0.17
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	14	0.17
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	20	0.17
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD12	5	0.17
(1,2412)	1:126:A:ILE:H	1:126:A:ILE:HD12	15	0.17
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	19	0.17
(1,2387)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HB2	19	0.17
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	3	0.17
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	7	0.17
(1,2209)	1:35:A:GLN:HE21	1:34:A:ALA:H	18	0.17
(1,2158)	1:174:A:ILE:H	1:171:A:ILE:HG22	3	0.17
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG23	11	0.17
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	4	0.17
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	7	0.17
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	19	0.17
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	1	0.17
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	4	0.17
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	9	0.17
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	13	0.17
(1,1950)	1:191:A:ILE:H	1:157:A:ALA:HB2	18	0.17
(1,1942)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG21	15	0.17
(1,1936)	1:6:A:TYR:H	1:6:A:TYR:HD2	14	0.17
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	1	0.17
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	3	0.17
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	18	0.17
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	9	0.17
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB2	8	0.17
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	3	0.17
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	6	0.17
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD11	13	0.17
(1,1807)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE3	2	0.17
(1,1807)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE3	17	0.17
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	9	0.17
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	9	0.17
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	16	0.17
(1,1740)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HB2	5	0.17
(1,1737)	1:134:A:HIS:H	1:131:A:ASP:HA	17	0.17
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	1	0.17
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	12	0.17
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	3	0.17
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB2	1:126:A:ILE:HA	12	0.17
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	2	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1652)	1:84:A:THR:HG22	1:85:A:THR:HA	13	0.17
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	2	0.17
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	8	0.17
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	6	0.17
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	3	0.17
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	11	0.17
(1,1577)	1:165:A:VAL:HB	1:183:A:THR:HG23	17	0.17
(1,1549)	1:167:A:PRO:HB2	1:135:A:SER:HB3	2	0.17
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG23	14	0.17
(1,1515)	1:55:A:LYS:HB2	1:47:A:LEU:HD12	15	0.17
(1,1513)	1:128:A:ALA:HB1	1:127:A:ASN:H	2	0.17
(1,1413)	1:108:A:LEU:HA	1:105:A:GLN:H	4	0.17
(1,1412)	1:98:A:ILE:HA	1:98:A:ILE:HD12	2	0.17
(1,1412)	1:98:A:ILE:HA	1:98:A:ILE:HD12	3	0.17
(1,1412)	1:98:A:ILE:HA	1:98:A:ILE:HD11	9	0.17
(1,1412)	1:98:A:ILE:HA	1:98:A:ILE:HD12	10	0.17
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD11	12	0.17
(1,1370)	1:136:A:VAL:HA	1:165:A:VAL:HG12	19	0.17
(1,1353)	1:148:A:GLN:HA	1:146:A:VAL:HG11	19	0.17
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	13	0.17
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	1	0.17
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	8	0.17
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB3	1:157:A:ALA:HA	13	0.17
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	18	0.17
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD11	10	0.17
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD13	18	0.17
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD11	1:99:A:SER:HB3	5	0.17
(1,1225)	1:137:A:THR:HG23	1:169:A:THR:HG21	6	0.17
(1,1225)	1:137:A:THR:HG21	1:169:A:THR:HG21	7	0.17
(1,1225)	1:137:A:THR:HG22	1:169:A:THR:HG22	15	0.17
(1,1223)	1:169:A:THR:HG23	1:135:A:SER:HB3	15	0.17
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	14	0.17
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	13	0.17
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB3	14	0.17
(1,1171)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD22	11	0.17
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:H	5	0.17
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG11	1:20:A:ASN:H	11	0.17
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD12	7	0.17
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	13	0.17
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD12	1:46:A:GLN:HB3	6	0.17
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD22	12	0.17
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	18	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG22	9	0.17
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD12	1:155:A:MET:HE2	7	0.17
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	4	0.17
(1,1003)	1:186:A:LYS:HE3	1:186:A:LYS:HA	6	0.17
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	17	0.17
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD13	4	0.17
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD12	7	0.17
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	2	0.17
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	9	0.17
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG22	19	0.17
(1,894)	1:172:A:SER:HA	1:171:A:ILE:HG21	5	0.17
(1,847)	1:108:A:LEU:HA	1:112:A:PHE:HE2	7	0.17
(1,846)	1:111:A:ALA:HB3	1:112:A:PHE:HE2	19	0.17
(1,845)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HB3	12	0.17
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	5	0.17
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG22	9	0.17
(1,722)	1:151:A:GLU:HG2	1:203:A:GLY:HA2	17	0.17
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	16	0.17
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	17	0.17
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	3	0.17
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD11	2	0.17
(1,548)	1:165:A:VAL:HG12	1:183:A:THR:HB	11	0.17
(1,540)	1:165:A:VAL:HG22	1:184:A:LEU:HG	4	0.17
(1,540)	1:165:A:VAL:HG22	1:184:A:LEU:HG	9	0.17
(1,540)	1:165:A:VAL:HG22	1:184:A:LEU:HG	19	0.17
(1,526)	1:123:A:TRP:HA	1:141:A:TYR:HD1	2	0.17
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG22	13	0.17
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG23	13	0.17
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	9	0.17
(1,478)	1:33:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	1	0.17
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG22	9	0.17
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	1	0.17
(1,368)	1:73:A:LYS:HG3	1:72:A:LEU:HD22	8	0.17
(1,366)	1:82:A:LEU:HD22	1:78:A:THR:H	9	0.17
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB1	13	0.17
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB3	14	0.17
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB3	18	0.17
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	19	0.17
(1,320)	1:18:A:PHE:HB2	1:19:A:LEU:HD13	12	0.17
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD23	4	0.17
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD21	6	0.17
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	10	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,235)	1:191:A:ILE:HG13	1:191:A:ILE:HG23	5	0.17
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	8	0.17
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	7	0.17
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	17	0.17
(1,140)	1:142:A:SER:HB2	1:141:A:TYR:HD1	18	0.17
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	10	0.17
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	9	0.17
(1,82)	1:70:A:MET:HE2	1:89:A:GLN:HG3	13	0.17
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	16	0.17
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB3	14	0.17
(1,42)	1:115:A:LEU:HD12	1:82:A:LEU:HB2	8	0.17
(1,42)	1:115:A:LEU:HD13	1:82:A:LEU:HB2	18	0.17
(1,6)	1:49:A:LEU:HD23	1:189:A:ILE:HB	10	0.17
(1,3)	1:49:A:LEU:HD22	1:49:A:LEU:HB3	18	0.17
(2,966)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HG	6	0.16
(2,795)	1:70:A:MET:H	1:185:A:GLN:HB2	10	0.16
(2,764)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HB3	15	0.16
(2,719)	1:44:A:ASN:HD21	1:144:A:PHE:HZ	20	0.16
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	16	0.16
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	17	0.16
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	14	0.16
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	2	0.16
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	12	0.16
(2,180)	1:181:A:ARG:HA	1:74:A:LYS:HB3	2	0.16
(2,180)	1:181:A:ARG:HA	1:74:A:LYS:HB3	8	0.16
(2,180)	1:181:A:ARG:HA	1:74:A:LYS:HB3	19	0.16
(2,162)	1:184:A:LEU:HA	1:72:A:LEU:HB2	13	0.16
(2,158)	1:121:A:LYS:HA	1:123:A:TRP:HB2	7	0.16
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	15	0.16
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	6	0.16
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	14	0.16
(1,3532)	1:29:A:GLN:HE21	1:155:A:MET:HG2	2	0.16
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	4	0.16
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	11	0.16
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	14	0.16
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	14	0.16
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	18	0.16
(1,3499)	1:106:A:ASN:H	1:103:A:TYR:HB3	11	0.16
(1,3491)	1:92:A:ILE:H	1:70:A:MET:HB3	2	0.16
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	17	0.16
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	6	0.16
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	9	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	10	0.16
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	12	0.16
(1,3379)	1:60:A:PRO:HB2	1:155:A:MET:HG3	19	0.16
(1,3366)	1:113:A:CYS:HA	1:114:A:ASP:HB2	17	0.16
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	1	0.16
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	13	0.16
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	16	0.16
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	12	0.16
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG3	15	0.16
(1,3270)	1:106:A:ASN:HD22	1:103:A:TYR:HD2	11	0.16
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	2	0.16
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	2	0.16
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	5	0.16
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	10	0.16
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB1	20	0.16
(1,3106)	1:29:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HD12	2	0.16
(1,3100)	1:150:A:GLU:H	1:150:A:GLU:HG3	2	0.16
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	11	0.16
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	14	0.16
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	19	0.16
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	9	0.16
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD12	14	0.16
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD13	16	0.16
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD12	20	0.16
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG23	2	0.16
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB1	20	0.16
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	5	0.16
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	3	0.16
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	16	0.16
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	17	0.16
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD13	7	0.16
(1,2901)	1:102:A:THR:H	1:107:A:ILE:HD12	12	0.16
(1,2830)	1:103:A:TYR:H	1:102:A:THR:HG23	20	0.16
(1,2793)	1:6:A:TYR:H	1:5:A:ILE:HG12	9	0.16
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	12	0.16
(1,2720)	1:33:A:LEU:H	1:34:A:ALA:HB2	6	0.16
(1,2703)	1:89:A:GLN:HE21	1:72:A:LEU:HA	2	0.16
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	8	0.16
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	10	0.16
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	1	0.16
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	10	0.16
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	16	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2606)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:PHE:HB2	19	0.16
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	8	0.16
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	9	0.16
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG22	7	0.16
(1,2522)	1:191:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	8	0.16
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	19	0.16
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	8	0.16
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	7	0.16
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD12	11	0.16
(1,2391)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HD12	17	0.16
(1,2291)	1:151:A:GLU:H	1:203:A:GLY:HA2	7	0.16
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	17	0.16
(1,2226)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	12	0.16
(1,2224)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:HD2	1	0.16
(1,2198)	1:105:A:GLN:H	1:107:A:ILE:HG23	4	0.16
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	8	0.16
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	10	0.16
(1,2145)	1:59:A:GLN:HE21	1:193:A:VAL:HG23	5	0.16
(1,2144)	1:10:A:GLY:H	1:11:A:ASN:HB2	20	0.16
(1,2137)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HG22	18	0.16
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD11	1	0.16
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD12	9	0.16
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	10	0.16
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD11	7	0.16
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	3	0.16
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	4	0.16
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	6	0.16
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	19	0.16
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	10	0.16
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	4	0.16
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	5	0.16
(1,2016)	1:59:A:GLN:H	1:193:A:VAL:HG23	19	0.16
(1,1988)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE3	8	0.16
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	4	0.16
(1,1974)	1:37:A:PHE:H	1:35:A:GLN:HE22	17	0.16
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	12	0.16
(1,1950)	1:191:A:ILE:H	1:157:A:ALA:HB1	13	0.16
(1,1950)	1:191:A:ILE:H	1:157:A:ALA:HB2	17	0.16
(1,1896)	1:184:A:LEU:H	1:165:A:VAL:H	2	0.16
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD13	18	0.16
(1,1809)	1:196:A:PHE:H	1:154:A:ALA:HB2	14	0.16
(1,1807)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE3	16	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	3	0.16
(1,1801)	1:33:A:LEU:H	1:60:A:PRO:HG3	17	0.16
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	6	0.16
(1,1764)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HA	1	0.16
(1,1729)	1:163:A:ILE:H	1:161:A:LEU:HD21	19	0.16
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	17	0.16
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	11	0.16
(1,1678)	1:106:A:ASN:HD21	1:107:A:ILE:HB	10	0.16
(1,1663)	1:137:A:THR:HG21	1:128:A:ALA:HB3	18	0.16
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	12	0.16
(1,1652)	1:84:A:THR:HG22	1:85:A:THR:HA	11	0.16
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	19	0.16
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD12	20	0.16
(1,1619)	1:64:A:ILE:HG13	1:191:A:ILE:HD13	15	0.16
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	5	0.16
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	4	0.16
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	19	0.16
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	20	0.16
(1,1579)	1:74:A:LYS:HD2	1:183:A:THR:HG21	8	0.16
(1,1557)	1:202:A:LEU:HD12	1:193:A:VAL:HG12	19	0.16
(1,1549)	1:167:A:PRO:HB2	1:135:A:SER:HB3	9	0.16
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG21	10	0.16
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG22	20	0.16
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	12	0.16
(1,1470)	1:159:A:GLY:HA3	1:189:A:ILE:H	2	0.16
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	18	0.16
(1,1350)	1:55:A:LYS:HB3	1:52:A:ALA:HB2	12	0.16
(1,1346)	1:3:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG23	15	0.16
(1,1346)	1:3:A:ILE:HG12	1:3:A:ILE:HG21	16	0.16
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD12	18	0.16
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	3	0.16
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	14	0.16
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	18	0.16
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB2	16	0.16
(1,1313)	1:126:A:ILE:HG21	1:128:A:ALA:HB1	4	0.16
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD11	2	0.16
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD13	13	0.16
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD13	17	0.16
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	18	0.16
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	13	0.16
(1,1200)	1:128:A:ALA:HA	1:136:A:VAL:H	18	0.16
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB3	1:160:A:PRO:HG3	14	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB3	1:160:A:PRO:HG3	20	0.16
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB2	7	0.16
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB2	16	0.16
(1,1161)	1:17:A:VAL:HG12	1:13:A:LEU:HB3	3	0.16
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	1	0.16
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	4	0.16
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	19	0.16
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	20	0.16
(1,1106)	1:159:A:GLY:HA3	1:47:A:LEU:HD11	6	0.16
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	15	0.16
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD23	5	0.16
(1,993)	1:179:A:ASP:HB3	1:169:A:THR:HG23	10	0.16
(1,980)	1:51:A:LYS:HA	1:40:A:GLU:HG2	13	0.16
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	3	0.16
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	7	0.16
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	11	0.16
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	12	0.16
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	13	0.16
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	20	0.16
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD11	3	0.16
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	6	0.16
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	19	0.16
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	6	0.16
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	11	0.16
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	12	0.16
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	16	0.16
(1,895)	1:173:A:ASP:HA	1:171:A:ILE:HG22	6	0.16
(1,681)	1:187:A:GLU:HA	1:186:A:LYS:HD3	14	0.16
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD12	5	0.16
(1,588)	1:36:A:LEU:HD23	1:60:A:PRO:HD2	18	0.16
(1,540)	1:165:A:VAL:HG22	1:184:A:LEU:HG	8	0.16
(1,540)	1:165:A:VAL:HG22	1:184:A:LEU:HG	16	0.16
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	3	0.16
(1,455)	1:200:A:THR:HG23	1:201:A:PRO:HB2	17	0.16
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG23	1	0.16
(1,432)	1:31:A:ILE:HD13	1:30:A:ALA:H	10	0.16
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG21	18	0.16
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG13	1	0.16
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	1	0.16
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB3	19	0.16
(1,334)	1:18:A:PHE:HA	1:2:A:SER:HB3	20	0.16
(1,331)	1:194:A:LYS:HA	1:152:A:THR:HG23	13	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,296)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG13	2	0.16
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG23	1	0.16
(1,277)	1:167:A:PRO:HA	1:168:A:ASN:HB2	16	0.16
(1,239)	1:191:A:ILE:HG12	1:47:A:LEU:HD11	18	0.16
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	12	0.16
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	14	0.16
(1,136)	1:142:A:SER:HB2	1:161:A:LEU:HA	18	0.16
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG12	14	0.16
(1,118)	1:202:A:LEU:HD21	1:156:A:MET:HE3	7	0.16
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	19	0.16
(1,84)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HB	7	0.16
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	14	0.16
(2,874)	1:169:A:THR:H	1:179:A:ASP:HB3	1	0.15
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	17	0.15
(2,795)	1:70:A:MET:H	1:185:A:GLN:HB2	11	0.15
(2,795)	1:70:A:MET:H	1:185:A:GLN:HB2	17	0.15
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	11	0.15
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	13	0.15
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	17	0.15
(2,645)	1:185:A:GLN:HE22	1:70:A:MET:HG3	12	0.15
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	2	0.15
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	3	0.15
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	14	0.15
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	3	0.15
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	10	0.15
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	15	0.15
(2,463)	1:185:A:GLN:HE22	1:184:A:LEU:HB2	17	0.15
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	5	0.15
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	16	0.15
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	13	0.15
(2,180)	1:181:A:ARG:HA	1:74:A:LYS:HB3	20	0.15
(2,84)	1:98:A:ILE:HB	1:96:A:LEU:HB2	16	0.15
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	7	0.15
(1,3546)	1:11:A:ASN:HD22	1:18:A:PHE:HD2	17	0.15
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB2	3	0.15
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG23	17	0.15
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	5	0.15
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	6	0.15
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	17	0.15
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB2	17	0.15
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	3	0.15
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	4	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	7	0.15
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	12	0.15
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	1	0.15
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	13	0.15
(1,3435)	1:187:A:GLU:HA	1:70:A:MET:HB3	20	0.15
(1,3420)	1:23:A:ASN:HA	1:22:A:GLU:HB3	17	0.15
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	6	0.15
(1,3396)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HB2	14	0.15
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	3	0.15
(1,3393)	1:83:A:THR:HG23	1:115:A:LEU:HB3	14	0.15
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	3	0.15
(1,3274)	1:133:A:GLY:H	1:168:A:ASN:HD22	6	0.15
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	1	0.15
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	9	0.15
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	17	0.15
(1,3228)	1:174:A:ILE:H	1:173:A:ASP:HA	1	0.15
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG23	16	0.15
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	4	0.15
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	9	0.15
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB2	15	0.15
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB1	20	0.15
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB2	7	0.15
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	7	0.15
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	14	0.15
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	8	0.15
(1,3084)	1:20:A:ASN:HD21	1:45:A:GLY:HA2	5	0.15
(1,3081)	1:19:A:LEU:H	1:17:A:VAL:HG21	18	0.15
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	8	0.15
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	8	0.15
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	14	0.15
(1,2950)	1:176:A:ASN:HD21	1:171:A:ILE:HG13	18	0.15
(1,2945)	1:197:A:GLN:HE21	1:151:A:GLU:HG2	12	0.15
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	1	0.15
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	4	0.15
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	7	0.15
(1,2939)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ASP:HB3	8	0.15
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	12	0.15
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	1	0.15
(1,2876)	1:75:A:SER:H	1:82:A:LEU:HG	10	0.15
(1,2876)	1:75:A:SER:H	1:82:A:LEU:HG	12	0.15
(1,2876)	1:75:A:SER:H	1:82:A:LEU:HG	18	0.15
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	3	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2861)	1:12:A:THR:H	1:13:A:LEU:HD13	2	0.15
(1,2859)	1:102:A:THR:H	1:101:A:ASP:HB3	15	0.15
(1,2832)	1:103:A:TYR:H	1:107:A:ILE:HG21	19	0.15
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	4	0.15
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	16	0.15
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	18	0.15
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	1	0.15
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	3	0.15
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	10	0.15
(1,2711)	1:185:A:GLN:HE21	1:185:A:GLN:HB3	14	0.15
(1,2658)	1:114:A:ASP:H	1:113:A:CYS:H	17	0.15
(1,2616)	1:106:A:ASN:HD21	1:101:A:ASP:HB2	14	0.15
(1,2597)	1:158:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD11	19	0.15
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD12	1	0.15
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	2	0.15
(1,2530)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HD12	4	0.15
(1,2530)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HD12	6	0.15
(1,2530)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HD13	10	0.15
(1,2524)	1:164:A:THR:H	1:164:A:THR:HG22	2	0.15
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	9	0.15
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD13	7	0.15
(1,2471)	1:29:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG21	9	0.15
(1,2455)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HB2	11	0.15
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG23	1	0.15
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG22	12	0.15
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG21	17	0.15
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	13	0.15
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	5	0.15
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	7	0.15
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	15	0.15
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	1	0.15
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	14	0.15
(1,2197)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HG12	17	0.15
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	2	0.15
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	19	0.15
(1,2180)	1:82:A:LEU:H	1:85:A:THR:HG22	13	0.15
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	8	0.15
(1,2114)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HA	9	0.15
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	8	0.15
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	18	0.15
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	20	0.15
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG23	20	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	6	0.15
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	7	0.15
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	11	0.15
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	3	0.15
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	14	0.15
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	16	0.15
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	1	0.15
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG23	6	0.15
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD12	11	0.15
(1,1974)	1:37:A:PHE:H	1:35:A:GLN:HE22	11	0.15
(1,1974)	1:37:A:PHE:H	1:35:A:GLN:HE22	14	0.15
(1,1974)	1:37:A:PHE:H	1:35:A:GLN:HE22	20	0.15
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD13	1:34:A:ALA:H	10	0.15
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	4	0.15
(1,1930)	1:120:A:ASP:H	1:117:A:THR:HG22	8	0.15
(1,1895)	1:184:A:LEU:H	1:72:A:LEU:HD23	7	0.15
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG11	12	0.15
(1,1827)	1:192:A:GLY:H	1:65:A:ILE:HD12	10	0.15
(1,1808)	1:196:A:PHE:H	1:62:A:LEU:HD12	9	0.15
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	6	0.15
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	11	0.15
(1,1764)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HA	15	0.15
(1,1764)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HA	16	0.15
(1,1728)	1:163:A:ILE:H	1:186:A:LYS:HG3	4	0.15
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	7	0.15
(1,1682)	1:138:A:SER:H	1:127:A:ASN:HB3	15	0.15
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	7	0.15
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	15	0.15
(1,1681)	1:127:A:ASN:H	1:127:A:ASN:HB3	16	0.15
(1,1678)	1:106:A:ASN:HD21	1:107:A:ILE:HB	16	0.15
(1,1663)	1:137:A:THR:HG21	1:128:A:ALA:HB2	12	0.15
(1,1652)	1:84:A:THR:HG22	1:85:A:THR:HA	10	0.15
(1,1652)	1:84:A:THR:HG23	1:85:A:THR:HA	14	0.15
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	6	0.15
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	6	0.15
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	15	0.15
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	19	0.15
(1,1613)	1:27:A:TYR:HB2	1:29:A:GLN:HG2	19	0.15
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	5	0.15
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB1	18	0.15
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	8	0.15
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	17	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG21	6	0.15
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG22	11	0.15
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	7	0.15
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE2	2	0.15
(1,1502)	1:131:A:ASP:HB2	1:135:A:SER:HB3	5	0.15
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	6	0.15
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	16	0.15
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	17	0.15
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	20	0.15
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	14	0.15
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	15	0.15
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD12	20	0.15
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	11	0.15
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	12	0.15
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	13	0.15
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	20	0.15
(1,1328)	1:193:A:VAL:HA	1:191:A:ILE:HG22	7	0.15
(1,1319)	1:31:A:ILE:HG12	1:28:A:ALA:HB1	2	0.15
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB3	1:157:A:ALA:HA	7	0.15
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	14	0.15
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB3	1:157:A:ALA:HA	16	0.15
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	13	0.15
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	20	0.15
(1,1225)	1:137:A:THR:HG21	1:169:A:THR:HG21	9	0.15
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	12	0.15
(1,1215)	1:148:A:GLN:HA	1:148:A:GLN:HE21	16	0.15
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	16	0.15
(1,1190)	1:158:A:ALA:HB1	1:160:A:PRO:HG3	19	0.15
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	15	0.15
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	17	0.15
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	5	0.15
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	9	0.15
(1,1114)	1:183:A:THR:HA	1:185:A:GLN:HE22	18	0.15
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD21	14	0.15
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD22	18	0.15
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	2	0.15
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB1	4	0.15
(1,1079)	1:49:A:LEU:HA	1:52:A:ALA:HB3	7	0.15
(1,1076)	1:3:A:ILE:HG12	1:2:A:SER:HG	2	0.15
(1,1076)	1:3:A:ILE:HG12	1:2:A:SER:HG	11	0.15
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG21	12	0.15
(1,1067)	1:64:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	19	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1044)	1:170:A:ALA:HA	1:171:A:ILE:HD12	5	0.15
(1,1007)	1:117:A:THR:HG22	1:115:A:LEU:HG	14	0.15
(1,999)	1:150:A:GLU:HG2	1:151:A:GLU:HA	8	0.15
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	1	0.15
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	14	0.15
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	16	0.15
(1,970)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG13	12	0.15
(1,970)	1:132:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG13	14	0.15
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD11	14	0.15
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	1	0.15
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	3	0.15
(1,913)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HG13	20	0.15
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD13	14	0.15
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	6	0.15
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	14	0.15
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	18	0.15
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	19	0.15
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	11	0.15
(1,859)	1:191:A:ILE:HG22	1:193:A:VAL:HG11	7	0.15
(1,849)	1:147:A:SER:HB2	1:97:A:GLY:HA2	9	0.15
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	7	0.15
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	9	0.15
(1,820)	1:125:A:HIS:HA	1:138:A:SER:HA	1	0.15
(1,752)	1:31:A:ILE:HG22	1:34:A:ALA:HB3	2	0.15
(1,664)	1:60:A:PRO:HG2	1:193:A:VAL:HB	5	0.15
(1,656)	1:98:A:ILE:HD12	1:199:A:VAL:HG13	10	0.15
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD22	10	0.15
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD23	15	0.15
(1,590)	1:36:A:LEU:HD13	1:59:A:GLN:HB3	13	0.15
(1,562)	1:191:A:ILE:HG21	1:157:A:ALA:HB1	3	0.15
(1,554)	1:170:A:ALA:HB1	1:169:A:THR:HB	20	0.15
(1,501)	1:192:A:GLY:HA3	1:190:A:THR:HG21	1	0.15
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG23	17	0.15
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	4	0.15
(1,470)	1:146:A:VAL:HG23	1:155:A:MET:HE1	11	0.15
(1,470)	1:146:A:VAL:HG23	1:155:A:MET:HE2	16	0.15
(1,467)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB2	1	0.15
(1,452)	1:18:A:PHE:HB2	1:2:A:SER:HG	14	0.15
(1,432)	1:31:A:ILE:HD13	1:30:A:ALA:H	4	0.15
(1,432)	1:31:A:ILE:HD12	1:30:A:ALA:H	20	0.15
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG12	16	0.15
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG23	17	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD1	2	0.15
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB2	4	0.15
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD21	19	0.15
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB2	2	0.15
(1,336)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HG23	19	0.15
(1,310)	1:98:A:ILE:HB	1:95:A:VAL:H	8	0.15
(1,308)	1:98:A:ILE:HB	1:102:A:THR:HG23	9	0.15
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD22	3	0.15
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD23	8	0.15
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD23	10	0.15
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	6	0.15
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	19	0.15
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	2	0.15
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	8	0.15
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	10	0.15
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	18	0.15
(1,126)	1:96:A:LEU:HG	1:158:A:ALA:HB2	13	0.15
(1,121)	1:195:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG22	19	0.15
(1,82)	1:70:A:MET:HE2	1:89:A:GLN:HG3	5	0.15
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG21	14	0.15
(1,6)	1:49:A:LEU:HD21	1:189:A:ILE:HB	6	0.15
(2,813)	1:181:A:ARG:HE	1:180:A:TRP:HZ2	6	0.14
(2,795)	1:70:A:MET:H	1:185:A:GLN:HB2	7	0.14
(2,764)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HB3	1	0.14
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	13	0.14
(2,743)	1:30:A:ALA:H	1:32:A:GLN:HG3	12	0.14
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	7	0.14
(2,463)	1:185:A:GLN:HE22	1:184:A:LEU:HB2	18	0.14
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	10	0.14
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	12	0.14
(2,375)	1:95:A:VAL:HB	1:199:A:VAL:HB	1	0.14
(2,375)	1:95:A:VAL:HB	1:199:A:VAL:HB	14	0.14
(2,259)	1:55:A:LYS:HE2	1:59:A:GLN:HG3	5	0.14
(2,233)	1:168:A:ASN:HA	1:179:A:ASP:HB3	15	0.14
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	9	0.14
(2,91)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB3	1	0.14
(2,91)	1:2:A:SER:HB2	1:4:A:GLU:HB3	15	0.14
(1,3545)	1:194:A:LYS:H	1:194:A:LYS:HG2	1	0.14
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB3	5	0.14
(1,3539)	1:197:A:GLN:HE21	1:198:A:VAL:HG23	4	0.14
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	3	0.14
(1,3500)	1:149:A:GLY:H	1:155:A:MET:HG2	20	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3468)	1:42:A:ASP:H	1:46:A:GLN:HG2	7	0.14
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	7	0.14
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	8	0.14
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	13	0.14
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	16	0.14
(1,3450)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG13	17	0.14
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	8	0.14
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	19	0.14
(1,3436)	1:54:A:LYS:HG3	1:53:A:LEU:HB3	11	0.14
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	11	0.14
(1,3366)	1:113:A:CYS:HA	1:114:A:ASP:HB2	12	0.14
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	2	0.14
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	10	0.14
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	12	0.14
(1,3309)	1:70:A:MET:HE3	1:70:A:MET:HB2	18	0.14
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG3	2	0.14
(1,3293)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HD11	4	0.14
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	3	0.14
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	5	0.14
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	7	0.14
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	11	0.14
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	13	0.14
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	16	0.14
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	16	0.14
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	3	0.14
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	5	0.14
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	6	0.14
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	9	0.14
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	11	0.14
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	19	0.14
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	20	0.14
(1,3200)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HA	17	0.14
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	8	0.14
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	10	0.14
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	1	0.14
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB3	19	0.14
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	12	0.14
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	1	0.14
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD13	12	0.14
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB1	9	0.14
(1,2965)	1:129:A:GLN:HE21	1:135:A:SER:HB2	3	0.14
(1,2950)	1:176:A:ASN:HD21	1:171:A:ILE:HG13	20	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	8	0.14
(1,2939)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ASP:HB3	11	0.14
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	5	0.14
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	15	0.14
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	13	0.14
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	16	0.14
(1,2891)	1:129:A:GLN:H	1:135:A:SER:HB2	3	0.14
(1,2876)	1:75:A:SER:H	1:82:A:LEU:HG	2	0.14
(1,2876)	1:75:A:SER:H	1:82:A:LEU:HG	11	0.14
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	16	0.14
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	11	0.14
(1,2782)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HG11	11	0.14
(1,2761)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG21	20	0.14
(1,2734)	1:169:A:THR:H	1:167:A:PRO:HA	10	0.14
(1,2734)	1:169:A:THR:H	1:167:A:PRO:HA	12	0.14
(1,2688)	1:23:A:ASN:H	1:23:A:ASN:HB2	9	0.14
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	4	0.14
(1,2643)	1:26:A:TYR:H	1:24:A:GLU:HA	20	0.14
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	18	0.14
(1,2615)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	4	0.14
(1,2561)	1:95:A:VAL:H	1:98:A:ILE:HD12	7	0.14
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	5	0.14
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	19	0.14
(1,2455)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HB2	14	0.14
(1,2441)	1:31:A:ILE:H	1:155:A:MET:HE3	20	0.14
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	9	0.14
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG22	6	0.14
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	4	0.14
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	10	0.14
(1,2421)	1:182:A:LEU:H	1:181:A:ARG:HB2	12	0.14
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	17	0.14
(1,2356)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:ASP:H	3	0.14
(1,2341)	1:169:A:THR:HG21	1:133:A:GLY:H	11	0.14
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	7	0.14
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	14	0.14
(1,2226)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	1	0.14
(1,2207)	1:35:A:GLN:HE22	1:36:A:LEU:H	18	0.14
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	6	0.14
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	18	0.14
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	5	0.14
(1,2114)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HA	7	0.14
(1,2114)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HA	10	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2114)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HA	12	0.14
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	10	0.14
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	13	0.14
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	16	0.14
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	2	0.14
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	14	0.14
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	15	0.14
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD11	5	0.14
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	1	0.14
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	8	0.14
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	10	0.14
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	8	0.14
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	13	0.14
(1,2041)	1:187:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HD3	15	0.14
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG21	11	0.14
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD12	13	0.14
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	13	0.14
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	20	0.14
(1,1941)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HG13	2	0.14
(1,1940)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HG11	9	0.14
(1,1936)	1:6:A:TYR:H	1:6:A:TYR:HD2	8	0.14
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	6	0.14
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	15	0.14
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	17	0.14
(1,1833)	1:192:A:GLY:H	1:62:A:LEU:HB3	5	0.14
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG22	11	0.14
(1,1828)	1:192:A:GLY:H	1:66:A:ALA:HB2	7	0.14
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	10	0.14
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	4	0.14
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	10	0.14
(1,1764)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HA	7	0.14
(1,1764)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HA	8	0.14
(1,1764)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HA	13	0.14
(1,1758)	1:145:A:ILE:H	1:159:A:GLY:H	18	0.14
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	2	0.14
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	5	0.14
(1,1688)	1:11:A:ASN:H	1:8:A:ASP:HB2	14	0.14
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	5	0.14
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	7	0.14
(1,1652)	1:84:A:THR:HG22	1:85:A:THR:HA	17	0.14
(1,1635)	1:44:A:ASN:H	1:42:A:ASP:HA	14	0.14
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD13	18	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1625)	1:5:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HB2	1	0.14
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	16	0.14
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	14	0.14
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	12	0.14
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	14	0.14
(1,1570)	1:3:A:ILE:HG23	1:18:A:PHE:HD2	8	0.14
(1,1558)	1:194:A:LYS:HA	1:193:A:VAL:HG21	19	0.14
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG22	18	0.14
(1,1518)	1:125:A:HIS:HA	1:164:A:THR:HG21	14	0.14
(1,1509)	1:25:A:HIS:HA	1:29:A:GLN:HG2	19	0.14
(1,1454)	1:5:A:ILE:HG21	1:3:A:ILE:HD11	9	0.14
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	15	0.14
(1,1413)	1:108:A:LEU:HA	1:105:A:GLN:H	5	0.14
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD11	14	0.14
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD11	5	0.14
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	11	0.14
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	4	0.14
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	9	0.14
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	16	0.14
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	19	0.14
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	5	0.14
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB2	1:157:A:ALA:HA	10	0.14
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD12	20	0.14
(1,1279)	1:98:A:ILE:HD12	1:99:A:SER:HB3	6	0.14
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	11	0.14
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	15	0.14
(1,1222)	1:169:A:THR:HG21	1:132:A:ALA:HA	7	0.14
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	5	0.14
(1,1210)	1:166:A:THR:HB	1:164:A:THR:HG23	17	0.14
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB3	9	0.14
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	3	0.14
(1,1111)	1:47:A:LEU:HD23	1:67:A:THR:HG21	16	0.14
(1,1102)	1:21:A:LEU:HD12	1:46:A:GLN:HB2	7	0.14
(1,1101)	1:21:A:LEU:HD11	1:46:A:GLN:HB3	4	0.14
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD22	11	0.14
(1,1041)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HB	15	0.14
(1,1034)	1:149:A:GLY:HA3	1:201:A:PRO:HB3	1	0.14
(1,1017)	1:33:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HB3	20	0.14
(1,982)	1:33:A:LEU:HD11	1:35:A:GLN:HE21	14	0.14
(1,959)	1:64:A:ILE:HA	1:65:A:ILE:HG13	1	0.14
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	4	0.14
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD13	6	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	3	0.14
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	14	0.14
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	17	0.14
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	5	0.14
(1,885)	1:196:A:PHE:HA	1:197:A:GLN:HE21	12	0.14
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	17	0.14
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	14	0.14
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG21	16	0.14
(1,762)	1:14:A:PRO:HG3	1:15:A:TYR:HD2	9	0.14
(1,762)	1:14:A:PRO:HG3	1:15:A:TYR:HD2	14	0.14
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	11	0.14
(1,564)	1:33:A:LEU:HD12	1:157:A:ALA:HB3	17	0.14
(1,550)	1:165:A:VAL:HG12	1:163:A:ILE:HB	2	0.14
(1,540)	1:165:A:VAL:HG21	1:184:A:LEU:HG	5	0.14
(1,526)	1:123:A:TRP:HA	1:141:A:TYR:HD2	15	0.14
(1,526)	1:123:A:TRP:HA	1:141:A:TYR:HD1	16	0.14
(1,483)	1:73:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HG	8	0.14
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	6	0.14
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	10	0.14
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	14	0.14
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG23	12	0.14
(1,432)	1:31:A:ILE:HD11	1:30:A:ALA:H	5	0.14
(1,432)	1:31:A:ILE:HD11	1:30:A:ALA:H	8	0.14
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	19	0.14
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG22	14	0.14
(1,410)	1:21:A:LEU:HD21	1:41:A:VAL:HG22	13	0.14
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	7	0.14
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	10	0.14
(1,396)	1:82:A:LEU:HD21	1:73:A:LYS:HD2	6	0.14
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD22	6	0.14
(1,370)	1:73:A:LYS:HG3	1:85:A:THR:HG23	4	0.14
(1,366)	1:82:A:LEU:HD21	1:78:A:THR:H	2	0.14
(1,365)	1:36:A:LEU:HB3	1:33:A:LEU:HA	13	0.14
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB1	1	0.14
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB2	15	0.14
(1,348)	1:55:A:LYS:HG3	1:36:A:LEU:HB3	9	0.14
(1,310)	1:98:A:ILE:HB	1:95:A:VAL:H	5	0.14
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD22	14	0.14
(1,219)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:HG	14	0.14
(1,204)	1:185:A:GLN:HB2	1:70:A:MET:HG2	7	0.14
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	4	0.14
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	13	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	15	0.14
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	19	0.14
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	11	0.14
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	12	0.14
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	18	0.14
(1,97)	1:12:A:THR:HA	1:3:A:ILE:HD12	3	0.14
(1,85)	1:70:A:MET:HE1	1:72:A:LEU:HD23	12	0.14
(1,84)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HB	3	0.14
(1,84)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HB	11	0.14
(1,84)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HB	19	0.14
(1,30)	1:156:A:MET:HA	1:146:A:VAL:HG23	13	0.14
(1,12)	1:49:A:LEU:HA	1:49:A:LEU:HD11	8	0.14
(1,6)	1:49:A:LEU:HD21	1:189:A:ILE:HB	7	0.14
(2,966)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HG	8	0.13
(2,966)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HG	9	0.13
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	9	0.13
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	2	0.13
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	10	0.13
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	15	0.13
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	18	0.13
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	20	0.13
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	11	0.13
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	4	0.13
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	20	0.13
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	9	0.13
(2,375)	1:95:A:VAL:HB	1:199:A:VAL:HB	5	0.13
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	6	0.13
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	10	0.13
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	13	0.13
(2,212)	1:76:A:PHE:HB3	1:181:A:ARG:HB3	19	0.13
(2,202)	1:167:A:PRO:HB3	1:169:A:THR:HA	4	0.13
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	4	0.13
(2,162)	1:184:A:LEU:HA	1:72:A:LEU:HB2	7	0.13
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	5	0.13
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	7	0.13
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	20	0.13
(2,51)	1:3:A:ILE:HA	1:15:A:TYR:HB3	9	0.13
(2,51)	1:3:A:ILE:HA	1:15:A:TYR:HB3	19	0.13
(2,7)	1:135:A:SER:HB3	1:129:A:GLN:HB3	16	0.13
(2,4)	1:156:A:MET:HA	1:194:A:LYS:HB2	19	0.13
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB3	6	0.13
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB2	6	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3537)	1:135:A:SER:H	1:134:A:HIS:HB2	17	0.13
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	17	0.13
(1,3451)	1:7:A:PRO:HA	1:7:A:PRO:HG2	15	0.13
(1,3449)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG12	18	0.13
(1,3442)	1:202:A:LEU:HG	1:194:A:LYS:HG3	1	0.13
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG22	1:161:A:LEU:HB2	13	0.13
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	3	0.13
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	14	0.13
(1,3368)	1:102:A:THR:HA	1:107:A:ILE:HG12	19	0.13
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG3	17	0.13
(1,3293)	1:4:A:GLU:H	1:13:A:LEU:HD11	14	0.13
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	10	0.13
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	14	0.13
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	18	0.13
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	20	0.13
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	12	0.13
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	17	0.13
(1,3220)	1:199:A:VAL:H	1:200:A:THR:H	1	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	1	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	2	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	4	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	7	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	8	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	12	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	13	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	14	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	15	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	16	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	17	0.13
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	18	0.13
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	9	0.13
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG22	3	0.13
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG22	20	0.13
(1,3150)	1:28:A:ALA:H	1:28:A:ALA:HB2	15	0.13
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	2	0.13
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB1	1	0.13
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB3	17	0.13
(1,3106)	1:29:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HD13	11	0.13
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	8	0.13
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	10	0.13
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	5	0.13
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	12	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	10	0.13
(1,3023)	1:23:A:ASN:HD21	1:25:A:HIS:HA	9	0.13
(1,3021)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:HA	19	0.13
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD13	19	0.13
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	7	0.13
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	8	0.13
(1,2970)	1:129:A:GLN:HE21	1:137:A:THR:HG23	1	0.13
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	4	0.13
(1,2947)	1:197:A:GLN:HE21	1:195:A:GLY:H	7	0.13
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	12	0.13
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	2	0.13
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	8	0.13
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	13	0.13
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	11	0.13
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	20	0.13
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	13	0.13
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG21	20	0.13
(1,2833)	1:23:A:ASN:HD21	1:25:A:HIS:HB2	18	0.13
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	5	0.13
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	6	0.13
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	9	0.13
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	14	0.13
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	15	0.13
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	17	0.13
(1,2763)	1:56:A:ALA:H	1:54:A:LYS:H	15	0.13
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	14	0.13
(1,2742)	1:59:A:GLN:HE22	1:55:A:LYS:HG3	15	0.13
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG22	3	0.13
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG22	10	0.13
(1,2734)	1:169:A:THR:H	1:167:A:PRO:HA	3	0.13
(1,2734)	1:169:A:THR:H	1:167:A:PRO:HA	15	0.13
(1,2732)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HG22	8	0.13
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	20	0.13
(1,2661)	1:25:A:HIS:H	1:24:A:GLU:HG2	18	0.13
(1,2658)	1:114:A:ASP:H	1:113:A:CYS:H	19	0.13
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	2	0.13
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	9	0.13
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	19	0.13
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	16	0.13
(1,2616)	1:106:A:ASN:HD21	1:101:A:ASP:HB2	15	0.13
(1,2530)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HD11	1	0.13
(1,2513)	1:149:A:GLY:H	1:153:A:GLY:HA2	3	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2513)	1:149:A:GLY:H	1:153:A:GLY:HA2	10	0.13
(1,2504)	1:169:A:THR:H	1:135:A:SER:HB3	2	0.13
(1,2491)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:H	19	0.13
(1,2418)	1:90:A:LEU:H	1:92:A:ILE:HD12	8	0.13
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD12	4	0.13
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	3	0.13
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	8	0.13
(1,2386)	1:112:A:PHE:H	1:112:A:PHE:HB3	5	0.13
(1,2379)	1:132:A:ALA:H	1:135:A:SER:HB3	14	0.13
(1,2356)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:ASP:H	18	0.13
(1,2354)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HA	1	0.13
(1,2321)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HB	2	0.13
(1,2321)	1:20:A:ASN:HD22	1:17:A:VAL:HB	7	0.13
(1,2290)	1:154:A:ALA:H	1:203:A:GLY:HA3	20	0.13
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	3	0.13
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	9	0.13
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	12	0.13
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	14	0.13
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	1	0.13
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	17	0.13
(1,2154)	1:132:A:ALA:H	1:169:A:THR:HA	10	0.13
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	1	0.13
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	6	0.13
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	11	0.13
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	14	0.13
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	3	0.13
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG22	16	0.13
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	2	0.13
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	3	0.13
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	5	0.13
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	9	0.13
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	16	0.13
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	18	0.13
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	19	0.13
(1,2043)	1:17:A:VAL:H	1:17:A:VAL:HG22	14	0.13
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	3	0.13
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	15	0.13
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	7	0.13
(1,2035)	1:138:A:SER:HB3	1:166:A:THR:H	3	0.13
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG21	17	0.13
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD11	1:34:A:ALA:H	6	0.13
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD13	1:34:A:ALA:H	13	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD12	1:34:A:ALA:H	17	0.13
(1,1936)	1:6:A:TYR:H	1:6:A:TYR:HD2	1	0.13
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	13	0.13
(1,1896)	1:184:A:LEU:H	1:165:A:VAL:H	14	0.13
(1,1879)	1:38:A:ALA:H	1:41:A:VAL:HG13	8	0.13
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	7	0.13
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG23	8	0.13
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	19	0.13
(1,1777)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HB	2	0.13
(1,1777)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HB	3	0.13
(1,1777)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HB	4	0.13
(1,1777)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HB	7	0.13
(1,1772)	1:107:A:ILE:H	1:105:A:GLN:H	2	0.13
(1,1764)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HA	2	0.13
(1,1764)	1:17:A:VAL:H	1:3:A:ILE:HA	10	0.13
(1,1737)	1:134:A:HIS:H	1:131:A:ASP:HA	2	0.13
(1,1728)	1:163:A:ILE:H	1:186:A:LYS:HG3	3	0.13
(1,1728)	1:163:A:ILE:H	1:186:A:LYS:HG3	11	0.13
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	13	0.13
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	15	0.13
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB3	1:126:A:ILE:HA	20	0.13
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	3	0.13
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	5	0.13
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	11	0.13
(1,1635)	1:44:A:ASN:H	1:42:A:ASP:HA	10	0.13
(1,1635)	1:44:A:ASN:H	1:42:A:ASP:HA	12	0.13
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	11	0.13
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	10	0.13
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	12	0.13
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	13	0.13
(1,1586)	1:150:A:GLU:HA	1:201:A:PRO:HB2	19	0.13
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE1	2	0.13
(1,1506)	1:147:A:SER:HA	1:29:A:GLN:HG2	18	0.13
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	11	0.13
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	19	0.13
(1,1395)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD13	3	0.13
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD11	19	0.13
(1,1359)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HD13	9	0.13
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	2	0.13
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	20	0.13
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD21	14	0.13
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	1	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	17	0.13
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB1	6	0.13
(1,1318)	1:181:A:ARG:HA	1:178:A:LYS:HZ3	15	0.13
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	20	0.13
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB2	8	0.13
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	3	0.13
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	5	0.13
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	16	0.13
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	19	0.13
(1,1208)	1:75:A:SER:HB3	1:77:A:SER:HB2	9	0.13
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	14	0.13
(1,1145)	1:75:A:SER:HB3	1:82:A:LEU:HD12	20	0.13
(1,1105)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HD2	10	0.13
(1,1088)	1:74:A:LYS:HA	1:74:A:LYS:HD3	7	0.13
(1,1070)	1:64:A:ILE:HB	1:67:A:THR:HG22	17	0.13
(1,999)	1:150:A:GLU:HG2	1:151:A:GLU:HA	2	0.13
(1,999)	1:150:A:GLU:HG2	1:151:A:GLU:HA	14	0.13
(1,994)	1:179:A:ASP:HB2	1:178:A:LYS:H	1	0.13
(1,982)	1:33:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HE21	10	0.13
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	15	0.13
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	18	0.13
(1,970)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG13	5	0.13
(1,959)	1:64:A:ILE:HA	1:65:A:ILE:HG13	3	0.13
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD11	16	0.13
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	1	0.13
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	10	0.13
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	14	0.13
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	17	0.13
(1,885)	1:196:A:PHE:HA	1:197:A:GLN:HE21	11	0.13
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	1	0.13
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	8	0.13
(1,849)	1:147:A:SER:HB2	1:97:A:GLY:HA2	7	0.13
(1,847)	1:108:A:LEU:HA	1:112:A:PHE:HE2	19	0.13
(1,845)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HB3	8	0.13
(1,833)	1:202:A:LEU:HG	1:154:A:ALA:HB2	19	0.13
(1,695)	1:60:A:PRO:HB3	1:61:A:ASP:HB3	8	0.13
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	20	0.13
(1,644)	1:25:A:HIS:HB3	1:29:A:GLN:HB3	7	0.13
(1,562)	1:191:A:ILE:HG23	1:157:A:ALA:HB1	16	0.13
(1,526)	1:123:A:TRP:HA	1:141:A:TYR:HD2	18	0.13
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG21	9	0.13
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG21	11	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	20	0.13
(1,455)	1:200:A:THR:HG21	1:201:A:PRO:HB2	2	0.13
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG22	5	0.13
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	11	0.13
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	12	0.13
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG21	20	0.13
(1,408)	1:55:A:LYS:HG2	1:41:A:VAL:HG11	2	0.13
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD1	6	0.13
(1,399)	1:73:A:LYS:HD3	1:81:A:ALA:HB3	20	0.13
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB1	6	0.13
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB2	7	0.13
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB1	8	0.13
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB2	9	0.13
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB1	10	0.13
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB2	12	0.13
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB1	20	0.13
(1,332)	1:4:A:GLU:HG3	1:11:A:ASN:HB2	3	0.13
(1,310)	1:98:A:ILE:HB	1:95:A:VAL:H	1	0.13
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG22	13	0.13
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	20	0.13
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	3	0.13
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	20	0.13
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG11	15	0.13
(1,111)	1:147:A:SER:HA	1:24:A:GLU:HG2	10	0.13
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	4	0.13
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	8	0.13
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	9	0.13
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	14	0.13
(1,84)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HB	6	0.13
(1,84)	1:70:A:MET:HE1	1:92:A:ILE:HB	15	0.13
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	3	0.13
(1,82)	1:70:A:MET:HE2	1:89:A:GLN:HG3	15	0.13
(1,32)	1:139:A:TYR:HA	1:127:A:ASN:HB3	14	0.13
(2,966)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HG	5	0.12
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	7	0.12
(2,813)	1:181:A:ARG:HE	1:180:A:TRP:HZ2	9	0.12
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	5	0.12
(2,743)	1:30:A:ALA:H	1:32:A:GLN:HG3	16	0.12
(2,692)	1:31:A:ILE:H	1:33:A:LEU:HG	17	0.12
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	8	0.12
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	9	0.12
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	12	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,645)	1:185:A:GLN:HE22	1:70:A:MET:HG3	1	0.12
(2,505)	1:58:A:ALA:H	1:36:A:LEU:HB2	17	0.12
(2,463)	1:185:A:GLN:HE22	1:184:A:LEU:HB2	7	0.12
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	1	0.12
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	3	0.12
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	7	0.12
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	8	0.12
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	12	0.12
(2,380)	1:131:A:ASP:HB2	1:133:A:GLY:HA2	8	0.12
(2,375)	1:95:A:VAL:HB	1:199:A:VAL:HB	15	0.12
(2,186)	1:17:A:VAL:HA	1:2:A:SER:H	3	0.12
(2,180)	1:181:A:ARG:HA	1:74:A:LYS:HB3	13	0.12
(2,110)	1:123:A:TRP:HA	1:125:A:HIS:HE1	6	0.12
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	2	0.12
(2,92)	1:2:A:SER:HB2	1:18:A:PHE:HZ	8	0.12
(1,3545)	1:194:A:LYS:H	1:194:A:LYS:HG2	13	0.12
(1,3545)	1:194:A:LYS:H	1:194:A:LYS:HG2	17	0.12
(1,3544)	1:22:A:GLU:H	1:21:A:LEU:HD11	11	0.12
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB3	10	0.12
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	19	0.12
(1,3506)	1:107:A:ILE:H	1:107:A:ILE:HG13	8	0.12
(1,3474)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HG3	11	0.12
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	15	0.12
(1,3452)	1:186:A:LYS:HB3	1:163:A:ILE:HB	5	0.12
(1,3450)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG13	4	0.12
(1,3437)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HG12	20	0.12
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	6	0.12
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB3	2	0.12
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB3	8	0.12
(1,3325)	1:18:A:PHE:HB2	1:20:A:ASN:HB3	15	0.12
(1,3304)	1:156:A:MET:HA	1:155:A:MET:HG3	8	0.12
(1,3259)	1:30:A:ALA:H	1:155:A:MET:HE1	11	0.12
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	4	0.12
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	8	0.12
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	15	0.12
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	19	0.12
(1,3251)	1:24:A:GLU:H	1:25:A:HIS:HB2	15	0.12
(1,3231)	1:170:A:ALA:H	1:133:A:GLY:HA2	20	0.12
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	19	0.12
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	20	0.12
(1,3213)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:HB2	10	0.12
(1,3161)	1:188:A:GLU:H	1:186:A:LYS:HE2	17	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3160)	1:166:A:THR:H	1:166:A:THR:HG21	15	0.12
(1,3158)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HB	17	0.12
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	8	0.12
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB2	7	0.12
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB1	8	0.12
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB1	10	0.12
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB2	16	0.12
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB1	1	0.12
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB1	10	0.12
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB2	15	0.12
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	3	0.12
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	11	0.12
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	20	0.12
(1,3070)	1:176:A:ASN:HD22	1:171:A:ILE:HA	4	0.12
(1,3023)	1:23:A:ASN:HD21	1:25:A:HIS:HA	19	0.12
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	4	0.12
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	5	0.12
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	6	0.12
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	11	0.12
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	19	0.12
(1,3009)	1:55:A:LYS:H	1:54:A:LYS:HB2	16	0.12
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD13	3	0.12
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	1	0.12
(1,2978)	1:9:A:ASP:H	1:8:A:ASP:HB2	13	0.12
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB2	4	0.12
(1,2965)	1:129:A:GLN:HE21	1:135:A:SER:HB2	5	0.12
(1,2963)	1:129:A:GLN:HE22	1:135:A:SER:HB3	2	0.12
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	5	0.12
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	18	0.12
(1,2939)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ASP:HB3	4	0.12
(1,2939)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ASP:HB3	17	0.12
(1,2928)	1:104:A:ILE:H	1:104:A:ILE:HD12	15	0.12
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB2	1	0.12
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB1	9	0.12
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	14	0.12
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	16	0.12
(1,2907)	1:98:A:ILE:H	1:95:A:VAL:HA	18	0.12
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG23	19	0.12
(1,2876)	1:75:A:SER:H	1:82:A:LEU:HG	17	0.12
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	5	0.12
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	15	0.12
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	18	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2834)	1:23:A:ASN:HD22	1:25:A:HIS:HB2	11	0.12
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	2	0.12
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	10	0.12
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	19	0.12
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	20	0.12
(1,2748)	1:181:A:ARG:HE	1:181:A:ARG:HB2	13	0.12
(1,2741)	1:85:A:THR:H	1:87:A:SER:H	19	0.12
(1,2734)	1:169:A:THR:H	1:167:A:PRO:HA	7	0.12
(1,2732)	1:171:A:ILE:H	1:177:A:THR:HG23	16	0.12
(1,2703)	1:89:A:GLN:HE21	1:72:A:LEU:HA	4	0.12
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	1	0.12
(1,2686)	1:25:A:HIS:H	1:23:A:ASN:HB2	9	0.12
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	6	0.12
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	7	0.12
(1,2640)	1:26:A:TYR:H	1:25:A:HIS:HB2	2	0.12
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	19	0.12
(1,2616)	1:106:A:ASN:HD21	1:101:A:ASP:HB2	17	0.12
(1,2585)	1:188:A:GLU:H	1:69:A:ASN:HD21	18	0.12
(1,2530)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HD11	18	0.12
(1,2506)	1:147:A:SER:H	1:29:A:GLN:HG3	19	0.12
(1,2505)	1:74:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	3	0.12
(1,2455)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HB2	9	0.12
(1,2455)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HB2	18	0.12
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG23	14	0.12
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG21	20	0.12
(1,2417)	1:89:A:GLN:H	1:92:A:ILE:HD11	6	0.12
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	16	0.12
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	12	0.12
(1,2291)	1:151:A:GLU:H	1:203:A:GLY:HA2	10	0.12
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	9	0.12
(1,2288)	1:102:A:THR:H	1:106:A:ASN:HB2	20	0.12
(1,2252)	1:74:A:LYS:H	1:74:A:LYS:HD2	8	0.12
(1,2252)	1:74:A:LYS:H	1:74:A:LYS:HD2	12	0.12
(1,2197)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HG12	2	0.12
(1,2197)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HG12	4	0.12
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	11	0.12
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	2	0.12
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	14	0.12
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	19	0.12
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD12	6	0.12
(1,2135)	1:139:A:TYR:H	1:126:A:ILE:HD12	17	0.12
(1,2114)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HA	15	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2114)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HA	20	0.12
(1,2113)	1:72:A:LEU:H	1:186:A:LYS:H	5	0.12
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD12	13	0.12
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	10	0.12
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	18	0.12
(1,2089)	1:172:A:SER:H	1:171:A:ILE:HG13	4	0.12
(1,2054)	1:44:A:ASN:HD21	1:46:A:GLN:HE22	20	0.12
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	12	0.12
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	14	0.12
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	20	0.12
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	1	0.12
(1,2043)	1:17:A:VAL:H	1:17:A:VAL:HG23	19	0.12
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG23	7	0.12
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD13	12	0.12
(1,1974)	1:37:A:PHE:H	1:35:A:GLN:HE22	3	0.12
(1,1974)	1:37:A:PHE:H	1:35:A:GLN:HE22	19	0.12
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD12	1:34:A:ALA:H	11	0.12
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD11	1:34:A:ALA:H	14	0.12
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD11	1:34:A:ALA:H	19	0.12
(1,1961)	1:139:A:TYR:H	1:127:A:ASN:HD22	9	0.12
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	4	0.12
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG21	5	0.12
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	1	0.12
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	2	0.12
(1,1830)	1:192:A:GLY:H	1:191:A:ILE:HG22	18	0.12
(1,1801)	1:33:A:LEU:H	1:60:A:PRO:HG3	11	0.12
(1,1801)	1:33:A:LEU:H	1:60:A:PRO:HG3	14	0.12
(1,1778)	1:173:A:ASP:H	1:171:A:ILE:HA	13	0.12
(1,1740)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HB2	4	0.12
(1,1702)	1:26:A:TYR:H	1:146:A:VAL:HB	15	0.12
(1,1698)	1:79:A:LEU:H	1:79:A:LEU:HG	17	0.12
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	18	0.12
(1,1687)	1:115:A:LEU:H	1:115:A:LEU:HD13	17	0.12
(1,1678)	1:106:A:ASN:HD21	1:107:A:ILE:HB	14	0.12
(1,1668)	1:128:A:ALA:HB3	1:126:A:ILE:HA	19	0.12
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	19	0.12
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB2	1	0.12
(1,1584)	1:73:A:LYS:HB3	1:71:A:THR:HB	18	0.12
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	5	0.12
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	19	0.12
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG22	1:202:A:LEU:HD13	10	0.12
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG21	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG23	8	0.12
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG21	9	0.12
(1,1529)	1:59:A:GLN:HB2	1:155:A:MET:HE1	18	0.12
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE1	15	0.12
(1,1527)	1:29:A:GLN:HA	1:155:A:MET:HE1	9	0.12
(1,1504)	1:169:A:THR:HB	1:135:A:SER:HB3	2	0.12
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	1	0.12
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	2	0.12
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	13	0.12
(1,1486)	1:64:A:ILE:HG13	1:67:A:THR:HG21	2	0.12
(1,1442)	1:179:A:ASP:HA	1:169:A:THR:HB	3	0.12
(1,1409)	1:168:A:ASN:HA	1:128:A:ALA:HB1	6	0.12
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	7	0.12
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB2	1:157:A:ALA:HA	6	0.12
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB3	1:157:A:ALA:HA	17	0.12
(1,1288)	1:190:A:THR:HB	1:158:A:ALA:HB3	4	0.12
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	4	0.12
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	6	0.12
(1,1253)	1:40:A:GLU:HB2	1:55:A:LYS:HB3	14	0.12
(1,1235)	1:33:A:LEU:HA	1:59:A:GLN:HE22	2	0.12
(1,1235)	1:33:A:LEU:HA	1:59:A:GLN:HE22	5	0.12
(1,1222)	1:169:A:THR:HG23	1:132:A:ALA:HA	2	0.12
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB3	5	0.12
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	4	0.12
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	13	0.12
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	16	0.12
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	6	0.12
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	10	0.12
(1,1115)	1:111:A:ALA:HB2	1:105:A:GLN:H	8	0.12
(1,1089)	1:74:A:LYS:HD2	1:72:A:LEU:HD23	6	0.12
(1,1018)	1:33:A:LEU:HD13	1:155:A:MET:HE3	3	0.12
(1,999)	1:150:A:GLU:HG2	1:151:A:GLU:HA	11	0.12
(1,981)	1:197:A:GLN:HA	1:197:A:GLN:HE21	4	0.12
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	5	0.12
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	6	0.12
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	19	0.12
(1,970)	1:132:A:ALA:HB1	1:171:A:ILE:HG13	11	0.12
(1,941)	1:202:A:LEU:HB3	1:202:A:LEU:HD12	19	0.12
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	10	0.12
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	15	0.12
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	8	0.12
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,882)	1:108:A:LEU:HA	1:107:A:ILE:HB	19	0.12
(1,847)	1:108:A:LEU:HA	1:112:A:PHE:HE2	6	0.12
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	13	0.12
(1,823)	1:62:A:LEU:HB2	1:65:A:ILE:HG12	17	0.12
(1,809)	1:57:A:GLN:HB2	1:54:A:LYS:HA	8	0.12
(1,790)	1:7:A:PRO:HA	1:6:A:TYR:HE1	9	0.12
(1,790)	1:7:A:PRO:HA	1:6:A:TYR:HE2	17	0.12
(1,788)	1:129:A:GLN:H	1:137:A:THR:HG22	4	0.12
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	12	0.12
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	13	0.12
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	14	0.12
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	18	0.12
(1,632)	1:48:A:ASP:HA	1:52:A:ALA:H	8	0.12
(1,629)	1:11:A:ASN:HA	1:3:A:ILE:HD12	6	0.12
(1,624)	1:74:A:LYS:HB2	1:72:A:LEU:HD23	5	0.12
(1,598)	1:36:A:LEU:HD11	1:60:A:PRO:HG2	14	0.12
(1,562)	1:191:A:ILE:HG23	1:157:A:ALA:HB2	18	0.12
(1,548)	1:165:A:VAL:HG13	1:183:A:THR:HB	20	0.12
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG22	4	0.12
(1,511)	1:64:A:ILE:HG21	1:64:A:ILE:HG12	15	0.12
(1,509)	1:64:A:ILE:HG22	1:191:A:ILE:HA	15	0.12
(1,501)	1:192:A:GLY:HA3	1:190:A:THR:HG21	20	0.12
(1,478)	1:33:A:LEU:HD13	1:146:A:VAL:HG12	19	0.12
(1,463)	1:200:A:THR:HG22	1:197:A:GLN:H	3	0.12
(1,454)	1:149:A:GLY:HA2	1:200:A:THR:HG22	14	0.12
(1,432)	1:31:A:ILE:HD13	1:30:A:ALA:H	6	0.12
(1,432)	1:31:A:ILE:HD11	1:30:A:ALA:H	19	0.12
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	1	0.12
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	13	0.12
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	15	0.12
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	17	0.12
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	20	0.12
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG23	15	0.12
(1,410)	1:21:A:LEU:HD23	1:41:A:VAL:HG23	16	0.12
(1,405)	1:37:A:PHE:HB3	1:41:A:VAL:HG22	13	0.12
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	9	0.12
(1,396)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD2	7	0.12
(1,365)	1:36:A:LEU:HB3	1:33:A:LEU:HA	16	0.12
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB1	3	0.12
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB2	4	0.12
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB3	5	0.12
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB2	16	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB3	17	0.12
(1,336)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HG21	5	0.12
(1,235)	1:191:A:ILE:HG13	1:191:A:ILE:HG23	1	0.12
(1,233)	1:191:A:ILE:HG13	1:53:A:LEU:HD13	12	0.12
(1,219)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:HG	18	0.12
(1,175)	1:24:A:GLU:HA	1:23:A:ASN:HB2	9	0.12
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	15	0.12
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	18	0.12
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	9	0.12
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	16	0.12
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	5	0.12
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	6	0.12
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	7	0.12
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	13	0.12
(1,95)	1:12:A:THR:HA	1:11:A:ASN:HA	10	0.12
(1,84)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HB	10	0.12
(1,84)	1:70:A:MET:HE2	1:92:A:ILE:HB	14	0.12
(1,48)	1:129:A:GLN:HB2	1:128:A:ALA:HB1	17	0.12
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD21	16	0.12
(2,966)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HG	1	0.11
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	16	0.11
(2,847)	1:70:A:MET:H	1:92:A:ILE:HB	19	0.11
(2,747)	1:170:A:ALA:H	1:168:A:ASN:HD22	11	0.11
(2,730)	1:164:A:THR:H	1:125:A:HIS:HA	1	0.11
(2,606)	1:35:A:GLN:HE22	1:38:A:ALA:H	18	0.11
(2,600)	1:131:A:ASP:H	1:169:A:THR:HA	10	0.11
(2,493)	1:196:A:PHE:H	1:202:A:LEU:HG	16	0.11
(2,439)	1:140:A:SER:HA	1:164:A:THR:HB	17	0.11
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	4	0.11
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	20	0.11
(2,377)	1:53:A:LEU:HB3	1:49:A:LEU:HB2	17	0.11
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	8	0.11
(2,221)	1:163:A:ILE:HG12	1:186:A:LYS:HG3	15	0.11
(2,180)	1:181:A:ARG:HA	1:74:A:LYS:HB3	4	0.11
(2,180)	1:181:A:ARG:HA	1:74:A:LYS:HB3	6	0.11
(2,162)	1:184:A:LEU:HA	1:72:A:LEU:HB2	20	0.11
(2,110)	1:123:A:TRP:HA	1:125:A:HIS:HE1	3	0.11
(2,51)	1:3:A:ILE:HA	1:15:A:TYR:HB3	3	0.11
(2,51)	1:3:A:ILE:HA	1:15:A:TYR:HB3	4	0.11
(2,51)	1:3:A:ILE:HA	1:15:A:TYR:HB3	6	0.11
(2,51)	1:3:A:ILE:HA	1:15:A:TYR:HB3	12	0.11
(2,31)	1:203:A:GLY:HA3	1:195:A:GLY:HA3	5	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3545)	1:194:A:LYS:H	1:194:A:LYS:HG2	3	0.11
(1,3545)	1:194:A:LYS:H	1:194:A:LYS:HG2	7	0.11
(1,3545)	1:194:A:LYS:H	1:194:A:LYS:HG2	18	0.11
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB3	12	0.11
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB3	17	0.11
(1,3532)	1:29:A:GLN:HE21	1:155:A:MET:HG2	8	0.11
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	1	0.11
(1,3518)	1:46:A:GLN:HE22	1:42:A:ASP:HA	20	0.11
(1,3515)	1:181:A:ARG:HE	1:178:A:LYS:HB2	6	0.11
(1,3506)	1:107:A:ILE:H	1:107:A:ILE:HG13	5	0.11
(1,3481)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:LEU:HD11	14	0.11
(1,3481)	1:18:A:PHE:H	1:21:A:LEU:HD12	15	0.11
(1,3468)	1:42:A:ASP:H	1:46:A:GLN:HG2	16	0.11
(1,3461)	1:117:A:THR:H	1:115:A:LEU:HB3	9	0.11
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	20	0.11
(1,3451)	1:7:A:PRO:HA	1:7:A:PRO:HG3	14	0.11
(1,3450)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG13	6	0.11
(1,3450)	1:7:A:PRO:HG2	1:5:A:ILE:HG13	7	0.11
(1,3439)	1:163:A:ILE:HG21	1:161:A:LEU:HB2	17	0.11
(1,3397)	1:69:A:ASN:HA	1:92:A:ILE:HG12	15	0.11
(1,3390)	1:2:A:SER:HA	1:1:A:MET:HB2	11	0.11
(1,3335)	1:200:A:THR:HG23	1:198:A:VAL:HG12	10	0.11
(1,3284)	1:170:A:ALA:H	1:169:A:THR:HB	17	0.11
(1,3265)	1:28:A:ALA:H	1:27:A:TYR:HD2	15	0.11
(1,3255)	1:30:A:ALA:H	1:31:A:ILE:HG12	6	0.11
(1,3228)	1:174:A:ILE:H	1:173:A:ASP:HA	5	0.11
(1,3228)	1:174:A:ILE:H	1:173:A:ASP:HA	18	0.11
(1,3227)	1:97:A:GLY:H	1:98:A:ILE:H	6	0.11
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	13	0.11
(1,3172)	1:97:A:GLY:H	1:96:A:LEU:HB2	3	0.11
(1,3158)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HB	5	0.11
(1,3150)	1:28:A:ALA:H	1:28:A:ALA:HB2	1	0.11
(1,3150)	1:28:A:ALA:H	1:28:A:ALA:HB1	4	0.11
(1,3121)	1:202:A:LEU:H	1:202:A:LEU:HD12	16	0.11
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB2	4	0.11
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB1	6	0.11
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB2	12	0.11
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB3	14	0.11
(1,3119)	1:59:A:GLN:HE22	1:58:A:ALA:HB1	8	0.11
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	15	0.11
(1,3097)	1:136:A:VAL:H	1:129:A:GLN:HG3	19	0.11
(1,3096)	1:136:A:VAL:H	1:137:A:THR:HG21	18	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3093)	1:136:A:VAL:H	1:167:A:PRO:HB3	19	0.11
(1,3076)	1:5:A:ILE:H	1:4:A:GLU:HG2	12	0.11
(1,3043)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD23	15	0.11
(1,3042)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD13	12	0.11
(1,3018)	1:23:A:ASN:HD22	1:146:A:VAL:HB	15	0.11
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	1	0.11
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	13	0.11
(1,3015)	1:10:A:GLY:H	1:5:A:ILE:H	20	0.11
(1,3013)	1:176:A:ASN:HD22	1:179:A:ASP:HB3	5	0.11
(1,3009)	1:55:A:LYS:H	1:54:A:LYS:HB2	2	0.11
(1,3009)	1:55:A:LYS:H	1:54:A:LYS:HB2	7	0.11
(1,3009)	1:55:A:LYS:H	1:54:A:LYS:HB2	13	0.11
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD13	1	0.11
(1,2991)	1:53:A:LEU:H	1:53:A:LEU:HD12	2	0.11
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD11	1	0.11
(1,2985)	1:3:A:ILE:H	1:3:A:ILE:HD13	5	0.11
(1,2966)	1:129:A:GLN:HE22	1:136:A:VAL:HB	2	0.11
(1,2954)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB3	16	0.11
(1,2950)	1:176:A:ASN:HD21	1:171:A:ILE:HG13	17	0.11
(1,2943)	1:197:A:GLN:HE21	1:202:A:LEU:HB2	7	0.11
(1,2939)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ASP:HB3	7	0.11
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	2	0.11
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB1	7	0.11
(1,2919)	1:153:A:GLY:H	1:154:A:ALA:HB3	19	0.11
(1,2860)	1:161:A:LEU:H	1:161:A:LEU:HG	17	0.11
(1,2859)	1:102:A:THR:H	1:101:A:ASP:HB3	4	0.11
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	1	0.11
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	8	0.11
(1,2784)	1:46:A:GLN:HE21	1:42:A:ASP:HA	13	0.11
(1,2763)	1:56:A:ALA:H	1:54:A:LYS:H	17	0.11
(1,2761)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG21	2	0.11
(1,2761)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG22	4	0.11
(1,2741)	1:85:A:THR:H	1:87:A:SER:H	1	0.11
(1,2741)	1:85:A:THR:H	1:87:A:SER:H	15	0.11
(1,2658)	1:114:A:ASP:H	1:113:A:CYS:H	8	0.11
(1,2640)	1:26:A:TYR:H	1:25:A:HIS:HB2	6	0.11
(1,2640)	1:26:A:TYR:H	1:25:A:HIS:HB2	11	0.11
(1,2640)	1:26:A:TYR:H	1:25:A:HIS:HB2	18	0.11
(1,2639)	1:26:A:TYR:H	1:23:A:ASN:HB2	6	0.11
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	5	0.11
(1,2630)	1:79:A:LEU:H	1:78:A:THR:HG23	2	0.11
(1,2600)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HB	13	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2599)	1:152:A:THR:H	1:150:A:GLU:H	16	0.11
(1,2533)	1:137:A:THR:H	1:167:A:PRO:HB3	14	0.11
(1,2530)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HD12	3	0.11
(1,2513)	1:149:A:GLY:H	1:153:A:GLY:HA2	12	0.11
(1,2491)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:H	4	0.11
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD13	10	0.11
(1,2481)	1:4:A:GLU:H	1:3:A:ILE:HD13	16	0.11
(1,2471)	1:29:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG23	6	0.11
(1,2471)	1:29:A:GLN:H	1:146:A:VAL:HG23	16	0.11
(1,2469)	1:143:A:LEU:H	1:161:A:LEU:HA	2	0.11
(1,2455)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HB2	4	0.11
(1,2455)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HB2	17	0.11
(1,2433)	1:30:A:ALA:H	1:29:A:GLN:HB3	2	0.11
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	2	0.11
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	14	0.11
(1,2396)	1:16:A:GLN:H	1:3:A:ILE:HG13	18	0.11
(1,2365)	1:155:A:MET:HA	1:148:A:GLN:H	6	0.11
(1,2330)	1:22:A:GLU:H	1:22:A:GLU:HG3	9	0.11
(1,2323)	1:44:A:ASN:HD21	1:20:A:ASN:HD21	1	0.11
(1,2198)	1:105:A:GLN:H	1:107:A:ILE:HG21	1	0.11
(1,2197)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HG12	7	0.11
(1,2197)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HG12	9	0.11
(1,2197)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HG12	11	0.11
(1,2197)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HG12	15	0.11
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	7	0.11
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	15	0.11
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	7	0.11
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	12	0.11
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	6	0.11
(1,2103)	1:18:A:PHE:H	1:2:A:SER:HA	9	0.11
(1,2082)	1:73:A:LYS:H	1:183:A:THR:HG21	4	0.11
(1,2054)	1:44:A:ASN:HD21	1:46:A:GLN:HE22	14	0.11
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	3	0.11
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	7	0.11
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	9	0.11
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	13	0.11
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	20	0.11
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	4	0.11
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	13	0.11
(1,2047)	1:17:A:VAL:H	1:2:A:SER:HA	15	0.11
(1,2043)	1:17:A:VAL:H	1:17:A:VAL:HG21	5	0.11
(1,2043)	1:17:A:VAL:H	1:17:A:VAL:HG23	9	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2043)	1:17:A:VAL:H	1:17:A:VAL:HG23	11	0.11
(1,2043)	1:17:A:VAL:H	1:17:A:VAL:HG22	18	0.11
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	8	0.11
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	10	0.11
(1,2035)	1:138:A:SER:HB3	1:166:A:THR:H	1	0.11
(1,2031)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HB	19	0.11
(1,2018)	1:59:A:GLN:H	1:191:A:ILE:HG22	19	0.11
(1,1997)	1:193:A:VAL:H	1:62:A:LEU:HD13	5	0.11
(1,1987)	1:193:A:VAL:H	1:194:A:LYS:HE2	2	0.11
(1,1974)	1:37:A:PHE:H	1:35:A:GLN:HE22	2	0.11
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD13	1:34:A:ALA:H	5	0.11
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD13	1:34:A:ALA:H	12	0.11
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD12	1:34:A:ALA:H	18	0.11
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB2	8	0.11
(1,1947)	1:178:A:LYS:H	1:170:A:ALA:HB3	16	0.11
(1,1936)	1:6:A:TYR:H	1:6:A:TYR:HD2	18	0.11
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG23	10	0.11
(1,1927)	1:158:A:ALA:H	1:146:A:VAL:HG22	16	0.11
(1,1896)	1:184:A:LEU:H	1:165:A:VAL:H	15	0.11
(1,1805)	1:56:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HA	15	0.11
(1,1801)	1:33:A:LEU:H	1:60:A:PRO:HG3	13	0.11
(1,1801)	1:33:A:LEU:H	1:60:A:PRO:HG3	19	0.11
(1,1772)	1:107:A:ILE:H	1:105:A:GLN:H	8	0.11
(1,1740)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HB2	18	0.11
(1,1728)	1:163:A:ILE:H	1:186:A:LYS:HG3	6	0.11
(1,1702)	1:26:A:TYR:H	1:146:A:VAL:HB	11	0.11
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	11	0.11
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	14	0.11
(1,1694)	1:11:A:ASN:H	1:5:A:ILE:H	20	0.11
(1,1693)	1:11:A:ASN:H	1:10:A:GLY:H	13	0.11
(1,1688)	1:11:A:ASN:H	1:8:A:ASP:HB2	13	0.11
(1,1688)	1:11:A:ASN:H	1:8:A:ASP:HB2	19	0.11
(1,1678)	1:106:A:ASN:HD21	1:107:A:ILE:HB	15	0.11
(1,1663)	1:137:A:THR:HG21	1:128:A:ALA:HB3	6	0.11
(1,1656)	1:172:A:SER:HA	1:179:A:ASP:HB2	10	0.11
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	12	0.11
(1,1652)	1:84:A:THR:HG21	1:85:A:THR:HA	15	0.11
(1,1652)	1:84:A:THR:HG23	1:85:A:THR:HA	16	0.11
(1,1635)	1:44:A:ASN:H	1:42:A:ASP:HA	3	0.11
(1,1635)	1:44:A:ASN:H	1:42:A:ASP:HA	13	0.11
(1,1631)	1:74:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HD13	6	0.11
(1,1618)	1:133:A:GLY:H	1:131:A:ASP:HB2	20	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1615)	1:19:A:LEU:HA	1:18:A:PHE:HB2	10	0.11
(1,1607)	1:191:A:ILE:HB	1:56:A:ALA:HB3	9	0.11
(1,1571)	1:3:A:ILE:HG21	1:13:A:LEU:HD22	8	0.11
(1,1560)	1:147:A:SER:HA	1:156:A:MET:H	10	0.11
(1,1556)	1:193:A:VAL:HG21	1:202:A:LEU:HD12	16	0.11
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG21	4	0.11
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG22	14	0.11
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG22	18	0.11
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG23	19	0.11
(1,1506)	1:147:A:SER:HA	1:29:A:GLN:HG2	9	0.11
(1,1492)	1:189:A:ILE:HA	1:69:A:ASN:HD22	11	0.11
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	7	0.11
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	8	0.11
(1,1490)	1:189:A:ILE:HA	1:67:A:THR:H	14	0.11
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB1	1:84:A:THR:HB	5	0.11
(1,1430)	1:81:A:ALA:HB1	1:84:A:THR:HB	10	0.11
(1,1413)	1:108:A:LEU:HA	1:105:A:GLN:H	2	0.11
(1,1413)	1:108:A:LEU:HA	1:105:A:GLN:H	6	0.11
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD12	17	0.11
(1,1358)	1:186:A:LYS:HE3	1:92:A:ILE:HD13	17	0.11
(1,1351)	1:37:A:PHE:HA	1:55:A:LYS:HB2	12	0.11
(1,1340)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD12	6	0.11
(1,1339)	1:3:A:ILE:HG13	1:13:A:LEU:HD21	12	0.11
(1,1322)	1:31:A:ILE:HB	1:28:A:ALA:HB1	11	0.11
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB1	1:157:A:ALA:HA	4	0.11
(1,1311)	1:158:A:ALA:HB3	1:157:A:ALA:HA	11	0.11
(1,1303)	1:49:A:LEU:HB2	1:53:A:LEU:HD13	4	0.11
(1,1284)	1:166:A:THR:HA	1:167:A:PRO:HB3	5	0.11
(1,1235)	1:33:A:LEU:HA	1:59:A:GLN:HE22	1	0.11
(1,1235)	1:33:A:LEU:HA	1:59:A:GLN:HE22	4	0.11
(1,1235)	1:33:A:LEU:HA	1:59:A:GLN:HE22	20	0.11
(1,1222)	1:169:A:THR:HG23	1:132:A:ALA:HA	12	0.11
(1,1220)	1:168:A:ASN:HA	1:169:A:THR:HG22	2	0.11
(1,1219)	1:169:A:THR:HG21	1:180:A:TRP:H	1	0.11
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB3	20	0.11
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	20	0.11
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HD12	2	0.11
(1,1165)	1:17:A:VAL:HG12	1:20:A:ASN:H	19	0.11
(1,1161)	1:17:A:VAL:HG11	1:13:A:LEU:HB3	9	0.11
(1,1161)	1:17:A:VAL:HG13	1:13:A:LEU:HB3	14	0.11
(1,1147)	1:82:A:LEU:HD23	1:77:A:SER:HB2	15	0.11
(1,1110)	1:47:A:LEU:HD23	1:53:A:LEU:HD13	16	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1078)	1:18:A:PHE:HA	1:2:A:SER:HG	17	0.11
(1,1061)	1:59:A:GLN:HG2	1:191:A:ILE:HB	15	0.11
(1,1041)	1:186:A:LYS:HE2	1:92:A:ILE:HB	6	0.11
(1,999)	1:150:A:GLU:HG2	1:151:A:GLU:HA	1	0.11
(1,999)	1:150:A:GLU:HG2	1:151:A:GLU:HA	10	0.11
(1,999)	1:150:A:GLU:HG2	1:151:A:GLU:HA	13	0.11
(1,982)	1:33:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HE21	3	0.11
(1,977)	1:51:A:LYS:HA	1:54:A:LYS:HB2	2	0.11
(1,959)	1:64:A:ILE:HA	1:65:A:ILE:HG13	15	0.11
(1,959)	1:64:A:ILE:HA	1:65:A:ILE:HG13	18	0.11
(1,944)	1:196:A:PHE:HA	1:202:A:LEU:HB2	17	0.11
(1,926)	1:154:A:ALA:HA	1:194:A:LYS:HB3	8	0.11
(1,894)	1:172:A:SER:HA	1:171:A:ILE:HG23	1	0.11
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	2	0.11
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	14	0.11
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	15	0.11
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	16	0.11
(1,845)	1:125:A:HIS:HA	1:139:A:TYR:HB3	15	0.11
(1,790)	1:7:A:PRO:HA	1:6:A:TYR:HE2	5	0.11
(1,752)	1:31:A:ILE:HG21	1:34:A:ALA:HB2	12	0.11
(1,664)	1:60:A:PRO:HG2	1:193:A:VAL:HB	1	0.11
(1,664)	1:60:A:PRO:HG2	1:193:A:VAL:HB	19	0.11
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	4	0.11
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	7	0.11
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	8	0.11
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	15	0.11
(1,632)	1:48:A:ASP:HA	1:52:A:ALA:H	17	0.11
(1,617)	1:76:A:PHE:HB2	1:77:A:SER:H	7	0.11
(1,598)	1:36:A:LEU:HD12	1:60:A:PRO:HG2	11	0.11
(1,590)	1:36:A:LEU:HD11	1:59:A:GLN:HB3	14	0.11
(1,588)	1:36:A:LEU:HD22	1:60:A:PRO:HD2	13	0.11
(1,567)	1:95:A:VAL:HG23	1:199:A:VAL:HG12	14	0.11
(1,560)	1:170:A:ALA:HB3	1:171:A:ILE:HG21	2	0.11
(1,553)	1:179:A:ASP:HB3	1:170:A:ALA:HB2	8	0.11
(1,522)	1:55:A:LYS:HE3	1:64:A:ILE:HG23	3	0.11
(1,489)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG11	18	0.11
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG21	14	0.11
(1,488)	1:33:A:LEU:HB2	1:193:A:VAL:HG23	20	0.11
(1,483)	1:73:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HG	17	0.11
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	11	0.11
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	13	0.11
(1,467)	1:200:A:THR:HG23	1:151:A:GLU:HB2	12	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,465)	1:200:A:THR:HG21	1:201:A:PRO:HA	2	0.11
(1,455)	1:200:A:THR:HG23	1:201:A:PRO:HB2	6	0.11
(1,455)	1:200:A:THR:HG22	1:201:A:PRO:HB2	11	0.11
(1,452)	1:18:A:PHE:HB2	1:2:A:SER:HG	3	0.11
(1,452)	1:18:A:PHE:HB2	1:2:A:SER:HG	9	0.11
(1,432)	1:31:A:ILE:HD11	1:30:A:ALA:H	14	0.11
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	8	0.11
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	14	0.11
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	18	0.11
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG23	16	0.11
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	5	0.11
(1,394)	1:73:A:LYS:HD3	1:72:A:LEU:HD21	2	0.11
(1,365)	1:36:A:LEU:HB3	1:33:A:LEU:HA	4	0.11
(1,365)	1:36:A:LEU:HB3	1:33:A:LEU:HA	10	0.11
(1,365)	1:36:A:LEU:HB3	1:33:A:LEU:HA	12	0.11
(1,365)	1:36:A:LEU:HB3	1:33:A:LEU:HA	15	0.11
(1,348)	1:55:A:LYS:HG3	1:36:A:LEU:HB3	10	0.11
(1,329)	1:149:A:GLY:HA3	1:152:A:THR:HG21	15	0.11
(1,288)	1:33:A:LEU:HB2	1:155:A:MET:HE3	10	0.11
(1,284)	1:33:A:LEU:HB3	1:36:A:LEU:HD22	1	0.11
(1,272)	1:179:A:ASP:HB3	1:177:A:THR:HG21	4	0.11
(1,235)	1:191:A:ILE:HG13	1:191:A:ILE:HG23	19	0.11
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	12	0.11
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	13	0.11
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	1	0.11
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	5	0.11
(1,164)	1:52:A:ALA:HA	1:55:A:LYS:HG2	6	0.11
(1,125)	1:96:A:LEU:HG	1:95:A:VAL:HG13	20	0.11
(1,111)	1:147:A:SER:HA	1:24:A:GLU:HG2	6	0.11
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	1	0.11
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	3	0.11
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	15	0.11
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	16	0.11
(1,106)	1:10:A:GLY:HA3	1:11:A:ASN:HA	17	0.11
(1,95)	1:12:A:THR:HA	1:11:A:ASN:HA	4	0.11
(1,95)	1:12:A:THR:HA	1:11:A:ASN:HA	11	0.11
(1,95)	1:12:A:THR:HA	1:11:A:ASN:HA	15	0.11
(1,85)	1:70:A:MET:HE1	1:72:A:LEU:HD21	19	0.11
(1,82)	1:70:A:MET:HE3	1:89:A:GLN:HG3	19	0.11
(1,28)	1:147:A:SER:HB3	1:156:A:MET:HA	10	0.11
(1,24)	1:156:A:MET:HA	1:193:A:VAL:HG11	2	0.11
(2,966)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HG	19	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	1	0.1
(2,676)	1:15:A:TYR:H	1:3:A:ILE:HG13	7	0.1
(2,671)	1:185:A:GLN:HE22	1:165:A:VAL:HB	7	0.1
(2,645)	1:185:A:GLN:HE22	1:70:A:MET:HG3	20	0.1
(2,463)	1:185:A:GLN:HE22	1:184:A:LEU:HB2	5	0.1
(2,415)	1:149:A:GLY:HA2	1:154:A:ALA:HA	6	0.1
(2,377)	1:53:A:LEU:HB3	1:49:A:LEU:HB2	5	0.1
(2,377)	1:53:A:LEU:HB3	1:49:A:LEU:HB2	18	0.1
(2,375)	1:95:A:VAL:HB	1:199:A:VAL:HB	20	0.1
(2,259)	1:55:A:LYS:HE2	1:59:A:GLN:HG3	11	0.1
(2,128)	1:159:A:GLY:HA2	1:145:A:ILE:HA	18	0.1
(2,51)	1:3:A:ILE:HA	1:15:A:TYR:HB3	14	0.1
(1,3541)	1:23:A:ASN:H	1:22:A:GLU:HB2	4	0.1
(1,3496)	1:11:A:ASN:HD21	1:12:A:THR:HG23	11	0.1
(1,3468)	1:42:A:ASP:H	1:46:A:GLN:HG2	20	0.1
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	13	0.1
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	17	0.1
(1,3454)	1:83:A:THR:HB	1:87:A:SER:HB3	19	0.1
(1,3446)	1:31:A:ILE:HG13	1:1:A:MET:HB2	20	0.1
(1,3425)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD12	11	0.1
(1,3394)	1:55:A:LYS:HE3	1:47:A:LEU:HB2	20	0.1
(1,3349)	1:41:A:VAL:HA	1:51:A:LYS:HD3	7	0.1
(1,3283)	1:133:A:GLY:H	1:169:A:THR:HB	10	0.1
(1,3270)	1:106:A:ASN:HD22	1:103:A:TYR:HD2	2	0.1
(1,3251)	1:24:A:GLU:H	1:25:A:HIS:HB2	13	0.1
(1,3227)	1:97:A:GLY:H	1:98:A:ILE:H	1	0.1
(1,3223)	1:9:A:ASP:H	1:12:A:THR:HB	7	0.1
(1,3158)	1:166:A:THR:H	1:165:A:VAL:HB	19	0.1
(1,3155)	1:89:A:GLN:H	1:86:A:LEU:HA	8	0.1
(1,3136)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB2	14	0.1
(1,3135)	1:102:A:THR:H	1:99:A:SER:HB3	3	0.1
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB2	2	0.1
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB3	5	0.1
(1,3120)	1:59:A:GLN:HE21	1:58:A:ALA:HB1	13	0.1
(1,3043)	1:203:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HD22	12	0.1
(1,3019)	1:23:A:ASN:HD22	1:26:A:TYR:HD1	11	0.1
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD12	3	0.1
(1,2983)	1:3:A:ILE:H	1:13:A:LEU:HD12	6	0.1
(1,2968)	1:129:A:GLN:HE21	1:128:A:ALA:HB3	12	0.1
(1,2966)	1:129:A:GLN:HE22	1:136:A:VAL:HB	4	0.1
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	10	0.1
(1,2942)	1:106:A:ASN:H	1:107:A:ILE:HB	20	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2939)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ASP:HB3	16	0.1
(1,2898)	1:64:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG22	14	0.1
(1,2876)	1:75:A:SER:H	1:82:A:LEU:HG	8	0.1
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	2	0.1
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	9	0.1
(1,2868)	1:152:A:THR:H	1:151:A:GLU:HG2	13	0.1
(1,2763)	1:56:A:ALA:H	1:54:A:LYS:H	8	0.1
(1,2761)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG23	6	0.1
(1,2761)	1:46:A:GLN:H	1:41:A:VAL:HG23	10	0.1
(1,2741)	1:85:A:THR:H	1:87:A:SER:H	8	0.1
(1,2738)	1:195:A:GLY:H	1:152:A:THR:HG21	18	0.1
(1,2734)	1:169:A:THR:H	1:167:A:PRO:HA	2	0.1
(1,2734)	1:169:A:THR:H	1:167:A:PRO:HA	6	0.1
(1,2734)	1:169:A:THR:H	1:167:A:PRO:HA	16	0.1
(1,2645)	1:125:A:HIS:H	1:125:A:HIS:HD2	12	0.1
(1,2643)	1:26:A:TYR:H	1:24:A:GLU:HA	16	0.1
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	4	0.1
(1,2637)	1:23:A:ASN:HD21	1:26:A:TYR:H	14	0.1
(1,2630)	1:79:A:LEU:H	1:78:A:THR:HG22	15	0.1
(1,2618)	1:128:A:ALA:H	1:127:A:ASN:HB2	16	0.1
(1,2513)	1:149:A:GLY:H	1:153:A:GLY:HA2	4	0.1
(1,2491)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:H	11	0.1
(1,2491)	1:44:A:ASN:HD21	1:44:A:ASN:H	16	0.1
(1,2455)	1:16:A:GLN:H	1:13:A:LEU:HB2	19	0.1
(1,2424)	1:162:A:ILE:H	1:163:A:ILE:HG23	16	0.1
(1,2418)	1:90:A:LEU:H	1:92:A:ILE:HD12	4	0.1
(1,2356)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:ASP:H	7	0.1
(1,2226)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD13	13	0.1
(1,2226)	1:30:A:ALA:H	1:33:A:LEU:HD12	15	0.1
(1,2197)	1:63:A:ALA:H	1:65:A:ILE:HG12	8	0.1
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	10	0.1
(1,2191)	1:195:A:GLY:H	1:202:A:LEU:HB3	16	0.1
(1,2180)	1:82:A:LEU:H	1:85:A:THR:HG22	7	0.1
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	13	0.1
(1,2159)	1:9:A:ASP:H	1:9:A:ASP:HB2	15	0.1
(1,2112)	1:57:A:GLN:H	1:55:A:LYS:HZ2	13	0.1
(1,2105)	1:18:A:PHE:H	1:3:A:ILE:HD13	17	0.1
(1,2078)	1:149:A:GLY:H	1:201:A:PRO:HA	8	0.1
(1,2054)	1:44:A:ASN:HD21	1:46:A:GLN:HE22	2	0.1
(1,2054)	1:44:A:ASN:HD21	1:46:A:GLN:HE22	7	0.1
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	1	0.1
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	2	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	5	0.1
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	8	0.1
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	10	0.1
(1,2053)	1:55:A:LYS:H	1:53:A:LEU:HA	16	0.1
(1,2052)	1:65:A:ILE:H	1:191:A:ILE:HG13	17	0.1
(1,2037)	1:138:A:SER:HB2	1:164:A:THR:H	19	0.1
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	2	0.1
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	9	0.1
(1,2036)	1:166:A:THR:H	1:138:A:SER:HB2	20	0.1
(1,2031)	1:62:A:LEU:H	1:193:A:VAL:HB	1	0.1
(1,1974)	1:37:A:PHE:H	1:35:A:GLN:HE22	9	0.1
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD13	1:34:A:ALA:H	1	0.1
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD12	1:34:A:ALA:H	2	0.1
(1,1968)	1:36:A:LEU:HD13	1:34:A:ALA:H	7	0.1
(1,1888)	1:56:A:ALA:H	1:55:A:LYS:HE2	8	0.1
(1,1868)	1:78:A:THR:H	1:80:A:SER:HB2	14	0.1
(1,1807)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE3	13	0.1
(1,1806)	1:196:A:PHE:H	1:194:A:LYS:HE2	7	0.1
(1,1758)	1:145:A:ILE:H	1:159:A:GLY:H	11	0.1
(1,1740)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HB2	7	0.1
(1,1740)	1:162:A:ILE:H	1:142:A:SER:HB2	12	0.1
(1,1737)	1:134:A:HIS:H	1:131:A:ASP:HA	5	0.1
(1,1688)	1:11:A:ASN:H	1:8:A:ASP:HB2	11	0.1
(1,1652)	1:84:A:THR:HG22	1:85:A:THR:HA	20	0.1
(1,1646)	1:135:A:SER:HB2	1:128:A:ALA:HB1	18	0.1
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	1	0.1
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	7	0.1
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	8	0.1
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	10	0.1
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	12	0.1
(1,1640)	1:131:A:ASP:HB3	1:135:A:SER:HA	15	0.1
(1,1584)	1:73:A:LYS:HB3	1:71:A:THR:HB	9	0.1
(1,1582)	1:169:A:THR:HB	1:131:A:ASP:HB3	10	0.1
(1,1563)	1:96:A:LEU:HB2	1:190:A:THR:HG21	19	0.1
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG23	5	0.1
(1,1535)	1:62:A:LEU:HB2	1:191:A:ILE:HG22	17	0.1
(1,1528)	1:59:A:GLN:HB3	1:155:A:MET:HE3	19	0.1
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG23	2	0.1
(1,1523)	1:5:A:ILE:HG13	1:3:A:ILE:HG23	9	0.1
(1,1480)	1:4:A:GLU:HB3	1:4:A:GLU:HG2	19	0.1
(1,1413)	1:108:A:LEU:HA	1:105:A:GLN:H	7	0.1
(1,1413)	1:108:A:LEU:HA	1:105:A:GLN:H	9	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1395)	1:163:A:ILE:HG13	1:161:A:LEU:HD12	17	0.1
(1,1393)	1:163:A:ILE:HG12	1:161:A:LEU:HD13	3	0.1
(1,1336)	1:192:A:GLY:HA3	1:65:A:ILE:H	2	0.1
(1,1235)	1:33:A:LEU:HA	1:59:A:GLN:HE22	6	0.1
(1,1225)	1:137:A:THR:HG23	1:169:A:THR:HG23	13	0.1
(1,1219)	1:169:A:THR:HG23	1:180:A:TRP:H	8	0.1
(1,1207)	1:75:A:SER:HB3	1:181:A:ARG:HB3	5	0.1
(1,1189)	1:160:A:PRO:HG2	1:158:A:ALA:HB1	3	0.1
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	1	0.1
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	11	0.1
(1,1187)	1:160:A:PRO:HG2	1:144:A:PHE:HA	12	0.1
(1,1172)	1:17:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HD12	11	0.1
(1,1138)	1:73:A:LYS:HB3	1:183:A:THR:HB	16	0.1
(1,1107)	1:189:A:ILE:HB	1:47:A:LEU:HD11	12	0.1
(1,1076)	1:3:A:ILE:HG12	1:2:A:SER:HG	10	0.1
(1,1035)	1:149:A:GLY:HA3	1:203:A:GLY:H	20	0.1
(1,1034)	1:149:A:GLY:HA3	1:201:A:PRO:HB3	12	0.1
(1,1034)	1:149:A:GLY:HA3	1:201:A:PRO:HB3	16	0.1
(1,1034)	1:149:A:GLY:HA3	1:201:A:PRO:HB3	20	0.1
(1,982)	1:33:A:LEU:HD12	1:35:A:GLN:HE21	19	0.1
(1,981)	1:197:A:GLN:HA	1:197:A:GLN:HE21	3	0.1
(1,959)	1:64:A:ILE:HA	1:65:A:ILE:HG13	6	0.1
(1,910)	1:2:A:SER:HA	1:3:A:ILE:HD13	12	0.1
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	1	0.1
(1,907)	1:115:A:LEU:HA	1:110:A:HIS:HA	20	0.1
(1,906)	1:115:A:LEU:HA	1:111:A:ALA:H	4	0.1
(1,902)	1:8:A:ASP:HB3	1:9:A:ASP:H	7	0.1
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	9	0.1
(1,873)	1:48:A:ASP:HB2	1:40:A:GLU:HB3	12	0.1
(1,870)	1:48:A:ASP:HB2	1:49:A:LEU:H	11	0.1
(1,852)	1:21:A:LEU:HD13	1:30:A:ALA:HB3	18	0.1
(1,790)	1:7:A:PRO:HA	1:6:A:TYR:HE2	12	0.1
(1,777)	1:82:A:LEU:HA	1:73:A:LYS:H	15	0.1
(1,772)	1:102:A:THR:HA	1:106:A:ASN:HB3	20	0.1
(1,684)	1:181:A:ARG:HA	1:76:A:PHE:H	3	0.1
(1,661)	1:59:A:GLN:HB2	1:193:A:VAL:HB	16	0.1
(1,526)	1:123:A:TRP:HA	1:141:A:TYR:HD1	17	0.1
(1,521)	1:64:A:ILE:HG23	1:53:A:LEU:HG	18	0.1
(1,501)	1:192:A:GLY:HA3	1:190:A:THR:HG21	18	0.1
(1,483)	1:73:A:LYS:HD2	1:82:A:LEU:HG	10	0.1
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	1	0.1
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	2	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,480)	1:74:A:LYS:HA	1:73:A:LYS:HD2	19	0.1
(1,478)	1:33:A:LEU:HD11	1:146:A:VAL:HG11	9	0.1
(1,419)	1:63:A:ALA:HA	1:56:A:ALA:HA	10	0.1
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG21	11	0.1
(1,413)	1:46:A:GLN:HA	1:41:A:VAL:HG22	13	0.1
(1,401)	1:46:A:GLN:HA	1:144:A:PHE:HD2	15	0.1
(1,397)	1:82:A:LEU:HD22	1:73:A:LYS:HD3	2	0.1
(1,397)	1:82:A:LEU:HD23	1:73:A:LYS:HD3	4	0.1
(1,365)	1:36:A:LEU:HB3	1:33:A:LEU:HA	1	0.1
(1,361)	1:36:A:LEU:HB3	1:58:A:ALA:HB3	11	0.1
(1,336)	1:2:A:SER:HB3	1:17:A:VAL:HG23	3	0.1
(1,295)	1:33:A:LEU:HB3	1:146:A:VAL:HG23	17	0.1
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	14	0.1
(1,171)	1:149:A:GLY:HA2	1:201:A:PRO:HG2	17	0.1
(1,111)	1:147:A:SER:HA	1:24:A:GLU:HG2	3	0.1
(1,95)	1:12:A:THR:HA	1:11:A:ASN:HA	8	0.1
(1,84)	1:70:A:MET:HE3	1:92:A:ILE:HB	2	0.1
(1,80)	1:70:A:MET:HE2	1:186:A:LYS:HG2	2	0.1
(1,36)	1:115:A:LEU:HA	1:115:A:LEU:HD23	4	0.1
(1,11)	1:67:A:THR:HA	1:49:A:LEU:HD23	20	0.1

10 Dihedral-angle violation analysis

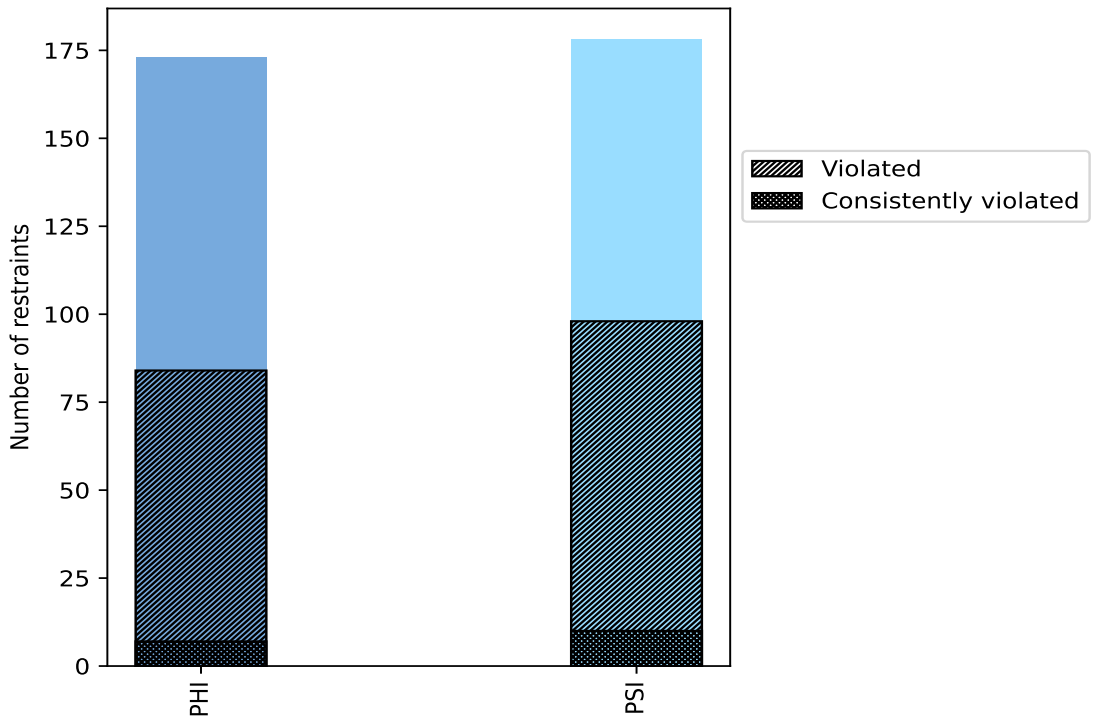
10.1 Summary of dihedral-angle violations

The following table provides the summary of dihedral-angle violations in different dihedral-angle types. Violations less than 1° are not included in the calculation.

Angle type	Count	%[1]	Violated[3]			Consistently Violated[4]		
			Count	%[2]	%[1]	Count	%[2]	%[1]
PHI	173	49.3	84	48.6	23.9	7	4.0	2.0
PSI	178	50.7	98	55.1	27.9	10	5.6	2.8
Total	351	100.0	182	51.9	51.9	17	4.8	4.8

[1] percentage calculated with respect to total number of dihedral-angle restraints, [2] percentage calculated with respect to number of restraints in a particular dihedral-angle type, [3] violated in at least one model, [4] violated in all the models

10.1.1 Bar chart : Distribution of dihedral-angles and violations



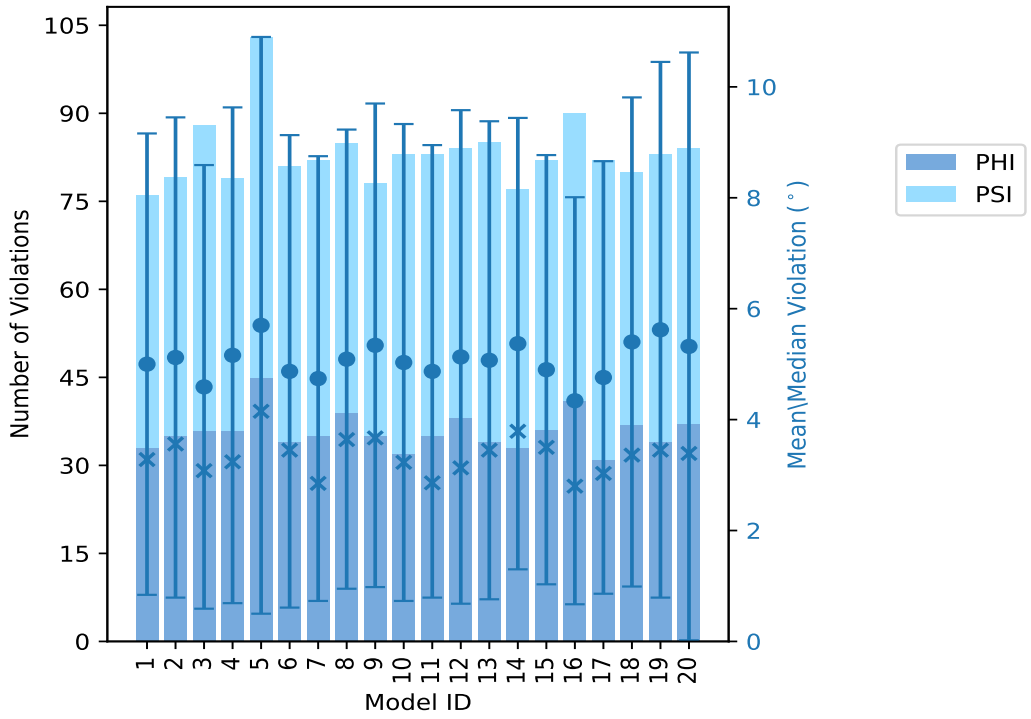
Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories

10.2 Dihedral-angle violation statistics for each model (i)

The following table provides the dihedral-angle violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 1° are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations			Mean (°)	Max (°)	SD (°)	Median (°)
	PHI	PSI	Total				
1	33	43	76	5.0	22.66	4.16	3.28
2	35	44	79	5.12	19.79	4.33	3.56
3	36	52	88	4.59	18.83	4.0	3.08
4	36	43	79	5.16	19.16	4.47	3.24
5	45	58	103	5.7	28.44	5.2	4.15
6	34	47	81	4.87	20.26	4.26	3.45
7	35	47	82	4.74	19.36	4.01	2.85
8	39	46	85	5.09	18.93	4.14	3.64
9	35	43	78	5.34	20.33	4.36	3.67
10	32	51	83	5.03	18.55	4.3	3.23
11	35	48	83	4.87	20.06	4.08	2.86
12	38	46	84	5.13	17.64	4.45	3.13
13	34	51	85	5.07	17.23	4.31	3.45
14	33	44	77	5.37	18.51	4.07	3.79
15	36	46	82	4.9	19.42	3.87	3.5
16	41	49	90	4.34	19.57	3.67	2.8
17	31	51	82	4.76	15.88	3.9	3.03
18	37	43	80	5.4	21.47	4.41	3.36
19	34	49	83	5.62	24.0	4.83	3.45
20	37	47	84	5.32	33.58	5.3	3.39

10.2.1 Bar graph : Dihedral violation statistics for each model



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

10.3 Dihedral-angle violation statistics for the ensemble

Violation analysis may find that some restraints are violated in very few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of ensemble.

Number of violated restraints			Fraction of the ensemble	
PHI	PSI	Total	Count[1]	%
14	13	27	1	5.0
10	8	18	2	10.0
5	6	11	3	15.0
4	3	7	4	20.0
8	8	16	5	25.0
4	5	9	6	30.0
2	3	5	7	35.0
0	0	0	8	40.0
4	2	6	9	45.0
2	3	5	10	50.0
4	9	13	11	55.0

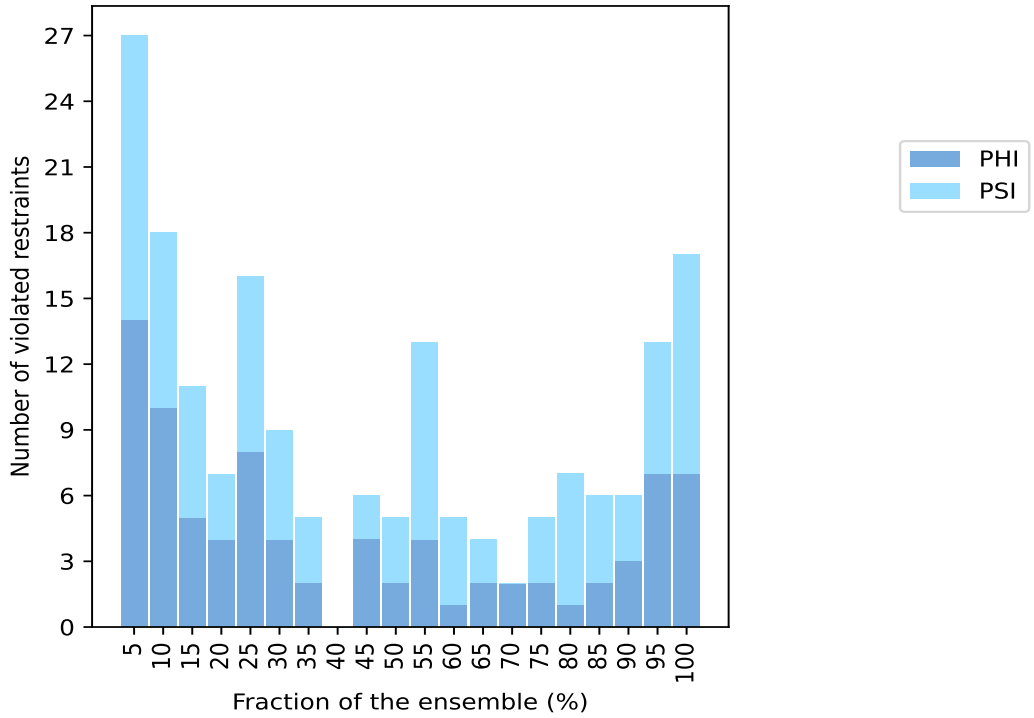
Continued on next page...

Continued from previous page...

Number of violated restraints			Fraction of the ensemble	
PHI	PSI	Total	Count[1]	%
1	4	5	12	60.0
2	2	4	13	65.0
2	0	2	14	70.0
2	3	5	15	75.0
1	6	7	16	80.0
2	4	6	17	85.0
3	3	6	18	90.0
7	6	13	19	95.0
7	10	17	20	100.0

[1] Number of models with violations

10.3.1 Bar graph : Dihedral-angle Violation statistics for the ensemble

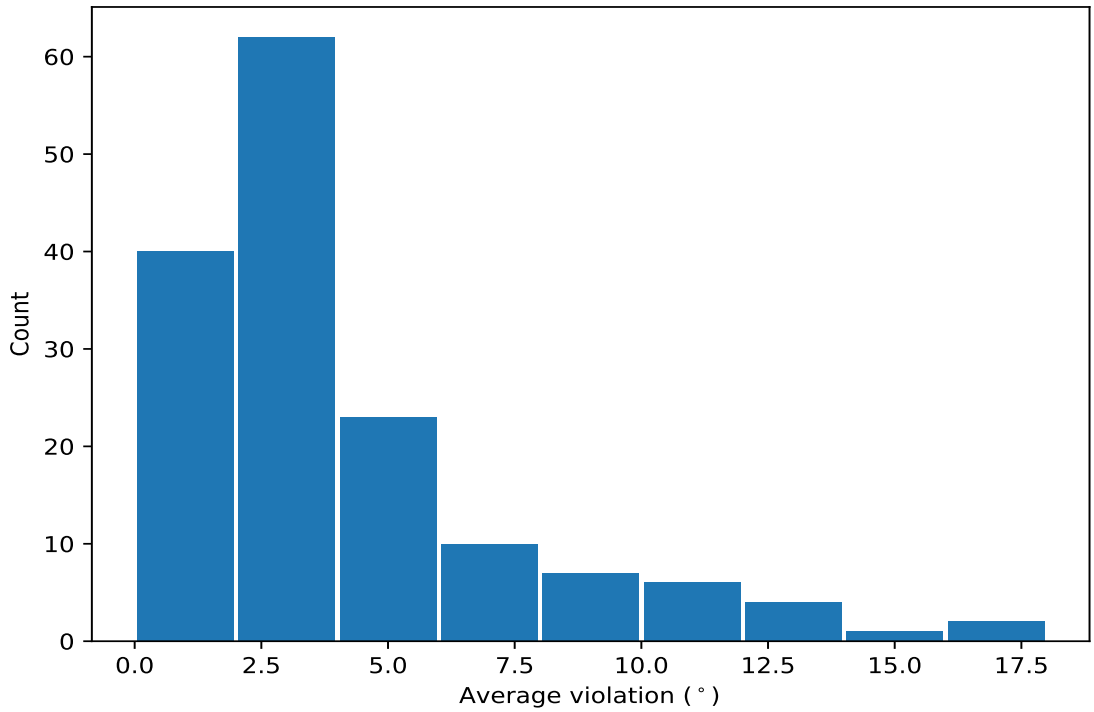


10.4 Most violated dihedral-angle restraints in the ensemble

10.4.1 Histogram : Distribution of mean dihedral-angle violations

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models

in the ensemble



10.4.2 Table: Most violated dihedral-angle restraints

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	20	17.9	2.21	18.22
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	20	13.38	3.82	13.76
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	20	12.27	3.45	11.0
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	20	10.82	0.76	10.84
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	20	10.51	1.68	10.18
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	20	8.14	3.04	7.64
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	20	8.11	1.08	7.92
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	20	7.71	3.84	6.91
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	20	7.29	1.37	6.88
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	20	6.93	0.7	6.83
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	20	6.04	0.66	5.94
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	20	4.81	1.58	4.72
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	20	4.65	1.25	4.46
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	20	4.2	0.68	4.38
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	20	3.13	0.86	3.28
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	20	2.52	0.7	2.37
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	20	2.44	0.49	2.43
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	19	17.08	4.17	18.26
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	19	11.16	3.13	11.12
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	19	10.08	2.89	9.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	19	9.33	2.86	9.28
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	19	9.32	3.77	9.95
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	19	8.27	3.27	7.24
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	19	4.48	2.07	4.02
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	19	4.45	2.31	3.61
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	19	3.95	2.06	3.48
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	19	3.55	1.06	3.41
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	19	3.53	1.73	2.94
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	19	3.31	1.14	3.48
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	19	3.0	0.73	2.81
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	18	13.14	2.81	13.84
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	18	8.37	2.56	8.2
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	18	4.94	1.44	4.81
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	18	3.98	1.63	3.87
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	18	2.37	0.46	2.26
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	18	1.92	0.66	1.78
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	17	10.84	3.33	11.01
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	17	6.99	2.2	6.93
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	17	3.1	1.15	2.63
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	17	2.34	0.45	2.22
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	17	2.22	0.97	1.87
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	17	1.77	0.56	1.51
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	16	8.86	1.7	9.12
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	16	5.09	5.03	2.74
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	16	4.08	1.16	4.39
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	16	3.16	1.14	3.24
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	16	2.4	0.75	2.32
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	16	2.22	0.76	2.12
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	16	1.57	0.34	1.55
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	15	6.09	4.24	4.85
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	15	5.24	2.47	4.51
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	15	5.23	2.79	4.66
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	15	3.81	2.38	3.02
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	15	2.96	0.97	2.77
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	14	5.09	8.02	2.5
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	14	2.96	1.33	2.86
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	13	2.89	1.24	2.39
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	13	2.89	0.97	2.86
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	13	2.51	1.1	2.21
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	13	2.0	1.07	1.44
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	12	4.56	3.1	3.16
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	12	4.11	2.33	4.07
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	12	2.32	0.84	2.13
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	12	1.96	0.6	1.79
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	12	1.64	0.6	1.41
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	11	6.67	4.38	5.21
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	11	5.47	4.1	3.9
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	11	4.42	4.29	1.78
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	11	3.71	1.5	2.83
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	11	3.71	6.44	1.69
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	11	3.33	1.49	2.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	11	3.09	1.6	2.6
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	11	2.5	1.26	2.03
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	11	2.2	0.78	2.14
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	11	2.18	1.03	1.86
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	11	2.05	0.74	1.98
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	11	1.76	0.49	1.65
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	11	1.71	0.53	1.53
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	10	10.33	2.61	9.46
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	10	5.42	1.11	5.39
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	10	3.86	0.97	3.66
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	10	3.43	1.39	3.58
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	10	1.5	0.57	1.2
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	9	12.84	1.18	12.57
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	9	7.86	0.65	8.03
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	9	2.68	0.8	2.77
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	9	2.07	0.62	2.18
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	9	1.74	0.83	1.51
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	9	1.61	0.35	1.49
(1,205)	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	7	3.01	2.1	2.09
(1,203)	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	1:122:A:PRO:N	7	2.88	1.5	2.38
(1,302)	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	7	2.85	0.81	2.95
(1,247)	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	1:145:A:ILE:N	7	2.47	1.02	2.07
(1,221)	1:131:A:ASP:N	1:131:A:ASP:CA	1:131:A:ASP:C	1:132:A:ALA:N	7	2.04	1.04	1.71
(1,206)	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	6	5.26	3.31	4.15
(1,207)	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	6	4.62	5.28	2.38
(1,187)	1:113:A:CYS:N	1:113:A:CYS:CA	1:113:A:CYS:C	1:114:A:ASP:N	6	3.11	1.5	3.1
(1,197)	1:118:A:GLN:N	1:118:A:GLN:CA	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	6	2.75	1.87	1.71
(1,155)	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	6	2.04	0.63	1.81
(1,350)	1:196:A:PHE:C	1:197:A:GLN:N	1:197:A:GLN:CA	1:197:A:GLN:C	6	2.0	0.81	1.66
(1,262)	1:151:A:GLU:C	1:152:A:THR:N	1:152:A:THR:CA	1:152:A:THR:C	6	1.61	0.53	1.41
(1,167)	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	1:104:A:ILE:N	6	1.61	0.59	1.36
(1,140)	1:89:A:GLN:C	1:90:A:LEU:N	1:90:A:LEU:CA	1:90:A:LEU:C	6	1.45	0.52	1.16
(1,241)	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	5	6.9	6.64	5.41
(1,198)	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	1:119:A:LYS:CA	1:119:A:LYS:C	5	4.57	2.62	4.83
(1,157)	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	5	4.13	0.75	4.33
(1,277)	1:159:A:GLY:N	1:159:A:GLY:CA	1:159:A:GLY:C	1:160:A:PRO:N	5	2.98	0.28	2.91
(1,306)	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	5	2.7	0.95	2.75
(1,217)	1:128:A:ALA:C	1:129:A:GLN:N	1:129:A:GLN:CA	1:129:A:GLN:C	5	2.63	1.05	2.73
(1,264)	1:152:A:THR:C	1:153:A:GLY:N	1:153:A:GLY:CA	1:153:A:GLY:C	5	2.46	1.61	1.43
(1,331)	1:187:A:GLU:N	1:187:A:GLU:CA	1:187:A:GLU:C	1:188:A:GLU:N	5	2.43	1.83	1.74
(1,227)	1:134:A:HIS:N	1:134:A:HIS:CA	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	5	2.2	1.35	1.8
(1,190)	1:114:A:ASP:C	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	5	2.15	0.45	2.33
(1,258)	1:149:A:GLY:C	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	5	1.78	0.41	1.95
(1,99)	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	5	1.68	0.48	1.48
(1,40)	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	1:40:A:GLU:N	5	1.59	0.18	1.53
(1,272)	1:156:A:MET:C	1:157:A:ALA:N	1:157:A:ALA:CA	1:157:A:ALA:C	5	1.47	0.15	1.54
(1,102)	1:70:A:MET:C	1:71:A:THR:N	1:71:A:THR:CA	1:71:A:THR:C	5	1.4	0.27	1.49
(1,179)	1:109:A:SER:N	1:109:A:SER:CA	1:109:A:SER:C	1:110:A:HIS:N	5	1.32	0.4	1.04
(1,202)	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	4	5.38	2.57	6.32
(1,244)	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	4	2.58	1.67	1.81
(1,181)	1:110:A:HIS:N	1:110:A:HIS:CA	1:110:A:HIS:C	1:111:A:ALA:N	4	2.11	0.65	1.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

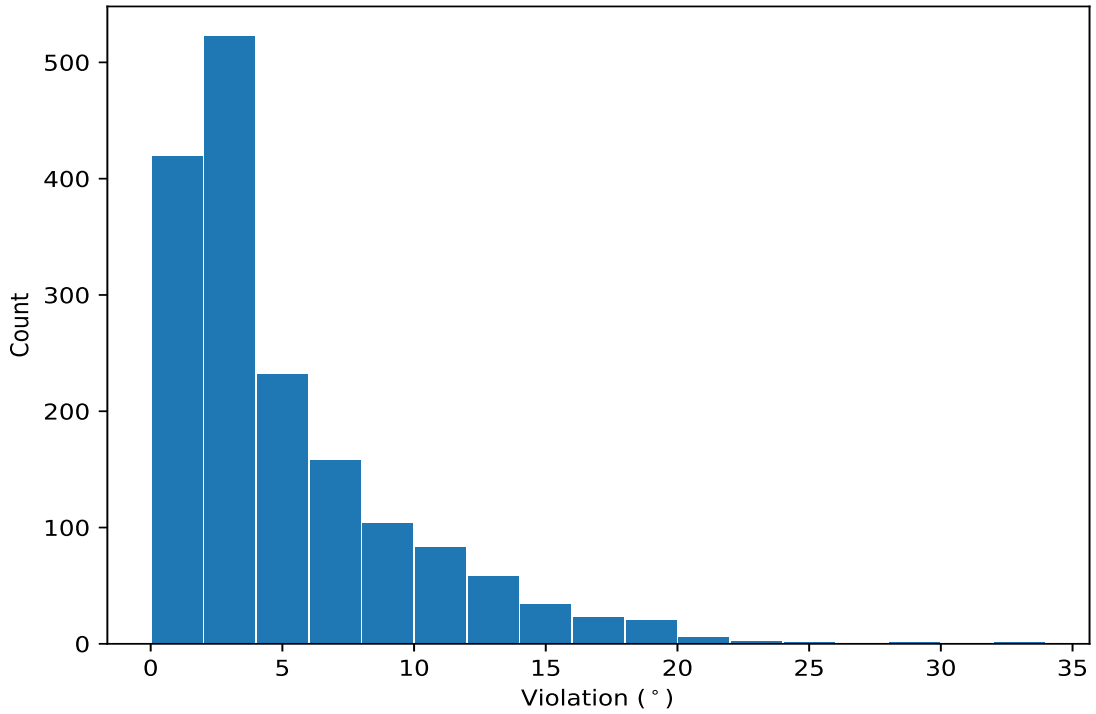
Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,231)	1:136:A:VAL:N	1:136:A:VAL:CA	1:136:A:VAL:C	1:137:A:THR:N	4	2.08	0.31	2.09
(1,347)	1:195:A:GLY:N	1:195:A:GLY:CA	1:195:A:GLY:C	1:196:A:PHE:N	4	1.9	0.56	1.74
(1,77)	1:57:A:GLN:C	1:58:A:ALA:N	1:58:A:ALA:CA	1:58:A:ALA:C	4	1.54	0.3	1.4
(1,162)	1:100:A:GLN:C	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	4	1.29	0.22	1.23
(1,192)	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	1:116:A:GLU:CA	1:116:A:GLU:C	3	7.02	1.43	6.17
(1,195)	1:117:A:THR:N	1:117:A:THR:CA	1:117:A:THR:C	1:118:A:GLN:N	3	5.1	4.12	2.63
(1,8)	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	1:24:A:GLU:N	3	2.57	0.36	2.61
(1,135)	1:87:A:SER:N	1:87:A:SER:CA	1:87:A:SER:C	1:88:A:GLU:N	3	1.75	0.43	2.0
(1,36)	1:37:A:PHE:N	1:37:A:PHE:CA	1:37:A:PHE:C	1:38:A:ALA:N	3	1.65	0.65	1.38
(1,266)	1:153:A:GLY:C	1:154:A:ALA:N	1:154:A:ALA:CA	1:154:A:ALA:C	3	1.62	0.41	1.39
(1,317)	1:180:A:TRP:N	1:180:A:TRP:CA	1:180:A:TRP:C	1:181:A:ARG:N	3	1.53	0.55	1.17
(1,23)	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	1:31:A:ILE:CA	1:31:A:ILE:C	3	1.47	0.4	1.33
(1,43)	1:40:A:GLU:C	1:41:A:VAL:N	1:41:A:VAL:CA	1:41:A:VAL:C	3	1.28	0.26	1.14
(1,98)	1:68:A:ASN:C	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	3	1.2	0.1	1.2
(1,38)	1:38:A:ALA:N	1:38:A:ALA:CA	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	3	1.1	0.08	1.07
(1,200)	1:119:A:LYS:C	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	2	14.74	13.7	14.74
(1,193)	1:116:A:GLU:N	1:116:A:GLU:CA	1:116:A:GLU:C	1:117:A:THR:N	2	4.1	2.54	4.1
(1,279)	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	1:161:A:LEU:CA	1:161:A:LEU:C	2	3.66	1.67	3.66
(1,316)	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	1:180:A:TRP:CA	1:180:A:TRP:C	2	3.62	1.78	3.62
(1,237)	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	2	2.82	1.59	2.82
(1,13)	1:25:A:HIS:C	1:26:A:TYR:N	1:26:A:TYR:CA	1:26:A:TYR:C	2	2.71	1.45	2.71
(1,50)	1:44:A:ASN:N	1:44:A:ASN:CA	1:44:A:ASN:C	1:45:A:GLY:N	2	2.36	0.94	2.36
(1,230)	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	1:136:A:VAL:CA	1:136:A:VAL:C	2	2.32	0.64	2.32
(1,147)	1:93:A:GLU:N	1:93:A:GLU:CA	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	2	1.95	0.68	1.95
(1,125)	1:82:A:LEU:N	1:82:A:LEU:CA	1:82:A:LEU:C	1:83:A:THR:N	2	1.74	0.03	1.74
(1,174)	1:106:A:ASN:C	1:107:A:ILE:N	1:107:A:ILE:CA	1:107:A:ILE:C	2	1.74	0.05	1.74
(1,58)	1:48:A:ASP:N	1:48:A:ASP:CA	1:48:A:ASP:C	1:49:A:LEU:N	2	1.72	0.44	1.72
(1,126)	1:82:A:LEU:C	1:83:A:THR:N	1:83:A:THR:CA	1:83:A:THR:C	2	1.61	0.08	1.61
(1,338)	1:190:A:THR:C	1:191:A:ILE:N	1:191:A:ILE:CA	1:191:A:ILE:C	2	1.55	0.02	1.55
(1,153)	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	2	1.3	0.07	1.3
(1,325)	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	1:185:A:GLN:N	2	1.18	0.08	1.18
(1,114)	1:76:A:PHE:C	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	2	1.18	0.17	1.18
(1,336)	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	1:190:A:THR:CA	1:190:A:THR:C	2	1.14	0.1	1.14

[1] Number of violated models, [2]Standard deviation, All angle values are in degree (°)

10.5 All violated dihedral-angle restraints (i)

10.5.1 Histogram : Distribution of violations (i)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



10.5.2 Table: All violated dihedral-angle restraints

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	20	33.58
(1,200)	1:119:A:LYS:C	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	5	28.44
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	19	24.0
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1	22.66
(1,199)	1:119:A:LYS:N	1:119:A:LYS:CA	1:119:A:LYS:C	1:120:A:ASP:N	5	22.43
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	20	21.88
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	5	21.76
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	18	21.47
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	9	20.33
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	6	20.26
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	11	20.06
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	2	19.79
(1,241)	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	2	19.72
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	11	19.57
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	16	19.57
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	15	19.42
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	7	19.36
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	4	19.16
(1,248)	1:144:A:PHE:C	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	19	19.1
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	4	18.94
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	8	18.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	3	18.83
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	8	18.83
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	5	18.68
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	3	18.57
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	10	18.55
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	14	18.51
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	20	18.39
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	8	18.3
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	9	18.26
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	10	18.01
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	2	17.99
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	14	17.89
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	18	17.87
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	19	17.76
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	6	17.68
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	12	17.64
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1	17.52
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	15	17.42
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	7	17.26
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	13	17.23
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	2	17.14
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	13	17.11
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	13	17.05
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	12	17.04
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	12	16.97
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	18	16.73
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	12	16.59
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	19	16.59
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	10	16.58
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	20	16.38
(1,207)	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	5	16.27
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	4	16.12
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	5	16.11
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	18	15.96
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	4	15.91
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	17	15.88
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	6	15.83
(1,250)	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	1:146:A:VAL:CA	1:146:A:VAL:C	19	15.78
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	4	15.7
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	9	15.41
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	8	15.4
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	19	15.39
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	9	15.38
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	13	15.38
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	17	15.26
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	16	15.14
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	12	15.09
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	14	14.97
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	13	14.94
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	15	14.8
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	17	14.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	4	14.76
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	18	14.73
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	12	14.65
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	6	14.63
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	3	14.61
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	15	14.46
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	13	14.43
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	10	14.38
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	20	14.35
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	9	14.22
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	17	14.2
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	9	14.17
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	5	14.14
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	3	14.1
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	7	14.1
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	17	14.01
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	9	13.97
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	3	13.94
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	20	13.92
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	19	13.76
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	15	13.76
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	16	13.75
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	5	13.72
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	8	13.7
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	17	13.62
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	14	13.59
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	19	13.58
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	12	13.57
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	11	13.54
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	7	13.52
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	19	13.51
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	19	13.5
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	6	13.46
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	10	13.4
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	6	13.35
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	16	13.34
(1,297)	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	20	13.19
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	12	13.19
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	18	13.14
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1	13.12
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	12	13.08
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	9	13.06
(1,214)	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1	12.98
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	13	12.94
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	5	12.91
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	9	12.9
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	13	12.83
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	19	12.82
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	2	12.79
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	6	12.7
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	5	12.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	4	12.57
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	10	12.57
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	3	12.56
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	7	12.52
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	18	12.46
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	10	12.45
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	6	12.44
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1	12.4
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	12	12.36
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	11	12.3
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	14	12.29
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	11	12.27
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	17	12.25
(1,206)	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	5	12.23
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	20	12.22
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	16	12.19
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	10	12.19
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1	12.14
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	17	12.06
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	19	12.06
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	13	12.06
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	10	12.04
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	11	12.02
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	8	11.96
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	11	11.94
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	8	11.94
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	8	11.92
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1	11.84
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	18	11.84
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	7	11.83
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	12	11.78
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	9	11.77
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	13	11.74
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	2	11.73
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	16	11.68
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	3	11.67
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	12	11.65
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	11	11.64
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	5	11.63
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	10	11.56
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	7	11.55
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	14	11.51
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	18	11.5
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	2	11.38
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1	11.28
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	14	11.27
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	13	11.26
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	17	11.24
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	11	11.23
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	14	11.21
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	7	11.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	8	11.12
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	20	11.11
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	3	11.1
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	17	11.07
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	10	11.07
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	5	11.06
(1,309)	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	8	11.04
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	9	11.04
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	13	11.03
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	4	11.01
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	18	10.96
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1	10.94
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	6	10.91
(1,195)	1:117:A:THR:N	1:117:A:THR:CA	1:117:A:THR:C	1:118:A:GLN:N	5	10.91
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	3	10.87
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	19	10.86
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	16	10.85
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	9	10.83
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	8	10.83
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	4	10.79
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	20	10.77
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	1	10.76
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	14	10.71
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	20	10.71
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	2	10.68
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	6	10.67
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	4	10.66
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	7	10.66
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	5	10.64
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	4	10.62
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	14	10.61
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	15	10.6
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	19	10.59
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	12	10.58
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	17	10.57
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	18	10.55
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1	10.53
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	5	10.49
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	2	10.49
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	7	10.46
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	3	10.42
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	13	10.42
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	20	10.4
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	4	10.39
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	20	10.32
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	11	10.26
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	16	10.24
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	4	10.21
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	2	10.2
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	7	10.14
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	5	10.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	11	10.1
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	13	10.1
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	14	10.09
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	18	10.06
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	18	9.96
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	8	9.96
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	5	9.95
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	10	9.94
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	5	9.94
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	3	9.93
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	10	9.93
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	4	9.92
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	15	9.92
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	20	9.91
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	8	9.86
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	18	9.85
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	6	9.81
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	16	9.81
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	13	9.77
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	8	9.72
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	4	9.69
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	19	9.67
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	15	9.65
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	14	9.64
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	20	9.64
(1,308)	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	1:176:A:ASN:CA	1:176:A:ASN:C	19	9.6
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	12	9.58
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	15	9.57
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	16	9.54
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	3	9.47
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	11	9.34
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	2	9.33
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	17	9.33
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	5	9.29
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	10	9.28
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	3	9.28
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	14	9.27
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	6	9.26
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	10	9.26
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	7	9.24
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	5	9.23
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	14	9.21
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	14	9.2
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	16	9.19
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	11	9.11
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	11	9.07
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	10	9.06
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	17	9.05
(1,192)	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	1:116:A:GLU:CA	1:116:A:GLU:C	5	9.04
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	2	9.01
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	7	8.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	2	8.96
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	15	8.95
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1	8.94
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	20	8.93
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	14	8.92
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	7	8.91
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	5	8.91
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	16	8.89
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	10	8.88
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	15	8.83
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	14	8.83
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	4	8.82
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	15	8.81
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	2	8.81
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	5	8.8
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	2	8.79
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	14	8.77
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	6	8.77
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	6	8.71
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	10	8.69
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	2	8.67
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	18	8.64
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	5	8.62
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	2	8.61
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	6	8.6
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	1	8.59
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	1	8.56
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	15	8.55
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	1	8.53
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	14	8.51
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	20	8.51
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	3	8.5
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	18	8.5
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	13	8.46
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	15	8.41
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	8	8.4
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	15	8.4
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	11	8.39
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	18	8.38
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	19	8.35
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	17	8.33
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	12	8.32
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	11	8.3
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	13	8.26
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	18	8.26
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	12	8.25
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	6	8.16
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	12	8.15
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	9	8.14
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	12	8.13
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	12	8.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	18	8.04
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	7	8.04
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	16	8.03
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	8	8.0
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	17	8.0
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	9	8.0
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	16	7.99
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	9	7.99
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	6	7.98
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	15	7.98
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	13	7.97
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	4	7.97
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	16	7.94
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	7	7.93
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	12	7.92
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	18	7.92
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	19	7.92
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	5	7.88
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	20	7.87
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	4	7.87
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	7	7.86
(1,198)	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	1:119:A:LYS:CA	1:119:A:LYS:C	17	7.85
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	6	7.81
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1	7.81
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	8	7.8
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	11	7.8
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	15	7.79
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	15	7.78
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	14	7.77
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	3	7.73
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	15	7.71
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	9	7.69
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	1	7.68
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	14	7.66
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	16	7.64
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	10	7.63
(1,202)	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	13	7.6
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	4	7.57
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	11	7.55
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	18	7.54
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	15	7.53
(1,202)	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	5	7.53
(1,205)	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	5	7.51
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	3	7.5
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	6	7.48
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	9	7.45
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	12	7.44
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	17	7.42
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	10	7.4
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	5	7.37
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	20	7.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	4	7.36
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	14	7.36
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	2	7.34
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	14	7.29
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	2	7.29
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	12	7.24
(1,313)	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1:179:A:ASP:N	2	7.21
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	5	7.21
(1,111)	1:75:A:SER:N	1:75:A:SER:CA	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	9	7.2
(1,213)	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	1:127:A:ASN:CA	1:127:A:ASN:C	16	7.19
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	7	7.18
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	11	7.14
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	5	7.13
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	19	7.1
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	18	7.1
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	5	7.06
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	18	7.06
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	19	7.05
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	18	7.05
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	11	7.05
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	16	7.04
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	20	7.04
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	19	7.02
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	3	7.0
(1,307)	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	1:176:A:ASN:N	20	6.99
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	5	6.97
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	12	6.96
(1,198)	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	1:119:A:LYS:CA	1:119:A:LYS:C	5	6.96
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	2	6.93
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	1	6.93
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	14	6.93
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	9	6.93
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	15	6.92
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	5	6.92
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	20	6.89
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	14	6.88
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	12	6.87
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	10	6.87
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	7	6.86
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	7	6.85
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	3	6.83
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	4	6.83
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	13	6.81
(1,310)	1:176:A:ASN:C	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	6	6.8
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	9	6.79
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	18	6.76
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	17	6.76
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	5	6.71
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	16	6.69
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	7	6.69
(1,193)	1:116:A:GLU:N	1:116:A:GLU:CA	1:116:A:GLU:C	1:117:A:THR:N	5	6.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	9	6.63
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	15	6.63
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	11	6.62
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	3	6.62
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	19	6.61
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	16	6.59
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	15	6.58
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	11	6.58
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	8	6.58
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	20	6.54
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	11	6.48
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	5	6.48
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	13	6.47
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	15	6.47
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	13	6.47
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	7	6.46
(1,197)	1:118:A:GLN:N	1:118:A:GLN:CA	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	17	6.46
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	11	6.45
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	10	6.45
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	17	6.44
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	4	6.43
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	3	6.42
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1	6.41
(1,203)	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	1:122:A:PRO:N	5	6.41
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	8	6.4
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	12	6.39
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	3	6.37
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	8	6.36
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	6	6.35
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	10	6.35
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	1	6.34
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	10	6.34
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	2	6.34
(1,5)	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	14	6.29
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	7	6.26
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	11	6.25
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	14	6.25
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	4	6.22
(1,105)	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	7	6.22
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	6	6.2
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	4	6.2
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	2	6.18
(1,192)	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	1:116:A:GLU:CA	1:116:A:GLU:C	15	6.17
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	5	6.17
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	13	6.13
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	16	6.13
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	19	6.12
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	9	6.11
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	9	6.09
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	13	6.09
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	9	6.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	19	6.09
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	7	6.08
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	20	6.06
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	10	6.06
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	18	6.05
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	1	6.05
(1,331)	1:187:A:GLU:N	1:187:A:GLU:CA	1:187:A:GLU:C	1:188:A:GLU:N	1	6.04
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	13	6.03
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	7	6.03
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	19	6.01
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	16	6.0
(1,187)	1:113:A:CYS:N	1:113:A:CYS:CA	1:113:A:CYS:C	1:114:A:ASP:N	5	5.99
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	2	5.97
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	15	5.97
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	2	5.97
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	16	5.95
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	20	5.94
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	4	5.93
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	13	5.93
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	19	5.93
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	10	5.91
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	19	5.9
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	8	5.89
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	14	5.89
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	5	5.88
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	3	5.85
(1,192)	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	1:116:A:GLU:CA	1:116:A:GLU:C	17	5.85
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	7	5.85
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	11	5.85
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	2	5.84
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	1	5.84
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	13	5.83
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	6	5.79
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	14	5.77
(1,241)	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	18	5.77
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	4	5.77
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	8	5.77
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	14	5.77
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	14	5.76
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	17	5.74
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	17	5.73
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	7	5.73
(1,106)	1:72:A:LEU:C	1:73:A:LYS:N	1:73:A:LYS:CA	1:73:A:LYS:C	3	5.72
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	8	5.7
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	9	5.7
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	8	5.7
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	9	5.69
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	11	5.69
(1,212)	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1:127:A:ASN:N	15	5.68
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	11	5.66
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	10	5.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,112)	1:75:A:SER:C	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	19	5.65
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	9	5.64
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	18	5.63
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	10	5.62
(1,206)	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	10	5.62
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	18	5.58
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	2	5.58
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	14	5.58
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	3	5.58
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	17	5.56
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	11	5.49
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	19	5.49
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	18	5.47
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	4	5.47
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	3	5.46
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	17	5.46
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	17	5.46
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	16	5.45
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	3	5.44
(1,241)	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1	5.41
(1,316)	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	1:180:A:TRP:CA	1:180:A:TRP:C	1	5.4
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	3	5.4
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	8	5.39
(1,244)	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	18	5.39
(1,279)	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	1:161:A:LEU:CA	1:161:A:LEU:C	18	5.32
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	2	5.31
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	6	5.31
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	15	5.3
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	6	5.3
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	13	5.29
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	10	5.28
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	3	5.28
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	16	5.27
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	19	5.27
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	19	5.26
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	13	5.26
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	16	5.25
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	1	5.21
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	12	5.21
(1,28)	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	1:34:A:ALA:N	9	5.17
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	19	5.17
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	10	5.16
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	8	5.15
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	20	5.14
(1,264)	1:152:A:THR:C	1:153:A:GLY:N	1:153:A:GLY:CA	1:153:A:GLY:C	8	5.12
(1,202)	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	18	5.1
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	13	5.08
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	8	5.07
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	16	5.07
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	2	5.07
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	12	5.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	4	5.06
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	10	5.03
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	1	5.03
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	6	5.02
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	19	5.02
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	8	5.02
(1,206)	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	20	5.01
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	15	5.01
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	8	5.0
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	5	5.0
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	8	4.99
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	20	4.98
(1,157)	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	10	4.98
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	8	4.96
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	1	4.96
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	8	4.91
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	17	4.91
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	20	4.9
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	14	4.9
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	9	4.89
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	3	4.85
(1,227)	1:134:A:HIS:N	1:134:A:HIS:CA	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	9	4.83
(1,198)	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	1:119:A:LYS:CA	1:119:A:LYS:C	8	4.83
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	9	4.82
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	16	4.82
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	15	4.82
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	12	4.82
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	3	4.81
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	10	4.81
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	1	4.81
(1,243)	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	17	4.79
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	17	4.77
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	20	4.76
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	5	4.75
(1,157)	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	7	4.74
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	19	4.73
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	16	4.73
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	4	4.72
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	8	4.72
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1	4.72
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	6	4.72
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	13	4.71
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	15	4.71
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	13	4.7
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	5	4.69
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	14	4.68
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	8	4.67
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	6	4.66
(1,247)	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	1:145:A:ILE:N	19	4.65
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	4	4.65
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	12	4.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	2	4.64
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	8	4.64
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	7	4.63
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	14	4.63
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	11	4.61
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	3	4.6
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	15	4.58
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	17	4.58
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	5	4.57
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	8	4.57
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	9	4.56
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	12	4.56
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	16	4.54
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	16	4.53
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	5	4.52
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	13	4.51
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	11	4.51
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	6	4.51
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	5	4.51
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	20	4.5
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	9	4.49
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	19	4.48
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	20	4.47
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	5	4.46
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	9	4.46
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	5	4.45
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	20	4.45
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	3	4.44
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	17	4.43
(1,237)	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1	4.42
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	15	4.42
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	18	4.41
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	6	4.41
(1,246)	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	1	4.41
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	2	4.39
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	3	4.38
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	19	4.37
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	11	4.37
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	10	4.35
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	3	4.34
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	6	4.34
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	13	4.34
(1,157)	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	3	4.33
(1,306)	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	8	4.32
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	2	4.32
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	15	4.31
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	11	4.31
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	15	4.31
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	11	4.3
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	14	4.29
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	13	4.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	4	4.28
(1,302)	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	14	4.27
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	5	4.26
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	1	4.23
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	6	4.23
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	2	4.23
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	4	4.22
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	15	4.22
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	19	4.22
(1,221)	1:131:A:ASP:N	1:131:A:ASP:CA	1:131:A:ASP:C	1:132:A:ALA:N	9	4.21
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	11	4.2
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	18	4.2
(1,217)	1:128:A:ALA:C	1:129:A:GLN:N	1:129:A:GLN:CA	1:129:A:GLN:C	20	4.17
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	12	4.16
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	15	4.16
(1,13)	1:25:A:HIS:C	1:26:A:TYR:N	1:26:A:TYR:CA	1:26:A:TYR:C	1	4.16
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	5	4.15
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	6	4.15
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	17	4.14
(1,236)	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	17	4.13
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	17	4.13
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	13	4.11
(1,205)	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	14	4.1
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	13	4.09
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	6	4.09
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	2	4.08
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	2	4.07
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	4	4.07
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	6	4.07
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	18	4.06
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	10	4.04
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	8	4.03
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	12	4.02
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	6	4.02
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	3	4.02
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1	4.01
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	11	4.01
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	16	4.01
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	4	4.0
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	9	3.99
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	3	3.99
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	16	3.98
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	13	3.97
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	7	3.97
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	11	3.96
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	16	3.96
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	12	3.95
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	7	3.95
(1,207)	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	20	3.93
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	17	3.92
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	20	3.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	11	3.92
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	8	3.92
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	9	3.9
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	4	3.9
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	3	3.9
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	15	3.9
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	13	3.9
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	9	3.89
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	12	3.89
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	19	3.89
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	20	3.89
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	19	3.85
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	10	3.85
(1,154)	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	5	3.85
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	7	3.83
(1,197)	1:118:A:GLN:N	1:118:A:GLN:CA	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	8	3.83
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	18	3.83
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	15	3.82
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	5	3.82
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	20	3.82
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	14	3.79
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	7	3.76
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	14	3.76
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	11	3.76
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	2	3.75
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	7	3.75
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	16	3.72
(1,157)	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	9	3.7
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	3	3.69
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	11	3.69
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	2	3.69
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	12	3.68
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	14	3.66
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	12	3.65
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	19	3.65
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	9	3.64
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	18	3.64
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	8	3.64
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	13	3.63
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	15	3.63
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	13	3.63
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	20	3.63
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	20	3.62
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	6	3.61
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	12	3.61
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	9	3.61
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	3	3.61
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	8	3.59
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	18	3.59
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	2	3.58
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	11	3.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	2	3.57
(1,264)	1:152:A:THR:C	1:153:A:GLY:N	1:153:A:GLY:CA	1:153:A:GLY:C	1	3.56
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	9	3.56
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	2	3.56
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	6	3.54
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	13	3.53
(1,277)	1:159:A:GLY:N	1:159:A:GLY:CA	1:159:A:GLY:C	1:160:A:PRO:N	2	3.53
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	15	3.52
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	20	3.52
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	16	3.51
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	17	3.51
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	7	3.5
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	16	3.5
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	12	3.5
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	6	3.49
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	5	3.49
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	12	3.49
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	8	3.48
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	15	3.48
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	6	3.48
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	3	3.48
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	10	3.47
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	9	3.46
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	8	3.46
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	18	3.46
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	19	3.45
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	6	3.45
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	13	3.45
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	20	3.43
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	15	3.42
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	7	3.42
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	7	3.41
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	15	3.41
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	19	3.39
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	9	3.39
(1,155)	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	12	3.39
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	12	3.38
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	9	3.37
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	16	3.37
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	19	3.37
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	4	3.36
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	17	3.35
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	20	3.35
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	14	3.34
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	19	3.34
(1,350)	1:196:A:PHE:C	1:197:A:GLN:N	1:197:A:GLN:CA	1:197:A:GLN:C	16	3.33
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	20	3.33
(1,205)	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	8	3.33
(1,187)	1:113:A:CYS:N	1:113:A:CYS:CA	1:113:A:CYS:C	1:114:A:ASP:N	14	3.33
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	1	3.32
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1	3.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	15	3.32
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	9	3.31
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	10	3.31
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	4	3.3
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	5	3.3
(1,50)	1:44:A:ASN:N	1:44:A:ASN:CA	1:44:A:ASN:C	1:45:A:GLY:N	2	3.3
(1,206)	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	2	3.29
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	16	3.29
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	20	3.28
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	18	3.27
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	4	3.26
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	10	3.25
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	10	3.25
(1,302)	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	5	3.25
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	4	3.25
(1,217)	1:128:A:ALA:C	1:129:A:GLN:N	1:129:A:GLN:CA	1:129:A:GLN:C	18	3.25
(1,215)	1:127:A:ASN:C	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	1	3.25
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	19	3.25
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	19	3.25
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	8	3.25
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	4	3.24
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	16	3.24
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	19	3.23
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	14	3.23
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	2	3.23
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	10	3.23
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	20	3.22
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	9	3.22
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	3	3.22
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	12	3.19
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	5	3.19
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	19	3.18
(1,181)	1:110:A:HIS:N	1:110:A:HIS:CA	1:110:A:HIS:C	1:111:A:ALA:N	18	3.18
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	3	3.15
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	9	3.14
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	18	3.14
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	15	3.13
(1,203)	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	1:122:A:PRO:N	3	3.13
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	13	3.13
(1,247)	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	1:145:A:ILE:N	17	3.12
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	7	3.12
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	13	3.12
(1,187)	1:113:A:CYS:N	1:113:A:CYS:CA	1:113:A:CYS:C	1:114:A:ASP:N	1	3.12
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	2	3.12
(1,302)	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	18	3.11
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	19	3.1
(1,318)	1:180:A:TRP:C	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	17	3.08
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	19	3.08
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	4	3.08
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	5	3.07
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	19	3.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	12	3.07
(1,187)	1:113:A:CYS:N	1:113:A:CYS:CA	1:113:A:CYS:C	1:114:A:ASP:N	16	3.07
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	1	3.07
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	17	3.07
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	13	3.06
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	10	3.05
(1,294)	1:168:A:ASN:C	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	20	3.05
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	20	3.05
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	17	3.04
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	20	3.04
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	15	3.04
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	15	3.04
(1,206)	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	1	3.03
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	2	3.03
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	18	3.03
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	18	3.03
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	12	3.03
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	3	3.02
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	17	3.02
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	8	3.01
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	12	3.01
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	8	3.0
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	20	3.0
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	10	2.99
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	8	2.99
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	1	2.99
(1,8)	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	1:24:A:GLU:N	4	2.99
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1	2.98
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	6	2.97
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	19	2.97
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	6	2.97
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	14	2.97
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	17	2.96
(1,230)	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	1:136:A:VAL:CA	1:136:A:VAL:C	17	2.96
(1,302)	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1	2.95
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	12	2.94
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	16	2.94
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	17	2.93
(1,239)	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	16	2.93
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	19	2.93
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	8	2.92
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	8	2.92
(1,157)	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	2	2.92
(1,306)	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	12	2.91
(1,277)	1:159:A:GLY:N	1:159:A:GLY:CA	1:159:A:GLY:C	1:160:A:PRO:N	17	2.91
(1,277)	1:159:A:GLY:N	1:159:A:GLY:CA	1:159:A:GLY:C	1:160:A:PRO:N	19	2.91
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	8	2.91
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	4	2.89
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	19	2.87
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	9	2.87
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	8	2.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	19	2.87
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	20	2.87
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	11	2.86
(1,277)	1:159:A:GLY:N	1:159:A:GLY:CA	1:159:A:GLY:C	1:160:A:PRO:N	18	2.86
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	15	2.86
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	16	2.86
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	7	2.86
(1,350)	1:196:A:PHE:C	1:197:A:GLN:N	1:197:A:GLN:CA	1:197:A:GLN:C	11	2.85
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	20	2.85
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	7	2.85
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	7	2.85
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	14	2.84
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	3	2.84
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	7	2.83
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	7	2.83
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	14	2.83
(1,167)	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	1:104:A:ILE:N	20	2.83
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	18	2.83
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	15	2.83
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	10	2.82
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	10	2.82
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	8	2.82
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	8	2.82
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	8	2.81
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	13	2.81
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	18	2.81
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	6	2.81
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	6	2.8
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	11	2.79
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	15	2.79
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	18	2.79
(1,347)	1:195:A:GLY:N	1:195:A:GLY:CA	1:195:A:GLY:C	1:196:A:PHE:N	11	2.78
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	19	2.77
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	17	2.77
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	19	2.77
(1,306)	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	16	2.75
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	5	2.75
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	14	2.75
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	3	2.74
(1,217)	1:128:A:ALA:C	1:129:A:GLN:N	1:129:A:GLN:CA	1:129:A:GLN:C	4	2.73
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	16	2.73
(1,104)	1:71:A:THR:C	1:72:A:LEU:N	1:72:A:LEU:CA	1:72:A:LEU:C	5	2.73
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	8	2.72
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	9	2.71
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	13	2.71
(1,277)	1:159:A:GLY:N	1:159:A:GLY:CA	1:159:A:GLY:C	1:160:A:PRO:N	15	2.71
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	7	2.71
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	15	2.7
(1,245)	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	1:144:A:PHE:N	3	2.7
(1,190)	1:114:A:ASP:C	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	14	2.7
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	13	2.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	14	2.7
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	2	2.69
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	3	2.69
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	3	2.69
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	19	2.69
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	4	2.68
(1,240)	1:140:A:SER:C	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	1	2.68
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	4	2.68
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	10	2.68
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	11	2.68
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	4	2.67
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	20	2.67
(1,262)	1:151:A:GLU:C	1:152:A:THR:N	1:152:A:THR:CA	1:152:A:THR:C	17	2.66
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	14	2.66
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	14	2.65
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	2	2.65
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	12	2.65
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	13	2.65
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	6	2.64
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	5	2.64
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	17	2.64
(1,99)	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	17	2.64
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	2	2.63
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	2	2.63
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	9	2.63
(1,195)	1:117:A:THR:N	1:117:A:THR:CA	1:117:A:THR:C	1:118:A:GLN:N	10	2.63
(1,147)	1:93:A:GLU:N	1:93:A:GLU:CA	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1	2.63
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	16	2.63
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	18	2.62
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	13	2.62
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	6	2.62
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	4	2.62
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	2	2.61
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	4	2.61
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	9	2.61
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	14	2.61
(1,8)	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	1:24:A:GLU:N	5	2.61
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	12	2.6
(1,221)	1:131:A:ASP:N	1:131:A:ASP:CA	1:131:A:ASP:C	1:132:A:ALA:N	20	2.6
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	18	2.6
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	11	2.59
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	17	2.59
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	9	2.58
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	2	2.58
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	8	2.57
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	11	2.57
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	1	2.57
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	10	2.57
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	20	2.56
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	4	2.56
(1,207)	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	16	2.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,276)	1:158:A:ALA:C	1:159:A:GLY:N	1:159:A:GLY:CA	1:159:A:GLY:C	19	2.55
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	19	2.55
(1,37)	1:37:A:PHE:C	1:38:A:ALA:N	1:38:A:ALA:CA	1:38:A:ALA:C	7	2.55
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	11	2.54
(1,259)	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1:151:A:GLU:N	1	2.54
(1,36)	1:37:A:PHE:N	1:37:A:PHE:CA	1:37:A:PHE:C	1:38:A:ALA:N	2	2.54
(1,4)	1:21:A:LEU:N	1:21:A:LEU:CA	1:21:A:LEU:C	1:22:A:GLU:N	18	2.54
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	16	2.53
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	20	2.52
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	13	2.51
(1,231)	1:136:A:VAL:N	1:136:A:VAL:CA	1:136:A:VAL:C	1:137:A:THR:N	15	2.51
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	14	2.51
(1,302)	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	7	2.5
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	19	2.5
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	4	2.5
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	15	2.5
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	3	2.49
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	9	2.49
(1,189)	1:114:A:ASP:N	1:114:A:ASP:CA	1:114:A:ASP:C	1:115:A:LEU:N	15	2.49
(1,302)	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	4	2.48
(1,151)	1:95:A:VAL:N	1:95:A:VAL:CA	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	16	2.48
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	17	2.48
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	3	2.48
(1,140)	1:89:A:GLN:C	1:90:A:LEU:N	1:90:A:LEU:CA	1:90:A:LEU:C	1	2.48
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	3	2.48
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	12	2.47
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	11	2.47
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	11	2.47
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	17	2.47
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	11	2.47
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	18	2.47
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	20	2.47
(1,203)	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	1:122:A:PRO:N	11	2.46
(1,9)	1:23:A:ASN:C	1:24:A:GLU:N	1:24:A:GLU:CA	1:24:A:GLU:C	1	2.46
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	12	2.45
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	12	2.45
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	13	2.45
(1,190)	1:114:A:ASP:C	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	8	2.44
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	10	2.43
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	9	2.43
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	14	2.43
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	4	2.43
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	5	2.42
(1,311)	1:177:A:THR:N	1:177:A:THR:CA	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	17	2.41
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	4	2.41
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	8	2.41
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	17	2.4
(1,278)	1:160:A:PRO:N	1:160:A:PRO:CA	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	7	2.4
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	1	2.4
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	14	2.4
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	6	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	17	2.39
(1,206)	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	16	2.39
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	1	2.39
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	7	2.39
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	18	2.39
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	10	2.39
(1,27)	1:32:A:GLN:C	1:33:A:LEU:N	1:33:A:LEU:CA	1:33:A:LEU:C	17	2.39
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	9	2.38
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	6	2.38
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	18	2.38
(1,203)	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	1:122:A:PRO:N	16	2.38
(1,145)	1:92:A:ILE:N	1:92:A:ILE:CA	1:92:A:ILE:C	1:93:A:GLU:N	12	2.38
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	13	2.36
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	2	2.36
(1,247)	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	1:145:A:ILE:N	13	2.36
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	17	2.36
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	7	2.36
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	4	2.36
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	7	2.35
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	3	2.35
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	12	2.35
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	16	2.35
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	4	2.34
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	8	2.34
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	15	2.34
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	7	2.33
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	12	2.33
(1,190)	1:114:A:ASP:C	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	10	2.33
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	10	2.33
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	11	2.33
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	12	2.32
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	2	2.32
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	19	2.32
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1	2.32
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	14	2.32
(1,317)	1:180:A:TRP:N	1:180:A:TRP:CA	1:180:A:TRP:C	1:181:A:ARG:N	15	2.31
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	10	2.31
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	5	2.31
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	13	2.3
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	6	2.3
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	11	2.29
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	9	2.29
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	13	2.29
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	18	2.28
(1,304)	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	3	2.28
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	18	2.28
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	5	2.28
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	18	2.27
(1,244)	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	9	2.27
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	9	2.27
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	17	2.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	16	2.27
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	5	2.26
(1,221)	1:131:A:ASP:N	1:131:A:ASP:CA	1:131:A:ASP:C	1:132:A:ALA:N	6	2.26
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	12	2.26
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	16	2.26
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	15	2.26
(1,18)	1:28:A:ALA:N	1:28:A:ALA:CA	1:28:A:ALA:C	1:29:A:GLN:N	20	2.26
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	19	2.25
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	8	2.25
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	15	2.25
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	17	2.25
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	12	2.25
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	7	2.24
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1	2.23
(1,241)	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	13	2.23
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	8	2.23
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	12	2.23
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	7	2.23
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	18	2.22
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	9	2.22
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	16	2.22
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	7	2.22
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	15	2.21
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	10	2.21
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	11	2.21
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	7	2.21
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	8	2.21
(1,266)	1:153:A:GLY:C	1:154:A:ALA:N	1:154:A:ALA:CA	1:154:A:ALA:C	12	2.2
(1,258)	1:149:A:GLY:C	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	1	2.2
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	18	2.2
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	6	2.2
(1,207)	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	2	2.19
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	12	2.19
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	2	2.19
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	7	2.18
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	6	2.18
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	13	2.18
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	18	2.17
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	13	2.16
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	13	2.16
(1,58)	1:48:A:ASP:N	1:48:A:ASP:CA	1:48:A:ASP:C	1:49:A:LEU:N	8	2.15
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	14	2.14
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	7	2.14
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	20	2.14
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	6	2.14
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	13	2.14
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	3	2.14
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	12	2.14
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	11	2.14
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	4	2.13
(1,258)	1:149:A:GLY:C	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	8	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,203)	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	1:122:A:PRO:N	10	2.13
(1,155)	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	16	2.13
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	11	2.13
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	7	2.12
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	9	2.12
(1,231)	1:136:A:VAL:N	1:136:A:VAL:CA	1:136:A:VAL:C	1:137:A:THR:N	7	2.11
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	11	2.11
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	3	2.11
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	2	2.1
(1,135)	1:87:A:SER:N	1:87:A:SER:CA	1:87:A:SER:C	1:88:A:GLU:N	14	2.1
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	10	2.1
(1,8)	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	1:24:A:GLU:N	3	2.1
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	12	2.09
(1,205)	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	12	2.09
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	10	2.09
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	5	2.09
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	6	2.08
(1,231)	1:136:A:VAL:N	1:136:A:VAL:CA	1:136:A:VAL:C	1:137:A:THR:N	3	2.08
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	1	2.08
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	4	2.08
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	8	2.07
(1,247)	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	1:145:A:ILE:N	10	2.07
(1,181)	1:110:A:HIS:N	1:110:A:HIS:CA	1:110:A:HIS:C	1:111:A:ALA:N	11	2.07
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	5	2.07
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	14	2.06
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	18	2.06
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	3	2.06
(1,77)	1:57:A:GLN:C	1:58:A:ALA:N	1:58:A:ALA:CA	1:58:A:ALA:C	6	2.05
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	16	2.04
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	18	2.04
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	17	2.03
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	5	2.03
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	5	2.03
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	11	2.03
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	11	2.02
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	1	2.02
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	8	2.02
(1,210)	1:125:A:HIS:N	1:125:A:HIS:CA	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1	2.02
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	20	2.02
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	3	2.02
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	6	2.01
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	16	2.01
(1,179)	1:109:A:SER:N	1:109:A:SER:CA	1:109:A:SER:C	1:110:A:HIS:N	5	2.01
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	12	2.01
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	17	2.01
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	6	2.01
(1,23)	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	1:31:A:ILE:CA	1:31:A:ILE:C	12	2.01
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	5	2.0
(1,187)	1:113:A:CYS:N	1:113:A:CYS:CA	1:113:A:CYS:C	1:114:A:ASP:N	4	2.0
(1,135)	1:87:A:SER:N	1:87:A:SER:CA	1:87:A:SER:C	1:88:A:GLU:N	12	2.0
(1,113)	1:76:A:PHE:N	1:76:A:PHE:CA	1:76:A:PHE:C	1:77:A:SER:N	3	2.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,279)	1:160:A:PRO:C	1:161:A:LEU:N	1:161:A:LEU:CA	1:161:A:LEU:C	2	1.99
(1,247)	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	1:145:A:ILE:N	5	1.99
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	9	1.99
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	10	1.98
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	7	1.98
(1,331)	1:187:A:GLU:N	1:187:A:GLU:CA	1:187:A:GLU:C	1:188:A:GLU:N	16	1.97
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	18	1.97
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	11	1.97
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	13	1.97
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	3	1.97
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	5	1.97
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	17	1.96
(1,347)	1:195:A:GLY:N	1:195:A:GLY:CA	1:195:A:GLY:C	1:196:A:PHE:N	13	1.95
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	7	1.95
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	13	1.95
(1,258)	1:149:A:GLY:C	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	16	1.95
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	19	1.95
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	17	1.95
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	9	1.95
(1,224)	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	9	1.94
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	15	1.93
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	14	1.93
(1,227)	1:134:A:HIS:N	1:134:A:HIS:CA	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	7	1.93
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	3	1.92
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	15	1.92
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	7	1.91
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	4	1.91
(1,284)	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	1:164:A:THR:N	16	1.9
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	16	1.9
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	9	1.9
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	10	1.9
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	17	1.89
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	11	1.89
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	19	1.89
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	12	1.89
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	6	1.89
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	9	1.89
(1,262)	1:151:A:GLU:C	1:152:A:THR:N	1:152:A:THR:CA	1:152:A:THR:C	20	1.88
(1,203)	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	1:122:A:PRO:N	20	1.88
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	5	1.88
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	2	1.88
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	6	1.87
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	6	1.87
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	18	1.87
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	3	1.86
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	13	1.86
(1,194)	1:116:A:GLU:C	1:117:A:THR:N	1:117:A:THR:CA	1:117:A:THR:C	5	1.86
(1,190)	1:114:A:ASP:C	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	4	1.86
(1,316)	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	1:180:A:TRP:CA	1:180:A:TRP:C	20	1.85
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	18	1.85
(1,197)	1:118:A:GLN:N	1:118:A:GLN:CA	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	2	1.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	13	1.84
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	10	1.84
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	16	1.84
(1,40)	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	1:40:A:GLU:N	18	1.84
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	16	1.83
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	17	1.82
(1,155)	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	18	1.82
(1,87)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	10	1.82
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	6	1.81
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	1	1.81
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	1	1.81
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	16	1.81
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	5	1.8
(1,227)	1:134:A:HIS:N	1:134:A:HIS:CA	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	19	1.8
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	15	1.8
(1,155)	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	14	1.79
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	19	1.79
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	9	1.78
(1,174)	1:106:A:ASN:C	1:107:A:ILE:N	1:107:A:ILE:CA	1:107:A:ILE:C	20	1.78
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	12	1.78
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	7	1.77
(1,329)	1:186:A:LYS:N	1:186:A:LYS:CA	1:186:A:LYS:C	1:187:A:GLU:N	4	1.77
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	9	1.77
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	19	1.77
(1,195)	1:117:A:THR:N	1:117:A:THR:CA	1:117:A:THR:C	1:118:A:GLN:N	15	1.77
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	1	1.77
(1,167)	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	1:104:A:ILE:N	12	1.77
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	15	1.77
(1,306)	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	10	1.76
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	11	1.76
(1,125)	1:82:A:LEU:N	1:82:A:LEU:CA	1:82:A:LEU:C	1:83:A:THR:N	4	1.76
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	10	1.76
(1,6)	1:22:A:GLU:N	1:22:A:GLU:CA	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	13	1.76
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	3	1.75
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	11	1.75
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	1	1.75
(1,331)	1:187:A:GLU:N	1:187:A:GLU:CA	1:187:A:GLU:C	1:188:A:GLU:N	5	1.74
(1,306)	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	1:175:A:PHE:CA	1:175:A:PHE:C	13	1.74
(1,203)	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	1:122:A:PRO:N	6	1.74
(1,140)	1:89:A:GLN:C	1:90:A:LEU:N	1:90:A:LEU:CA	1:90:A:LEU:C	2	1.74
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	17	1.74
(1,334)	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1	1.73
(1,217)	1:128:A:ALA:C	1:129:A:GLN:N	1:129:A:GLN:CA	1:129:A:GLN:C	6	1.73
(1,115)	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	5	1.73
(1,102)	1:70:A:MET:C	1:71:A:THR:N	1:71:A:THR:CA	1:71:A:THR:C	16	1.73
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	1	1.73
(1,350)	1:196:A:PHE:C	1:197:A:GLN:N	1:197:A:GLN:CA	1:197:A:GLN:C	18	1.72
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	4	1.72
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	2	1.72
(1,40)	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	1:40:A:GLU:N	3	1.72
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	16	1.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,221)	1:131:A:ASP:N	1:131:A:ASP:CA	1:131:A:ASP:C	1:132:A:ALA:N	2	1.71
(1,125)	1:82:A:LEU:N	1:82:A:LEU:CA	1:82:A:LEU:C	1:83:A:THR:N	3	1.71
(1,198)	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	1:119:A:LYS:CA	1:119:A:LYS:C	19	1.7
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	20	1.7
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	4	1.69
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	15	1.69
(1,174)	1:106:A:ASN:C	1:107:A:ILE:N	1:107:A:ILE:CA	1:107:A:ILE:C	11	1.69
(1,126)	1:82:A:LEU:C	1:83:A:THR:N	1:83:A:THR:CA	1:83:A:THR:C	8	1.69
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	9	1.69
(1,230)	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	1:136:A:VAL:CA	1:136:A:VAL:C	16	1.67
(1,299)	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	8	1.66
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	2	1.66
(1,181)	1:110:A:HIS:N	1:110:A:HIS:CA	1:110:A:HIS:C	1:111:A:ALA:N	13	1.66
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1	1.66
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	13	1.66
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	15	1.65
(1,205)	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	20	1.65
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	8	1.65
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	16	1.65
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	14	1.64
(1,272)	1:156:A:MET:C	1:157:A:ALA:N	1:157:A:ALA:CA	1:157:A:ALA:C	19	1.64
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	13	1.64
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	12	1.64
(1,162)	1:100:A:GLN:C	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	20	1.64
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	6	1.64
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	12	1.64
(1,43)	1:40:A:GLU:C	1:41:A:VAL:N	1:41:A:VAL:CA	1:41:A:VAL:C	17	1.64
(1,1)	1:19:A:LEU:C	1:20:A:ASN:N	1:20:A:ASN:CA	1:20:A:ASN:C	17	1.64
(1,231)	1:136:A:VAL:N	1:136:A:VAL:CA	1:136:A:VAL:C	1:137:A:THR:N	5	1.63
(1,155)	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	13	1.63
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	19	1.63
(1,247)	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	1:145:A:ILE:N	6	1.62
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	16	1.62
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	14	1.62
(1,350)	1:196:A:PHE:C	1:197:A:GLN:N	1:197:A:GLN:CA	1:197:A:GLN:C	12	1.6
(1,298)	1:170:A:ALA:C	1:171:A:ILE:N	1:171:A:ILE:CA	1:171:A:ILE:C	9	1.6
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	16	1.6
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	14	1.59
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	14	1.59
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	14	1.59
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	4	1.59
(1,102)	1:70:A:MET:C	1:71:A:THR:N	1:71:A:THR:CA	1:71:A:THR:C	15	1.59
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	3	1.58
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	11	1.58
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	14	1.58
(1,272)	1:156:A:MET:C	1:157:A:ALA:N	1:157:A:ALA:CA	1:157:A:ALA:C	2	1.58
(1,338)	1:190:A:THR:C	1:191:A:ILE:N	1:191:A:ILE:CA	1:191:A:ILE:C	2	1.57
(1,197)	1:118:A:GLN:N	1:118:A:GLN:CA	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	10	1.57
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	10	1.57
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	4	1.57
(1,193)	1:116:A:GLU:N	1:116:A:GLU:CA	1:116:A:GLU:C	1:117:A:THR:N	7	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	10	1.56
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	12	1.56
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	14	1.55
(1,207)	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	18	1.55
(1,197)	1:118:A:GLN:N	1:118:A:GLN:CA	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	11	1.55
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	16	1.54
(1,272)	1:156:A:MET:C	1:157:A:ALA:N	1:157:A:ALA:CA	1:157:A:ALA:C	8	1.54
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	17	1.54
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	6	1.54
(1,338)	1:190:A:THR:C	1:191:A:ILE:N	1:191:A:ILE:CA	1:191:A:ILE:C	19	1.53
(1,181)	1:110:A:HIS:N	1:110:A:HIS:CA	1:110:A:HIS:C	1:111:A:ALA:N	8	1.53
(1,179)	1:109:A:SER:N	1:109:A:SER:CA	1:109:A:SER:C	1:110:A:HIS:N	7	1.53
(1,126)	1:82:A:LEU:C	1:83:A:THR:N	1:83:A:THR:CA	1:83:A:THR:C	3	1.53
(1,99)	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	9	1.53
(1,40)	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	1:40:A:GLU:N	1	1.53
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	16	1.53
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	15	1.53
(1,347)	1:195:A:GLY:N	1:195:A:GLY:CA	1:195:A:GLY:C	1:196:A:PHE:N	16	1.52
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	16	1.52
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	11	1.52
(1,83)	1:61:A:ASP:N	1:61:A:ASP:CA	1:61:A:ASP:C	1:62:A:LEU:N	5	1.52
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	19	1.51
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	4	1.51
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	14	1.51
(1,155)	1:97:A:GLY:N	1:97:A:GLY:CA	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	20	1.51
(1,53)	1:45:A:GLY:C	1:46:A:GLN:N	1:46:A:GLN:CA	1:46:A:GLN:C	12	1.51
(1,349)	1:196:A:PHE:N	1:196:A:PHE:CA	1:196:A:PHE:C	1:197:A:GLN:N	17	1.5
(1,262)	1:151:A:GLU:C	1:152:A:THR:N	1:152:A:THR:CA	1:152:A:THR:C	12	1.5
(1,198)	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	1:119:A:LYS:CA	1:119:A:LYS:C	15	1.5
(1,40)	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	1:40:A:GLU:N	20	1.5
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	8	1.5
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	4	1.49
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	16	1.49
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	9	1.49
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	16	1.49
(1,102)	1:70:A:MET:C	1:71:A:THR:N	1:71:A:THR:CA	1:71:A:THR:C	4	1.49
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	19	1.49
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	6	1.48
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	17	1.48
(1,323)	1:183:A:THR:N	1:183:A:THR:CA	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	12	1.48
(1,303)	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	1:174:A:ILE:N	9	1.48
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	17	1.48
(1,167)	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	1:104:A:ILE:N	11	1.48
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	16	1.48
(1,99)	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	6	1.48
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	11	1.47
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	10	1.47
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	2	1.47
(1,116)	1:77:A:SER:C	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1	1.47
(1,247)	1:144:A:PHE:N	1:144:A:PHE:CA	1:144:A:PHE:C	1:145:A:ILE:N	7	1.46
(1,77)	1:57:A:GLN:C	1:58:A:ALA:N	1:58:A:ALA:CA	1:58:A:ALA:C	12	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,258)	1:149:A:GLY:C	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	19	1.45
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	13	1.45
(1,350)	1:196:A:PHE:C	1:197:A:GLN:N	1:197:A:GLN:CA	1:197:A:GLN:C	15	1.44
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	13	1.44
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	7	1.44
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	18	1.44
(1,99)	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	10	1.44
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	13	1.44
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	16	1.43
(1,264)	1:152:A:THR:C	1:153:A:GLY:N	1:153:A:GLY:CA	1:153:A:GLY:C	6	1.43
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	11	1.43
(1,190)	1:114:A:ASP:C	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	3	1.43
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	6	1.43
(1,302)	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	1:173:A:ASP:CA	1:173:A:ASP:C	2	1.42
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	5	1.42
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	20	1.42
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	16	1.42
(1,295)	1:169:A:THR:N	1:169:A:THR:CA	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	11	1.41
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	17	1.41
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	9	1.41
(1,50)	1:44:A:ASN:N	1:44:A:ASN:CA	1:44:A:ASN:C	1:45:A:GLY:N	20	1.41
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	18	1.41
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	18	1.41
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	16	1.39
(1,266)	1:153:A:GLY:C	1:154:A:ALA:N	1:154:A:ALA:CA	1:154:A:ALA:C	5	1.39
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	1	1.39
(1,163)	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	1:102:A:THR:N	6	1.39
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	6	1.39
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	15	1.39
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	5	1.38
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	11	1.38
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	10	1.38
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	4	1.38
(1,36)	1:37:A:PHE:N	1:37:A:PHE:CA	1:37:A:PHE:C	1:38:A:ALA:N	5	1.38
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	7	1.37
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	7	1.37
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	15	1.37
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	3	1.37
(1,300)	1:171:A:ILE:C	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	13	1.36
(1,153)	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	9	1.36
(1,244)	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	7	1.35
(1,241)	1:141:A:TYR:N	1:141:A:TYR:CA	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	5	1.35
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	15	1.35
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	16	1.35
(1,185)	1:112:A:PHE:N	1:112:A:PHE:CA	1:112:A:PHE:C	1:113:A:CYS:N	19	1.35
(1,114)	1:76:A:PHE:C	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	12	1.35
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	8	1.35
(1,235)	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1:139:A:TYR:N	16	1.34
(1,40)	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	1:40:A:GLU:N	7	1.34
(1,347)	1:195:A:GLY:N	1:195:A:GLY:CA	1:195:A:GLY:C	1:196:A:PHE:N	17	1.33
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	9	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	12	1.33
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	20	1.33
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	15	1.33
(1,99)	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	11	1.33
(1,77)	1:57:A:GLN:C	1:58:A:ALA:N	1:58:A:ALA:CA	1:58:A:ALA:C	4	1.33
(1,23)	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	1:31:A:ILE:CA	1:31:A:ILE:C	2	1.33
(1,315)	1:179:A:ASP:N	1:179:A:ASP:CA	1:179:A:ASP:C	1:180:A:TRP:N	3	1.32
(1,262)	1:151:A:GLU:C	1:152:A:THR:N	1:152:A:THR:CA	1:152:A:THR:C	7	1.32
(1,244)	1:142:A:SER:C	1:143:A:LEU:N	1:143:A:LEU:CA	1:143:A:LEU:C	10	1.32
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	3	1.32
(1,221)	1:131:A:ASP:N	1:131:A:ASP:CA	1:131:A:ASP:C	1:132:A:ALA:N	10	1.32
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	13	1.32
(1,98)	1:68:A:ASN:C	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	17	1.32
(1,331)	1:187:A:GLU:N	1:187:A:GLU:CA	1:187:A:GLU:C	1:188:A:GLU:N	12	1.31
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	18	1.31
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	1	1.31
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	11	1.31
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	8	1.31
(1,272)	1:156:A:MET:C	1:157:A:ALA:N	1:157:A:ALA:CA	1:157:A:ALA:C	5	1.3
(1,204)	1:122:A:PRO:N	1:122:A:PRO:CA	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	6	1.3
(1,77)	1:57:A:GLN:C	1:58:A:ALA:N	1:58:A:ALA:CA	1:58:A:ALA:C	10	1.3
(1,272)	1:156:A:MET:C	1:157:A:ALA:N	1:157:A:ALA:CA	1:157:A:ALA:C	7	1.29
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	8	1.29
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	15	1.29
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	17	1.28
(1,202)	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	1:121:A:LYS:CA	1:121:A:LYS:C	11	1.28
(1,58)	1:48:A:ASP:N	1:48:A:ASP:CA	1:48:A:ASP:C	1:49:A:LEU:N	2	1.28
(1,325)	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	1:185:A:GLN:N	8	1.27
(1,266)	1:153:A:GLY:C	1:154:A:ALA:N	1:154:A:ALA:CA	1:154:A:ALA:C	3	1.27
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	10	1.27
(1,208)	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	1:125:A:HIS:N	4	1.27
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	20	1.27
(1,147)	1:93:A:GLU:N	1:93:A:GLU:CA	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	7	1.27
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	2	1.27
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	19	1.26
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	4	1.26
(1,13)	1:25:A:HIS:C	1:26:A:TYR:N	1:26:A:TYR:CA	1:26:A:TYR:C	9	1.26
(1,217)	1:128:A:ALA:C	1:129:A:GLN:N	1:129:A:GLN:CA	1:129:A:GLN:C	13	1.25
(1,205)	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	19	1.25
(1,167)	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	1:104:A:ILE:N	4	1.25
(1,162)	1:100:A:GLN:C	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	5	1.25
(1,336)	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	1:190:A:THR:CA	1:190:A:THR:C	14	1.24
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	3	1.24
(1,305)	1:174:A:ILE:N	1:174:A:ILE:CA	1:174:A:ILE:C	1:175:A:PHE:N	3	1.24
(1,227)	1:134:A:HIS:N	1:134:A:HIS:CA	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	2	1.24
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	14	1.24
(1,16)	1:27:A:TYR:N	1:27:A:TYR:CA	1:27:A:TYR:C	1:28:A:ALA:N	17	1.24
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	20	1.23
(1,293)	1:168:A:ASN:N	1:168:A:ASN:CA	1:168:A:ASN:C	1:169:A:THR:N	1	1.23
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	6	1.23
(1,237)	1:139:A:TYR:N	1:139:A:TYR:CA	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	5	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,153)	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	1:97:A:GLY:N	3	1.23
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	20	1.23
(1,343)	1:193:A:VAL:N	1:193:A:VAL:CA	1:193:A:VAL:C	1:194:A:LYS:N	20	1.22
(1,290)	1:166:A:THR:N	1:166:A:THR:CA	1:166:A:THR:C	1:167:A:PRO:N	12	1.22
(1,207)	1:123:A:TRP:C	1:124:A:PHE:N	1:124:A:PHE:CA	1:124:A:PHE:C	11	1.22
(1,197)	1:118:A:GLN:N	1:118:A:GLN:CA	1:118:A:GLN:C	1:119:A:LYS:N	19	1.22
(1,162)	1:100:A:GLN:C	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	11	1.22
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	3	1.21
(1,167)	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	1:104:A:ILE:N	6	1.21
(1,38)	1:38:A:ALA:N	1:38:A:ALA:CA	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	14	1.21
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	10	1.21
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	11	1.2
(1,262)	1:151:A:GLU:C	1:152:A:THR:N	1:152:A:THR:CA	1:152:A:THR:C	2	1.2
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	8	1.2
(1,98)	1:68:A:ASN:C	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	16	1.2
(1,227)	1:134:A:HIS:N	1:134:A:HIS:CA	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	3	1.19
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	7	1.19
(1,100)	1:69:A:ASN:C	1:70:A:MET:N	1:70:A:MET:CA	1:70:A:MET:C	10	1.19
(1,211)	1:125:A:HIS:C	1:126:A:ILE:N	1:126:A:ILE:CA	1:126:A:ILE:C	1	1.18
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	18	1.18
(1,317)	1:180:A:TRP:N	1:180:A:TRP:CA	1:180:A:TRP:C	1:181:A:ARG:N	6	1.17
(1,264)	1:152:A:THR:C	1:153:A:GLY:N	1:153:A:GLY:CA	1:153:A:GLY:C	5	1.17
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	18	1.17
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	14	1.17
(1,140)	1:89:A:GLN:C	1:90:A:LEU:N	1:90:A:LEU:CA	1:90:A:LEU:C	3	1.17
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	1	1.17
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	10	1.17
(1,242)	1:141:A:TYR:C	1:142:A:SER:N	1:142:A:SER:CA	1:142:A:SER:C	15	1.16
(1,234)	1:137:A:THR:C	1:138:A:SER:N	1:138:A:SER:CA	1:138:A:SER:C	1	1.16
(1,159)	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	17	1.16
(1,140)	1:89:A:GLN:C	1:90:A:LEU:N	1:90:A:LEU:CA	1:90:A:LEU:C	4	1.16
(1,258)	1:149:A:GLY:C	1:150:A:GLU:N	1:150:A:GLU:CA	1:150:A:GLU:C	5	1.15
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	5	1.15
(1,201)	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	1:121:A:LYS:N	20	1.15
(1,95)	1:67:A:THR:N	1:67:A:THR:CA	1:67:A:THR:C	1:68:A:ASN:N	18	1.15
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	4	1.15
(1,335)	1:189:A:ILE:N	1:189:A:ILE:CA	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	13	1.14
(1,225)	1:133:A:GLY:N	1:133:A:GLY:CA	1:133:A:GLY:C	1:134:A:HIS:N	1	1.14
(1,216)	1:128:A:ALA:N	1:128:A:ALA:CA	1:128:A:ALA:C	1:129:A:GLN:N	16	1.14
(1,205)	1:122:A:PRO:C	1:123:A:TRP:N	1:123:A:TRP:CA	1:123:A:TRP:C	3	1.14
(1,166)	1:102:A:THR:C	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	3	1.14
(1,140)	1:89:A:GLN:C	1:90:A:LEU:N	1:90:A:LEU:CA	1:90:A:LEU:C	5	1.14
(1,135)	1:87:A:SER:N	1:87:A:SER:CA	1:87:A:SER:C	1:88:A:GLU:N	2	1.14
(1,117)	1:78:A:THR:N	1:78:A:THR:CA	1:78:A:THR:C	1:79:A:LEU:N	14	1.14
(1,102)	1:70:A:MET:C	1:71:A:THR:N	1:71:A:THR:CA	1:71:A:THR:C	20	1.14
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	9	1.14
(1,43)	1:40:A:GLU:C	1:41:A:VAL:N	1:41:A:VAL:CA	1:41:A:VAL:C	8	1.14
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	5	1.14
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	7	1.14
(1,187)	1:113:A:CYS:N	1:113:A:CYS:CA	1:113:A:CYS:C	1:114:A:ASP:N	20	1.13
(1,177)	1:108:A:LEU:N	1:108:A:LEU:CA	1:108:A:LEU:C	1:109:A:SER:N	5	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,152)	1:95:A:VAL:C	1:96:A:LEU:N	1:96:A:LEU:CA	1:96:A:LEU:C	3	1.13
(1,317)	1:180:A:TRP:N	1:180:A:TRP:CA	1:180:A:TRP:C	1:181:A:ARG:N	5	1.12
(1,296)	1:169:A:THR:C	1:170:A:ALA:N	1:170:A:ALA:CA	1:170:A:ALA:C	10	1.12
(1,262)	1:151:A:GLU:C	1:152:A:THR:N	1:152:A:THR:CA	1:152:A:THR:C	3	1.12
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	7	1.12
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	20	1.12
(1,238)	1:139:A:TYR:C	1:140:A:SER:N	1:140:A:SER:CA	1:140:A:SER:C	15	1.12
(1,22)	1:30:A:ALA:N	1:30:A:ALA:CA	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	20	1.12
(1,331)	1:187:A:GLU:N	1:187:A:GLU:CA	1:187:A:GLU:C	1:188:A:GLU:N	20	1.11
(1,167)	1:103:A:TYR:N	1:103:A:TYR:CA	1:103:A:TYR:C	1:104:A:ILE:N	1	1.11
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	5	1.11
(1,325)	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	1:185:A:GLN:N	13	1.1
(1,312)	1:177:A:THR:C	1:178:A:LYS:N	1:178:A:LYS:CA	1:178:A:LYS:C	15	1.1
(1,221)	1:131:A:ASP:N	1:131:A:ASP:CA	1:131:A:ASP:C	1:132:A:ALA:N	13	1.1
(1,158)	1:98:A:ILE:C	1:99:A:SER:N	1:99:A:SER:CA	1:99:A:SER:C	14	1.1
(1,156)	1:97:A:GLY:C	1:98:A:ILE:N	1:98:A:ILE:CA	1:98:A:ILE:C	16	1.1
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	8	1.1
(1,131)	1:85:A:THR:N	1:85:A:THR:CA	1:85:A:THR:C	1:86:A:LEU:N	5	1.09
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	3	1.08
(1,255)	1:148:A:GLN:N	1:148:A:GLN:CA	1:148:A:GLN:C	1:149:A:GLY:N	14	1.08
(1,98)	1:68:A:ASN:C	1:69:A:ASN:N	1:69:A:ASN:CA	1:69:A:ASN:C	7	1.08
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	13	1.08
(1,7)	1:22:A:GLU:C	1:23:A:ASN:N	1:23:A:ASN:CA	1:23:A:ASN:C	13	1.08
(1,339)	1:191:A:ILE:N	1:191:A:ILE:CA	1:191:A:ILE:C	1:192:A:GLY:N	5	1.07
(1,333)	1:188:A:GLU:N	1:188:A:GLU:CA	1:188:A:GLU:C	1:189:A:ILE:N	19	1.07
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	3	1.07
(1,228)	1:134:A:HIS:C	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	4	1.07
(1,219)	1:130:A:PRO:N	1:130:A:PRO:CA	1:130:A:PRO:C	1:131:A:ASP:N	20	1.07
(1,191)	1:115:A:LEU:N	1:115:A:LEU:CA	1:115:A:LEU:C	1:116:A:GLU:N	10	1.07
(1,148)	1:93:A:GLU:C	1:94:A:GLY:N	1:94:A:GLY:CA	1:94:A:GLY:C	10	1.07
(1,108)	1:73:A:LYS:C	1:74:A:LYS:N	1:74:A:LYS:CA	1:74:A:LYS:C	5	1.07
(1,38)	1:38:A:ALA:N	1:38:A:ALA:CA	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	3	1.07
(1,350)	1:196:A:PHE:C	1:197:A:GLN:N	1:197:A:GLN:CA	1:197:A:GLN:C	6	1.06
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	7	1.06
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	6	1.06
(1,39)	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	1:39:A:HIS:CA	1:39:A:HIS:C	19	1.06
(1,23)	1:30:A:ALA:C	1:31:A:ILE:N	1:31:A:ILE:CA	1:31:A:ILE:C	11	1.06
(1,223)	1:132:A:ALA:N	1:132:A:ALA:CA	1:132:A:ALA:C	1:133:A:GLY:N	2	1.05
(1,221)	1:131:A:ASP:N	1:131:A:ASP:CA	1:131:A:ASP:C	1:132:A:ALA:N	15	1.05
(1,200)	1:119:A:LYS:C	1:120:A:ASP:N	1:120:A:ASP:CA	1:120:A:ASP:C	18	1.05
(1,160)	1:99:A:SER:C	1:100:A:GLN:N	1:100:A:GLN:CA	1:100:A:GLN:C	15	1.05
(1,43)	1:40:A:GLU:C	1:41:A:VAL:N	1:41:A:VAL:CA	1:41:A:VAL:C	12	1.05
(1,264)	1:152:A:THR:C	1:153:A:GLY:N	1:153:A:GLY:CA	1:153:A:GLY:C	7	1.04
(1,229)	1:135:A:SER:N	1:135:A:SER:CA	1:135:A:SER:C	1:136:A:VAL:N	2	1.04
(1,179)	1:109:A:SER:N	1:109:A:SER:CA	1:109:A:SER:C	1:110:A:HIS:N	2	1.04
(1,162)	1:100:A:GLN:C	1:101:A:ASP:N	1:101:A:ASP:CA	1:101:A:ASP:C	16	1.04
(1,336)	1:189:A:ILE:C	1:190:A:THR:N	1:190:A:THR:CA	1:190:A:THR:C	5	1.03
(1,324)	1:183:A:THR:C	1:184:A:LEU:N	1:184:A:LEU:CA	1:184:A:LEU:C	8	1.03
(1,319)	1:181:A:ARG:N	1:181:A:ARG:CA	1:181:A:ARG:C	1:182:A:LEU:N	12	1.03
(1,274)	1:157:A:ALA:C	1:158:A:ALA:N	1:158:A:ALA:CA	1:158:A:ALA:C	13	1.03
(1,102)	1:70:A:MET:C	1:71:A:THR:N	1:71:A:THR:CA	1:71:A:THR:C	6	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,301)	1:172:A:SER:N	1:172:A:SER:CA	1:172:A:SER:C	1:173:A:ASP:N	17	1.02
(1,283)	1:162:A:ILE:C	1:163:A:ILE:N	1:163:A:ILE:CA	1:163:A:ILE:C	11	1.02
(1,184)	1:111:A:ALA:C	1:112:A:PHE:N	1:112:A:PHE:CA	1:112:A:PHE:C	8	1.02
(1,38)	1:38:A:ALA:N	1:38:A:ALA:CA	1:38:A:ALA:C	1:39:A:HIS:N	17	1.02
(1,36)	1:37:A:PHE:N	1:37:A:PHE:CA	1:37:A:PHE:C	1:38:A:ALA:N	10	1.02
(1,249)	1:145:A:ILE:N	1:145:A:ILE:CA	1:145:A:ILE:C	1:146:A:VAL:N	10	1.01
(1,179)	1:109:A:SER:N	1:109:A:SER:CA	1:109:A:SER:C	1:110:A:HIS:N	4	1.01
(1,179)	1:109:A:SER:N	1:109:A:SER:CA	1:109:A:SER:C	1:110:A:HIS:N	17	1.01
(1,114)	1:76:A:PHE:C	1:77:A:SER:N	1:77:A:SER:CA	1:77:A:SER:C	5	1.01
(1,63)	1:50:A:ALA:C	1:51:A:LYS:N	1:51:A:LYS:CA	1:51:A:LYS:C	6	1.01
(1,140)	1:89:A:GLN:C	1:90:A:LEU:N	1:90:A:LEU:CA	1:90:A:LEU:C	16	1.0