



Full wwPDB EM Validation Report ⓘ

Mar 29, 2026 – 05:16 PM UTC

PDB ID : 6XR4 / pdb_00006xr4
EMDB ID : EMD-20825
Title : Integrative in situ structure of Parkinsons disease-linked human LRRK2
Authors : Villa, E.; Lasker, K.; Audagnotto, M.
Deposited on : 2020-07-10
Resolution : 14.00 Å(reported)

This is a Full wwPDB EM Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/EMValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

EMDB validation analysis : 0.0.1.dev132
MolProbity : 4-5-2 with Phenix2.0
Percentile statistics : 20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
EM percentile statistics : 202505.v01 (Using data in the EMDB archive up until May 2025)
MapQ : 1.9.13
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.49

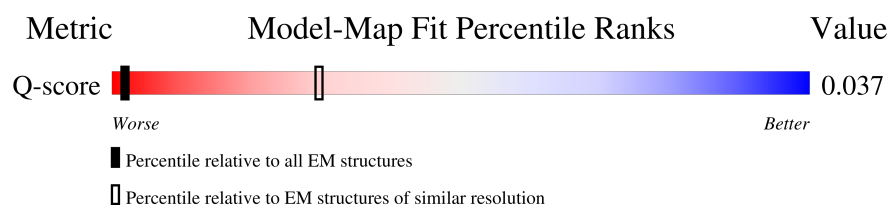
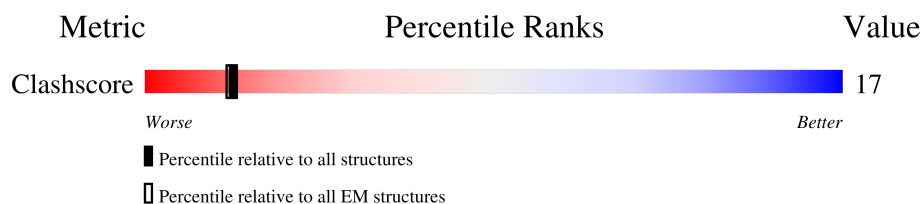
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

ELECTRON MICROSCOPY

The reported resolution of this entry is 14.00 Å.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	EM structures (#Entries)	Similar EM resolution (#Entries, resolution range(Å))
Clashscore	229148	23984	-
Q-score	-	25397	61 (13.50 - 14.50)

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the map. The red, orange, yellow and green segments of the bar indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria respectively. A grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$. The upper red bar (where present) indicates the fraction of residues that have poor fit to the EM map (all-atom inclusion $< 40\%$). The numeric value is given above the bar.

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	1-A	2527	 10% 41% 59%
1	1-B	2527	 14% 41% 59%
1	10-A	2527	 40% . 59%
1	10-B	2527	 40% . 59%
1	11-A	2527	 41% 59%
1	11-B	2527	 41% 59%

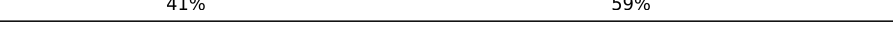
Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Length	Quality of chain	
1	12-A	2527		
1	12-B	2527		
1	13-A	2527		
1	13-B	2527		
1	14-A	2527		
1	14-B	2527		
1	15-A	2527		
1	15-B	2527		
1	16-A	2527		
1	16-B	2527		
1	17-A	2527		
1	17-B	2527		
1	18-A	2527		
1	18-B	2527		
1	19-A	2527		
1	19-B	2527		
1	2-A	2527		
1	2-B	2527		
1	20-A	2527		
1	20-B	2527		
1	21-A	2527		
1	21-B	2527		
1	22-A	2527		
1	22-B	2527		
1	23-A	2527		

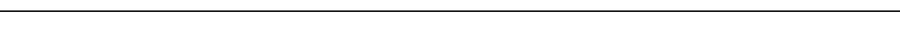
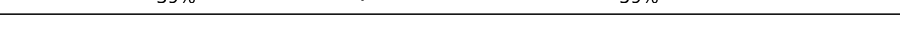
Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Length	Quality of chain	
1	23-B	2527		
1	24-A	2527		
1	24-B	2527		
1	25-A	2527		
1	25-B	2527		
1	26-A	2527		
1	26-B	2527		
1	27-A	2527		
1	27-B	2527		
1	28-A	2527		
1	28-B	2527		
1	29-A	2527		
1	29-B	2527		
1	3-A	2527		
1	3-B	2527		
1	30-A	2527		
1	30-B	2527		
1	31-A	2527		
1	31-B	2527		
1	32-A	2527		
1	32-B	2527		
1	33-A	2527		
1	33-B	2527		
1	34-A	2527		
1	34-B	2527		

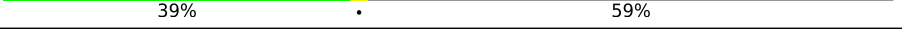
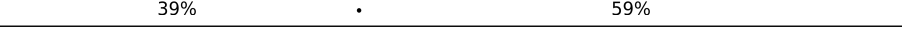
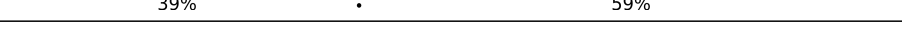
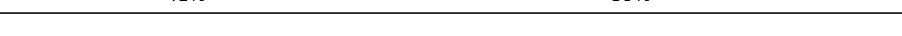
Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Length	Quality of chain	
1	35-A	2527		
1	35-B	2527		
1	36-A	2527		
1	36-B	2527		
1	37-A	2527		
1	37-B	2527		
1	38-A	2527		
1	38-B	2527		
1	39-A	2527		
1	39-B	2527		
1	4-A	2527		
1	4-B	2527		
1	40-A	2527		
1	40-B	2527		
1	41-A	2527		
1	41-B	2527		
1	42-A	2527		
1	42-B	2527		
1	43-A	2527		
1	43-B	2527		
1	44-A	2527		
1	44-B	2527		
1	45-A	2527		
1	45-B	2527		
1	46-A	2527		

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	46-B	2527	 40% 59%
1	47-A	2527	 40% 59%
1	47-B	2527	 40% 59%
1	48-A	2527	 40% 59%
1	48-B	2527	 40% 59%
1	49-A	2527	 40% 59%
1	49-B	2527	 40% 59%
1	5-A	2527	 40% 59%
1	5-B	2527	 40% 59%
1	50-A	2527	 39% 59%
1	50-B	2527	 39% 59%
1	51-A	2527	 39% 59%
1	51-B	2527	 39% 59%
1	52-A	2527	 39% 59%
1	52-B	2527	 39% 59%
1	53-A	2527	 39% 59%
1	53-B	2527	 39% 59%
1	6-A	2527	 41% 59%
1	6-B	2527	 41% 59%
1	7-A	2527	 39% 59%
1	7-B	2527	 39% 59%
1	8-A	2527	 40% 59%
1	8-B	2527	 40% 59%
1	9-A	2527	 41% 59%
1	9-B	2527	 40% 59%

2 Entry composition

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 110240 atoms, of which 0 are hydrogens and 0 are deuteriums.

In the tables below, the AltConf column contains the number of residues with at least one atom in alternate conformation and the Trace column contains the number of residues modelled with at most 2 atoms.

- Molecule 1 is a protein called Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2.

Mol	Chain	Residues	Atoms	AltConf	Trace
1	1-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	2-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	3-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	4-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	5-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	6-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	7-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	8-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	9-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	10-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	11-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	12-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	13-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	14-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	15-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	16-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	17-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Residues	Atoms	AltConf	Trace
1	18-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	19-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	20-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	21-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	22-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	23-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	24-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	25-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	26-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	27-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	28-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	29-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	30-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	31-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	32-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	33-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	34-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	35-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	36-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	37-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	38-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Residues	Atoms	AltConf	Trace
1	39-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	40-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	41-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	42-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	43-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	44-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	45-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	46-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	47-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	48-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	49-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	50-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	51-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	52-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	53-A	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	1-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	2-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	3-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	4-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	5-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	6-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Residues	Atoms	AltConf	Trace
1	7-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	8-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	9-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	10-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	11-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	12-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	13-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	14-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	15-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	16-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	17-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	18-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	19-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	20-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	21-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	22-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	23-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	24-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	25-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	26-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	27-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Residues	Atoms	AltConf	Trace
1	28-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	29-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	30-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	31-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	32-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	33-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	34-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	35-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	36-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	37-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	38-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	39-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	40-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	41-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	42-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	43-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	44-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	45-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	46-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	47-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	48-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040

Continued on next page...

Continued from previous page...

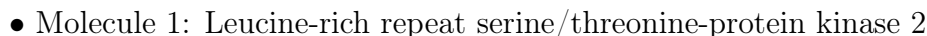
Mol	Chain	Residues	Atoms	AltConf	Trace
1	49-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	50-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	51-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	52-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040
1	53-B	1040	Total C 1040 1040	0	1040

There are 2 discrepancies between the modelled and reference sequences:

Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	2020	THR	ILE	variant	UNP Q5S007
B	2020	THR	ILE	variant	UNP Q5S007



[illegible]



59%



VAL	ASN	PHE	PRO	LEU	ILE	LYS	ASN	SER	SER	SER	ARG	LYS	ASN	SER	SER	ASN	SER	GLY	ILE	GLU	ASP	GLN	VAL
ASN	PRO	LEU	PRO	ASP	SER	PRO	LEU	LEU	SER	LEU	MET	GLY	ASN	LEU	LEU	VAL	LEU	GLY	ILE	LEU	THR	THR	LEU
PRO	ASN	GLN	ILE	SER	GLU	LEU	SER	GLN	LEU	VAL	ARG	GLN	VAL	LEU	VAL	GLY	VAL	GLY	GLY	GLY	THR	ASN	GLN
GLN	PRO	LEU	GLY	ASN	ASN	LYS	PHE	SER	SER	LYS	THR	ILE	GLY	LEU	GLY	VAL	VAL	VAL	VAL	LEU	GLY	ALA	ASN
ARG	LEU	LYS	ASP	ASN	ASN	GLN	ASN	HIS	MET	LYS	ASN	ILE	GLY	LEU	LEU	GLY	GLY	ILE	LEU	GLY	GLY	ALA	VAL
LEU	THR	LYS	GLU	ASN	PHE	ASN	GLN	ASN	GLN	GLY	GLY	ARG	ASN	LEU	LEU	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	VAL
THR	ASN	ALA	ASN	ASN	GLU	LEU	ASN	HIS	SER	ASN	GLY	GLY	ASN	LEU	LEU	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ARG
ILE	ILE	VAL	LEU	VAL	GLU	LEU	ASN	LEU	SER	LEU	GLY	ALA	ASN	LEU	LEU	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	CYS
THR	THR	VAL	THR	THR	ASN	THR	ASN	ASN	ASN	ASN	THR	VAL	ASN	LEU	LEU	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
PRO	ASN	VAL	THR	ASN	PHE	VAL	THR	ALA	ARG	ASN	GLY	GLY	ASN	LEU	LEU	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ASP	ASN	VAL	ASN	LEU	SER	PRO	HIS	THR	ASP	GLY	GLY	ALA	VAL	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
LEU	LEU	VAL	GLU	SER	PHE	VAL	THR	ASN	ASN	GLY	GLY	ALA	ASN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ILE	ILE	GLY	GLU	ASN	ALA	PRO	LEU	GLU	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
LEU	LEU	GLN	LEU	ASN	MET	LEU	LEU	GLU	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ALA	ALA	LEU	ARG	LEU	ASN	THR	HIS	THR	GLN	ASN	PHE	GLY	ASN	LEU	LEU	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ASP	ASN	ILE	SER	ARG	PHE	ASP	SER	ILE	ASN	ASN	ASN	GLY	ASN	LEU	LEU	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
PRO	PRO	PHE24	PHE	LEU	PHE	VAL	ASN	THR	CYS	GLY	SER	GLY	ASN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ASN	ASN	Q1563	ASN	LEU	ALA	VAL	LYS	SER	ASN	ASN	GLY	GLY	ASN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ARG	ASN	L1564	GLU	PHE	ALA	GLU	PHE	LEU	PRO	ASN	SER	GLY	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ASN	ILE	D1565	GLY	SER	MET	LYS	THR	ASP	ASN	ASN	VAL	PHE	VAL	ASN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
LEU	LEU	H1566	MET	HIS	PRO	LEU	SER	LEU	LEU	LEU	VAL	GLY	VAL	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ASN	ASN	N1567	LYS	ASN	PHE	GLU	PHE	SER	GLN	GLN	SER	GLY	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ASN	ASN	Y1669	SER	ILE	PRO	GLN	PRO	ALA	ARG	ASN	SER	GLY	ASN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
ASN	ASN	PRO	LYS	SER	PRO	ILE	LYS	GLU	GLU	GLU	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
LEU	LEU	SER	TRP	LEU	THR	GLY	LEU	ARG	SER	SER	THR	LYS	PRO	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	ALA	ASN
GLY	PHE	LEU	ASP	LEU	THR	ASN	MET	LEU	GLY														

LYS	ASP	ILE	ASN	LEU	PRO	HIS	GLU	VAL	GLN	ASN	LEU	GLU	LYS	HIS	GLU	VAL	GLN	ASN	LEU	GLU	LYS	HIS	GLU	VAL	GLN	ASN	LEU	GLU	LYS	HIS	GLU	VAL	GLN
E2497	W2505	W2164	F2253	Q2294	E2305	W2314	E2395	W2408	Q2462	W2468	W2477	LYS	ASN	THR	GLU	GLY	SER	LEU	LYS	LYS	LYS	HIS	LYS	LYS	VAL	MET	ARG	THR	SER	VAL	GLU	LYS	

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

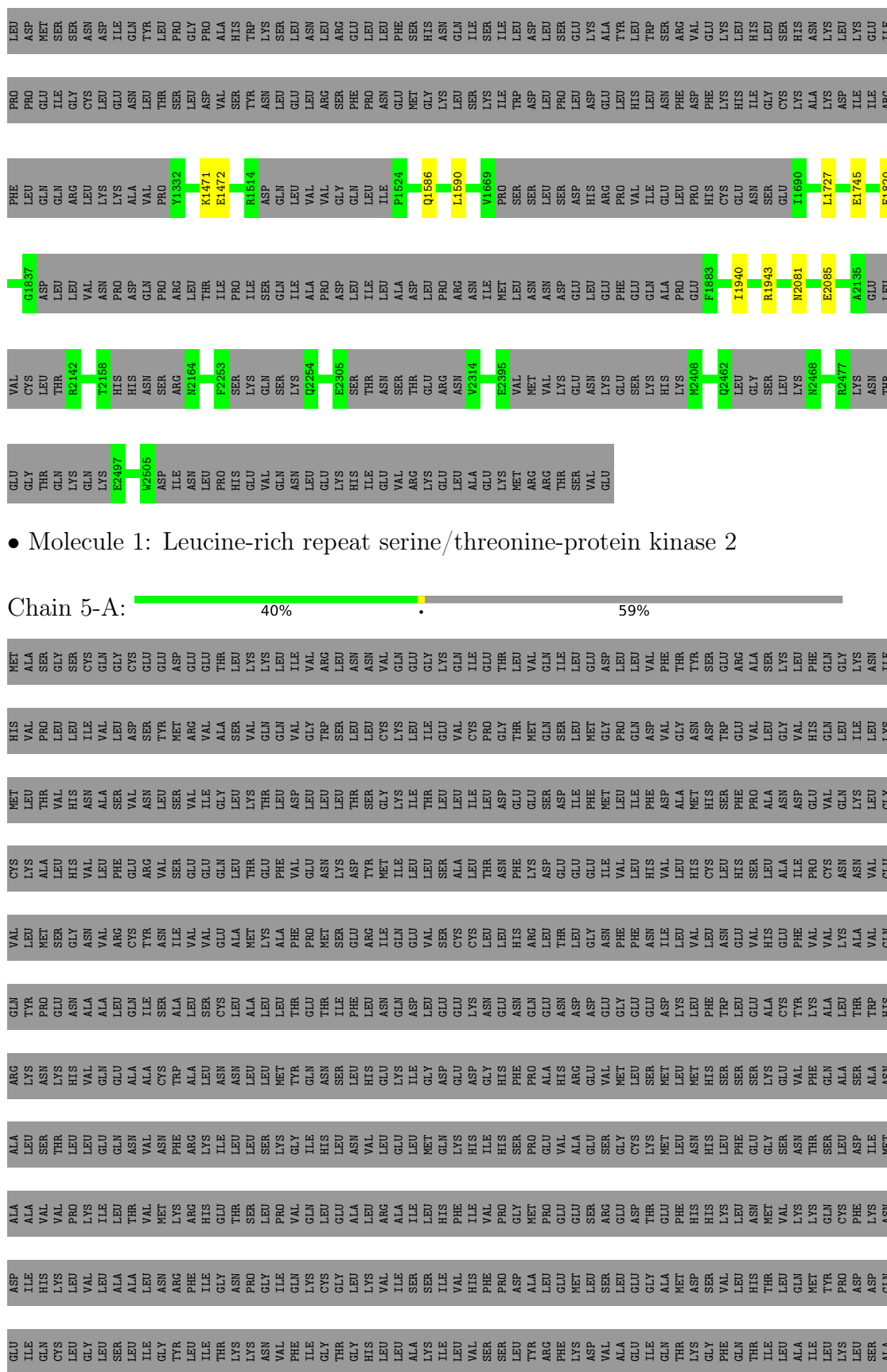
Chain 3-B: 41% 59%

MET	ALA	GLY	SER	CYS	GLN	GLY	CYS	GLU	GLY	THR	LYS	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
HIS	VAL	PRO	LEU	VAL	ILE	VAL	ASP	LEU	ASP	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
MET	THR	VAL	THR	VAL	ASN	ALA	SER	VAL	ASP	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
CYS	LYS	ALA	THR	VAL	ASN	VAL	THR	VAL	ASP	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
VAL	LEU	MET	SER	GLY	ASN	VAL	THR	VAL	ASP	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
GLN	THR	PRO	GLY	ASN	ALA	ALA	GLN	ILE	THR	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
ARG	LYS	ASN	LYS	VAL	GLN	GLY	ALA	CYS	THR	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
ALA	LEU	SER	THR	LEU	GLY	GLN	ASN	VAL	THR	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
ALA	ALA	VAL	VAL	PRO	LYS	ILE	THR	MET	VAL	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
ASP	ILE	HIS	LYS	VAL	LEU	LEU	ALA	ASN	THR	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
GLY	ILE	GLN	CYS	LEU	GLY	SER	LEU	GLY	THR	THR	GLY	VAL	GLN	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
SER	PHE	SER	LYS	LEU	VAL	VAL	HIS	PHE	ASP	VAL	VAL	VAL	GLY	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
ASN	SER	ILE	MET	GLY	CYS	LEU	LEU	PHE	ASP	VAL	VAL	VAL	GLY	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
LYS	GLY	ASP	SER	ILE	ILE	SER	LEU	LEU	ASP	VAL	VAL	VAL	GLY	LEU	ILE	VAL	VAL	ARG	THR	GLY	LEU	ASN	THR	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
ARG	MET	VAL	ILE	ARG	GLN	MET	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR
SER	PHE	LEU	VAL	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

59%





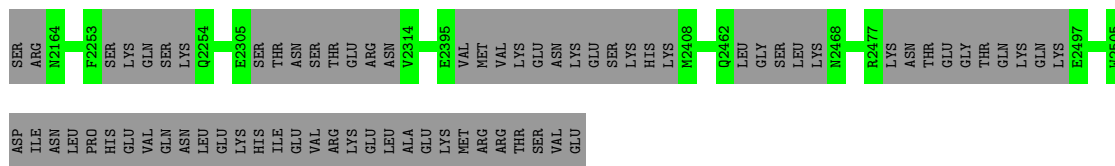


PHE	LEU	GLN	GLN	ARG	LEU	LYS	LYS	ALA	VAL	PRO	Y1332	K1463	A1464	C1465	M1466	S1467	K1468	E1472	R1514	ASP	GLN	LEU	VAL	VAL	GLY	GLN	LEU	ILE	P1524	N1567	E1568	L1569	P1570	H1571	H1574	Y1669	PRO	SER	SER	LEU	ASP	ASP	HIS	ARG	PRO	ASN	ASN	VAL	ILE	GLU	LEU	PRO	HIS	CYS	GLU
ASN	SER	GLU	I1690	E1714	I1715	S1716	P1717	I1718	M1719	L1720	S1743	Q1779	G1837	ASP	LEU	LEU	VAL	ASN	PRO	PRO	ASP	GLN	GLN	PRO	ARG	ASN	THR	ILE	PRO	ILE	SER	GLN	ILE	ALA	PRO	PRO	ASP	LEU	ILE	ILE	ALA	ASP	LEU	PRO	ARG	ASN	ASN	ASP	GLU	LEU	PHE	GLU	GLN		
ALA	PRO	GLU	F1863	L1914	C2025	A2044	K2078	F2079	P2080	N2081	A2135	GLU	LEU	VAL	CYS	LEU	THR	R2142	T2158	HIS	HIS	ASN	ARG	R2164	F2283	LYS	GLN	SER	LYS	Q2284	E2305	SER	THR	ASN	THR	VAL	THR	LYS	ARG	GLU	GLU	ASP	ASP	ILE	GLU	VAL	THR	ARG	LEU	GLU	VAL	ASN	LYS		
GLU	SER	HIS	M2408	Q2462	LEU	GLY	SER	LEU	LYS	N2468	R2477	ASN	THR	GLU	GLY	THR	GLN	LYS	LYS	E2497	W2505	ILE	ASN	LEU	PRO	HIS	GLU	VAL	GLN	ASN	LYS	HIS	ILE	GLU	VAL	ARG	LYS	GLU	GLU	ALA	GLU	LYS	MET	MET	ARG	THR	ARG	SER	VAL	GLU					

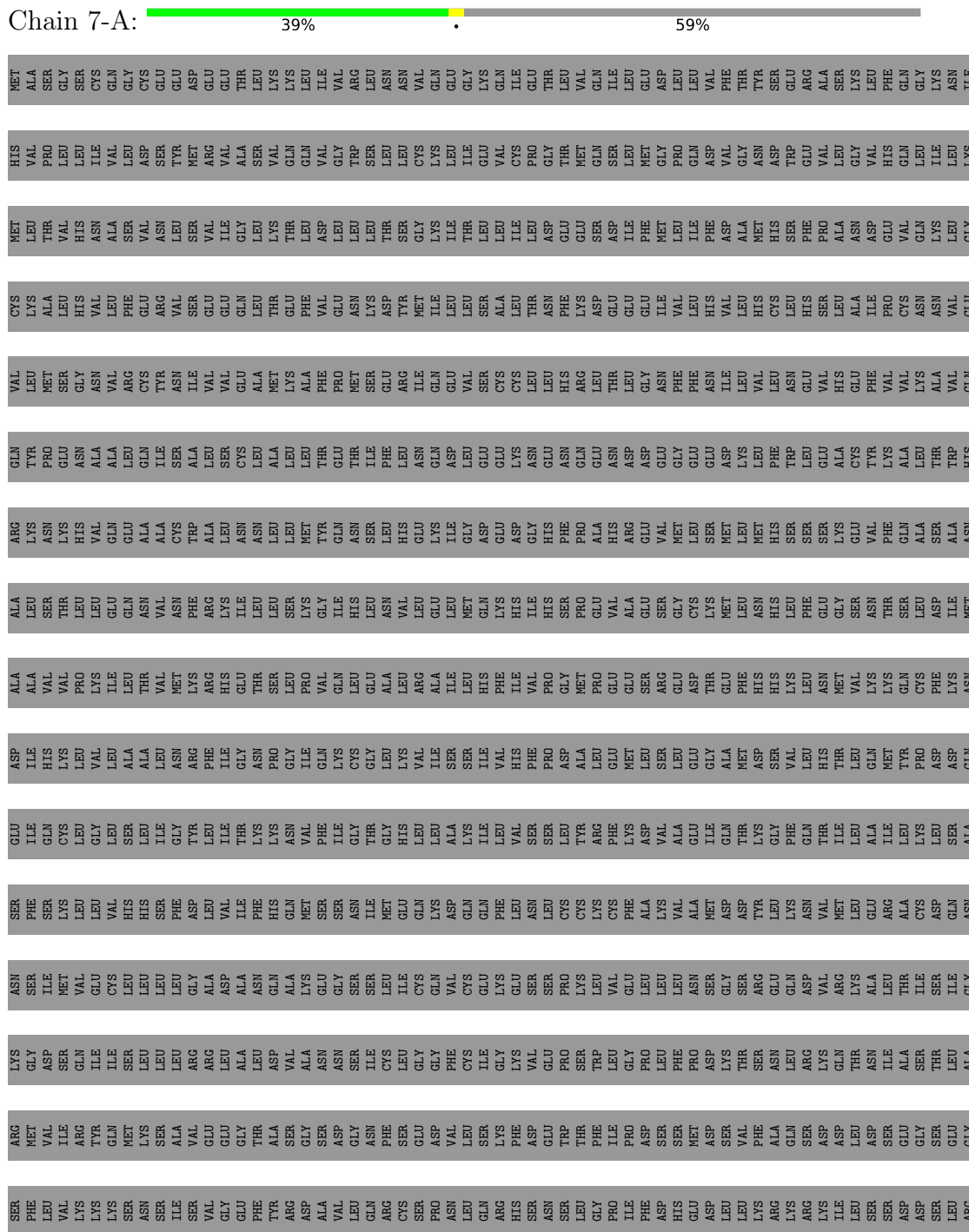
● Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Chain 6-A:		41%	59%																																													
MET	ALA	GLY	SER	CYS	GLN	GLY	LYS	GLU	THR	LYS	LYS	LEU	ILE	VAL	VAL	ILE	VAL	CYS	LYS	GLN	GLY	THR	THR	VAL	VAL	GLN	ILE	LEU	GLU	ASP	VAL	PHE	THR	TYR	ASN	GLY	LYS	LEU	VAL	ALA	SER	ASN	GLY	ILE	GLY			
HIS	VAL	PRO	LEU	ILE	VAL	LEU	ASP	TYR	SER	MET	ARG	VAL	VAL	ALA	VAL	GLN	VAL	GLY	LYS	THR	TRP	ARG	LEU	LYS	ASN	VAL	GLN	ILE	VAL	PRO	GLY	THR	GLY	THR	ASN	GLY	VAL	GLN	GLY	THR	TRP	LYS	LEU	ILE	GLY	LYS		
MET	LEU	THR	VAL	ASN	ALA	SER	VAL	ASN	LEU	ILE	GLY	LEU	ASP	LEU	THR	ASP	GLY	LYS	ILE	THR	LEU	THR	ASP	ILE	LEU	ILE	LEU	ILE	LEU	PHE	ASP	ILE	ASP	ALA	ALA	ASN	GLY	VAL	GLN	GLY	THR	VAL	GLN	GLY	LEU	GLY		
CYS	LYS	ALA	VAL	HIS	VAL	PHE	GLU	ARG	VAL	GLU	GLN	THR	PHE	VAL	GLU	VAL	GLY	ILE	THR	LEU	LEU	ASP	GLU	GLY	ILE	LEU	ALA	LEU	ILE	LEU	VAL	GLU	THR	VAL	GLY	VAL	GLN	VAL	GLY	THR	VAL	GLN	GLY	LEU	GLY			
VAL	LEU	MET	SER	ASN	VAL	ARG	CYS	TYR	ASN	ILE	VAL	ALA	LEU	VAL	GLU	ALA	LEU	GLY	GLU	THR	THR	GLY	GLY	ASN	GLN	CYS	VAL	CYS	GLY	THR	LEU	GLY	ASN	ILE	VAL	HIS	GLY	VAL	VAL	GLN	VAL	GLN	VAL	GLN				
GLN	TYR	PRO	GLU	ASN	ALA	LEU	ILE	ILE	ALA	SER	CYS	ALA	LEU	LEU	THR	LEU	THR	ASN	GLN	ASP	ILE	GLY	GLY	GLY	ASN	GLN	ILE	GLY	GLY	ASP	GLY	ASN	GLY	LYS	GLU	VAL	VAL	THR	THR	THR	THR	THR	THR	HIS				
ARG	LYS	ASN	LYS	HIS	VAL	GLN	GLU	TRP	ALA	LEU	ASN	LEU	LEU	MET	TYR	GLY	ILE	GLY	ILE	THR	SER	ILE	PHE	LEU	ASN	GLY	HIS	GLY	ASP	GLY	ARG	GLY	VAL	ARG	GLY	VAL	VAL	GLY	VAL	GLY	VAL	GLY	VAL	GLY	ASN			
ALA	LEU	SER	THR	LEU	GLU	GLN	VAL	PHE	ARG	LYS	ILE	LEU	SER	LYS	GLY	ILE	GLY	HIS	LEU	GLY	HIS	PRO	GLY	VAL	ALA	GLY	VAL	HIS	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY		
ALA	ALA	VAL	PRO	LYS	ILE	LEU	VAL	ARG	HIS	GLY	THR	SER	LEU	PRO	VAL	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	
ASP	ILE	HIS	LYS	VAL	LEU	ALA	LEU	ARG	PHE	GLY	GLY	ASN	PRO	GLY	ILE	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	
GLU	ILE	CYS	GLN	GLY	LEU	SER	LEU	THR	ILE	THR	THR	ASN	VAL	PHE	ILE	GLN	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	
SER	PHE	SER	LYS	LEU	VAL	HIS	HIS	ASP	VAL	LEU	ILE	PHE	LEU	VAL	GLN	SER	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY
ASN	SER	ILE	MET	VAL	CYS	GLY	LEU	GLY	ALA	ASP	ALA	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY

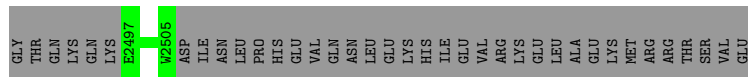




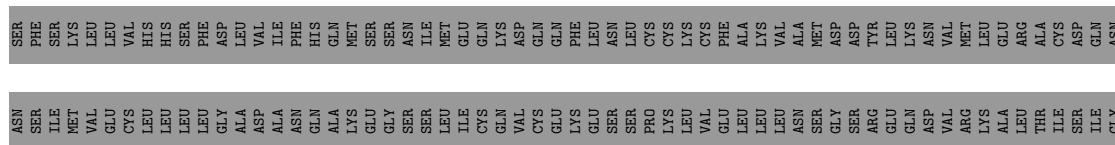
- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2







- Chain 8-A: 40% . 59%





THR
SER
VAL
GLU

- Chain 9-A: 41% 59%

SER PHE LEU LEU VAL LYS LYS SER SER ASN SER SER ILE SER VAL GLY GLY PHE TYR ARG ASP ALA VAL VAL LEU LEU GLN ARG CYS SER SER PRO PRO LEU LEU GLN ARG HIS SER SER ASN SER SER LEU LEU GLY PRO PRO ILE PHE ASP HIS GLU ASP LEU LEU LYS ARG LYS ARG LYS LYS LEU ILE LEU SER SER ASP ASP SER SER LEU LEU ARG



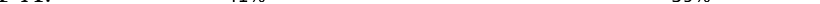
[illegible]

THR
SER
VAL
GLU

- Chain 10-B: 40% 59%

[illegible]



Chain 11-A:  41% 59%

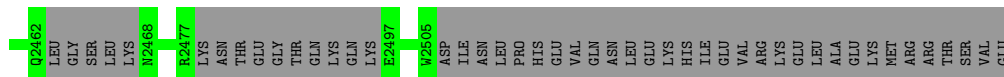
[illegible]

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Chain 11-B:

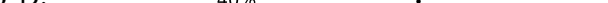
[illegible]







- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Chain 13-B:  40% . 59%

[illegible]



K2135	ASN	LYS	THR	GLY	GLU	THR	GLN	LYS	GLN	LYS	K2142					K2168	HIS	HIS	ASN	SER	ARG	K2164					F2253	SER	LYS	GLN	SER	LYS	K2254					E2305	SER	THR	ASN	THR	THR	GLU	ARG	ASN	K2314					E2395	VAL	MET	VAL	LYS	GLU	ASN	LYS	SER	GLU	LYS	HIS	LYS	K2408					Q2462	LEU	GLY	SER	LEU	LYS	K2468					R2477																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																																

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

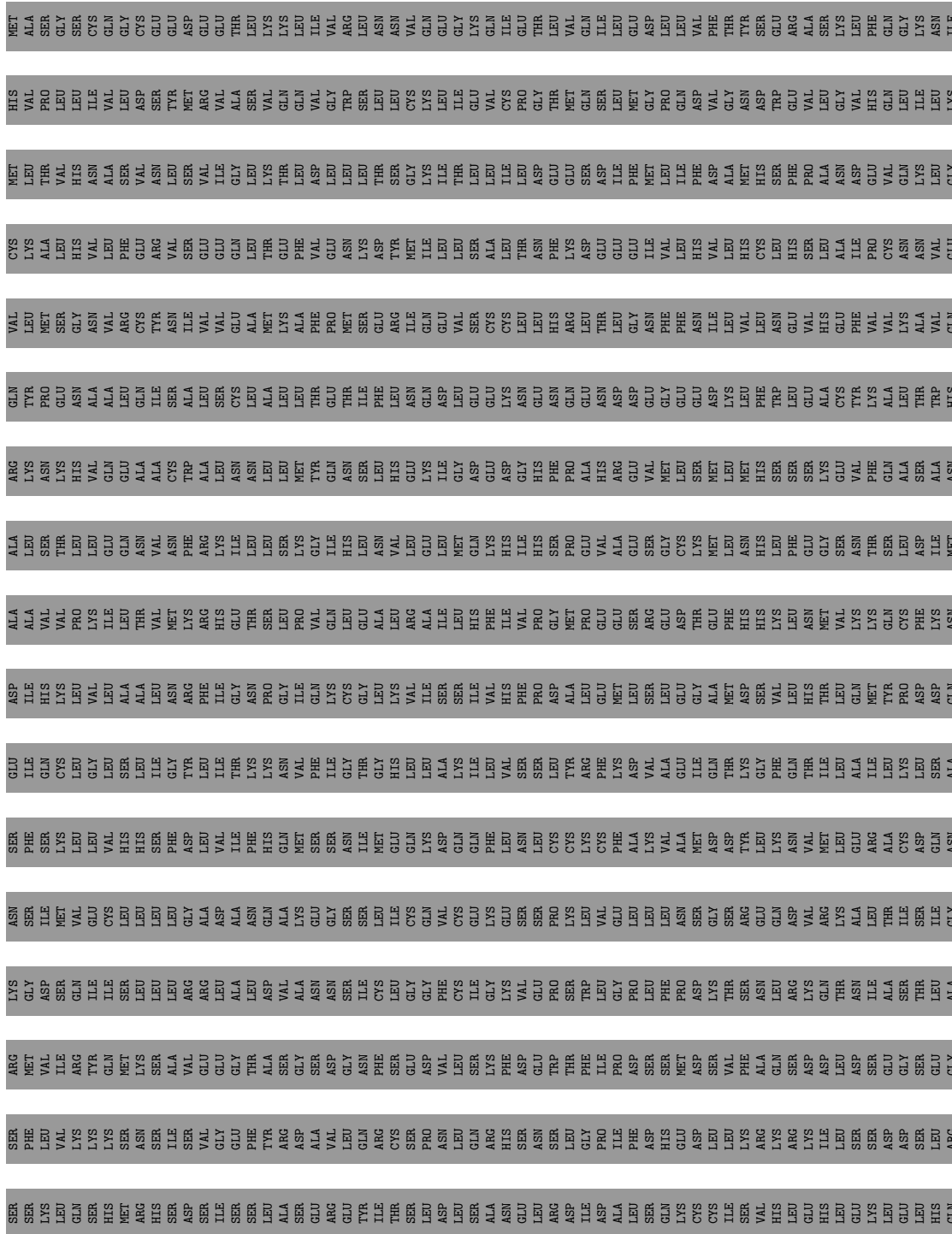
Chain 14-B:

39%

59%

MET	ALA	GLY	SER	GLY	THR	LEU	CYS	GLN	GLY	GLU	ASP	GLU	THR	LEU	LYS	LYS	THR	ASN	VAL	GLN	GLY	GLU	THR	GLU	GLU	THR	LEU	GLN	GLN	ILE	VAL	PHE	THR	TYR	GLY	SER	ASP	ARG	ALA	SER	LYS	VAL	LEU	GLY	ILE		
HIS	VAL	PRO	LEU	SER	THR	VAL	HIS	ASN	ILE	VAL	ASP	GLU	THR	LEU	LYS	GLN	VAL	VAL	ALA	SER	GLY	THR	GLU	GLY	GLU	GLY	THR	LEU	VAL	CYS	ILE	VAL	GLY	THR	ASN	GLY	TRP	GLU	VAL	LEU	GLY	ASN	VAL	GLN	ILE	LYS	
MET	THR	VAL	LEU	VAL	THR	ASN	HIS	VAL	ALA	ASP	VAL	GLU	ILE	THR	THR	PHE	ASP	GLY	ILE	GLY	GLN	GLU	THR	PHE	ILE	THR	LEU	THR	ALA	LEU	ILE	ASP	GLY	THR	ASP	PHE	PRO	VAL	SER	ALA	ASN	VAL	GLY				
CYS	LYS	ALA	LEU	HIS	THR	VAL	LYS	ASN	VAL	PHE	SER	GLU	GLU	THR	THR	PHE	GLY	THR	ILE	GLY	GLN	GLU	THR	GLY	ILE	THR	LEU	THR	ALA	LEU	ILE	ASP	GLY	THR	ASP	PHE	VAL	HIS	SER	LEU	THR	ASN	VAL	GLU			
VAL	LEU	MET	SER	GLY	THR	ASN	VAL	VAL	ARG	VAL	ILE	VAL	GLU	ALA	LYS	PHE	VAL	GLU	VAL	GLU	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	CYS	ILE	THR	GLY	THR	ASP	GLY	THR	ILE	VAL	HIS	THR	VAL	GLN					
GLN	TYR	PRO	GLU	ASN	GLY	ASN	ALA	ALA	LEU	GLN	ALA	SER	LEU	ALA	ALA	LEU	THR	GLU	GLY	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	GLY	ASN	LYS	GLY	ASN	ASP	GLY	THR	LYS	ALA	GLU	CYS	VAL	THR	HIS					
ARG	LYS	ASN	THR	LYS	ASN	VAL	GLN	GLU	TRP	ALA	LEU	SER	ALA	LEU	LEU	GLY	TYR	GLU	LYS	ASN	GLY	GLU	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY				
ALA	LEU	SER	THR	LEU	GLU	GLN	ASN	VAL	PHE	ARG	LYS	ILE	THR	LEU	LEU	GLY	VAL	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY			
ALA	VAL	VAL	VAL	PRO	VAL	ILE	THR	LEU	LYS	ARG	HIS	GLU	THR	SER	PRO	VAL	GLN	VAL	ARG	VAL	GLN	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL		
ASP	ILE	HIS	LYS	VAL	ALA	ALA	ASN	ARG	ASP	PHE	ILE	GLY	PRO	ASN	GLY	ILE	GLN	LYS	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL		
GLU	ILE	GLN	CYS	GLY	LEU	LEU	LEU	SER	TYR	LEU	ILE	THR	LYS	LYS	ASN	PHE	VAL	GLY	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS	LYS		
SER	PHE	SER	ILE	VAL	LEU	VAL	HIS	VAL	VAL	LEU	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	
ASN	SER	ILE	MET	GLU	CYS	LEU	LEU	GLY	ASP	ALA	ASP	ALA	ASN	GLN	ALA	LYS	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	
LYS	GLY	ASP	SER	ILE	GLN	ILE	LEU	SER	ARG	VAL	ARG	ALA	ASP	VAL	ASP	ALA	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	VAL	
ARG	MET	VAL	ILE	ARG	GLN	MET	THR	VAL	GLY	GLY	GLY	THR	ALA	THR	TYR	ASP	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	
SER	PHE	LEU	VAL	LYS	LYS	SER	ASN	SER	VAL	VAL	GLY	GLY	THR	THR	TYR	ASP	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY	GLY







Chain 16-B: 39% . 59%



- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2





THR	GLN	THR	LEU	ASP	PHE	PRO	LEU
GLN	LYS	R2142	THR	LEU	GLN	PRO	ASP
GLN	LYS	R2142	VAL	LEU	GLN	GLY	GLY
LYS	THR	T2158	ASN	ASN	ARG	ILE	SER
E2497	HIS	T2158	PRO	PRO	LEU	CYS	ASN
W2505	HIS	HIS	ASP	ASP	LYS	LEU	ASP
ASP	ASN	ASN	GLN	GLN	LYS	GLY	ILE
SER	ARG	ARG	PRO	ARG	ALA	ASN	GLN
ILE	ARG	ARG	PRO	VAL	VAL	LEU	TYR
ASN	ASN	W2164	LEU	THR	PRO	THR	LEU
LEU	LEU	THR	THR	THR	Y1332	SER	PRO
PRO	PRO	F2253	ILE	ILE	LEU	SER	GLY
HIS	GLY	LYS	SER	PRO	M1475	ASP	PRO
GLY	VAL	GLN	LYS	ILE	VAL	SER	ALA
GLN	ASN	SER	GLN	SER	R1514	HIS	HIS
ASN	LYS	LYS	ILE	ASN	ASP	TYR	TRP
LEU	LEU	Q2254	LYS	ASN	GLN	ASN	LYS
GLY	GLY	Q2254	ALA	LEU	LEU	SER	LYS
LYS	LYS	E2305	PRO	VAL	VAL	LEU	LEU
HIS	SER	SER	ASP	VAL	VAL	LEU	ASN
LYS	THR	THR	ILE	GLY	GLY	ARG	LEU
ILE	THR	ASN	LEU	GLN	LEU	SER	ARG
GLY	GLY	SER	LEU	LEU	PHE	GLY	GLY
VAL	VAL	ASN	ALA	ILE	PRO	LEU	LEU
ARG	THR	THR	ASP	P1524	ASN	LEU	LEU
LYS	GLY	GLY	LEU	GLY	GLY	PHE	SER
LEU	ARG	ARG	LEU	D1565	MET	GLY	HIS
ALA	ASN	W2314	ASN	E1566	GLY	LYS	ASN
GLY	GLY	W2314	ASN	M1567	LYS	GLN	GLN
LYS	MET	E2395	ILE	E1568	LEU	ILE	ILE
MET	VAL	VAL	LEU	GLY	SER	LYS	SER
ARG	MET	MET	LEU	G1580	ILE	ILE	ILE
ARG	VAL	VAL	ASN	ASN	LEU	TRP	LEU
THR	LYS	LYS	ASP	L1590	TRP	ASP	ASP
SER	GLY	GLY	GLY	V1669	LEU	LEU	LEU
VAL	ASN	ASN	LEU	PRO	PRO	PRO	SER
GLY	LYS	LYS	GLY	SER	LEU	LEU	GLY
GLY	GLY	GLY	PHE	SER	LYS	ASP	LYS
SER	SER	GLY	GLY	LEU	GLY	ALA	ALA
LYS	LYS	LYS	GLN	SER	LEU	TYR	TYR
HIS	HIS	HIS	ALA	ASP	HIS	LEU	LEU
LYS	LYS	LYS	PRO	HIS	LEU	TRP	TRP
W2408	GLY	GLY	GLY	ARG	ASN	ARG	ARG
Q2462	THR	THR	THR	PRO	PHE	VAL	VAL
LEU	GLY	GLY	LEU	VAL	ASP	PHE	ASP
SER	SER	SER	LEU	ILE	LEU	LYS	GLY
W2505	LEU	LEU	LEU	GLY	PHE	LYS	LYS
ASP	LYS	LYS	LYS	PRO	ILE	GLY	GLY
ILE	ILE	ILE	ILE	LEU	HIS	ILE	ILE
ASN	ASN	ASN	ASN	PRO	PRO	ILE	HIS
LEU	LEU	LEU	LEU	N2081	HIS	GLY	LEU
PRO	PRO	PRO	PRO	N2118	CYS	CYS	SER
HIS	HIS	HIS	HIS	N2118	GLY	LYS	HIS
GLY	GLY	GLY	GLY	A2135	GLU	ALA	ASN
ASP	ASP	ASP	GLY	GLY	ASN	LYS	ASN
THR	THR	THR	LEU	LEU	GLY	ASP	LEU
GLY	GLY	GLY	VAL	VAL	I1690	LYS	GLY
GLY	GLY	GLY	CYS	CYS	GLY	ILE	GLY
GLY	GLY	GLY	ASP	ASP	ASP	ASP	ASP

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

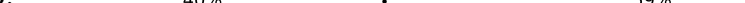
Chain 18-A:

[illegible]



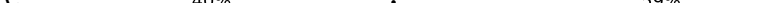


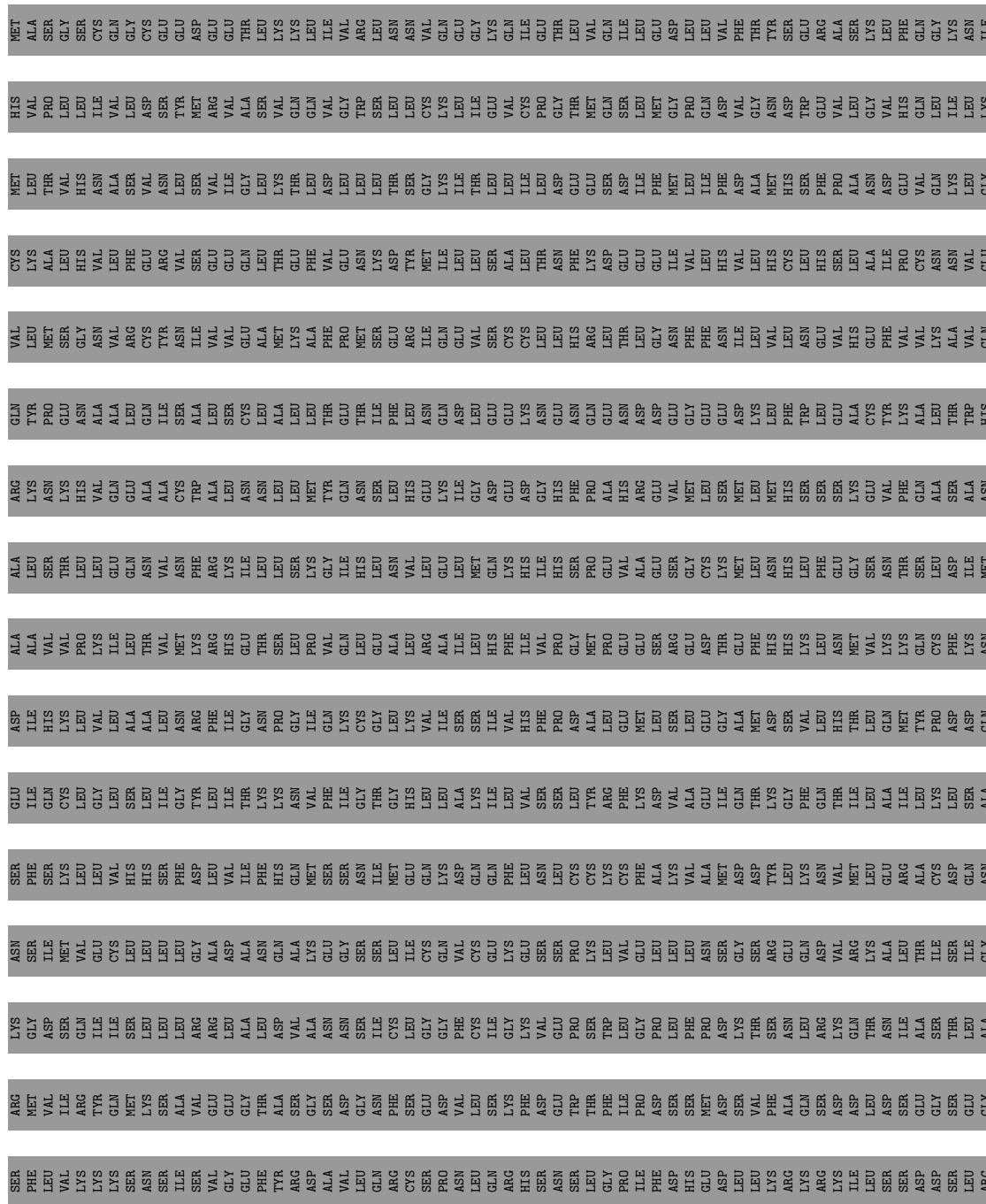
- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Chain 20-B:  40% 59%



- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Chain 21-A:  40% 59%





MET
ARG
ARG
THR
SER
VAL
GLU

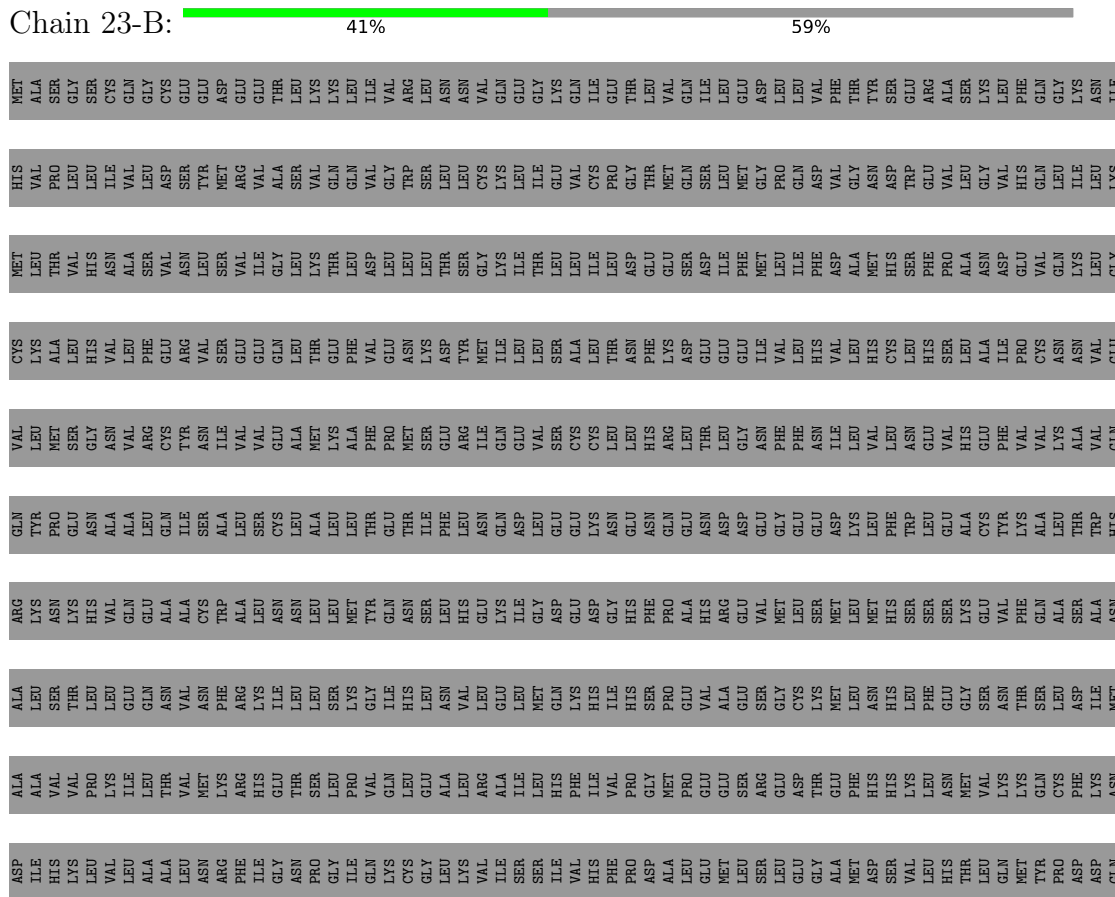
- Chain 22-A: 40% 59%

SER PHE LEU LEU VAL LYS LYS SER SER ASN SER SER ILE SER VAL GLY GLY PHE TYR ARG ASP ALA VAL VAL LEU LEU GLN ARG CYS SER SER PRO PRO LEU LEU GLN ARG HIS SER SER ASN SER SER LEU LEU GLY PRO PRO ILE PHE ASP HIS GLU ASP LEU LEU LYS ARG LYS ARG LYS LYS LEU ILE LEU SER SER SER ASP ASP SER SER LEU LEU ARG

Chain 23-A: 41% 59%



- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

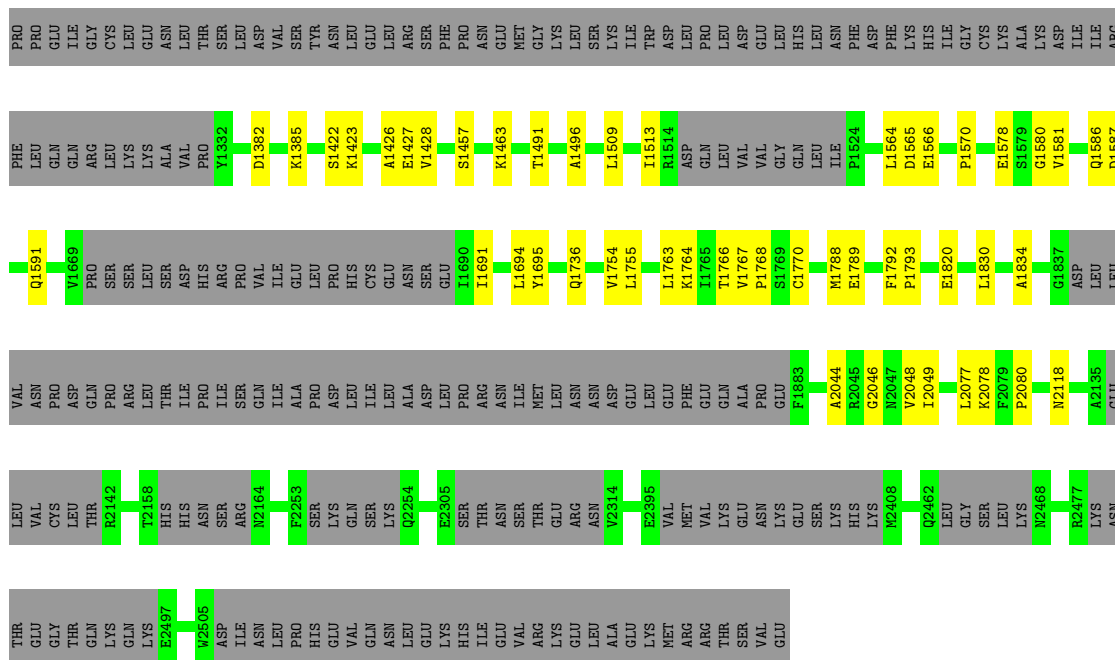




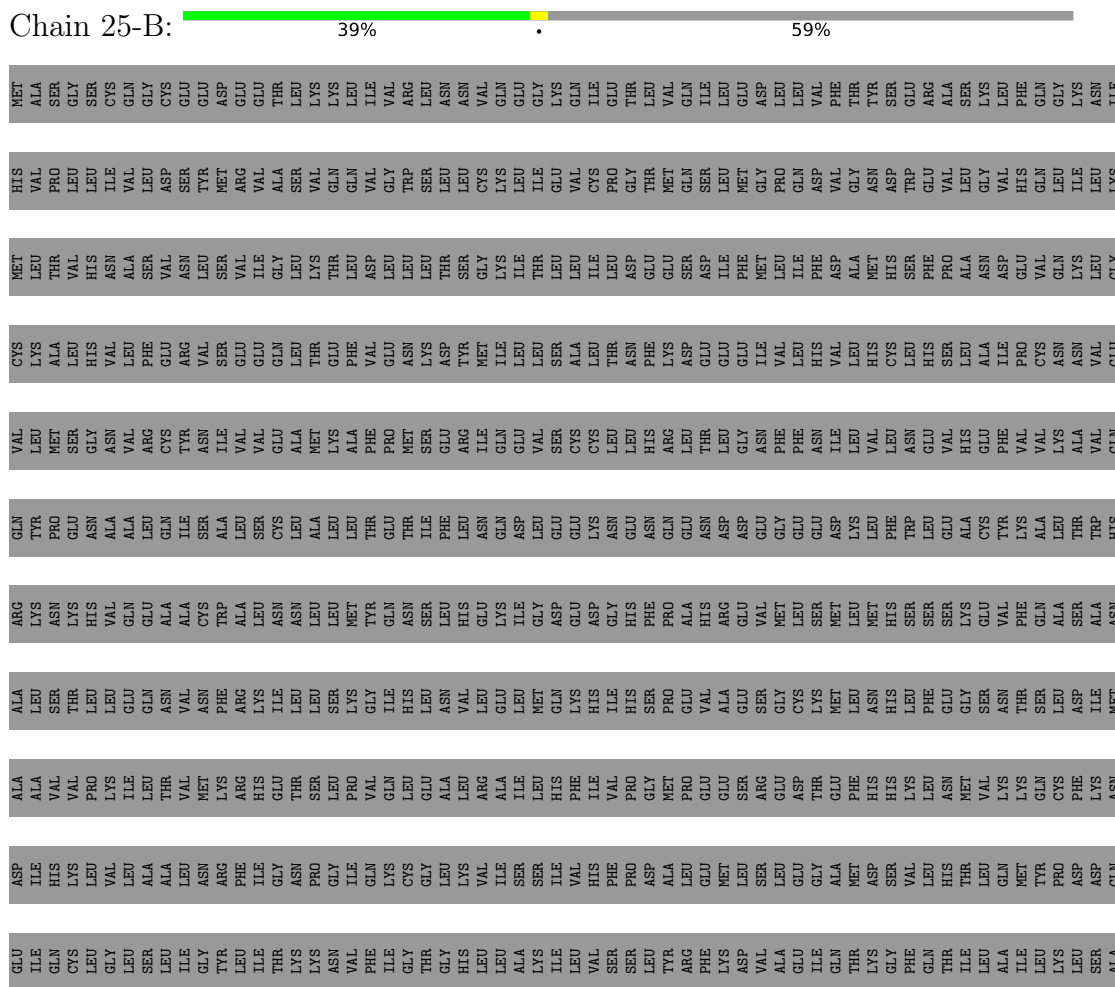


MET	ALA	SER	GLY	SER	GLN	CYS	GLN	GLY	GLU	CYS	GLU	GLU	ASP	GLU	GLU	THR	GLU	LEU	LYS	LYS	LEU	ILE	VAL	ARG	ASN	ASN	ASN	GLN	GLN	GLU	GLY	GLY	LYS	GLN	GLN	THR	THR	LEU	VAL	VAL	GLN	ILE	LEU	LEU	GLU	ASP	LEU	LEU	VAL	VAL	PHE	THR	THR	THR	SER	GLU	ARG	ALA	LYS	LYS	LEU	PHE	GLN	GLY	LYS	ASN	ILE
-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----	-----



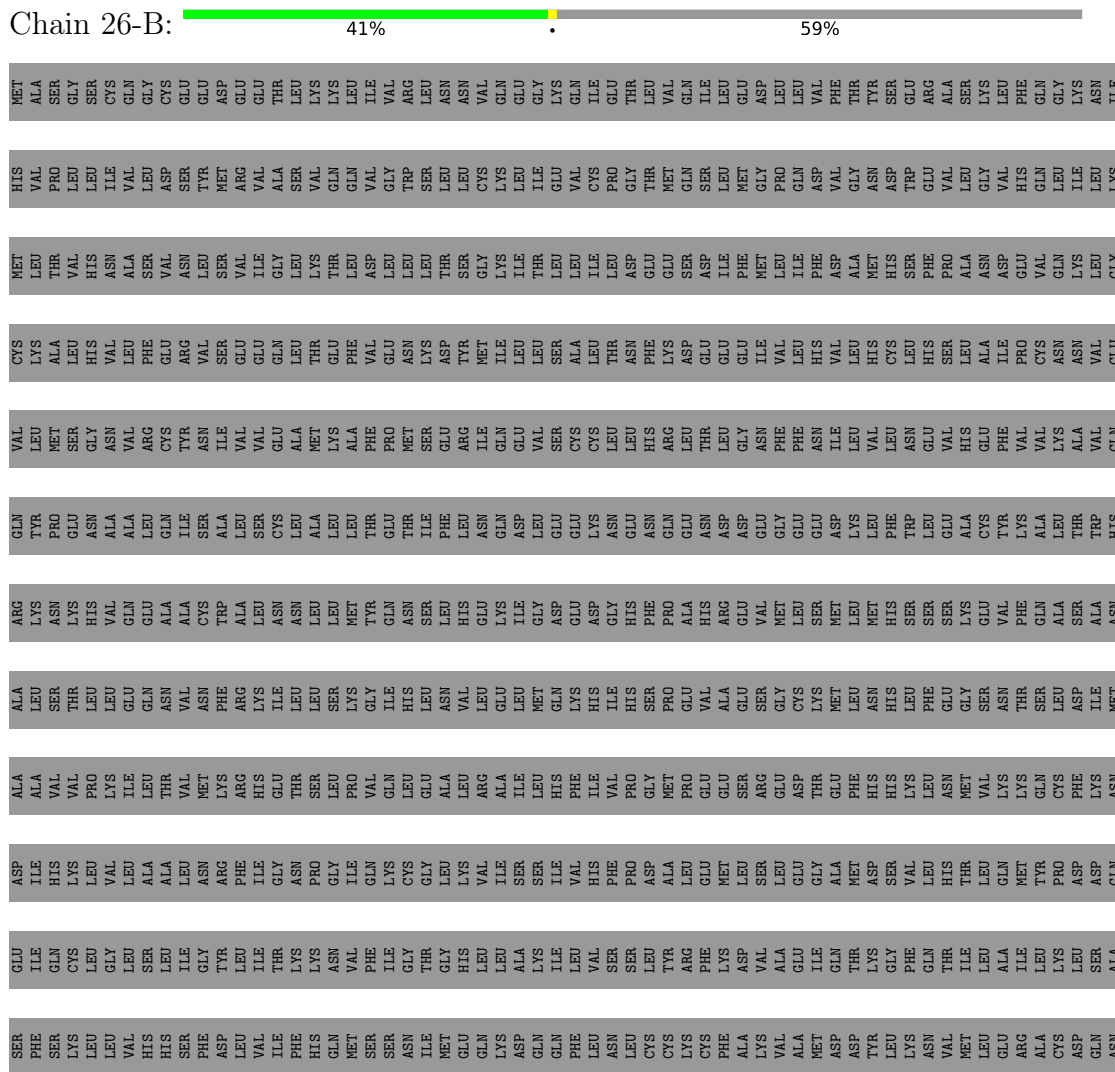


- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2







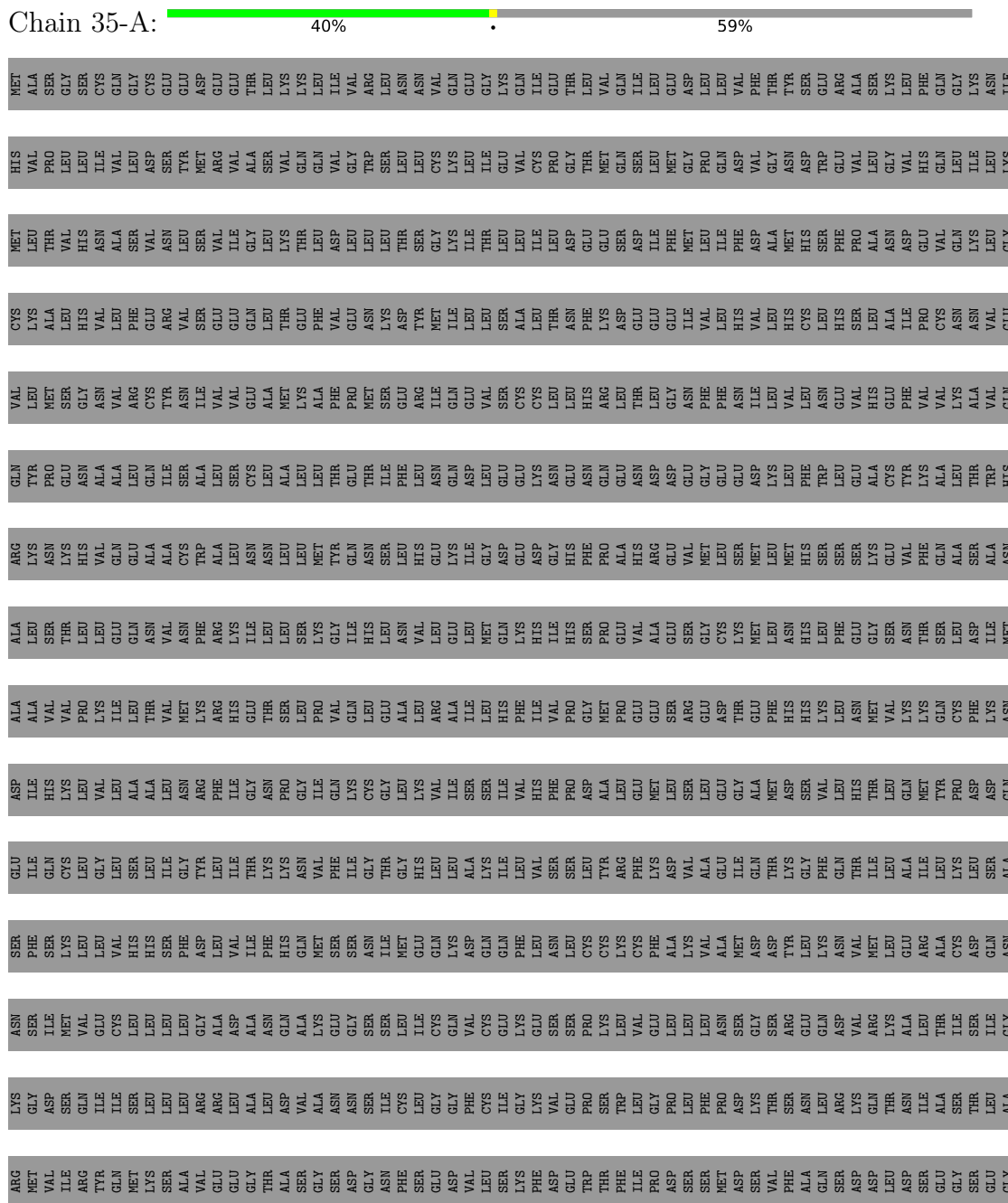








- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2



[illegible]



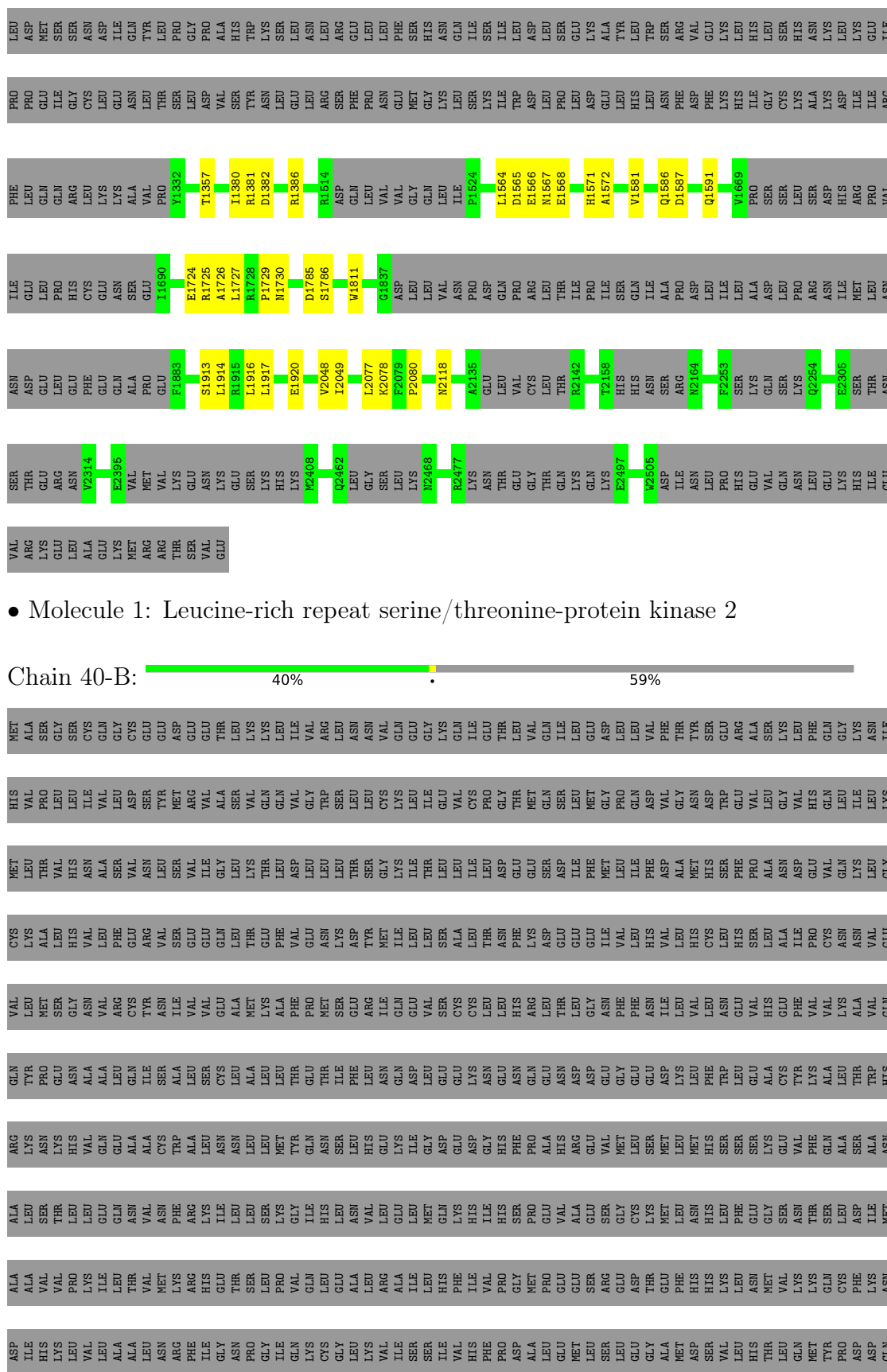
[illegible]



- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2











Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Chain 41-B: 38% . 59%

Position	Amino Acid	Information Content (bits)
1	Lys	1.4
2	Lys	1.4
3	Lys	1.4
4	Lys	1.4
5	Lys	1.4
6	Lys	1.4
7	Lys	1.4
8	Lys	1.4
9	Lys	1.4
10	Lys	1.4
11	Lys	1.4
12	Lys	1.4
13	Lys	1.4
14	Lys	1.4
15	Lys	1.4
16	Lys	1.4
17	Lys	1.4
18	Lys	1.4
19	Lys	1.4
20	Lys	1.4
21	Lys	1.4
22	Lys	1.4
23	Lys	1.4
24	Lys	1.4
25	Lys	1.4
26	Lys	1.4
27	Lys	1.4
28	Lys	1.4
29	Lys	1.4
30	Lys	1.4
31	Lys	1.4
32	Lys	1.4
33	Lys	1.4
34	Lys	1.4
35	Lys	1.4
36	Lys	1.4
37	Lys	1.4
38	Lys	1.4
39	Lys	1.4
40	Lys	1.4
41	Lys	1.4
42	Lys	1.4
43	Lys	1.4
44	Lys	1.4
45	Lys	1.4
46	Lys	1.4
47	Lys	1.4
48	Lys	1.4
49	Lys	1.4
50	Lys	1.4
51	Lys	1.4
52	Lys	1.4
53	Lys	1.4
54	Lys	1.4
55	Lys	1.4
56	Lys	1.4
57	Lys	1.4
58	Lys	1.4
59	Lys	1.4
60	Lys	1.4
61	Lys	1.4
62	Lys	1.4
63	Lys	1.4
64	Lys	1.4
65	Lys	1.4
66	Lys	1.4
67	Lys	1.4
68	Lys	1.4
69	Lys	1.4
70	Lys	1.4
71	Lys	1.4
72	Lys	1.4
73	Lys	1.4
74	Lys	1.4
75	Lys	1.4
76	Lys	1.4
77	Lys	1.4
78	Lys	1.4
79	Lys	1.4
80	Lys	1.4
81	Lys	1.4
82	Lys	1.4
83	Lys	1.4
84	Lys	1.4
85	Lys	1.4
86	Lys	1.4
87	Lys	1.4
88	Lys	1.4
89	Lys	1.4
90	Lys	1.4
91	Lys	1.4
92	Lys	1.4
93	Lys	1.4
94	Lys	1.4
95	Lys	1.4
96	Lys	1.4
97	Lys	1.4
98	Lys	1.4
99	Lys	1.4
100	Lys	1.4
101	Lys	1.4
102	Lys	1.4
103	Lys	1.4
104	Lys	1.4
105	Lys	1.4
106	Lys	1.4
107	Lys	1.4
108	Lys	1.4
109	Lys	1.4
110	Lys	1.4
111	Lys	1.4
112	Lys	1.4
113	Lys	1.4
114	Lys	1.4
115	Lys	1.4
116	Lys	1.4
117	Lys	1.4
118	Lys	1.4
119	Lys	1.4
120	Lys	1.4
121	Lys	1.4
122	Lys	1.4
123	Lys	1.4
124	Lys	1.4
125	Lys	1.4
126	Lys	1.4
127	Lys	1.4
128	Lys	1.4
129	Lys	1.4
130	Lys	1.4
131	Lys	1.4
132	Lys	1.4
133	Lys	1.4
134	Lys	1.4
135	Lys	1.4
136	Lys	1.4
137	Lys	1.4
138	Lys	1.4
139	Lys	1.4
140	Lys	1.4
141	Lys	1.4
142	Lys	1

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Chain 41-B:  38% . 59%



Chain 42-A: 40% 59%



ARG	THR	VAL	GLU	ARG	PHE	GLU	PRO	PRO	PHE	LEU	ILE	
	SER	LYS	PHE	PRO	GLN	GLU	VAL	GLU	GLN	ASP	SER	
	VAL	ASN	GLN	ILE	ASN	GLU	ILE	ILE	GLN	SER	SER	
	GLU	GLU	PRO	LEU	LEU	LEU	PRO	CYS	LEU	ASN	GLU	
		SER	GLU	GLU	HIS	HIS	PRO	LYS	LEU	LYS	ASN	
		HIS	HIS	LYS	CYS	CYS	ALA	ALA	ASN	GLU	PHE	
		LYS	LYS	LYS	GLU	VAL	VAL	TYR	THR	GLU	GLU	
	H2408	H2408	A2044	ASN	PRO	PRO	Y1332	SER	PRO	CYS	ALA	
	Q2462	LEU	L2077	GLU	GLU	I1690	GLU	P1377	LEU	GLY	PRO	PRO
		GLY	K2078	SER	VAL	L1776	VAL	I1378	ASP	PRO	ALA	VAL
SER		F2079	F2080	ASN	G1794	ASN	I1380	SER	TRP	GLU	SER	
LYS		E2117	N2118	ASN	K1810	GLU	R1381	ASN	LYS	PHE	SER	
H2468	LYS	E2117	N2118	ASN	K1810	GLU	D1382	LEU	SER	ALA	ARG	
	LYS	E2117	N2118	ASN	K1810	GLU	K1383	LEU	ASN	LEU	MET	
	LYS	E2135	GLU	ASP	G1837	ASP	R1514	ARG	LEU	LEU	ASN	
	ASN	A2135	GLU	LEU	LEU	GLN	ASP	SER	ARG	GLU	PHE	
THR	THR	GLU	VAL	LEU	LEU	LEU	GLN	PHE	GLU	LEU	LEU	
	GLY	GLY	CYS	VAL	VAL	VAL	VAL	ASN	LEU	LEU	ALA	
	THR	THR	LEU	ASN	ASN	VAL	VAL	GLU	PHE	ALA	ALA	
	GLN	GLN	THR	PRO	PRO	GLY	GLN	MET	SER	MET	PRO	
LYS	LYS	E2142	GLN	ASN	GLN	GLN	GLN	GLY	HIS	ASN	PHE	
	LYS	E2142	GLN	ASN	GLN	GLN	ILE	LYS	ASN	ASN	PHE	
	LYS	E2168	HIS	THR	THR	THR	P1524	SER	ILE	GLN	LEU	
	E2497	HIS	ASN	ASN	LEU	LEU	I1566	LYS	ILE	ILE	PRO	
V2505	ASP	ASP	ARG	ARG	PRO	PRO	D1565	TRP	LEU	ASP	THR	
	ASN	ASN	ASN	ILE	ILE	ILE	E1566	TRP	ASP	THR	MET	
	LEU	LEU	LEU	ILE	ILE	ILE	H1567	ASP	LEU	ASP	THR	
	PRO	PRO	PRO	GLN	GLN	GLN	L1569	PRO	SER	LEU	LYS	
HIS	HIS	SER	SER	ILE	ILE	ILE	H1571	ASP	LYS	ALA	SER	
	GLU	GLU	GLN	ALA	ALA	PRO	A1572	GLU	GLU	LEU	GLN	
	VAL	VAL	GLN	PRO	PRO	ASP	Y1573	LEU	TYR	ASN	ASN	
	GLN	GLN	SER	ASN	ASN	LEU	H1574	HIS	LEU	ASN	ASN	
GLU	GLU	LYS	LYS	ILE	ILE	ILE	F1575	ASN	TRP	LYS	LYS	
	LEU	LEU	LEU	ILE	ILE	LEU	I1575	PHE	ARG	SER	SER	
	GLU	GLU	LEU	ALA	ALA	LEU	S1579	ASP	VAL	CYS	CYS	
	LYS	E2305	SER	ASP	ASP	ASP	L1590	PHE	GLU	TYL	ILE	
ILE	ILE	THR	THR	LEU	LEU	LEU	Q1591	LEU	LYS	GLU	PRO	
	VAL	ASN	ASN	PRO	PRO	PRO	I1658	HIS	LEU	ALA	ALA	
	ARG	THR	THR	ASN	ASN	ASN	I1658	ILE	HIS	LEU	GLU	
	LYS	GLU	GLU	ILE	ILE	ILE	V1669	GLY	LEU	LEU	ILE	
ASN	ASN	ARG	ARG	MET	MET	MET	PRO	LYS	HIS	SER	ASN	
	LEU	LEU	LEU	LEU	LEU	LEU	SER	ALA	ASN	ASN	LEU	
	ALA	ASN	ASN	ASN	ASN	ASN	SER	LYS	LYS	PRO	PRO	
	GLU	GLU	GLU	ASP	ASP	ASP	LEU	ASP	LEU	LYS	HIS	
MET	MET	E2395	E2395	GLU	GLU	GLU	HIS	ILE	LYS	GLU	ARG	
	VAL	VAL	VAL	LEU	LEU	LEU	ASP	ILE	ILE	THR	SER	
	ARG	ARG	ARG	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	THR	
	ASN	ASN	ASN	ASN	ASN	ASN	ASN	ASN	ASN	ASN	ASN	

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Chain 42-B: 40% 59%

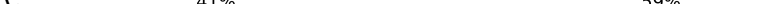
[illegible]

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Opinion	Percentage
Doing a good job	40%
Doing a bad job	59%

[illegible]

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

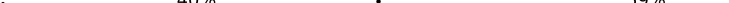
Chain 44-A:  41% 59%





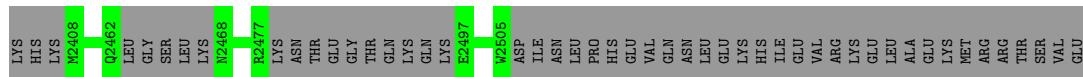


ARG
LYS
GLU
LEU
ALA
GLU
LYS
MET
ARG
ARG
THR
SER
VAL
GLU

- Chain 47-A:  40% 59%

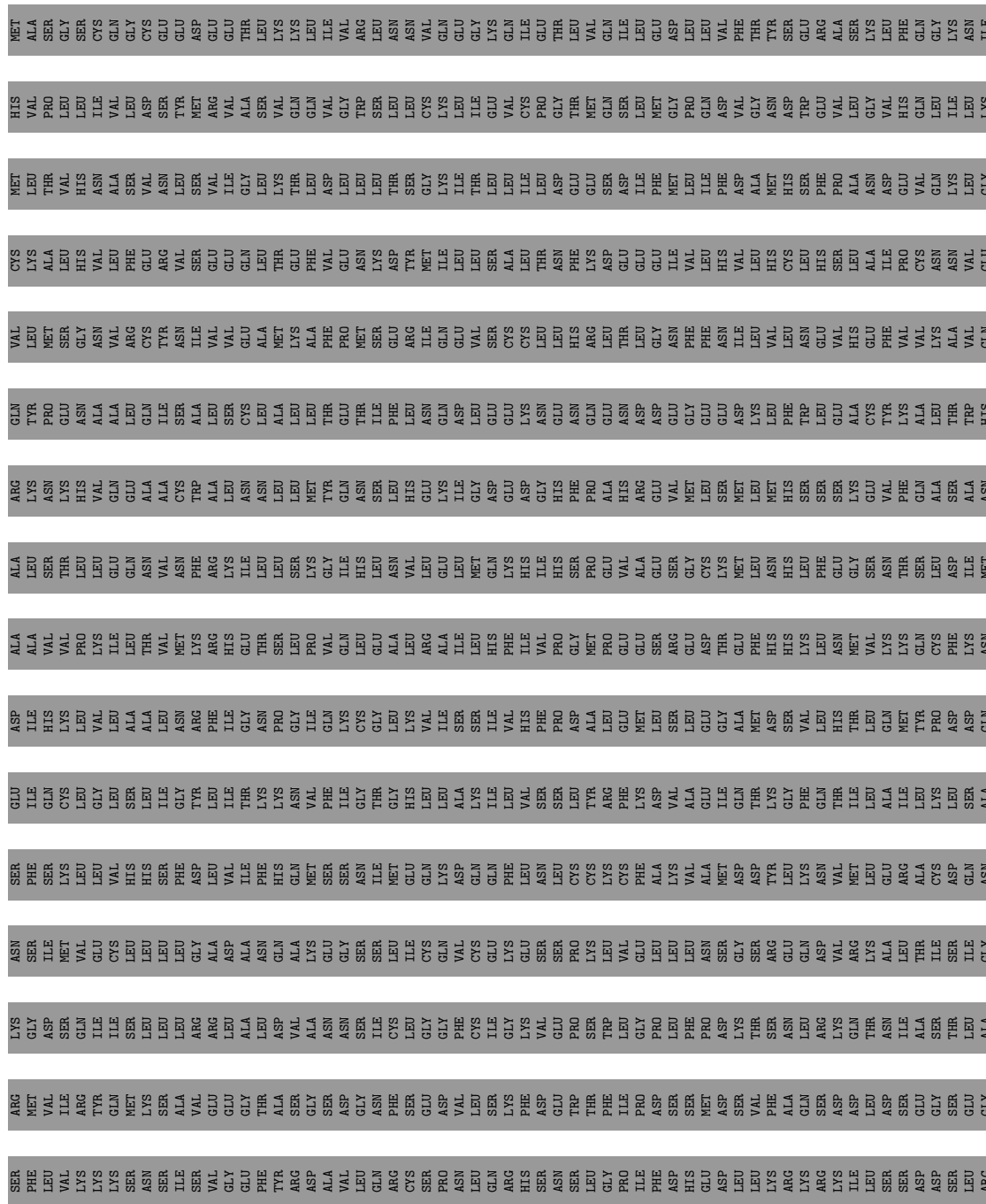




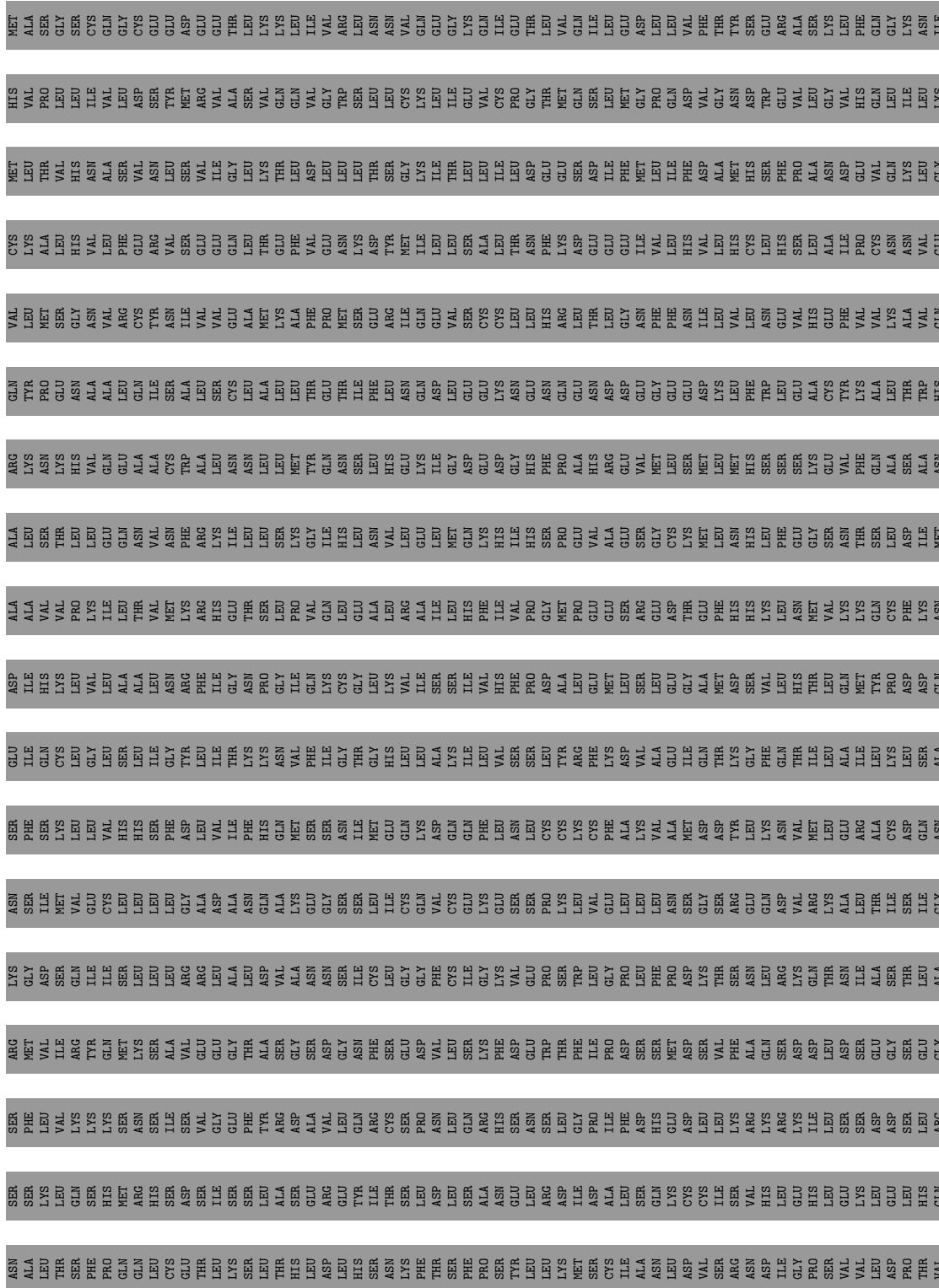


- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Chain 47-B: 40% 59%



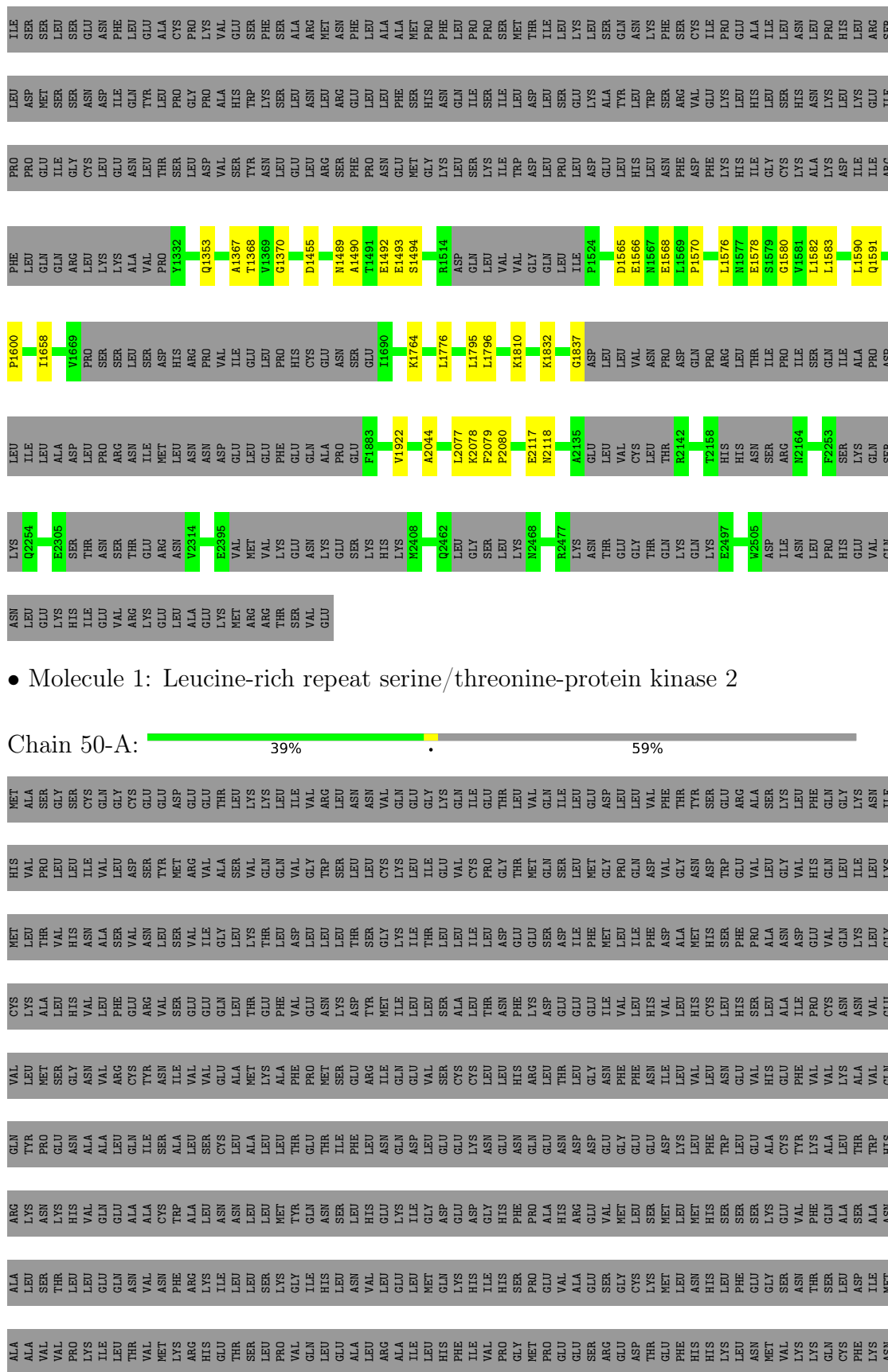






Chain 49-B: 40% . 59%





- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Opinion	Percentage
Doing a good job	39%
Doing a bad job	59%



[illegible]

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Response	Percentage
Yes, the U.S. is a threat to my country's security	39%
No, the U.S. is not a threat to my country's security	59%







ASP	ALA	ALA	ARG	GLN	VAL	CYS	MET	HIS	MET
ILE	ALA	VAL	LYS	TYR	LEU	LYS	LEU	VAL	LEU
HIS	VAL	SER	ASN	PRO	MET	ALA	THR	PRO	THR
LYS	PRO	THR	LYS	ASN	SER	ALA	LEU	LEU	VAL
LEU	LYS	LEU	HIS	GLN	GLY	HIS	HIS	LEU	HIS
VAL	ILE	GLU	VAL	ALA	ASN	VAL	ASN	ILE	CYS
LEU	GLU	LEU	GLN	LEU	ARG	VAL	GLN	VAL	GLN
ALA	LEU	GLN	GLU	LEU	VAL	PHE	LEU	LEU	GLY
ALA	THR	ASN	ALA	LEU	ARG	GLU	SER	ASP	CYS
LEU	VAL	VAL	ALA	ILE	TYR	ARG	GLU	SER	GLU
ASN	MET	ASN	CYS	ALA	ASN	VAL	LEU	TYR	ASN
ARG	LYS	PHE	TRP	ALA	ILE	SER	SER	MET	ASP
PHE	ARG	ARG	ALA	LEU	VAL	GLU	VAL	ARG	GLU
ILE	HIS	LYS	ASN	SER	VAL	GLU	ILE	VAL	THR
GLY	GLU	ILE	ASN	CYS	GLN	GLN	GLY	ALA	THR
ASN	THR	LEU	ASN	LEU	ALA	THR	LEU	SER	LEU
PRO	SER	SER	LEU	ALA	MET	THR	LYS	VAL	LYS
GLY	LEU	SER	LEU	LEU	LYS	PHE	THR	GLN	LYS
ILE	PRO	VAL	MET	LEU	ALA	GLU	LEU	GLN	LEU
GLN	VAL	GLY	TYR	THR	PHE	VAL	ASP	VAL	ILE
LYS	GLN	ILE	GLN	THR	ALA	VAL	GLY	VAL	ILE
CYS	LEU	HIS	ASN	THR	MET	ASN	LEU	TRP	ARG
GLY	GLU	LEU	SER	ILE	SER	LYS	LEU	SER	VAL
LEU	ALA	ASN	LEU	PHE	GLU	ASP	THR	LEU	ASN
LYS	LEU	VAL	HIS	LEU	ARG	TYR	SER	LEU	ASN
VAL	ARG	LEU	GLU	GLN	ILE	MET	GLY	CYS	VAL
ILE	ALA	GLU	LYS	ASN	GLN	ILE	LYS	GLN	GLN
LEU	ILE	GLU	GLY	GLN	GLU	LEU	ILE	CYS	ILE
SER	ILE	LEU	ILE	ASP	VAL	LEU	THR	GLU	GLU
SER	LEU	MET	GLY	LEU	VAL	LEU	GLU	ASP	THR
ILE	HIS	GLN	ASP	GLU	SER	SER	GLU	LEU	LEU
VAL	PHE	ILE	GLY	GLU	CYS	ALA	LEU	GLN	VAL
HIS	ILE	HIS	ASP	GLU	GLY	ALA	GLU	GLN	GLN
PRO	PRO	VAL	HIS	ASN	LEU	HIS	ASP	THR	THR
ASP	GLY	MET	PHE	ASN	ARG	PHE	GLU	MET	LEU
ALA	PRO	GLU	PRO	GLN	ARG	LYS	GLU	GLU	VAL
LEU	GLU	VAL	ALA	ASN	LEU	ASP	ASP	SER	SER
GLU	GLU	THR	ALA	GLU	THR	ASP	GLU	GLU	LEU
LEU	SER	SER	GLY	GLU	PHE	ILE	GLU	GLU	ASP
LEU	ARG	GLU	MET	GLY	PHE	VAL	LEU	PRO	LEU
GLU	ASP	THR	LEU	GLU	PHE	ASN	LEU	GLN	LEU
GLY	THR	GLU	SER	GLU	ASN	HIS	THR	GLN	VAL
LYS	PHE	GLU	LEU	GLU	ASN	LYS	ASP	ASP	VAL
ASP	ALA	GLU	LEU	GLY	VAL	VAL	GLU	TRP	GLU
LEU	THR	THR	SER	THR	GLU	HIS	GLU	GLU	ARG
GLU	VAL	LEU	SER	VAL	VAL	LEU	VAL	VAL	LYS
VAL	PHE	GLU	SER	ILE	GLU	LEU	GLY	VAL	THR
LEU	THR	GLU	THR	TYR	PHE	THR	THR	HIS	PHE
LEU	GLN	LYS	VAL	TYR	ILE	ILE	VAL	VAL	LEU
GLU	ASP	GLY	VAL	GLN	PHE	GLU	GLY	GLY	LEU
VAL	GLN	PRO	VAL	THR	VAL	THR	GLU	VAL	LEU
GLU	THR	GLY	ALA	GLN	ALA	GLU	VAL	GLN	THR
THR	ALA	GLN	GLY	GLN	ALA	GLU	GLN	ALA	GLU
LYS	VAL	THR	LYS	LEU	MET	THR	THR	VAL	LYS
LYS	VAL	THR	LEU	LEU	LYS	PHE	THR	GLN	LEU
GLN	ARG	GLU	LEU	LEU	ALA	GLU	GLU	GLN	LEU
ASP	MET	VAL	SER	ALA	VAL	VAL	VAL	GLY	LEU
GLU	THR	GLU	TYR	LEU	GLU	GLU	GLU	GLY	THR
GLU	VAL	GLU	GLN	LEU	VAL	GLU	GLU	GLY	GLU
VAL	ARG	PHE	LEU	LEU	ALA	VAL	LEU	ILE	

- Molecule 1: Leucine-rich repeat serine/threonine-protein kinase 2

Response	Percentage
Democracy	39%
Dictatorship	59%





4 Experimental information

Property	Value	Source
EM reconstruction method	SUBTOMOGRAM AVERAGING	Depositor
Imposed symmetry	POINT, C1	Depositor
Number of subtomograms used	4307	Depositor
Resolution determination method	FSC 0.143 CUT-OFF	Depositor
CTF correction method	PHASE FLIPPING ONLY	Depositor
Microscope	FEI POLARA 300	Depositor
Voltage (kV)	300	Depositor
Electron dose ($e^-/\text{\AA}^2$)	2	Depositor
Minimum defocus (nm)	Not provided	
Maximum defocus (nm)	Not provided	
Magnification	Not provided	
Image detector	GATAN K2 SUMMIT (4k x 4k)	Depositor
Maximum map value	0.209	Depositor
Minimum map value	-0.128	Depositor
Average map value	0.003	Depositor
Map value standard deviation	0.031	Depositor
Recommended contour level	0.05	Depositor
Map size ($\text{\AA}$)	281.6, 281.6, 281.6	wwPDB
Map dimensions	128, 128, 128	wwPDB
Map angles ($^\circ$)	90.0, 90.0, 90.0	wwPDB
Pixel spacing ($\text{\AA}$)	2.2, 2.2, 2.2	Depositor

5 Model quality [i](#)

5.1 Standard geometry [i](#)

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

There are no protein, RNA or DNA chains available to summarize Z scores of covalent bonds and angles.

There are no bond length outliers.

There are no bond angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

5.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in the chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes within the asymmetric unit, whereas Symm-Clashes lists symmetry-related clashes.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	1-A	1040	0	0	2	0
1	1-B	1040	0	0	2	0
1	2-A	1040	0	0	0	0
1	2-B	1040	0	0	2	0
1	3-A	1040	0	0	7	0
1	3-B	1040	0	0	2	0
1	4-A	1040	0	0	12	0
1	4-B	1040	0	0	7	0
1	5-A	1040	0	0	17	0
1	5-B	1040	0	0	16	0
1	6-A	1040	0	0	4	0
1	6-B	1040	0	0	4	0
1	7-A	1040	0	0	42	0
1	7-B	1040	0	0	42	0
1	8-A	1040	0	0	19	0
1	8-B	1040	0	0	19	0
1	9-A	1040	0	0	6	0
1	9-B	1040	0	0	16	0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	10-A	1040	0	0	20	0
1	10-B	1040	0	0	20	0
1	11-A	1040	0	0	1	0
1	11-B	1040	0	0	0	0
1	12-A	1040	0	0	11	0
1	12-B	1040	0	0	11	0
1	13-A	1040	0	0	18	0
1	13-B	1040	0	0	18	0
1	14-A	1040	0	0	32	0
1	14-B	1040	0	0	32	0
1	15-A	1040	0	0	14	0
1	15-B	1040	0	0	14	0
1	16-A	1040	0	0	31	0
1	16-B	1040	0	0	31	0
1	17-A	1040	0	0	7	0
1	17-B	1040	0	0	7	0
1	18-A	1040	0	0	11	0
1	18-B	1040	0	0	11	0
1	19-A	1040	0	0	34	0
1	19-B	1040	0	0	34	0
1	20-A	1040	0	0	10	0
1	20-B	1040	0	0	10	0
1	21-A	1040	0	0	18	0
1	21-B	1040	0	0	18	0
1	22-A	1040	0	0	13	0
1	22-B	1040	0	0	13	0
1	23-A	1040	0	0	7	0
1	23-B	1040	0	0	7	0
1	24-A	1040	0	0	39	0
1	24-B	1040	0	0	39	0
1	25-A	1040	0	0	42	0
1	25-B	1040	0	0	42	0
1	26-A	1040	0	0	7	0
1	26-B	1040	0	0	7	0
1	27-A	1040	0	0	26	0
1	27-B	1040	0	0	26	0
1	28-A	1040	0	0	16	0
1	28-B	1040	0	0	16	0
1	29-A	1040	0	0	22	0
1	29-B	1040	0	0	22	0
1	30-A	1040	0	0	17	0
1	30-B	1040	0	0	17	0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	31-A	1040	0	0	7	0
1	31-B	1040	0	0	7	0
1	32-A	1040	0	0	12	0
1	32-B	1040	0	0	12	0
1	33-A	1040	0	0	17	0
1	33-B	1040	0	0	17	0
1	34-A	1040	0	0	15	0
1	34-B	1040	0	0	15	0
1	35-A	1040	0	0	13	0
1	35-B	1040	0	0	14	0
1	36-A	1040	0	0	23	0
1	36-B	1040	0	0	23	0
1	37-A	1040	0	0	10	0
1	37-B	1040	0	0	11	0
1	38-A	1040	0	0	49	0
1	38-B	1040	0	0	49	0
1	39-A	1040	0	0	31	0
1	39-B	1040	0	0	31	0
1	40-A	1040	0	0	26	0
1	40-B	1040	0	0	26	0
1	41-A	1040	0	0	62	0
1	41-B	1040	0	0	62	0
1	42-A	1040	0	0	20	0
1	42-B	1040	0	0	21	0
1	43-A	1040	0	0	24	0
1	43-B	1040	0	0	24	0
1	44-A	1040	0	0	4	0
1	44-B	1040	0	0	0	0
1	45-A	1040	0	0	17	0
1	45-B	1040	0	0	17	0
1	46-A	1040	0	0	38	0
1	46-B	1040	0	0	38	0
1	47-A	1040	0	0	13	0
1	47-B	1040	0	0	13	0
1	48-A	1040	0	0	34	0
1	48-B	1040	0	0	34	0
1	49-A	1040	0	0	23	0
1	49-B	1040	0	0	24	0
1	50-A	1040	0	0	50	0
1	50-B	1040	0	0	50	0
1	51-A	1040	0	0	36	0
1	51-B	1040	0	0	36	0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes	Symm-Clashes
1	52-A	1040	0	0	46	0
1	52-B	1040	0	0	46	0
1	53-A	1040	0	0	34	0
1	53-B	1040	0	0	34	0
All	All	110240	0	0	1840	0

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 17.

All (1840) close contacts within the same asymmetric unit are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	1.75	1.65
1:A:1428:VAL:CA	1:A:1811:TRP:CA	1.75	1.64
1:A:1458:ASP:CA	1:A:1601:LYS:CA	1.77	1.63
1:B:1426:ALA:CA	1:B:1807:LEU:CA	1.76	1.63
1:A:1740:LEU:CA	1:B:1754:VAL:CA	1.76	1.62
1:A:1426:ALA:CA	1:A:1807:LEU:CA	1.76	1.62
1:B:1493:GLU:CA	1:B:1582:LEU:CA	1.76	1.62
1:A:1746:ALA:CA	1:B:1615:VAL:CA	1.75	1.62
1:B:1733:TYR:CA	1:B:1918:ARG:CA	1.78	1.61
1:A:1618:CYS:CA	1:B:1778:GLY:CA	1.74	1.61
1:A:1432:LYS:CA	1:A:1820:GLU:CA	1.80	1.60
1:A:1457:SER:CA	1:A:1604:CYS:CA	1.79	1.60
1:A:1713:LEU:CA	1:B:1661:PRO:CA	1.74	1.60
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	1.80	1.60
1:A:1792:PHE:CA	1:B:1831:MET:CA	1.78	1.60
1:B:1493:GLU:CA	1:B:1582:LEU:CA	1.77	1.60
1:A:1751:GLY:CA	1:B:1773:GLY:CA	1.79	1.60
1:A:1492:GLU:CA	1:B:1732:MET:CA	1.77	1.59
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	1.81	1.59
1:A:1799:ASP:CA	1:B:1701:PRO:CA	1.79	1.59
1:A:1792:PHE:CA	1:B:1831:MET:CA	1.79	1.59
1:A:1792:PHE:CA	1:B:1831:MET:CA	1.76	1.59
1:A:1345:SER:CA	1:A:1824:LYS:CA	1.78	1.59
1:B:1345:SER:CA	1:B:1824:LYS:CA	1.78	1.59
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	1.76	1.59
1:A:1792:PHE:CA	1:B:1831:MET:CA	1.80	1.58
1:A:1493:GLU:CA	1:A:1582:LEU:CA	1.77	1.58
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	1.81	1.58
1:B:1343:THR:CA	1:B:1731:ARG:CA	1.79	1.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1721:SER:CA	1:B:1610:ILE:CA	1.77	1.58
1:B:1428:VAL:CA	1:B:1811:TRP:CA	1.76	1.58
1:B:1424:GLY:CA	1:B:1718:TYR:CA	1.79	1.58
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	1.75	1.58
1:A:1790:GLU:CA	1:B:1718:TYR:CA	1.75	1.57
1:A:1422:SER:CA	1:B:1457:SER:CA	1.82	1.57
1:A:1820:GLU:CA	1:A:1914:LEU:CA	1.78	1.57
1:A:1471:LYS:CA	1:A:2046:GLY:CA	1.83	1.57
1:B:1820:GLU:CA	1:B:1914:LEU:CA	1.78	1.57
1:A:1493:GLU:CA	1:A:1582:LEU:CA	1.76	1.57
1:A:1785:ASP:CA	1:B:1811:TRP:CA	1.83	1.56
1:B:1368:THR:CA	1:B:1531:GLU:CA	1.77	1.56
1:B:1396:ALA:CA	1:B:1576:LEU:CA	1.82	1.56
1:A:1785:ASP:CA	1:B:1811:TRP:CA	1.83	1.56
1:A:1792:PHE:CA	1:B:1831:MET:CA	1.83	1.56
1:B:1734:TRP:CA	1:B:1910:LYS:CA	1.77	1.56
1:A:1713:LEU:CA	1:B:1710:ASN:CA	1.76	1.56
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	1.83	1.56
1:A:1382:ASP:CA	1:A:1571:HIS:CA	1.82	1.56
1:A:1424:GLY:CA	1:A:1718:TYR:CA	1.79	1.56
1:B:1457:SER:CA	1:B:1604:CYS:CA	1.79	1.55
1:A:1774:CYS:CA	1:B:1734:TRP:CA	1.84	1.55
1:B:1425:GLN:CA	1:B:1810:LYS:CA	1.83	1.55
1:A:1343:THR:CA	1:A:1731:ARG:CA	1.79	1.55
1:B:1432:LYS:CA	1:B:1820:GLU:CA	1.80	1.55
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2081:ASN:CA	1.79	1.55
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1922:VAL:CA	1.83	1.55
1:A:1733:TYR:CA	1:A:1918:ARG:CA	1.78	1.55
1:B:1382:ASP:CA	1:B:1571:HIS:CA	1.82	1.55
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2081:ASN:CA	1.79	1.54
1:B:1731:ARG:CA	1:B:1922:VAL:CA	1.83	1.54
1:B:1488:VAL:CA	1:B:1580:GLY:CA	1.84	1.54
1:B:1471:LYS:CA	1:B:2046:GLY:CA	1.83	1.54
1:B:1592:LEU:CA	1:B:2044:ALA:CA	1.81	1.54
1:A:1368:THR:CA	1:A:1531:GLU:CA	1.77	1.54
1:A:1382:ASP:CA	1:A:2046:GLY:CA	1.83	1.54
1:B:1458:ASP:CA	1:B:1601:LYS:CA	1.77	1.54
1:A:1747:TYR:CA	1:B:1693:ARG:CA	1.83	1.54
1:A:1488:VAL:CA	1:A:1580:GLY:CA	1.84	1.53
1:A:1740:LEU:CA	1:B:1754:VAL:CA	1.86	1.53
1:A:1830:LEU:CA	1:B:1746:ALA:CA	1.83	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1621:HIS:CA	1:B:1703:GLY:CA	1.84	1.53
1:A:1830:LEU:CA	1:B:1746:ALA:CA	1.87	1.53
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	1.80	1.53
1:B:1372:ASP:CA	1:B:1579:SER:CA	1.85	1.53
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	1.81	1.53
1:A:1705:TRP:CA	1:B:1768:PRO:CA	1.85	1.53
1:A:1466:MET:CA	1:A:1717:PRO:CA	1.87	1.53
1:B:1478:GLY:CA	1:B:1587:ASP:CA	1.82	1.53
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2081:ASN:CA	1.82	1.53
1:B:1382:ASP:CA	1:B:2046:GLY:CA	1.84	1.52
1:A:1478:GLY:CA	1:A:1587:ASP:CA	1.82	1.52
1:A:1372:ASP:CA	1:A:1579:SER:CA	1.85	1.52
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	1.81	1.52
1:A:1425:GLN:CA	1:A:1810:LYS:CA	1.83	1.52
1:A:1396:ALA:CA	1:A:1576:LEU:CA	1.82	1.52
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2081:ASN:CA	1.82	1.52
1:B:1466:MET:CA	1:B:1717:PRO:CA	1.86	1.51
1:B:1480:PRO:CA	1:B:1588:PRO:CA	1.87	1.51
1:B:1731:ARG:CA	1:B:1922:VAL:CA	1.88	1.51
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	1.83	1.51
1:A:1812:ALA:CA	1:B:1622:PRO:CA	1.87	1.51
1:A:1719:MET:CA	1:A:2025:CYS:CA	1.87	1.51
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1922:VAL:CA	1.88	1.51
1:A:1834:ALA:CA	1:B:1748:CYS:CA	1.87	1.51
1:B:1398:ARG:CA	1:B:1577:ASN:CA	1.88	1.51
1:A:1733:TYR:CA	1:A:1918:ARG:CA	1.89	1.51
1:B:1426:ALA:CA	1:B:1830:LEU:CA	1.85	1.51
1:A:1790:GLU:CA	1:B:1703:GLY:CA	1.86	1.50
1:A:1426:ALA:CA	1:A:1830:LEU:CA	1.85	1.50
1:B:1423:LYS:CA	1:B:1806:THR:CA	1.89	1.50
1:A:1747:TYR:CA	1:B:1693:ARG:CA	1.89	1.50
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1798:ILE:CA	1.90	1.49
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	1.89	1.49
1:A:1727:LEU:CA	1:A:1914:LEU:CA	1.90	1.49
1:B:1475:ASN:CA	1:B:1657:GLN:CA	1.90	1.49
1:A:1457:SER:CA	1:B:1727:LEU:CA	1.86	1.49
1:A:1480:PRO:CA	1:A:1588:PRO:CA	1.87	1.49
1:B:1733:TYR:CA	1:B:1918:ARG:CA	1.89	1.49
1:B:1569:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	1.91	1.49
1:A:1623:LYS:CA	1:B:1814:TYR:CA	1.87	1.49
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	1.89	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1589:ALA:CA	1:A:2045:ARG:CA	1.90	1.48
1:A:1475:ASN:CA	1:A:1657:GLN:CA	1.90	1.48
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2046:GLY:CA	1.91	1.48
1:B:1456:VAL:CA	1:B:1603:LEU:CA	1.88	1.48
1:A:1569:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	1.91	1.48
1:A:1625:ILE:CA	1:B:1784:ILE:CA	1.92	1.48
1:A:1398:ARG:CA	1:A:1577:ASN:CA	1.88	1.48
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	1.92	1.48
1:A:1426:ALA:CA	1:A:1798:ILE:CA	1.90	1.48
1:B:1426:ALA:CA	1:B:1798:ILE:CA	1.90	1.48
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1913:SER:CA	1.92	1.48
1:A:1490:ALA:CA	1:A:1580:GLY:CA	1.92	1.47
1:A:1778:GLY:CA	1:B:1749:LEU:CA	1.87	1.47
1:A:1456:VAL:CA	1:A:1603:LEU:CA	1.88	1.47
1:A:1752:SER:CA	1:B:1772:LYS:CA	1.91	1.47
1:A:1742:TRP:CA	1:B:1627:SER:CA	1.93	1.47
1:B:1666:TYR:CA	1:B:1820:GLU:CA	1.92	1.46
1:A:1491:THR:CA	1:A:1584:HIS:CA	1.91	1.46
1:B:1727:LEU:CA	1:B:1914:LEU:CA	1.90	1.46
1:A:1423:LYS:CA	1:A:1806:THR:CA	1.89	1.46
1:B:1383:LYS:CA	1:B:2046:GLY:CA	1.93	1.46
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2046:GLY:CA	1.91	1.46
1:A:1383:LYS:CA	1:A:2046:GLY:CA	1.93	1.45
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1913:SER:CA	1.92	1.45
1:B:1589:ALA:CA	1:B:2045:ARG:CA	1.91	1.45
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2046:GLY:CA	1.93	1.45
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2046:GLY:CA	1.93	1.45
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	1.93	1.45
1:A:1490:ALA:CA	1:A:1580:GLY:CA	1.95	1.45
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2046:GLY:CA	1.93	1.45
1:B:1491:THR:CA	1:B:1584:HIS:CA	1.92	1.44
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	1.92	1.44
1:A:1732:MET:CA	1:A:1912:THR:CA	1.93	1.44
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1913:SER:CA	1.96	1.44
1:B:1421:LEU:CA	1:B:1731:ARG:CA	1.95	1.44
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1922:VAL:CA	1.94	1.44
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2046:GLY:CA	1.93	1.44
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	1.96	1.44
1:A:1384:ARG:CA	1:A:1566:GLU:CA	1.95	1.44
1:A:1463:LYS:CA	1:A:1714:GLU:CA	1.96	1.44
1:B:1648:GLN:CA	1:B:2047:ASN:CA	1.95	1.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1472:GLU:CA	1:B:2047:ASN:CA	1.94	1.44
1:B:1490:ALA:CA	1:B:1580:GLY:CA	1.92	1.44
1:A:1727:LEU:CA	1:A:1914:LEU:CA	1.96	1.44
1:A:1775:ILE:CA	1:B:1734:TRP:CA	1.92	1.43
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2047:ASN:CA	1.95	1.43
1:A:1384:ARG:CA	1:A:1566:GLU:CA	1.95	1.43
1:A:1384:ARG:CA	1:A:1566:GLU:CA	1.96	1.43
1:B:1725:ARG:CA	1:B:1921:LEU:CA	1.96	1.43
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	1.93	1.43
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1702:MET:CA	1.96	1.43
1:A:1786:SER:CA	1:B:1752:SER:CA	1.95	1.43
1:B:1471:LYS:CA	1:B:2046:GLY:CA	1.97	1.42
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1798:ILE:CA	1.97	1.42
1:A:1472:GLU:CA	1:A:2047:ASN:CA	1.94	1.42
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	1.97	1.42
1:B:1837:GLY:CA	1:B:2025:CYS:CA	1.97	1.42
1:A:1421:LEU:CA	1:A:1731:ARG:CA	1.95	1.42
1:A:1471:LYS:CA	1:A:2046:GLY:CA	1.97	1.42
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	1.97	1.42
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	1.97	1.42
1:B:1384:ARG:CA	1:B:1566:GLU:CA	1.95	1.42
1:B:1731:ARG:CA	1:B:1922:VAL:CA	1.94	1.42
1:B:1381:ARG:CA	1:B:1572:ALA:CA	1.97	1.42
1:B:1472:GLU:CA	1:B:2046:GLY:CA	1.98	1.42
1:B:1490:ALA:CA	1:B:1580:GLY:CA	1.95	1.42
1:A:1494:SER:CA	1:B:1783:HIS:CA	1.95	1.42
1:A:1472:GLU:CA	1:A:2046:GLY:CA	1.98	1.42
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	1.98	1.42
1:B:1384:ARG:CA	1:B:1566:GLU:CA	1.95	1.42
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1913:SER:CA	1.98	1.41
1:A:1725:ARG:CA	1:A:1921:LEU:CA	1.96	1.41
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	1.96	1.41
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	1.97	1.41
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1798:ILE:CA	1.98	1.41
1:B:1463:LYS:CA	1:B:1714:GLU:CA	1.96	1.41
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1913:SER:CA	1.96	1.41
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2047:ASN:CA	1.95	1.41
1:A:1424:GLY:CA	1:A:1827:LEU:CA	1.97	1.41
1:B:1382:ASP:CA	1:B:2046:GLY:CA	1.99	1.41
1:B:1384:ARG:CA	1:B:1566:GLU:CA	1.96	1.41
1:A:1776:LEU:CA	1:B:1733:TYR:CA	1.97	1.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1424:GLY:CA	1:B:1827:LEU:CA	1.98	1.41
1:B:1478:GLY:CA	1:B:1575:PHE:CA	1.98	1.41
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	1.97	1.41
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	1.97	1.41
1:A:1834:ALA:CA	1:B:1748:CYS:CA	1.96	1.41
1:A:1775:ILE:CA	1:B:1734:TRP:CA	1.96	1.41
1:A:1837:GLY:CA	1:A:2025:CYS:CA	1.97	1.40
1:B:1727:LEU:CA	1:B:1914:LEU:CA	1.96	1.40
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1703:GLY:CA	1.97	1.40
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	1.98	1.40
1:A:1456:VAL:CA	1:B:1728:ARG:CA	2.00	1.40
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1913:SER:CA	1.98	1.40
1:A:1478:GLY:CA	1:A:1575:PHE:CA	1.98	1.40
1:A:1381:ARG:CA	1:A:1572:ALA:CA	1.97	1.40
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1913:SER:CA	2.00	1.40
1:B:1837:GLY:CA	1:B:2025:CYS:CA	2.00	1.39
1:B:1733:TYR:CA	1:B:1918:ARG:CA	2.00	1.39
1:A:1664:GLU:CA	1:A:1744:PRO:CA	2.00	1.39
1:A:1776:LEU:CA	1:B:1733:TYR:CA	1.98	1.39
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1798:ILE:CA	2.01	1.39
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1702:MET:CA	1.99	1.39
1:A:1623:LYS:CA	1:B:1811:TRP:CA	1.99	1.38
1:A:1733:TYR:CA	1:A:1918:ARG:CA	2.00	1.38
1:B:1491:THR:CA	1:B:1583:LEU:CA	2.01	1.38
1:A:1730:ASN:CA	1:B:1620:LYS:CA	2.00	1.38
1:A:1837:GLY:CA	1:A:2025:CYS:CA	2.00	1.38
1:B:1731:ARG:CA	1:B:1922:VAL:CA	2.00	1.38
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1913:SER:CA	2.00	1.38
1:A:1690:ILE:CA	1:B:1766:THR:CA	2.00	1.38
1:A:1382:ASP:CA	1:A:2046:GLY:CA	1.99	1.38
1:B:1472:GLU:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.01	1.38
1:A:1746:ALA:CA	1:B:1693:ARG:CA	2.01	1.37
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.02	1.37
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.02	1.37
1:A:1472:GLU:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.01	1.37
1:A:1690:ILE:CA	1:B:1766:THR:CA	2.03	1.37
1:A:1833:LYS:CA	1:B:1747:TYR:CA	2.00	1.37
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1703:GLY:CA	2.01	1.37
1:B:1731:ARG:CA	1:B:1922:VAL:CA	2.03	1.37
1:B:1465:CYS:CA	1:B:1731:ARG:CA	2.03	1.37
1:B:1466:MET:CA	1:B:1728:ARG:CA	2.03	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.04	1.36
1:B:1837:GLY:CA	1:B:2025:CYS:CA	2.02	1.36
1:B:1588:PRO:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.03	1.36
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2023:TYR:CA	2.03	1.36
1:A:1837:GLY:CA	1:A:2025:CYS:CA	2.02	1.36
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1922:VAL:CA	2.00	1.36
1:A:1377:PRO:CA	1:A:1579:SER:CA	2.03	1.36
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.03	1.36
1:A:1491:THR:CA	1:A:1583:LEU:CA	2.01	1.36
1:A:1789:GLU:CA	1:B:1717:PRO:CA	2.03	1.36
1:A:1800:ILE:CA	1:A:1941:ARG:CA	2.03	1.35
1:B:1664:GLU:CA	1:B:1744:PRO:CA	2.00	1.35
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.04	1.35
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.02	1.35
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.04	1.35
1:B:1731:ARG:CA	1:B:1922:VAL:CA	2.05	1.35
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.02	1.35
1:A:1465:CYS:CA	1:A:1731:ARG:CA	2.03	1.35
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.05	1.35
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.04	1.35
1:A:1767:VAL:CA	1:B:1710:ASN:CA	2.04	1.35
1:A:1425:GLN:CA	1:A:1828:ASP:CA	2.03	1.35
1:B:1383:LYS:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.05	1.35
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2023:TYR:CA	2.04	1.35
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2023:TYR:CA	2.05	1.35
1:A:1763:LEU:CA	1:B:1817:ASN:CA	2.04	1.35
1:B:1377:PRO:CA	1:B:1579:SER:CA	2.03	1.35
1:A:1767:VAL:CA	1:B:1711:ARG:CA	2.05	1.35
1:A:1746:ALA:CA	1:B:1693:ARG:CA	2.05	1.35
1:A:1466:MET:CA	1:A:1728:ARG:CA	2.03	1.34
1:A:1479:PHE:CA	1:A:1578:GLU:CA	2.04	1.34
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.04	1.34
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2023:TYR:CA	2.04	1.34
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2023:TYR:CA	2.03	1.34
1:B:1725:ARG:CA	1:B:1916:LEU:CA	2.05	1.34
1:B:1383:LYS:CA	1:B:1569:LEU:CA	2.06	1.34
1:A:1779:GLN:CA	1:A:1914:LEU:CA	2.04	1.34
1:A:1779:GLN:CA	1:A:1914:LEU:CA	2.05	1.34
1:B:1383:LYS:CA	1:B:1569:LEU:CA	2.06	1.34
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1922:VAL:CA	2.03	1.34
1:B:1479:PHE:CA	1:B:1578:GLU:CA	2.03	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1779:GLN:CA	1:A:1914:LEU:CA	2.05	1.34
1:A:1588:PRO:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.03	1.34
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.04	1.34
1:B:1383:LYS:CA	1:B:1569:LEU:CA	2.06	1.34
1:B:1779:GLN:CA	1:B:1914:LEU:CA	2.05	1.34
1:B:1779:GLN:CA	1:B:1914:LEU:CA	2.05	1.34
1:A:1697:MET:CA	1:B:1753:GLU:CA	2.06	1.34
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2023:TYR:CA	2.06	1.33
1:A:1383:LYS:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.05	1.33
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.05	1.33
1:A:1725:ARG:CA	1:A:1916:LEU:CA	2.05	1.33
1:A:1424:GLY:CA	1:A:1809:LYS:CA	2.05	1.33
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.07	1.33
1:B:1567:ASN:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.06	1.33
1:B:1424:GLY:CA	1:B:1809:LYS:CA	2.05	1.33
1:B:1779:GLN:CA	1:B:1914:LEU:CA	2.04	1.33
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.07	1.33
1:B:1567:ASN:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.07	1.33
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.05	1.33
1:A:1453:HIS:CA	1:A:1724:GLU:CA	2.07	1.33
1:A:1426:ALA:CA	1:A:1831:MET:CA	2.07	1.33
1:B:1425:GLN:CA	1:B:1828:ASP:CA	2.04	1.33
1:B:1567:ASN:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.03	1.33
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2023:TYR:CA	2.05	1.33
1:A:1658:ILE:CA	1:A:1810:LYS:CA	2.07	1.33
1:A:1658:ILE:CA	1:A:1810:LYS:CA	2.07	1.33
1:A:1463:LYS:CA	1:A:1726:ALA:CA	2.07	1.32
1:A:1658:ILE:CA	1:A:1810:LYS:CA	2.07	1.32
1:B:1426:ALA:CA	1:B:1831:MET:CA	2.07	1.32
1:B:1658:ILE:CA	1:B:1810:LYS:CA	2.07	1.32
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1798:ILE:CA	2.07	1.32
1:B:1658:ILE:CA	1:B:1810:LYS:CA	2.07	1.32
1:B:1658:ILE:CA	1:B:1810:LYS:CA	2.07	1.32
1:A:1788:MET:CA	1:B:1794:GLY:CA	2.04	1.32
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1913:SER:CA	2.08	1.32
1:A:1395:PHE:CA	1:A:1575:PHE:CA	2.08	1.32
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.05	1.32
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2023:TYR:CA	2.07	1.32
1:A:1722:GLY:CA	1:B:1801:CYS:CA	2.07	1.32
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.07	1.32
1:A:1383:LYS:CA	1:A:1569:LEU:CA	2.06	1.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1463:LYS:CA	1:B:1726:ALA:CA	2.07	1.32
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1922:VAL:CA	2.05	1.32
1:A:1383:LYS:CA	1:A:1569:LEU:CA	2.06	1.32
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2023:TYR:CA	2.06	1.31
1:B:1395:PHE:CA	1:B:1575:PHE:CA	2.08	1.31
1:B:1588:PRO:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.07	1.31
1:A:1383:LYS:CA	1:A:1569:LEU:CA	2.06	1.31
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2023:TYR:CA	2.07	1.31
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2024:CYS:CA	2.08	1.31
1:A:1763:LEU:CA	1:B:1817:ASN:CA	2.08	1.31
1:A:1766:THR:CA	1:B:1819:GLY:CA	2.09	1.31
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.07	1.31
1:B:1343:THR:CA	1:B:1730:ASN:CA	2.08	1.31
1:A:1697:MET:CA	1:B:1753:GLU:CA	2.08	1.31
1:B:1459:GLU:CA	1:B:1814:TYR:CA	2.09	1.30
1:A:1725:ARG:CA	1:A:1917:LEU:CA	2.09	1.30
1:B:1453:HIS:CA	1:B:1724:GLU:CA	2.07	1.30
1:A:1837:GLY:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.09	1.30
1:A:1722:GLY:CA	1:B:1801:CYS:CA	2.09	1.30
1:B:1502:LYS:CA	1:B:1590:LEU:CA	2.08	1.30
1:A:1472:GLU:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.09	1.30
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1913:SER:CA	2.08	1.30
1:A:1588:PRO:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.08	1.30
1:B:1472:GLU:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.09	1.30
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.08	1.30
1:A:1343:THR:CA	1:A:1730:ASN:CA	2.08	1.30
1:A:1459:GLU:CA	1:A:1814:TYR:CA	2.09	1.30
1:A:1502:LYS:CA	1:A:1590:LEU:CA	2.09	1.30
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2023:TYR:CA	2.07	1.30
1:B:1502:LYS:CA	1:B:1590:LEU:CA	2.09	1.30
1:B:1551:LYS:CA	1:B:2082:GLU:CA	2.08	1.30
1:A:1475:ASN:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.10	1.29
1:A:1621:HIS:CA	1:B:1704:PHE:CA	2.09	1.29
1:A:1502:LYS:CA	1:A:1590:LEU:CA	2.09	1.29
1:B:1502:LYS:CA	1:B:1590:LEU:CA	2.09	1.29
1:A:1763:LEU:CA	1:B:1817:ASN:CA	2.10	1.29
1:A:1472:GLU:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.09	1.29
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2023:TYR:CA	2.07	1.29
1:A:1494:SER:CA	1:A:1733:TYR:CA	2.10	1.29
1:A:1502:LYS:CA	1:A:1590:LEU:CA	2.09	1.29
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2024:CYS:CA	2.11	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.11	1.28
1:A:1457:SER:CA	1:A:1719:MET:CA	2.09	1.28
1:B:1725:ARG:CA	1:B:1917:LEU:CA	2.09	1.28
1:A:1833:LYS:CA	1:B:1747:TYR:CA	2.10	1.28
1:A:1763:LEU:CA	1:B:1817:ASN:CA	2.11	1.28
1:B:1472:GLU:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.09	1.28
1:A:1788:MET:CA	1:B:1794:GLY:CA	2.10	1.28
1:B:1475:ASN:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.10	1.28
1:A:1617:GLY:CA	1:B:1813:LEU:CA	2.11	1.28
1:B:1427:GLU:CA	1:B:1798:ILE:CA	2.11	1.27
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.10	1.27
1:B:1732:MET:CA	1:B:1918:ARG:CA	2.11	1.27
1:A:1788:MET:CA	1:B:1794:GLY:CA	2.11	1.27
1:A:1747:TYR:CA	1:B:1617:GLY:CA	2.11	1.27
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2045:ARG:CA	2.11	1.27
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.10	1.27
1:A:1732:MET:CA	1:A:1918:ARG:CA	2.11	1.27
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.11	1.27
1:B:1457:SER:CA	1:B:1719:MET:CA	2.09	1.27
1:A:1427:GLU:CA	1:A:1798:ILE:CA	2.11	1.27
1:A:1742:TRP:CA	1:B:1626:ILE:CA	2.13	1.27
1:A:1441:ARG:CA	1:A:1579:SER:CA	2.13	1.27
1:B:1367:ALA:CA	1:B:1729:PRO:CA	2.13	1.26
1:B:1494:SER:CA	1:B:1733:TYR:CA	2.10	1.26
1:A:1498:ALA:CA	1:A:1578:GLU:CA	2.11	1.26
1:B:1441:ARG:CA	1:B:1579:SER:CA	2.12	1.26
1:A:1367:ALA:CA	1:A:1729:PRO:CA	2.13	1.26
1:B:1465:CYS:CA	1:B:1728:ARG:CA	2.14	1.26
1:A:1766:THR:CA	1:B:1819:GLY:CA	2.14	1.26
1:A:1458:ASP:CA	1:A:1719:MET:CA	2.14	1.26
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.11	1.26
1:B:1498:ALA:CA	1:B:1578:GLU:CA	2.11	1.26
1:A:1719:MET:CA	1:A:2026:ARG:CA	2.13	1.26
1:A:1788:MET:CA	1:B:1794:GLY:CA	2.13	1.25
1:A:1622:PRO:CA	1:B:1814:TYR:CA	2.14	1.25
1:B:1725:ARG:CA	1:B:1916:LEU:CA	2.14	1.25
1:A:1379:GLN:CA	1:A:1550:ARG:CA	2.14	1.25
1:A:1725:ARG:CA	1:A:1916:LEU:CA	2.14	1.25
1:A:1732:MET:CA	1:A:1919:GLN:CA	2.14	1.25
1:A:1379:GLN:CA	1:A:1550:ARG:CA	2.15	1.25
1:A:1465:CYS:CA	1:A:1728:ARG:CA	2.14	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2024:CYS:CA	2.15	1.25
1:A:1762:PHE:CA	1:B:1691:ILE:CA	2.12	1.25
1:B:1732:MET:CA	1:B:1919:GLN:CA	2.14	1.25
1:A:1789:GLU:CA	1:B:1717:PRO:CA	2.15	1.24
1:A:1423:LYS:CA	1:A:1718:TYR:CA	2.15	1.24
1:A:1514:ARG:CA	1:A:1535:LEU:CA	2.15	1.24
1:A:1379:GLN:CA	1:A:1550:ARG:CA	2.16	1.24
1:B:1643:LYS:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.14	1.24
1:B:1663:GLY:CA	1:B:1798:ILE:CA	2.14	1.24
1:A:1766:THR:CA	1:B:1819:GLY:CA	2.16	1.24
1:B:1458:ASP:CA	1:B:1719:MET:CA	2.14	1.24
1:A:1725:ARG:CA	1:A:1917:LEU:CA	2.16	1.24
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1913:SER:CA	2.16	1.23
1:B:1455:ASP:CA	1:B:1600:PRO:CA	2.15	1.23
1:A:1643:LYS:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.14	1.23
1:A:1763:LEU:CA	1:B:1817:ASN:CA	2.15	1.23
1:B:1732:MET:CA	1:B:1919:GLN:CA	2.16	1.23
1:A:1732:MET:CA	1:A:1919:GLN:CA	2.16	1.23
1:B:1455:ASP:CA	1:B:1600:PRO:CA	2.15	1.23
1:B:1514:ARG:CA	1:B:1535:LEU:CA	2.15	1.23
1:B:1423:LYS:CA	1:B:1718:TYR:CA	2.15	1.23
1:A:1766:THR:CA	1:B:1819:GLY:CA	2.17	1.23
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1913:SER:CA	2.16	1.22
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.15	1.22
1:A:1612:THR:CA	1:B:1743:SER:CA	2.17	1.22
1:B:1643:LYS:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.16	1.22
1:A:1793:PRO:CA	1:B:1831:MET:CA	2.16	1.22
1:B:1725:ARG:CA	1:B:1917:LEU:CA	2.16	1.22
1:B:1379:GLN:CA	1:B:1550:ARG:CA	2.15	1.22
1:A:1455:ASP:CA	1:A:1600:PRO:CA	2.15	1.22
1:B:1379:GLN:CA	1:B:1550:ARG:CA	2.15	1.22
1:B:1729:PRO:CA	1:B:1940:ILE:CA	2.18	1.22
1:A:1643:LYS:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.16	1.22
1:A:1455:ASP:CA	1:A:1600:PRO:CA	2.15	1.22
1:A:1809:LYS:CA	1:A:1926:HIS:CA	2.16	1.22
1:B:1382:ASP:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.18	1.22
1:A:1762:PHE:CA	1:B:1691:ILE:CA	2.16	1.22
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.18	1.21
1:B:1379:GLN:CA	1:B:1550:ARG:CA	2.16	1.21
1:A:1513:ILE:CA	1:A:1581:VAL:CA	2.18	1.21
1:A:1788:MET:CA	1:B:1794:GLY:CA	2.18	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1588:PRO:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.18	1.21
1:B:1732:MET:CA	1:B:1919:GLN:CA	2.19	1.21
1:B:1475:ASN:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.17	1.21
1:B:1381:ARG:CA	1:B:1573:VAL:CA	2.19	1.21
1:A:1475:ASN:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.17	1.21
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.18	1.21
1:A:1381:ARG:CA	1:A:1573:VAL:CA	2.19	1.21
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.18	1.21
1:A:1563:GLN:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.20	1.20
1:B:1513:ILE:CA	1:B:1581:VAL:CA	2.19	1.20
1:A:1788:MET:CA	1:B:1717:PRO:CA	2.20	1.20
1:A:1669:VAL:CA	1:B:1812:ALA:CA	2.19	1.20
1:A:1382:ASP:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.18	1.20
1:A:1793:PRO:CA	1:B:1831:MET:CA	2.18	1.20
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.18	1.20
1:A:1732:MET:CA	1:A:1919:GLN:CA	2.19	1.20
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.20	1.20
1:A:1793:PRO:CA	1:B:1831:MET:CA	2.18	1.19
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.20	1.19
1:B:1497:LEU:CA	1:B:1579:SER:CA	2.20	1.19
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.20	1.19
1:A:1382:ASP:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.20	1.19
1:A:1734:TRP:CA	1:B:1703:GLY:CA	2.19	1.19
1:A:1588:PRO:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.18	1.19
1:A:1827:LEU:CA	1:B:1722:GLY:CA	2.21	1.19
1:A:1793:PRO:CA	1:B:1831:MET:CA	2.19	1.19
1:A:1496:ALA:CA	1:B:1698:PRO:CA	2.21	1.18
1:B:1382:ASP:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.20	1.18
1:A:1727:LEU:CA	1:A:1918:ARG:CA	2.21	1.18
1:A:1791:TRP:CA	1:B:1719:MET:CA	2.22	1.18
1:A:1477:ARG:CA	1:A:1574:HIS:CA	2.22	1.18
1:A:1463:LYS:CA	1:B:1702:MET:CA	2.22	1.18
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.20	1.18
1:B:1727:LEU:CA	1:B:1918:ARG:CA	2.21	1.18
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.22	1.18
1:B:1463:LYS:CA	1:B:1730:ASN:CA	2.22	1.18
1:A:1729:PRO:CA	1:A:1913:SER:CA	2.22	1.17
1:A:1497:LEU:CA	1:A:1579:SER:CA	2.20	1.17
1:A:1463:LYS:CA	1:A:1730:ASN:CA	2.22	1.17
1:A:1766:THR:CA	1:B:1819:GLY:CA	2.22	1.17
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2076:GLY:CA	2.23	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1913:SER:CA	2.22	1.17
1:B:1477:ARG:CA	1:B:1574:HIS:CA	2.22	1.17
1:A:1793:PRO:CA	1:B:1831:MET:CA	2.20	1.17
1:A:1769:SER:CA	1:B:1714:GLU:CA	2.21	1.17
1:B:1479:PHE:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.23	1.17
1:A:1827:LEU:CA	1:B:1722:GLY:CA	2.23	1.17
1:B:1729:PRO:CA	1:B:1913:SER:CA	2.22	1.16
1:A:1624:GLY:CA	1:B:1811:TRP:CA	2.22	1.16
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1913:SER:CA	2.22	1.16
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2076:GLY:CA	2.23	1.16
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.22	1.16
1:B:1464:ALA:CA	1:B:1722:GLY:CA	2.24	1.16
1:A:1479:PHE:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.23	1.16
1:B:1472:GLU:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.24	1.16
1:A:1380:ILE:CA	1:A:1572:ALA:CA	2.24	1.16
1:B:1380:ILE:CA	1:B:1572:ALA:CA	2.24	1.15
1:B:1765:ILE:CA	1:B:1915:ARG:CA	2.24	1.15
1:A:1501:ARG:CA	1:A:1590:LEU:CA	2.23	1.15
1:B:1501:ARG:CA	1:B:1590:LEU:CA	2.23	1.15
1:A:1720:LEU:CA	1:A:2025:CYS:CA	2.23	1.15
1:A:1482:ILE:CA	1:A:1590:LEU:CA	2.24	1.15
1:A:1455:ASP:CA	1:A:1690:ILE:CA	2.25	1.15
1:A:1464:ALA:CA	1:A:1722:GLY:CA	2.24	1.15
1:A:1472:GLU:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.24	1.15
1:A:1501:ARG:CA	1:A:1590:LEU:CA	2.24	1.14
1:B:1482:ILE:CA	1:B:1590:LEU:CA	2.24	1.14
1:A:1501:ARG:CA	1:A:1590:LEU:CA	2.24	1.14
1:B:1501:ARG:CA	1:B:1590:LEU:CA	2.24	1.14
1:A:1458:ASP:CA	1:A:1794:GLY:CA	2.24	1.14
1:B:1385:LYS:CA	1:B:1578:GLU:CA	2.26	1.14
1:B:1501:ARG:CA	1:B:1590:LEU:CA	2.24	1.14
1:A:1668:LEU:CA	1:B:1813:LEU:CA	2.24	1.14
1:A:1730:ASN:CA	1:B:1619:PRO:CA	2.25	1.14
1:A:1794:GLY:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.26	1.14
1:A:1765:ILE:CA	1:A:1915:ARG:CA	2.25	1.14
1:B:1820:GLU:CA	1:B:1943:ARG:CA	2.26	1.14
1:B:1765:ILE:CA	1:B:1915:ARG:CA	2.26	1.14
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2024:CYS:CA	2.25	1.14
1:B:1490:ALA:CA	1:B:1577:ASN:CA	2.26	1.14
1:A:1461:GLN:CA	1:A:1717:PRO:CA	2.26	1.14
1:A:1794:GLY:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.26	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1794:GLY:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.26	1.14
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.25	1.14
1:B:1455:ASP:CA	1:B:1690:ILE:CA	2.24	1.13
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.25	1.13
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.27	1.13
1:B:1358:LYS:CA	1:B:1824:LYS:CA	2.25	1.13
1:B:1728:ARG:CA	1:B:1940:ILE:CA	2.27	1.13
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.27	1.13
1:A:1490:ALA:CA	1:A:1577:ASN:CA	2.26	1.13
1:B:1386:ARG:CA	1:B:1554:LEU:CA	2.27	1.13
1:B:1386:ARG:CA	1:B:1554:LEU:CA	2.27	1.13
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.26	1.13
1:A:1588:PRO:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.27	1.13
1:A:1358:LYS:CA	1:A:1824:LYS:CA	2.25	1.13
1:B:1564:LEU:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.26	1.13
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.27	1.12
1:A:1385:LYS:CA	1:A:1578:GLU:CA	2.26	1.12
1:A:1386:ARG:CA	1:A:1554:LEU:CA	2.26	1.13
1:B:1461:GLN:CA	1:B:1717:PRO:CA	2.26	1.12
1:B:1588:PRO:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.28	1.12
1:B:1592:LEU:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.27	1.12
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.25	1.12
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.26	1.12
1:A:1464:ALA:CA	1:A:1714:GLU:CA	2.27	1.12
1:B:1464:ALA:CA	1:B:1714:GLU:CA	2.27	1.12
1:B:1732:MET:CA	1:B:1919:GLN:CA	2.27	1.12
1:A:1588:PRO:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.27	1.12
1:A:1386:ARG:CA	1:A:1554:LEU:CA	2.27	1.12
1:A:1788:MET:CA	1:B:1717:PRO:CA	2.27	1.12
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.27	1.12
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.26	1.12
1:A:1660:LEU:CA	1:B:1711:ARG:CA	2.26	1.12
1:B:1386:ARG:CA	1:B:1554:LEU:CA	2.28	1.12
1:A:1618:CYS:CA	1:B:1807:LEU:CA	2.26	1.12
1:A:1765:ILE:CA	1:A:1915:ARG:CA	2.26	1.12
1:A:1732:MET:CA	1:A:1919:GLN:CA	2.26	1.12
1:B:1588:PRO:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.26	1.12
1:A:1592:LEU:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.28	1.12
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.27	1.12
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.27	1.12
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.28	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1386:ARG:CA	1:A:1554:LEU:CA	2.27	1.11
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.27	1.11
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.29	1.11
1:A:1588:PRO:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.29	1.11
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.29	1.10
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.29	1.10
1:B:1500:LEU:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.29	1.10
1:B:1500:LEU:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.29	1.10
1:A:1748:CYS:CA	1:B:1617:GLY:CA	2.27	1.10
1:B:1588:PRO:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.29	1.10
1:A:1734:TRP:CA	1:B:1703:GLY:CA	2.28	1.10
1:A:1731:ARG:CA	1:B:1621:HIS:CA	2.29	1.10
1:B:1500:LEU:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.29	1.10
1:B:1765:ILE:CA	1:B:1915:ARG:CA	2.30	1.10
1:A:1786:SER:CA	1:B:1810:LYS:CA	2.30	1.10
1:A:1500:LEU:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.29	1.10
1:A:1500:LEU:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.29	1.10
1:A:1752:SER:CA	1:B:1709:ILE:CA	2.28	1.10
1:A:1791:TRP:CA	1:B:1719:MET:CA	2.30	1.09
1:B:1494:SER:CA	1:B:1820:GLU:CA	2.30	1.09
1:A:1809:LYS:CA	1:B:1623:LYS:CA	2.31	1.09
1:A:1786:SER:CA	1:B:1810:LYS:CA	2.30	1.09
1:A:1701:PRO:CA	1:B:1751:GLY:CA	2.30	1.09
1:A:1500:LEU:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.29	1.09
1:A:1799:ASP:CA	1:A:1942:PRO:CA	2.30	1.09
1:B:1475:ASN:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.31	1.09
1:B:1513:ILE:CA	1:B:1581:VAL:CA	2.30	1.09
1:A:1777:LEU:CA	1:B:1733:TYR:CA	2.30	1.09
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.30	1.09
1:A:1344:GLY:CA	1:A:1732:MET:CA	2.31	1.08
1:A:1494:SER:CA	1:A:1820:GLU:CA	2.30	1.08
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.32	1.08
1:A:1513:ILE:CA	1:A:1581:VAL:CA	2.30	1.08
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1943:ARG:CA	2.31	1.08
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.30	1.08
1:A:1475:ASN:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.31	1.08
1:A:1383:LYS:CA	1:A:1586:GLN:CA	2.32	1.08
1:A:1707:ARG:CA	1:B:1766:THR:CA	2.32	1.08
1:A:1368:THR:CA	1:A:1729:PRO:CA	2.30	1.08
1:B:1368:THR:CA	1:B:1729:PRO:CA	2.30	1.08
1:A:1462:ARG:CA	1:B:1815:SER:CA	2.32	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1752:SER:CA	1:B:1709:ILE:CA	2.32	1.08
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.32	1.07
1:A:1403:SER:CA	1:A:1700:PHE:CA	2.32	1.07
1:A:1765:ILE:CA	1:A:1915:ARG:CA	2.30	1.07
1:B:1383:LYS:CA	1:B:1585:PHE:CA	2.32	1.07
1:A:1790:GLU:CA	1:B:1719:MET:CA	2.30	1.07
1:B:1403:SER:CA	1:B:1700:PHE:CA	2.32	1.07
1:A:1444:SER:CA	1:A:1586:GLN:CA	2.32	1.07
1:B:1367:ALA:CA	1:B:1837:GLY:CA	2.32	1.07
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.33	1.07
1:A:1432:LYS:CA	1:A:1724:GLU:CA	2.33	1.07
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1942:PRO:CA	2.32	1.07
1:B:1344:GLY:CA	1:B:1732:MET:CA	2.31	1.07
1:B:1383:LYS:CA	1:B:1586:GLN:CA	2.32	1.07
1:A:1383:LYS:CA	1:A:1585:PHE:CA	2.32	1.06
1:A:1708:LEU:CA	1:B:1735:ARG:CA	2.33	1.06
1:A:1571:HIS:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.34	1.06
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1923:VAL:CA	2.33	1.06
1:A:1463:LYS:CA	1:B:1816:PHE:CA	2.32	1.06
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1923:VAL:CA	2.33	1.06
1:A:1777:LEU:CA	1:B:1733:TYR:CA	2.32	1.06
1:A:1367:ALA:CA	1:A:1837:GLY:CA	2.33	1.06
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1923:VAL:CA	2.33	1.06
1:B:1479:PHE:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.33	1.06
1:B:1765:ILE:CA	1:B:1915:ARG:CA	2.34	1.06
1:B:1444:SER:CA	1:B:1586:GLN:CA	2.32	1.06
1:B:1571:HIS:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.34	1.06
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.33	1.06
1:A:1693:ARG:CA	1:B:1740:LEU:CA	2.34	1.06
1:A:1444:SER:CA	1:A:1586:GLN:CA	2.34	1.05
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.34	1.05
1:B:1564:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.34	1.05
1:A:1571:HIS:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.35	1.05
1:A:1479:PHE:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.33	1.05
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.33	1.05
1:A:1708:LEU:CA	1:B:1713:LEU:CA	2.34	1.05
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1923:VAL:CA	2.33	1.05
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.35	1.05
1:B:1571:HIS:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.35	1.05
1:B:1643:LYS:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.34	1.05
1:B:1400:GLU:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.35	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.35	1.05
1:A:1708:LEU:CA	1:B:1713:LEU:CA	2.35	1.05
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1923:VAL:CA	2.35	1.04
1:B:1369:VAL:CA	1:B:1826:LEU:CA	2.35	1.04
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.33	1.04
1:A:1701:PRO:CA	1:B:1751:GLY:CA	2.34	1.04
1:A:1643:LYS:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.34	1.04
1:B:1444:SER:CA	1:B:1586:GLN:CA	2.34	1.04
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.34	1.04
1:B:1479:PHE:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.35	1.04
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1799:ASP:CA	2.35	1.04
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.36	1.04
1:A:1588:PRO:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.36	1.04
1:A:1765:ILE:CA	1:A:1915:ARG:CA	2.34	1.04
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.36	1.04
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.34	1.04
1:A:1402:TYR:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.36	1.04
1:A:1744:PRO:CA	1:B:1791:TRP:CA	2.35	1.04
1:B:1588:PRO:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.36	1.04
1:A:1477:ARG:CA	1:A:1648:GLN:CA	2.36	1.04
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.34	1.04
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.36	1.04
1:A:1400:GLU:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.35	1.04
1:B:1402:TYR:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.36	1.04
1:A:1477:ARG:CA	1:A:1648:GLN:CA	2.36	1.03
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.36	1.03
1:A:1369:VAL:CA	1:A:1826:LEU:CA	2.35	1.03
1:A:1479:PHE:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.35	1.03
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.35	1.03
1:B:1471:LYS:CA	1:B:1727:LEU:CA	2.35	1.03
1:B:1477:ARG:CA	1:B:1648:GLN:CA	2.36	1.03
1:B:1477:ARG:CA	1:B:1648:GLN:CA	2.36	1.03
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.37	1.03
1:A:1616:GLU:CA	1:B:1766:THR:CA	2.35	1.03
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.37	1.03
1:B:1377:PRO:CA	1:B:1551:LYS:CA	2.35	1.03
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1923:VAL:CA	2.35	1.03
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.37	1.03
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.37	1.03
1:B:1377:PRO:CA	1:B:1551:LYS:CA	2.35	1.03
1:A:1377:PRO:CA	1:A:1551:LYS:CA	2.35	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1732:MET:CA	1:B:1919:GLN:CA	2.36	1.03
1:B:1429:ASP:CA	1:B:1811:TRP:CA	2.37	1.03
1:A:1377:PRO:CA	1:A:1551:LYS:CA	2.36	1.03
1:A:1377:PRO:CA	1:A:1551:LYS:CA	2.36	1.03
1:A:1429:ASP:CA	1:A:1811:TRP:CA	2.37	1.02
1:B:1377:PRO:CA	1:B:1551:LYS:CA	2.36	1.02
1:A:1737:GLY:CA	1:B:1706:SER:CA	2.36	1.02
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.37	1.02
1:A:1732:MET:CA	1:A:1919:GLN:CA	2.36	1.02
1:A:1830:LEU:CA	1:B:1826:LEU:CA	2.38	1.02
1:A:1622:PRO:CA	1:B:1780:VAL:CA	2.37	1.02
1:B:1564:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.37	1.02
1:A:1822:HIS:CA	1:B:1793:PRO:CA	2.38	1.02
1:B:1368:THR:CA	1:B:1832:LYS:CA	2.37	1.02
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.38	1.02
1:A:1357:THR:CA	1:A:1823:GLN:CA	2.37	1.02
1:A:1368:THR:CA	1:A:1832:LYS:CA	2.37	1.01
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.37	1.01
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.39	1.01
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.38	1.01
1:A:1456:VAL:CA	1:A:1604:CYS:CA	2.38	1.01
1:A:1382:ASP:CA	1:A:1570:PRO:CA	2.39	1.01
1:B:1357:THR:CA	1:B:1823:GLN:CA	2.37	1.01
1:A:1623:LYS:CA	1:B:1701:PRO:CA	2.37	1.01
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2024:CYS:CA	2.38	1.01
1:A:1822:HIS:CA	1:B:1793:PRO:CA	2.39	1.01
1:B:1456:VAL:CA	1:B:1604:CYS:CA	2.38	1.01
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1923:VAL:CA	2.39	1.01
1:A:1744:PRO:CA	1:B:1791:TRP:CA	2.37	1.01
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.39	1.01
1:B:1358:LYS:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.39	1.01
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.38	1.01
1:B:1382:ASP:CA	1:B:1570:PRO:CA	2.39	1.01
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.39	1.00
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1923:VAL:CA	2.38	1.00
1:A:1737:GLY:CA	1:B:1706:SER:CA	2.39	1.00
1:A:1440:ALA:CA	1:A:1701:PRO:CA	2.39	1.00
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.39	1.00
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.38	1.00
1:A:1358:LYS:CA	1:A:1822:HIS:CA	2.39	1.00
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.40	1.00

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.38	1.00
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.38	1.00
1:A:1753:GLU:CA	1:B:1771:ARG:CA	2.38	1.00
1:B:1368:THR:CA	1:B:1717:PRO:CA	2.40	1.00
1:A:1368:THR:CA	1:A:1717:PRO:CA	2.40	1.00
1:A:1759:PRO:CA	1:B:1620:LYS:CA	2.40	1.00
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.39	1.00
1:A:1830:LEU:CA	1:B:1826:LEU:CA	2.40	1.00
1:A:1563:GLN:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.40	0.99
1:A:1563:GLN:CA	1:A:2082:GLU:CA	2.40	0.99
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1923:VAL:CA	2.40	0.99
1:A:1616:GLU:CA	1:B:1813:LEU:CA	2.40	0.99
1:A:1624:GLY:CA	1:B:1781:VAL:CA	2.39	0.99
1:B:1563:GLN:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.40	0.99
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1923:VAL:CA	2.40	0.99
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.40	0.99
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.41	0.99
1:A:1830:LEU:CA	1:B:1826:LEU:CA	2.41	0.99
1:A:1456:VAL:CA	1:B:1727:LEU:CA	2.41	0.99
1:B:1669:VAL:CA	1:B:1812:ALA:CA	2.40	0.99
1:A:1708:LEU:CA	1:B:1735:ARG:CA	2.39	0.99
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.39	0.99
1:A:1695:TYR:CA	1:B:1702:MET:CA	2.40	0.99
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1912:THR:CA	2.41	0.99
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.41	0.99
1:B:1564:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.40	0.99
1:A:1619:PRO:CA	1:B:1764:LYS:CA	2.40	0.99
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.41	0.99
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1799:ASP:CA	2.41	0.99
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.40	0.99
1:B:1551:LYS:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.41	0.98
1:B:1588:PRO:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.40	0.98
1:A:1371:ILE:CA	1:A:1576:LEU:CA	2.41	0.98
1:A:1588:PRO:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.40	0.98
1:A:1466:MET:CA	1:A:1731:ARG:CA	2.41	0.98
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.41	0.98
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1923:VAL:CA	2.41	0.98
1:B:1371:ILE:CA	1:B:1576:LEU:CA	2.42	0.98
1:A:1669:VAL:CA	1:A:1812:ALA:CA	2.40	0.98
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.40	0.98
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.41	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1912:THR:CA	2.41	0.98
1:B:1422:SER:CA	1:B:1729:PRO:CA	2.41	0.98
1:A:1830:LEU:CA	1:B:1826:LEU:CA	2.42	0.98
1:A:1422:SER:CA	1:A:1729:PRO:CA	2.41	0.98
1:A:1693:ARG:CA	1:B:1740:LEU:CA	2.41	0.98
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1923:VAL:CA	2.42	0.98
1:A:1702:MET:CA	1:B:1834:ALA:CA	2.42	0.98
1:B:1466:MET:CA	1:B:1731:ARG:CA	2.41	0.97
1:A:1790:GLU:CA	1:B:1719:MET:CA	2.41	0.97
1:A:1776:LEU:CA	1:A:1922:VAL:CA	2.42	0.97
1:A:1794:GLY:CA	1:B:1796:LEU:CA	2.42	0.97
1:B:1776:LEU:CA	1:B:1922:VAL:CA	2.42	0.97
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2045:ARG:CA	2.43	0.96
1:A:1400:GLU:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.43	0.96
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.43	0.96
1:A:1422:SER:CA	1:A:1699:TYR:CA	2.44	0.96
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1799:ASP:CA	2.43	0.96
1:A:1724:GLU:CA	1:A:1917:LEU:CA	2.43	0.96
1:A:1741:ASN:CA	1:B:1754:VAL:CA	2.43	0.96
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.43	0.96
1:A:1378:ILE:CA	1:A:1550:ARG:CA	2.43	0.96
1:A:1794:GLY:CA	1:B:1796:LEU:CA	2.43	0.96
1:A:1378:ILE:CA	1:A:1550:ARG:CA	2.43	0.96
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.43	0.96
1:B:1428:VAL:CA	1:B:1658:ILE:CA	2.44	0.96
1:B:1400:GLU:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.43	0.96
1:B:1724:GLU:CA	1:B:1917:LEU:CA	2.43	0.96
1:A:1378:ILE:CA	1:A:1550:ARG:CA	2.43	0.96
1:A:1669:VAL:CA	1:B:1809:LYS:CA	2.44	0.96
1:B:1378:ILE:CA	1:B:1550:ARG:CA	2.42	0.96
1:B:1554:LEU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.44	0.96
1:B:1378:ILE:CA	1:B:1550:ARG:CA	2.43	0.96
1:A:1618:CYS:CA	1:B:1809:LYS:CA	2.43	0.96
1:A:1612:THR:CA	1:B:1742:TRP:CA	2.44	0.96
1:A:1741:ASN:CA	1:B:1754:VAL:CA	2.44	0.96
1:B:1378:ILE:CA	1:B:1550:ARG:CA	2.43	0.96
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.44	0.96
1:B:1370:GLY:CA	1:B:1825:ILE:CA	2.44	0.96
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2085:GLU:CA	2.44	0.96
1:B:1422:SER:CA	1:B:1699:TYR:CA	2.44	0.96
1:B:1400:GLU:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.44	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1794:GLY:CA	1:B:1796:LEU:CA	2.43	0.95
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1799:ASP:CA	2.44	0.95
1:B:1498:ALA:CA	1:B:1578:GLU:CA	2.45	0.95
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.43	0.95
1:A:1370:GLY:CA	1:A:1825:ILE:CA	2.44	0.95
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.44	0.95
1:A:1724:GLU:CA	1:A:1917:LEU:CA	2.44	0.95
1:A:1554:LEU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.44	0.95
1:A:1365:GLN:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.43	0.95
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1912:THR:CA	2.45	0.95
1:A:1498:ALA:CA	1:A:1578:GLU:CA	2.45	0.95
1:A:1830:LEU:CA	1:B:1826:LEU:CA	2.45	0.95
1:A:1428:VAL:CA	1:A:1658:ILE:CA	2.44	0.95
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.44	0.95
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1913:SER:CA	2.45	0.95
1:B:1381:ARG:CA	1:B:1571:HIS:CA	2.45	0.95
1:A:1465:CYS:CA	1:A:1730:ASN:CA	2.45	0.95
1:A:1381:ARG:CA	1:A:1571:HIS:CA	2.44	0.95
1:B:1724:GLU:CA	1:B:1917:LEU:CA	2.44	0.94
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1913:SER:CA	2.45	0.94
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.44	0.94
1:A:1400:GLU:CA	1:A:1795:LEU:CA	2.44	0.94
1:A:1695:TYR:CA	1:B:1702:MET:CA	2.45	0.94
1:B:1365:GLN:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.44	0.94
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1913:SER:CA	2.45	0.94
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1913:SER:CA	2.45	0.94
1:B:1429:ASP:CA	1:B:1734:TRP:CA	2.46	0.94
1:A:1493:GLU:CA	1:B:1782:ASP:CA	2.45	0.94
1:B:1509:LEU:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.46	0.94
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.46	0.94
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1912:THR:CA	2.45	0.94
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.46	0.94
1:B:1382:ASP:CA	1:B:1589:ALA:CA	2.45	0.94
1:A:1509:LEU:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.46	0.93
1:A:1475:ASN:CA	1:A:1589:ALA:CA	2.46	0.93
1:B:1475:ASN:CA	1:B:1589:ALA:CA	2.46	0.93
1:B:1733:TYR:CA	1:B:1942:PRO:CA	2.46	0.93
1:B:1732:MET:CA	1:B:1919:GLN:CA	2.47	0.93
1:A:1477:ARG:CA	1:A:1574:HIS:CA	2.46	0.93
1:B:1465:CYS:CA	1:B:1730:ASN:CA	2.45	0.93
1:A:1693:ARG:CA	1:B:1704:PHE:CA	2.47	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1370:GLY:CA	1:B:1575:PHE:CA	0.93	0.93
1:A:1429:ASP:CA	1:A:1734:TRP:CA	2.46	0.93
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.46	0.93
1:A:1711:ARG:CA	1:B:1663:GLY:CA	2.46	0.93
1:A:1370:GLY:CA	1:A:1575:PHE:CA	0.93	0.93
1:A:1369:VAL:CA	1:A:1827:LEU:CA	2.47	0.93
1:A:1382:ASP:CA	1:A:1589:ALA:CA	2.45	0.93
1:B:1477:ARG:CA	1:B:1574:HIS:CA	2.46	0.93
1:A:1624:GLY:CA	1:B:1812:ALA:CA	2.46	0.93
1:A:1368:THR:CA	1:A:1829:ASP:CA	2.47	0.93
1:A:1492:GLU:CA	1:A:1582:LEU:CA	2.47	0.93
1:A:1699:TYR:CA	1:B:1755:LEU:CA	2.46	0.93
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.46	0.93
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.46	0.92
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.48	0.92
1:A:1821:GLU:CA	1:B:1796:LEU:CA	2.47	0.92
1:A:1788:MET:CA	1:B:1730:ASN:CA	2.47	0.92
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.48	0.92
1:B:1492:GLU:CA	1:B:1582:LEU:CA	2.47	0.92
1:B:1569:LEU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.48	0.92
1:A:1732:MET:CA	1:A:1919:GLN:CA	2.47	0.92
1:B:1369:VAL:CA	1:B:1827:LEU:CA	2.47	0.92
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.48	0.92
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.46	0.92
1:A:1465:CYS:CA	1:A:1732:MET:CA	2.47	0.92
1:B:1465:CYS:CA	1:B:1732:MET:CA	2.47	0.92
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2085:GLU:CA	2.46	0.92
1:A:1789:GLU:CA	1:B:1793:PRO:CA	2.47	0.92
1:A:1464:ALA:CA	1:A:1727:LEU:CA	2.48	0.92
1:A:1569:LEU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.48	0.92
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.48	0.92
1:B:1779:GLN:CA	1:B:1913:SER:CA	2.48	0.92
1:A:1468:LYS:CA	1:A:1724:GLU:CA	2.48	0.92
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2045:ARG:CA	2.48	0.91
1:B:1477:ARG:CA	1:B:1574:HIS:CA	2.47	0.91
1:A:1477:ARG:CA	1:A:1574:HIS:CA	2.47	0.91
1:B:1464:ALA:CA	1:B:1727:LEU:CA	2.48	0.91
1:B:1371:ILE:CA	1:B:1723:ARG:CA	2.49	0.91
1:B:1368:THR:CA	1:B:1829:ASP:CA	2.47	0.91
1:B:1468:LYS:CA	1:B:1724:GLU:CA	2.49	0.91
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.49	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1483:ARG:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.49	0.91
1:A:1465:CYS:CA	1:A:1716:SER:CA	2.49	0.90
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2031:THR:CA	2.48	0.90
1:A:1699:TYR:CA	1:B:1755:LEU:CA	2.47	0.90
1:A:1492:GLU:CA	1:A:1582:LEU:CA	2.49	0.90
1:A:1733:TYR:CA	1:B:1701:PRO:CA	2.50	0.90
1:A:1744:PRO:CA	1:B:1630:ASP:CA	2.49	0.90
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.50	0.90
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.50	0.90
1:A:1424:GLY:CA	1:A:1826:LEU:CA	2.49	0.90
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.49	0.90
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2031:THR:CA	2.48	0.90
1:B:1492:GLU:CA	1:B:1582:LEU:CA	2.49	0.90
1:B:1424:GLY:CA	1:B:1826:LEU:CA	2.49	0.90
1:A:1621:HIS:CA	1:B:1827:LEU:CA	2.49	0.90
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.50	0.90
1:A:1483:ARG:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.49	0.90
1:B:1465:CYS:CA	1:B:1716:SER:CA	2.49	0.89
1:A:1371:ILE:CA	1:A:1723:ARG:CA	2.49	0.89
1:B:1483:ARG:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.50	0.89
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1799:ASP:CA	2.50	0.89
1:A:1729:PRO:CA	1:B:1624:GLY:CA	2.49	0.89
1:A:1754:VAL:CA	1:B:1704:PHE:CA	0.89	0.89
1:A:1662:ILE:CA	1:B:1776:LEU:CA	2.51	0.89
1:A:1426:ALA:CA	1:A:1717:PRO:CA	2.50	0.89
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.51	0.89
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.50	0.89
1:B:1726:ALA:CA	1:B:2024:CYS:CA	2.51	0.89
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	0.89	0.89
1:A:1722:GLY:CA	1:B:1789:GLU:CA	2.51	0.89
1:B:1426:ALA:CA	1:B:1717:PRO:CA	2.50	0.89
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.50	0.89
1:A:1380:ILE:CA	1:A:1572:ALA:CA	2.51	0.89
1:A:1699:TYR:CA	1:B:1754:VAL:CA	2.51	0.89
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	0.89	0.89
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.51	0.88
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.51	0.88
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.51	0.88
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.51	0.88
1:A:1483:ARG:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.50	0.88
1:B:1480:PRO:CA	1:B:1589:ALA:CA	2.52	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.51	0.88
1:B:1380:ILE:CA	1:B:1572:ALA:CA	2.51	0.88
1:B:1384:ARG:CA	1:B:1575:PHE:CA	2.52	0.88
1:B:1729:PRO:CA	1:B:1913:SER:CA	2.52	0.88
1:A:1722:GLY:CA	1:B:1789:GLU:CA	2.52	0.88
1:A:1480:PRO:CA	1:A:1589:ALA:CA	2.52	0.88
1:A:1726:ALA:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.51	0.88
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.51	0.88
1:B:1498:ALA:CA	1:B:1822:HIS:CA	0.87	0.88
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.52	0.88
1:A:1729:PRO:CA	1:A:1913:SER:CA	2.52	0.87
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.51	0.87
1:A:1498:ALA:CA	1:A:1822:HIS:CA	0.88	0.87
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1912:THR:CA	2.52	0.87
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.51	0.87
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.52	0.87
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.51	0.87
1:A:1384:ARG:CA	1:A:1575:PHE:CA	2.52	0.87
1:B:1724:GLU:CA	1:B:1920:GLU:CA	2.53	0.87
1:A:1696:GLU:CA	1:B:1699:TYR:CA	2.52	0.87
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1913:SER:CA	2.53	0.87
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.53	0.87
1:B:1643:LYS:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.52	0.87
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.52	0.87
1:A:1426:ALA:CA	1:B:1422:SER:CA	0.87	0.87
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1913:SER:CA	2.53	0.87
1:A:1643:LYS:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.52	0.87
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.52	0.87
1:A:1729:PRO:CA	1:A:1913:SER:CA	2.53	0.86
1:B:1357:THR:CA	1:B:1581:VAL:CA	2.53	0.86
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.52	0.86
1:B:1493:GLU:CA	1:B:1650:PHE:CA	2.53	0.86
1:A:1789:GLU:CA	1:B:1793:PRO:CA	2.52	0.86
1:A:1724:GLU:CA	1:A:1920:GLU:CA	2.53	0.86
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.53	0.86
1:A:1836:GLU:CA	1:B:1725:ARG:CA	2.51	0.86
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.54	0.86
1:A:1796:LEU:CA	1:B:1781:VAL:CA	2.53	0.86
1:A:1357:THR:CA	1:A:1581:VAL:CA	2.53	0.86
1:A:1493:GLU:CA	1:A:1650:PHE:CA	2.53	0.86
1:A:1754:VAL:CA	1:B:1704:PHE:CA	0.86	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1493:GLU:CA	1:B:1650:PHE:CA	2.53	0.86
1:A:1427:GLU:CA	1:A:1807:LEU:CA	2.53	0.86
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.53	0.86
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1912:THR:CA	2.52	0.86
1:A:1619:PRO:CA	1:B:1808:LEU:CA	2.53	0.86
1:B:1586:GLN:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.54	0.86
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	0.86	0.86
1:A:1618:CYS:CA	1:B:1808:LEU:CA	2.53	0.86
1:A:1586:GLN:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.54	0.86
1:B:1427:GLU:CA	1:B:1807:LEU:CA	2.54	0.86
1:A:1493:GLU:CA	1:A:1650:PHE:CA	2.54	0.86
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	0.86	0.86
1:B:1493:GLU:CA	1:B:1650:PHE:CA	2.54	0.86
1:B:1477:ARG:CA	1:B:1575:PHE:CA	2.54	0.85
1:A:1789:GLU:CA	1:B:1793:PRO:CA	2.53	0.85
1:A:1769:SER:CA	1:B:1713:LEU:CA	2.54	0.85
1:A:1493:GLU:CA	1:A:1650:PHE:CA	2.54	0.85
1:B:1729:PRO:CA	1:B:1913:SER:CA	2.53	0.85
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.54	0.85
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.55	0.85
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.54	0.85
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.53	0.85
1:A:1477:ARG:CA	1:A:1575:PHE:CA	2.54	0.85
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.55	0.85
1:B:1777:LEU:CA	1:B:1922:VAL:CA	2.55	0.85
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.55	0.85
1:A:1386:ARG:CA	1:A:1571:HIS:CA	2.55	0.85
1:A:1775:ILE:CA	1:B:1740:LEU:CA	2.55	0.85
1:A:1836:GLU:CA	1:B:1725:ARG:CA	2.55	0.85
1:B:1386:ARG:CA	1:B:1571:HIS:CA	2.55	0.85
1:A:1458:ASP:CA	1:A:1663:GLY:CA	2.56	0.84
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.54	0.84
1:A:1777:LEU:CA	1:A:1922:VAL:CA	2.55	0.84
1:B:1491:THR:CA	1:B:1736:GLN:CA	2.56	0.84
1:A:1617:GLY:CA	1:B:1766:THR:CA	2.55	0.84
1:A:1716:SER:CA	1:B:1668:LEU:CA	0.84	0.84
1:B:1458:ASP:CA	1:B:1663:GLY:CA	2.56	0.84
1:A:1458:ASP:CA	1:A:1663:GLY:CA	2.56	0.84
1:B:1458:ASP:CA	1:B:1663:GLY:CA	2.56	0.84
1:A:1699:TYR:CA	1:B:1754:VAL:CA	2.56	0.84
1:A:1767:VAL:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.56	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1724:GLU:CA	1:B:1920:GLU:CA	2.56	0.83
1:A:1789:GLU:CA	1:B:1793:PRO:CA	2.55	0.83
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.55	0.83
1:A:1458:ASP:CA	1:A:1663:GLY:CA	2.56	0.83
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1791:TRP:CA	2.56	0.83
1:A:1724:GLU:CA	1:A:1920:GLU:CA	2.56	0.83
1:B:1569:LEU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.56	0.83
1:B:1458:ASP:CA	1:B:1663:GLY:CA	2.56	0.83
1:A:1731:ARG:CA	1:B:1717:PRO:CA	0.83	0.83
1:A:1715:ILE:CA	1:B:1667:LEU:CA	0.83	0.83
1:B:1477:ARG:CA	1:B:1575:PHE:CA	2.57	0.83
1:A:1772:LYS:CA	1:B:1716:SER:CA	2.56	0.83
1:A:1491:THR:CA	1:A:1736:GLN:CA	2.56	0.83
1:B:1569:LEU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.56	0.83
1:A:1569:LEU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.56	0.83
1:A:1664:GLU:CA	1:A:1814:TYR:CA	2.57	0.83
1:A:1477:ARG:CA	1:A:1575:PHE:CA	2.56	0.82
1:A:1733:TYR:CA	1:B:1701:PRO:CA	2.57	0.82
1:B:1664:GLU:CA	1:B:1814:TYR:CA	2.57	0.82
1:A:1569:LEU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.57	0.82
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.58	0.82
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.58	0.82
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.58	0.82
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.58	0.82
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.58	0.82
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.58	0.82
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.58	0.82
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.58	0.82
1:A:1693:ARG:CA	1:B:1716:SER:CA	2.58	0.81
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.58	0.81
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	0.81	0.81
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.58	0.81
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.59	0.81
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	0.81	0.81
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.58	0.81
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.59	0.81
1:A:1761:SER:CA	1:B:1691:ILE:CA	2.58	0.81
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.58	0.80
1:B:1574:HIS:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.59	0.80
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.60	0.80
1:A:1693:ARG:CA	1:B:1716:SER:CA	2.59	0.80

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1586:GLN:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.60	0.80
1:A:1423:LYS:CA	1:B:1461:GLN:CA	2.59	0.80
1:A:1482:ILE:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.60	0.80
1:B:1482:ILE:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.60	0.80
1:B:1752:SER:CA	1:B:1913:SER:CA	0.80	0.80
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1912:THR:CA	2.59	0.80
1:B:1495:ASP:CA	1:B:1651:LYS:CA	2.60	0.80
1:A:1736:GLN:CA	1:B:1773:GLY:CA	2.60	0.80
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.59	0.80
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.59	0.80
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.60	0.80
1:B:1586:GLN:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.60	0.80
1:A:1788:MET:CA	1:B:1730:ASN:CA	2.60	0.80
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.59	0.80
1:B:1495:ASP:CA	1:B:1651:LYS:CA	2.60	0.80
1:A:1618:CYS:CA	1:B:1777:LEU:CA	2.60	0.80
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.60	0.80
1:A:1381:ARG:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.60	0.80
1:A:1586:GLN:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.60	0.79
1:B:1381:ARG:CA	1:B:1571:HIS:CA	2.60	0.79
1:B:1381:ARG:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.60	0.79
1:A:1574:HIS:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.59	0.79
1:A:1586:GLN:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.60	0.79
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.60	0.79
1:A:1799:ASP:CA	1:A:1941:ARG:CA	2.60	0.79
1:A:1403:SER:CA	1:A:1699:TYR:CA	2.60	0.79
1:B:1425:GLN:CA	1:B:1829:ASP:CA	2.61	0.79
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1912:THR:CA	2.59	0.79
1:A:1767:VAL:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.61	0.79
1:A:1812:ALA:CA	1:B:1617:GLY:CA	2.61	0.79
1:A:1789:GLU:CA	1:B:1793:PRO:CA	2.59	0.79
1:B:1495:ASP:CA	1:B:1651:LYS:CA	2.61	0.79
1:A:1798:ILE:CA	1:A:1942:PRO:CA	2.61	0.79
1:A:1495:ASP:CA	1:A:1651:LYS:CA	2.60	0.79
1:A:1569:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.61	0.79
1:B:1403:SER:CA	1:B:1699:TYR:CA	2.60	0.79
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.60	0.79
1:A:1476:LYS:CA	1:A:1599:GLU:CA	2.61	0.78
1:A:1569:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.61	0.78
1:B:1569:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.61	0.78
1:A:1381:ARG:CA	1:A:1571:HIS:CA	2.60	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1495:ASP:CA	1:A:1651:LYS:CA	2.61	0.78
1:A:1767:VAL:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.62	0.78
1:A:1428:VAL:CA	1:A:1714:GLU:CA	2.62	0.78
1:B:1426:ALA:CA	1:B:1797:GLU:CA	2.61	0.78
1:B:1592:LEU:CA	1:B:2043:VAL:CA	2.62	0.78
1:A:1426:ALA:CA	1:A:1797:GLU:CA	2.61	0.78
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.62	0.78
1:A:1717:PRO:CA	1:B:1619:PRO:CA	2.62	0.78
1:B:1569:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.61	0.78
1:B:1476:LYS:CA	1:B:1599:GLU:CA	2.62	0.78
1:A:1425:GLN:CA	1:A:1829:ASP:CA	2.61	0.78
1:A:1433:PRO:CA	1:A:1724:GLU:CA	2.61	0.77
1:B:1494:SER:CA	1:B:1732:MET:CA	2.62	0.77
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.62	0.77
1:B:1472:GLU:CA	1:B:1727:LEU:CA	2.62	0.77
1:A:1495:ASP:CA	1:A:1651:LYS:CA	2.61	0.77
1:A:1494:SER:CA	1:A:1732:MET:CA	2.62	0.77
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1912:THR:CA	2.62	0.77
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1912:THR:CA	2.62	0.77
1:B:1428:VAL:CA	1:B:1714:GLU:CA	2.62	0.77
1:A:1452:THR:CA	1:A:1724:GLU:CA	2.63	0.77
1:A:1465:CYS:CA	1:A:2028:GLY:CA	2.62	0.77
1:B:1574:HIS:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.63	0.77
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	0.77	0.77
1:B:1465:CYS:CA	1:B:2028:GLY:CA	2.62	0.77
1:B:1384:ARG:CA	1:B:1578:GLU:CA	0.77	0.77
1:B:1496:ALA:CA	1:B:1819:GLY:CA	2.63	0.77
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1791:TRP:CA	2.63	0.76
1:A:1427:GLU:CA	1:A:1746:ALA:CA	2.63	0.76
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.63	0.76
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.63	0.76
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.63	0.76
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	0.77	0.76
1:A:1384:ARG:CA	1:A:1578:GLU:CA	0.76	0.76
1:A:1551:LYS:CA	1:A:2045:ARG:CA	2.62	0.76
1:A:1736:GLN:CA	1:B:1773:GLY:CA	2.64	0.76
1:A:1428:VAL:CA	1:B:1426:ALA:CA	0.77	0.76
1:B:1427:GLU:CA	1:B:1746:ALA:CA	2.63	0.76
1:A:1767:VAL:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.64	0.76
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.63	0.76
1:B:1452:THR:CA	1:B:1724:GLU:CA	2.63	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.63	0.76
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.63	0.76
1:B:1460:LYS:CA	1:B:1826:LEU:CA	2.64	0.76
1:A:1778:GLY:CA	1:B:1737:GLY:CA	2.63	0.76
1:A:1574:HIS:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.63	0.75
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.64	0.75
1:A:1543:ILE:CA	1:A:2085:GLU:CA	2.64	0.75
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1922:VAL:CA	0.76	0.75
1:B:1544:GLU:CA	1:B:2085:GLU:CA	2.65	0.75
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1922:VAL:CA	0.76	0.75
1:A:1496:ALA:CA	1:A:1819:GLY:CA	2.63	0.75
1:A:1735:ARG:CA	1:A:1912:THR:CA	2.64	0.75
1:A:1544:GLU:CA	1:A:2085:GLU:CA	2.65	0.75
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1940:ILE:CA	2.65	0.75
1:B:1348:THR:CA	1:B:1727:LEU:CA	2.65	0.75
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.65	0.75
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.65	0.75
1:A:1460:LYS:CA	1:A:1826:LEU:CA	2.64	0.75
1:A:1695:TYR:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.64	0.74
1:A:1747:TYR:CA	1:B:1618:CYS:CA	2.64	0.74
1:A:1348:THR:CA	1:A:1727:LEU:CA	2.65	0.74
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.66	0.74
1:B:1543:ILE:CA	1:B:2085:GLU:CA	2.64	0.74
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.65	0.74
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.66	0.74
1:B:1586:GLN:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.66	0.74
1:B:1735:ARG:CA	1:B:1912:THR:CA	2.64	0.74
1:A:1705:TRP:CA	1:B:1767:VAL:CA	2.66	0.74
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.65	0.74
1:A:1586:GLN:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.66	0.74
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.64	0.74
1:A:1423:LYS:CA	1:A:1699:TYR:CA	2.65	0.74
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.66	0.74
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.66	0.74
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2082:GLU:CA	2.66	0.74
1:B:1468:LYS:CA	1:B:1719:MET:CA	0.74	0.74
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1791:TRP:CA	2.66	0.74
1:A:1381:ARG:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.66	0.74
1:A:1770:CYS:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.66	0.74
1:B:1472:GLU:CA	1:B:1743:SER:CA	2.66	0.73
1:B:1423:LYS:CA	1:B:1699:TYR:CA	2.65	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1468:LYS:CA	1:A:1719:MET:CA	0.74	0.73
1:B:1593:SER:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.67	0.73
1:A:1777:LEU:CA	1:B:1749:LEU:CA	2.66	0.73
1:B:1514:ARG:CA	1:B:1525:ASP:CA	2.66	0.73
1:B:1344:GLY:CA	1:B:1817:ASN:CA	2.67	0.73
1:A:1495:ASP:CA	1:A:1731:ARG:CA	0.73	0.73
1:B:1381:ARG:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.66	0.73
1:B:1382:ASP:CA	1:B:1568:GLU:CA	2.67	0.73
1:A:1427:GLU:CA	1:B:1421:LEU:CA	2.67	0.73
1:A:1494:SER:CA	1:A:1576:LEU:CA	2.67	0.73
1:B:1495:ASP:CA	1:B:1731:ARG:CA	0.73	0.73
1:A:1493:GLU:CA	1:A:1582:LEU:CA	2.67	0.73
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.66	0.73
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.66	0.73
1:A:1514:ARG:CA	1:A:1525:ASP:CA	2.66	0.73
1:A:1382:ASP:CA	1:A:1568:GLU:CA	2.67	0.73
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2082:GLU:CA	2.66	0.73
1:B:1458:ASP:CA	1:B:1742:TRP:CA	2.67	0.72
1:A:1778:GLY:CA	1:B:1737:GLY:CA	2.67	0.72
1:A:1344:GLY:CA	1:A:1817:ASN:CA	2.67	0.72
1:B:1721:SER:CA	1:B:1941:ARG:CA	2.67	0.72
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1791:TRP:CA	2.67	0.72
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.67	0.72
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.68	0.72
1:B:1494:SER:CA	1:B:1576:LEU:CA	2.67	0.72
1:B:1400:GLU:CA	1:B:1528:VAL:CA	2.67	0.72
1:A:1563:GLN:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.68	0.72
1:A:1459:GLU:CA	1:B:1829:ASP:CA	2.68	0.72
1:B:1493:GLU:CA	1:B:1582:LEU:CA	2.66	0.72
1:A:1494:SER:CA	1:A:1576:LEU:CA	2.68	0.72
1:A:1458:ASP:CA	1:A:1742:TRP:CA	2.67	0.72
1:A:1472:GLU:CA	1:A:1743:SER:CA	2.66	0.72
1:A:1695:TYR:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.67	0.72
1:A:1400:GLU:CA	1:A:1528:VAL:CA	2.67	0.72
1:A:1495:ASP:CA	1:B:1783:HIS:CA	2.68	0.72
1:B:1563:GLN:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.68	0.71
1:A:1767:VAL:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.68	0.71
1:A:1721:SER:CA	1:A:1941:ARG:CA	2.67	0.71
1:A:1752:SER:CA	1:B:1708:LEU:CA	2.67	0.71
1:A:1463:LYS:CA	1:A:1717:PRO:CA	2.69	0.71
1:A:1810:LYS:CA	1:B:1623:LYS:CA	2.68	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1492:GLU:CA	1:B:1733:TYR:CA	2.68	0.71
1:A:1776:LEU:CA	1:A:1922:VAL:CA	2.69	0.71
1:A:1432:LYS:CA	1:A:1725:ARG:CA	2.69	0.71
1:B:1494:SER:CA	1:B:1576:LEU:CA	2.68	0.71
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	0.71	0.71
1:B:1632:GLU:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.69	0.71
1:A:1695:TYR:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.68	0.71
1:A:1456:VAL:CA	1:B:1823:GLN:CA	2.69	0.71
1:A:1776:LEU:CA	1:A:1922:VAL:CA	2.69	0.71
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	0.71	0.71
1:B:1776:LEU:CA	1:B:1922:VAL:CA	2.69	0.71
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.69	0.70
1:B:1463:LYS:CA	1:B:1717:PRO:CA	2.68	0.70
1:A:1428:VAL:CA	1:A:1805:GLU:CA	2.69	0.70
1:A:1776:LEU:CA	1:A:1922:VAL:CA	2.69	0.70
1:B:1776:LEU:CA	1:B:1922:VAL:CA	2.69	0.70
1:B:1344:GLY:CA	1:B:1824:LYS:CA	2.69	0.70
1:A:1770:CYS:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.69	0.70
1:A:1632:GLU:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.69	0.70
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2048:VAL:CA	0.70	0.70
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1921:LEU:CA	2.70	0.70
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.70	0.70
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2048:VAL:CA	0.71	0.70
1:B:1776:LEU:CA	1:B:1922:VAL:CA	2.69	0.70
1:A:1785:ASP:CA	1:B:1810:LYS:CA	2.69	0.70
1:A:1777:LEU:CA	1:B:1738:ILE:CA	2.69	0.70
1:A:1429:ASP:CA	1:A:1828:ASP:CA	2.70	0.70
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.70	0.70
1:B:1428:VAL:CA	1:B:1805:GLU:CA	2.69	0.70
1:A:1695:TYR:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.70	0.70
1:A:1624:GLY:CA	1:B:1782:ASP:CA	2.70	0.70
1:A:1777:LEU:CA	1:B:1738:ILE:CA	2.70	0.70
1:B:1476:LYS:CA	1:B:1600:PRO:CA	2.69	0.70
1:A:1752:SER:CA	1:B:1708:LEU:CA	2.70	0.70
1:A:1476:LYS:CA	1:A:1600:PRO:CA	2.69	0.70
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.69	0.69
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1942:PRO:CA	2.70	0.69
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.70	0.69
1:A:1785:ASP:CA	1:B:1810:LYS:CA	2.69	0.69
1:B:1632:GLU:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.70	0.69
1:A:1453:HIS:CA	1:A:1836:GLU:CA	2.70	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1630:ASP:CA	1:A:2027:MET:CA	2.71	0.69
1:B:1382:ASP:CA	1:B:1569:LEU:CA	2.70	0.69
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.71	0.69
1:A:1770:CYS:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.70	0.69
1:B:1463:LYS:CA	1:B:1729:PRO:CA	2.70	0.69
1:B:1429:ASP:CA	1:B:1828:ASP:CA	2.70	0.69
1:B:1480:PRO:CA	1:B:1657:GLN:CA	2.71	0.69
1:B:1564:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.70	0.69
1:A:1382:ASP:CA	1:A:1569:LEU:CA	2.70	0.69
1:A:1618:CYS:CA	1:B:1713:LEU:CA	2.71	0.69
1:A:1761:SER:CA	1:B:1691:ILE:CA	2.70	0.69
1:B:1453:HIS:CA	1:B:1836:GLU:CA	2.70	0.69
1:A:1344:GLY:CA	1:A:1824:LYS:CA	2.69	0.69
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.70	0.69
1:A:1463:LYS:CA	1:A:1729:PRO:CA	2.70	0.69
1:A:1726:ALA:CA	1:A:1914:LEU:CA	2.70	0.69
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.71	0.69
1:A:1632:GLU:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.70	0.69
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.70	0.68
1:B:1731:ARG:CA	1:B:1921:LEU:CA	2.70	0.68
1:B:1726:ALA:CA	1:B:1914:LEU:CA	2.70	0.68
1:A:1834:ALA:CA	1:B:1825:ILE:CA	2.70	0.68
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2043:VAL:CA	2.71	0.68
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.72	0.68
1:A:1717:PRO:CA	1:B:1669:VAL:CA	0.69	0.68
1:A:1770:CYS:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.71	0.68
1:A:1726:ALA:CA	1:A:1914:LEU:CA	2.71	0.68
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2082:GLU:CA	2.71	0.68
1:B:1382:ASP:CA	1:B:1569:LEU:CA	2.71	0.68
1:B:1382:ASP:CA	1:B:1569:LEU:CA	2.71	0.68
1:B:1630:ASP:CA	1:B:2027:MET:CA	2.71	0.68
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.70	0.68
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.71	0.68
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2082:GLU:CA	2.72	0.68
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.72	0.68
1:A:1382:ASP:CA	1:A:1569:LEU:CA	2.71	0.68
1:A:1382:ASP:CA	1:A:1569:LEU:CA	2.71	0.68
1:A:1480:PRO:CA	1:A:1657:GLN:CA	2.71	0.68
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.71	0.68
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.72	0.68
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.71	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1726:ALA:CA	1:B:1914:LEU:CA	2.72	0.67
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.72	0.67
1:B:1382:ASP:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.72	0.67
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.72	0.67
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.72	0.67
1:A:1474:LEU:CA	1:A:1592:LEU:CA	2.71	0.67
1:B:1472:GLU:CA	1:B:1648:GLN:CA	2.72	0.67
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.72	0.67
1:A:1630:ASP:CA	1:A:2027:MET:CA	2.73	0.67
1:B:1366:SER:CA	1:B:1527:TYR:CA	2.73	0.67
1:A:1472:GLU:CA	1:A:1648:GLN:CA	2.72	0.67
1:B:1474:LEU:CA	1:B:1592:LEU:CA	2.72	0.67
1:A:1382:ASP:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.72	0.67
1:B:1387:ASP:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.72	0.67
1:A:1623:LYS:CA	1:B:1700:PHE:CA	2.73	0.67
1:A:1695:TYR:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.73	0.67
1:A:1383:LYS:CA	1:A:1575:PHE:CA	0.67	0.67
1:B:1383:LYS:CA	1:B:1575:PHE:CA	0.67	0.67
1:B:1465:CYS:CA	1:B:1757:ASN:CA	2.73	0.66
1:A:1366:SER:CA	1:A:1527:TYR:CA	2.73	0.66
1:A:1465:CYS:CA	1:A:1757:ASN:CA	2.73	0.66
1:A:1382:ASP:CA	1:A:1567:ASN:CA	2.74	0.66
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.74	0.66
1:A:1452:THR:CA	1:A:1723:ARG:CA	2.74	0.66
1:A:1387:ASP:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.72	0.66
1:A:1429:ASP:CA	1:A:1656:PHE:CA	2.73	0.66
1:B:1630:ASP:CA	1:B:2027:MET:CA	2.73	0.66
1:B:1452:THR:CA	1:B:1723:ARG:CA	2.74	0.66
1:B:1429:ASP:CA	1:B:1656:PHE:CA	2.74	0.66
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	0.66	0.66
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	0.66	0.66
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.73	0.65
1:A:1626:ILE:CA	1:B:1769:SER:CA	2.74	0.65
1:B:1382:ASP:CA	1:B:1567:ASN:CA	2.73	0.65
1:A:1659:ALA:CA	1:B:1711:ARG:CA	2.75	0.65
1:B:1591:GLN:CA	1:B:2118:ASN:CA	2.74	0.65
1:A:1493:GLU:CA	1:A:1738:ILE:CA	2.74	0.65
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.75	0.65
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1791:TRP:CA	2.74	0.65
1:B:1493:GLU:CA	1:B:1738:ILE:CA	2.74	0.65
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.75	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1591:GLN:CA	1:A:2118:ASN:CA	2.74	0.65
1:A:1617:GLY:CA	1:B:1812:ALA:CA	2.75	0.65
1:A:1738:ILE:CA	1:A:1913:SER:CA	2.74	0.65
1:B:1564:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.75	0.65
1:A:1770:CYS:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.74	0.65
1:A:1366:SER:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.75	0.65
1:A:1353:GLN:CA	1:A:1578:GLU:CA	2.75	0.64
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1792:PHE:CA	2.76	0.64
1:A:1399:GLU:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.75	0.64
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.75	0.64
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.75	0.64
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.75	0.64
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.75	0.64
1:A:1458:ASP:CA	1:B:1830:LEU:CA	2.76	0.64
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1792:PHE:CA	2.76	0.64
1:B:1399:GLU:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.75	0.64
1:B:1353:GLN:CA	1:B:1578:GLU:CA	2.75	0.64
1:A:1807:LEU:CA	1:A:1925:CYS:CA	2.75	0.64
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2048:VAL:CA	0.64	0.64
1:B:1397:GLY:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.76	0.64
1:A:1700:PHE:CA	1:B:1754:VAL:CA	2.75	0.64
1:B:1381:ARG:CA	1:B:1572:ALA:CA	2.76	0.64
1:A:1700:PHE:CA	1:B:1754:VAL:CA	2.75	0.64
1:A:1700:PHE:CA	1:B:1693:ARG:CA	0.64	0.64
1:B:1366:SER:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.75	0.64
1:A:1480:PRO:CA	1:A:1656:PHE:CA	2.76	0.64
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1792:PHE:CA	2.76	0.64
1:A:1668:LEU:CA	1:B:1812:ALA:CA	2.76	0.64
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2048:VAL:CA	0.64	0.63
1:B:1567:ASN:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.77	0.63
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.76	0.63
1:A:1586:GLN:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.76	0.63
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1792:PHE:CA	2.76	0.63
1:B:1586:GLN:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.76	0.63
1:A:1734:TRP:CA	1:A:1918:ARG:CA	2.77	0.63
1:B:1734:TRP:CA	1:B:1918:ARG:CA	2.77	0.63
1:A:1834:ALA:CA	1:B:1825:ILE:CA	2.76	0.63
1:B:1465:CYS:CA	1:B:2028:GLY:CA	2.76	0.63
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.75	0.63
1:A:1694:LEU:CA	1:B:1792:PHE:CA	2.77	0.63
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.76	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1658:ILE:CA	1:B:1812:ALA:CA	2.75	0.63
1:A:1381:ARG:CA	1:A:1572:ALA:CA	2.76	0.63
1:B:1397:GLY:CA	1:B:1579:SER:CA	2.77	0.62
1:B:1480:PRO:CA	1:B:1656:PHE:CA	2.76	0.62
1:A:1619:PRO:CA	1:B:1834:ALA:CA	2.77	0.62
1:A:1493:GLU:CA	1:A:1733:TYR:CA	2.78	0.62
1:A:1353:GLN:CA	1:A:1578:GLU:CA	2.78	0.62
1:A:1465:CYS:CA	1:A:2028:GLY:CA	2.76	0.62
1:A:1397:GLY:CA	1:A:1579:SER:CA	2.77	0.62
1:A:1462:ARG:CA	1:A:1727:LEU:CA	2.77	0.62
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.77	0.62
1:B:1462:ARG:CA	1:B:1727:LEU:CA	2.77	0.62
1:A:1397:GLY:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.76	0.62
1:B:1400:GLU:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.77	0.62
1:A:1400:GLU:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.77	0.62
1:A:1617:GLY:CA	1:B:1781:VAL:CA	2.77	0.62
1:B:1353:GLN:CA	1:B:1578:GLU:CA	2.77	0.62
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.78	0.62
1:A:1778:GLY:CA	1:B:1738:ILE:CA	2.78	0.61
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.78	0.61
1:B:1491:THR:CA	1:B:1794:GLY:CA	2.78	0.61
1:B:1493:GLU:CA	1:B:1733:TYR:CA	2.78	0.61
1:A:1494:SER:CA	1:A:1797:GLU:CA	2.79	0.61
1:A:1459:GLU:CA	1:A:1718:TYR:CA	2.79	0.61
1:A:1722:GLY:CA	1:B:1613:VAL:CA	0.61	0.61
1:B:1459:GLU:CA	1:B:1718:TYR:CA	2.79	0.61
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.79	0.61
1:B:1663:GLY:CA	1:B:1828:ASP:CA	2.78	0.61
1:A:1491:THR:CA	1:A:1794:GLY:CA	2.78	0.61
1:A:1623:LYS:CA	1:B:1779:GLN:CA	2.78	0.61
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.78	0.61
1:B:1494:SER:CA	1:B:1797:GLU:CA	2.79	0.61
1:A:1834:ALA:CA	1:B:1825:ILE:CA	2.78	0.61
1:A:1706:SER:CA	1:B:1712:LEU:CA	2.79	0.61
1:B:1358:LYS:CA	1:B:1823:GLN:CA	2.79	0.61
1:A:1663:GLY:CA	1:A:1828:ASP:CA	2.79	0.60
1:A:1711:ARG:CA	1:B:1713:LEU:CA	2.79	0.60
1:A:1620:LYS:CA	1:B:1745:GLU:CA	2.78	0.60
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.79	0.60
1:A:1706:SER:CA	1:B:1712:LEU:CA	2.79	0.60
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.79	0.60

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1775:ILE:CA	1:B:1739:TYR:CA	2.79	0.60
1:A:1358:LYS:CA	1:A:1823:GLN:CA	2.79	0.60
1:B:1567:ASN:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.79	0.60
1:A:1778:GLY:CA	1:B:1738:ILE:CA	2.80	0.60
1:A:1492:GLU:CA	1:A:1583:LEU:CA	2.80	0.60
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.79	0.60
1:A:1613:VAL:CA	1:B:1743:SER:CA	2.79	0.60
1:A:1423:LYS:CA	1:A:1741:ASN:CA	2.80	0.60
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.79	0.60
1:A:1834:ALA:CA	1:B:1825:ILE:CA	2.80	0.59
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.81	0.59
1:A:1738:ILE:CA	1:B:1705:TRP:CA	2.81	0.59
1:B:1492:GLU:CA	1:B:1583:LEU:CA	2.80	0.59
1:B:1423:LYS:CA	1:B:1741:ASN:CA	2.80	0.59
1:A:1492:GLU:CA	1:A:1583:LEU:CA	2.80	0.59
1:B:1383:LYS:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.81	0.59
1:B:1379:GLN:CA	1:B:1575:PHE:CA	2.81	0.59
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.81	0.59
1:A:1751:GLY:CA	1:B:1772:LYS:CA	2.81	0.59
1:B:1564:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.80	0.59
1:A:1776:LEU:CA	1:B:1741:ASN:CA	2.81	0.59
1:B:1492:GLU:CA	1:B:1583:LEU:CA	2.80	0.59
1:B:1728:ARG:CA	1:B:1939:GLY:CA	2.81	0.58
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.80	0.58
1:A:1513:ILE:CA	1:A:1525:ASP:CA	2.81	0.58
1:A:1711:ARG:CA	1:B:1713:LEU:CA	2.80	0.58
1:A:1458:ASP:CA	1:A:1759:PRO:CA	2.81	0.58
1:A:1379:GLN:CA	1:A:1575:PHE:CA	2.81	0.58
1:A:1800:ILE:CA	1:B:1702:MET:CA	2.81	0.58
1:B:1458:ASP:CA	1:B:1759:PRO:CA	2.81	0.58
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.81	0.58
1:A:1383:LYS:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.81	0.58
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.81	0.58
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.80	0.58
1:B:1513:ILE:CA	1:B:1525:ASP:CA	2.81	0.58
1:A:1622:PRO:CA	1:B:1813:LEU:CA	2.82	0.58
1:A:1819:GLY:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.81	0.58
1:A:1793:PRO:CA	1:B:1743:SER:CA	2.82	0.58
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.82	0.58
1:A:1480:PRO:CA	1:A:1589:ALA:CA	2.82	0.58
1:A:1735:ARG:CA	1:B:1773:GLY:CA	2.81	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1492:GLU:CA	1:A:1583:LEU:CA	2.82	0.57
1:A:1819:GLY:CA	1:B:1795:LEU:CA	2.82	0.57
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1921:LEU:CA	2.83	0.57
1:B:1480:PRO:CA	1:B:1589:ALA:CA	2.82	0.57
1:A:1707:ARG:CA	1:B:1712:LEU:CA	2.82	0.57
1:A:1708:LEU:CA	1:B:1766:THR:CA	2.82	0.57
1:A:1480:PRO:CA	1:A:1604:CYS:CA	2.82	0.57
1:B:1480:PRO:CA	1:B:1604:CYS:CA	2.82	0.57
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.81	0.57
1:B:1332:TYR:CA	1:B:1727:LEU:CA	2.82	0.57
1:A:1754:VAL:CA	1:B:1797:GLU:CA	0.57	0.57
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.82	0.57
1:A:1738:ILE:CA	1:B:1705:TRP:CA	2.83	0.57
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.82	0.57
1:A:1332:TYR:CA	1:A:1727:LEU:CA	2.82	0.57
1:B:1731:ARG:CA	1:B:1921:LEU:CA	2.83	0.57
1:A:1494:SER:CA	1:A:1576:LEU:CA	0.57	0.57
1:B:1492:GLU:CA	1:B:1583:LEU:CA	2.82	0.57
1:B:1494:SER:CA	1:B:1576:LEU:CA	0.57	0.57
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.82	0.56
1:A:1370:GLY:CA	1:A:1572:ALA:CA	2.83	0.56
1:A:1495:ASP:CA	1:A:1818:ASP:CA	2.83	0.56
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	0.56	0.56
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	0.56	0.56
1:B:1370:GLY:CA	1:B:1572:ALA:CA	2.83	0.56
1:A:1622:PRO:CA	1:A:1819:GLY:CA	2.83	0.56
1:B:1622:PRO:CA	1:B:1819:GLY:CA	2.83	0.56
1:B:1478:GLY:CA	1:B:1659:ALA:CA	2.83	0.56
1:A:1483:ARG:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.84	0.56
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2082:GLU:CA	2.84	0.56
1:A:1480:PRO:CA	1:A:1589:ALA:CA	2.84	0.56
1:B:1483:ARG:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.84	0.56
1:B:1495:ASP:CA	1:B:1818:ASP:CA	2.83	0.56
1:A:1478:GLY:CA	1:A:1659:ALA:CA	2.83	0.56
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2082:GLU:CA	2.84	0.56
1:B:1480:PRO:CA	1:B:1589:ALA:CA	2.84	0.56
1:A:1792:PHE:CA	1:B:1830:LEU:CA	2.84	0.56
1:B:1780:VAL:CA	1:B:1925:CYS:CA	0.56	0.56
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.83	0.55
1:A:1780:VAL:CA	1:A:1925:CYS:CA	0.56	0.55
1:A:1754:VAL:CA	1:B:1797:GLU:CA	0.55	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1776:LEU:CA	1:B:1748:CYS:CA	2.84	0.55
1:A:1427:GLU:CA	1:A:1698:PRO:CA	2.85	0.55
1:A:1754:VAL:CA	1:B:1797:GLU:CA	0.55	0.55
1:B:1489:ASN:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.84	0.55
1:A:1619:PRO:CA	1:B:1777:LEU:CA	2.85	0.55
1:B:1509:LEU:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.85	0.55
1:A:1489:ASN:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.85	0.55
1:A:1735:ARG:CA	1:B:1773:GLY:CA	2.84	0.55
1:A:1754:VAL:CA	1:B:1797:GLU:CA	0.55	0.55
1:A:1457:SER:CA	1:B:1455:ASP:CA	2.83	0.55
1:B:1427:GLU:CA	1:B:1698:PRO:CA	2.84	0.55
1:A:1820:GLU:CA	1:A:1942:PRO:CA	2.84	0.55
1:A:1754:VAL:CA	1:B:1797:GLU:CA	0.55	0.55
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2085:GLU:CA	2.85	0.55
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.84	0.55
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.84	0.55
1:B:1474:LEU:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.85	0.55
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.85	0.55
1:A:1397:GLY:CA	1:A:1577:ASN:CA	2.85	0.54
1:B:1820:GLU:CA	1:B:1942:PRO:CA	2.84	0.54
1:A:1474:LEU:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.85	0.54
1:B:1464:ALA:CA	1:B:1715:ILE:CA	2.85	0.54
1:A:1509:LEU:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.85	0.54
1:A:1713:LEU:CA	1:B:1660:LEU:CA	2.85	0.54
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.86	0.54
1:A:1707:ARG:CA	1:B:1765:ILE:CA	2.85	0.54
1:B:1567:ASN:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.86	0.54
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.86	0.54
1:B:1476:LYS:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.86	0.54
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.86	0.54
1:A:1464:ALA:CA	1:A:1715:ILE:CA	2.85	0.54
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.86	0.54
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.86	0.53
1:A:1810:LYS:CA	1:A:1927:LEU:CA	2.86	0.53
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.86	0.53
1:B:1509:LEU:CA	1:B:1575:PHE:CA	2.87	0.53
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.87	0.53
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.86	0.53
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.86	0.53
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.86	0.53
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.87	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1514:ARG:CA	1:A:1565:ASP:CA	2.86	0.53
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.85	0.53
1:A:1834:ALA:CA	1:B:1825:ILE:CA	2.86	0.53
1:B:1397:GLY:CA	1:B:1577:ASN:CA	2.85	0.53
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.87	0.53
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.87	0.53
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.86	0.53
1:B:1514:ARG:CA	1:B:1565:ASP:CA	2.86	0.53
1:A:1476:LYS:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.86	0.53
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.86	0.53
1:B:1514:ARG:CA	1:B:1565:ASP:CA	2.86	0.53
1:B:1567:ASN:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.87	0.53
1:B:1632:GLU:CA	1:B:2049:ILE:CA	2.87	0.53
1:B:1837:GLY:CA	1:B:1921:LEU:CA	2.87	0.53
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.86	0.53
1:A:1514:ARG:CA	1:A:1565:ASP:CA	2.86	0.53
1:A:1790:GLU:CA	1:B:1702:MET:CA	2.86	0.53
1:A:1632:GLU:CA	1:A:2049:ILE:CA	2.87	0.53
1:A:1506:ASN:CA	1:A:1579:SER:CA	2.87	0.52
1:A:1422:SER:CA	1:A:1806:THR:CA	2.87	0.52
1:B:1734:TRP:CA	1:B:1918:ARG:CA	2.88	0.52
1:B:1734:TRP:CA	1:B:1918:ARG:CA	2.88	0.52
1:B:1422:SER:CA	1:B:1806:THR:CA	2.87	0.52
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.87	0.52
1:B:1382:ASP:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.88	0.52
1:B:1506:ASN:CA	1:B:1579:SER:CA	2.87	0.52
1:A:1509:LEU:CA	1:A:1575:PHE:CA	2.87	0.52
1:A:1707:ARG:CA	1:B:1712:LEU:CA	2.88	0.52
1:A:1837:GLY:CA	1:A:1921:LEU:CA	2.87	0.52
1:B:1427:GLU:CA	1:B:1714:GLU:CA	2.88	0.52
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.86	0.52
1:A:1725:ARG:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.88	0.52
1:B:1725:ARG:CA	1:B:2024:CYS:CA	2.88	0.52
1:A:1370:GLY:CA	1:A:1764:LYS:CA	2.88	0.52
1:B:1400:GLU:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.88	0.52
1:B:1551:LYS:CA	1:B:2084:ASP:CA	2.88	0.52
1:A:1427:GLU:CA	1:A:1714:GLU:CA	2.88	0.52
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2081:ASN:CA	2.88	0.52
1:B:1837:GLY:CA	1:B:1921:LEU:CA	2.89	0.51
1:A:1734:TRP:CA	1:A:1918:ARG:CA	2.88	0.51
1:A:1734:TRP:CA	1:A:1918:ARG:CA	2.88	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1669:VAL:CA	1:B:1782:ASP:CA	2.87	0.51
1:A:1764:LYS:CA	1:B:1824:LYS:CA	2.88	0.51
1:A:1369:VAL:CA	1:A:1820:GLU:CA	2.88	0.51
1:A:1383:LYS:CA	1:A:1571:HIS:CA	2.88	0.51
1:B:1369:VAL:CA	1:B:1820:GLU:CA	2.88	0.51
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.88	0.51
1:A:1551:LYS:CA	1:A:2084:ASP:CA	2.88	0.51
1:B:1423:LYS:CA	1:B:1698:PRO:CA	2.88	0.51
1:A:1400:GLU:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.88	0.51
1:A:1798:ILE:CA	1:B:1823:GLN:CA	2.89	0.51
1:A:1382:ASP:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.88	0.51
1:B:1345:SER:CA	1:B:1825:ILE:CA	2.89	0.51
1:B:1399:GLU:CA	1:B:1578:GLU:CA	2.89	0.51
1:B:1420:ASP:CA	1:B:1825:ILE:CA	2.89	0.51
1:B:1426:ALA:CA	1:B:1733:TYR:CA	2.89	0.51
1:A:1399:GLU:CA	1:A:1578:GLU:CA	2.88	0.51
1:A:1426:ALA:CA	1:A:1733:TYR:CA	2.88	0.51
1:B:1370:GLY:CA	1:B:1764:LYS:CA	2.88	0.51
1:A:1620:LYS:CA	1:B:1804:GLY:CA	2.89	0.51
1:B:1465:CYS:CA	1:B:2028:GLY:CA	2.89	0.51
1:B:1383:LYS:CA	1:B:1571:HIS:CA	2.88	0.51
1:A:1465:CYS:CA	1:A:2028:GLY:CA	2.89	0.50
1:A:1768:PRO:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.88	0.50
1:A:1423:LYS:CA	1:A:1698:PRO:CA	2.88	0.50
1:A:1837:GLY:CA	1:A:1921:LEU:CA	2.89	0.50
1:A:1776:LEU:CA	1:B:1740:LEU:CA	2.90	0.50
1:A:1420:ASP:CA	1:A:1825:ILE:CA	2.89	0.50
1:B:1425:GLN:CA	1:B:1797:GLU:CA	2.90	0.50
1:B:1464:ALA:CA	1:B:1723:ARG:CA	2.89	0.50
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.90	0.50
1:B:1370:GLY:CA	1:B:1826:LEU:CA	2.90	0.50
1:A:1345:SER:CA	1:A:1825:ILE:CA	2.89	0.50
1:A:1725:ARG:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.90	0.50
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.90	0.50
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.90	0.50
1:A:1630:ASP:CA	1:A:2027:MET:CA	2.90	0.50
1:A:1425:GLN:CA	1:A:1797:GLU:CA	2.90	0.50
1:B:1725:ARG:CA	1:B:2024:CYS:CA	2.90	0.50
1:B:1478:GLY:CA	1:B:1656:PHE:CA	2.90	0.50
1:A:1370:GLY:CA	1:A:1826:LEU:CA	2.90	0.50
1:A:1798:ILE:CA	1:B:1823:GLN:CA	2.90	0.50

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1464:ALA:CA	1:A:1723:ARG:CA	2.89	0.50
1:A:1781:VAL:CA	1:A:1926:HIS:CA	2.90	0.49
1:B:1386:ARG:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.91	0.49
1:B:1564:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.90	0.49
1:A:1386:ARG:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.91	0.49
1:A:1768:PRO:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.90	0.49
1:B:1384:ARG:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.91	0.49
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	0.49	0.49
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	0.49	0.49
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2117:GLU:CA	2.91	0.48
1:B:1630:ASP:CA	1:B:2027:MET:CA	2.90	0.48
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2117:GLU:CA	2.91	0.48
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.91	0.48
1:A:1792:PHE:CA	1:B:1830:LEU:CA	2.91	0.48
1:A:1768:PRO:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.91	0.48
1:A:1384:ARG:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.91	0.48
1:B:1494:SER:CA	1:B:1648:GLN:CA	2.92	0.48
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.91	0.48
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.92	0.48
1:B:1734:TRP:CA	1:B:1913:SER:CA	2.91	0.48
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.92	0.48
1:B:1494:SER:CA	1:B:1651:LYS:CA	2.92	0.48
1:A:1811:TRP:CA	1:B:1775:ILE:CA	2.92	0.48
1:B:1494:SER:CA	1:B:1648:GLN:CA	2.92	0.48
1:B:1564:LEU:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.91	0.48
1:B:1494:SER:CA	1:B:1651:LYS:CA	2.92	0.48
1:B:1781:VAL:CA	1:B:1926:HIS:CA	2.90	0.48
1:B:1494:SER:CA	1:B:1651:LYS:CA	2.92	0.48
1:A:1426:ALA:CA	1:A:1657:GLN:CA	2.92	0.48
1:A:1768:PRO:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.92	0.48
1:A:1764:LYS:CA	1:B:1824:LYS:CA	2.92	0.48
1:B:1837:GLY:CA	1:B:1921:LEU:CA	2.92	0.48
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.91	0.48
1:A:1811:TRP:CA	1:B:1775:ILE:CA	2.92	0.48
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.92	0.47
1:A:1725:ARG:CA	1:A:2024:CYS:CA	2.92	0.47
1:B:1725:ARG:CA	1:B:2024:CYS:CA	2.92	0.47
1:A:1630:ASP:CA	1:A:2027:MET:CA	2.92	0.47
1:A:1501:ARG:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.92	0.47
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.92	0.47
1:A:1791:TRP:CA	1:B:1701:PRO:CA	2.92	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1630:ASP:CA	1:B:2027:MET:CA	2.92	0.47
1:A:1494:SER:CA	1:A:1648:GLN:CA	2.92	0.47
1:A:1501:ARG:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.93	0.47
1:B:1494:SER:CA	1:B:1648:GLN:CA	2.93	0.47
1:A:1489:ASN:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.93	0.47
1:A:1728:ARG:CA	1:B:1623:LYS:CA	2.93	0.47
1:A:1494:SER:CA	1:A:1651:LYS:CA	2.92	0.47
1:A:1792:PHE:CA	1:B:1830:LEU:CA	2.93	0.47
1:A:1734:TRP:CA	1:A:1913:SER:CA	2.92	0.47
1:A:1494:SER:CA	1:A:1648:GLN:CA	2.92	0.47
1:A:1501:ARG:CA	1:A:1591:GLN:CA	2.93	0.47
1:A:1820:GLU:CA	1:B:1765:ILE:CA	2.92	0.47
1:A:1494:SER:CA	1:A:1651:LYS:CA	2.92	0.47
1:A:1494:SER:CA	1:A:1651:LYS:CA	2.92	0.47
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2078:LYS:CA	2.93	0.47
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.92	0.47
1:B:1501:ARG:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.92	0.47
1:A:1618:CYS:CA	1:B:1767:VAL:CA	2.92	0.47
1:B:1501:ARG:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.93	0.47
1:A:1789:GLU:CA	1:B:1718:TYR:CA	2.93	0.47
1:A:1478:GLY:CA	1:A:1656:PHE:CA	2.93	0.47
1:A:1837:GLY:CA	1:A:1921:LEU:CA	2.92	0.47
1:A:1345:SER:CA	1:A:1720:LEU:CA	2.93	0.47
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.92	0.46
1:A:1489:ASN:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.94	0.46
1:B:1567:ASN:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.94	0.46
1:B:1501:ARG:CA	1:B:1591:GLN:CA	2.93	0.46
1:B:1426:ALA:CA	1:B:1657:GLN:CA	2.92	0.46
1:B:1492:GLU:CA	1:B:1582:LEU:CA	2.94	0.46
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.94	0.46
1:A:1494:SER:CA	1:A:1648:GLN:CA	2.93	0.46
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2078:LYS:CA	2.93	0.46
1:B:1478:GLY:CA	1:B:1656:PHE:CA	2.93	0.46
1:A:1764:LYS:CA	1:B:1824:LYS:CA	2.93	0.46
1:B:1489:ASN:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.93	0.46
1:A:1592:LEU:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.94	0.46
1:B:1345:SER:CA	1:B:1720:LEU:CA	2.93	0.46
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2080:PRO:CA	0.46	0.46
1:A:1768:PRO:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.94	0.46
1:A:1483:ARG:CA	1:A:1579:SER:CA	2.94	0.46
1:A:1793:PRO:CA	1:B:1743:SER:CA	2.94	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1592:LEU:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.93	0.46
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2044:ALA:CA	2.94	0.46
1:A:1492:GLU:CA	1:A:1582:LEU:CA	2.94	0.46
1:A:1753:GLU:CA	1:B:1704:PHE:CA	2.94	0.46
1:A:1766:THR:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.94	0.45
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2044:ALA:CA	2.94	0.45
1:A:1658:ILE:CA	1:B:1713:LEU:CA	2.94	0.45
1:B:1483:ARG:CA	1:B:1579:SER:CA	2.94	0.45
1:A:1764:LYS:CA	1:B:1824:LYS:CA	2.94	0.45
1:A:1708:LEU:CA	1:B:1712:LEU:CA	2.94	0.45
1:B:1489:ASN:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.94	0.45
1:A:1717:PRO:CA	1:B:1618:CYS:CA	2.94	0.45
1:A:1366:SER:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.95	0.45
1:A:1789:GLU:CA	1:B:1718:TYR:CA	2.94	0.45
1:B:1499:LYS:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.95	0.45
1:A:1499:LYS:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.95	0.45
1:B:1345:SER:CA	1:B:1722:GLY:CA	2.95	0.45
1:B:1366:SER:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.95	0.45
1:B:1499:LYS:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.95	0.45
1:B:1837:GLY:CA	1:B:1921:LEU:CA	2.96	0.44
1:B:1589:ALA:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.95	0.44
1:A:1345:SER:CA	1:A:1722:GLY:CA	2.95	0.44
1:A:1589:ALA:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.95	0.44
1:A:1499:LYS:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.95	0.44
1:A:1792:PHE:CA	1:B:1830:LEU:CA	2.96	0.44
1:B:1382:ASP:CA	1:B:2046:GLY:CA	2.96	0.44
1:A:1820:GLU:CA	1:B:1765:ILE:CA	2.95	0.44
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2048:VAL:CA	2.96	0.44
1:B:1480:PRO:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.96	0.44
1:A:1782:ASP:CA	1:A:1926:HIS:CA	2.96	0.44
1:A:1567:ASN:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.96	0.44
1:A:1666:TYR:CA	1:B:1772:LYS:CA	2.96	0.44
1:A:1708:LEU:CA	1:B:1712:LEU:CA	2.95	0.44
1:B:1782:ASP:CA	1:B:1926:HIS:CA	2.96	0.44
1:B:1586:GLN:CA	1:B:2081:ASN:CA	2.96	0.44
1:B:1429:ASP:CA	1:B:1653:LEU:CA	2.96	0.44
1:B:1480:PRO:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.96	0.44
1:B:1731:ARG:CA	1:B:1921:LEU:CA	2.96	0.44
1:B:1499:LYS:CA	1:B:1588:PRO:CA	2.96	0.44
1:A:1480:PRO:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.96	0.43
1:A:1837:GLY:CA	1:A:1921:LEU:CA	2.96	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:A:1382:ASP:CA	1:A:2046:GLY:CA	2.96	0.43
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.96	0.43
1:A:1429:ASP:CA	1:A:1653:LEU:CA	2.96	0.43
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2048:VAL:CA	2.96	0.43
1:A:1499:LYS:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.96	0.43
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.97	0.43
1:A:1480:PRO:CA	1:A:1588:PRO:CA	2.96	0.43
1:A:1509:LEU:CA	1:A:1821:GLU:CA	2.97	0.43
1:A:1753:GLU:CA	1:B:1704:PHE:CA	2.96	0.43
1:B:1820:GLU:CA	1:B:1940:ILE:CA	2.97	0.43
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2082:GLU:CA	2.97	0.43
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.96	0.43
1:A:1731:ARG:CA	1:A:1921:LEU:CA	2.96	0.43
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2082:GLU:CA	2.97	0.43
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.97	0.43
1:A:1820:GLU:CA	1:B:1765:ILE:CA	2.96	0.43
1:B:1566:GLU:CA	1:B:2079:PHE:CA	2.97	0.43
1:B:1567:ASN:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.96	0.43
1:A:1730:ASN:CA	1:B:1697:MET:CA	2.97	0.43
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.97	0.43
1:A:1766:THR:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.97	0.43
1:B:1570:PRO:CA	1:B:2080:PRO:CA	2.96	0.42
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1709:ILE:CA	2.97	0.42
1:A:1564:LEU:CA	1:A:2082:GLU:CA	2.97	0.42
1:A:1730:ASN:CA	1:A:1940:ILE:CA	2.97	0.42
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.97	0.42
1:B:1730:ASN:CA	1:B:1940:ILE:CA	2.97	0.42
1:A:1623:LYS:CA	1:B:1701:PRO:CA	2.98	0.42
1:B:1461:GLN:CA	1:B:1729:PRO:CA	2.97	0.42
1:A:1820:GLU:CA	1:B:1765:ILE:CA	2.97	0.42
1:A:1785:ASP:CA	1:B:1812:ALA:CA	2.97	0.42
1:A:1568:GLU:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.97	0.42
1:A:1343:THR:CA	1:A:1829:ASP:CA	2.97	0.42
1:B:1343:THR:CA	1:B:1829:ASP:CA	2.97	0.42
1:B:1509:LEU:CA	1:B:1821:GLU:CA	2.97	0.42
1:A:1766:THR:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.97	0.42
1:A:1457:SER:CA	1:B:1726:ALA:CA	2.98	0.42
1:A:1421:LEU:CA	1:A:1729:PRO:CA	2.97	0.42
1:A:1566:GLU:CA	1:A:2079:PHE:CA	2.97	0.42
1:B:1587:ASP:CA	1:B:2048:VAL:CA	0.42	0.42
1:A:1499:LYS:CA	1:A:1578:GLU:CA	2.98	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2117:GLU:CA	2.98	0.42
1:A:1587:ASP:CA	1:A:2048:VAL:CA	0.42	0.42
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.98	0.42
1:A:1691:ILE:CA	1:B:1816:PHE:CA	2.97	0.42
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.97	0.42
1:A:1785:ASP:CA	1:B:1812:ALA:CA	2.98	0.42
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2117:GLU:CA	2.98	0.42
1:B:1590:LEU:CA	1:B:2117:GLU:CA	2.98	0.41
1:A:1764:LYS:CA	1:B:1824:LYS:CA	2.98	0.41
1:A:1398:ARG:CA	1:A:1578:GLU:CA	2.98	0.41
1:B:1421:LEU:CA	1:B:1729:PRO:CA	2.98	0.41
1:A:1691:ILE:CA	1:B:1816:PHE:CA	2.98	0.41
1:B:1440:ALA:CA	1:B:1701:PRO:CA	2.99	0.41
1:B:1398:ARG:CA	1:B:1578:GLU:CA	2.98	0.41
1:A:1691:ILE:CA	1:B:1816:PHE:CA	2.98	0.41
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2117:GLU:CA	2.98	0.41
1:A:1436:PHE:CA	1:A:1580:GLY:CA	2.99	0.41
1:B:1568:GLU:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.98	0.41
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2117:GLU:CA	2.98	0.41
1:A:1461:GLN:CA	1:A:1729:PRO:CA	2.98	0.41
1:A:1621:HIS:CA	1:B:1804:GLY:CA	2.99	0.41
1:A:1766:THR:CA	1:B:1822:HIS:CA	2.98	0.41
1:B:1643:LYS:CA	1:B:2047:ASN:CA	2.98	0.41
1:A:1611:LEU:CA	1:B:1719:MET:CA	2.99	0.41
1:A:1472:GLU:CA	1:A:1720:LEU:CA	2.99	0.41
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.98	0.41
1:A:1643:LYS:CA	1:A:2047:ASN:CA	2.98	0.41
1:A:1570:PRO:CA	1:A:2080:PRO:CA	2.99	0.41
1:A:1565:ASP:CA	1:A:2077:LEU:CA	2.98	0.41
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.99	0.41
1:A:1404:THR:CA	1:A:2029:ILE:CA	2.99	0.41
1:A:1691:ILE:CA	1:B:1816:PHE:CA	2.98	0.41
1:A:1429:ASP:CA	1:A:1810:LYS:CA	2.99	0.41
1:B:1436:PHE:CA	1:B:1580:GLY:CA	2.99	0.41
1:A:1590:LEU:CA	1:A:2117:GLU:CA	2.98	0.41
1:B:1430:ALA:CA	1:B:1814:TYR:CA	2.99	0.41
1:B:1499:LYS:CA	1:B:1578:GLU:CA	2.98	0.41
1:B:1482:ILE:CA	1:B:1590:LEU:CA	2.99	0.41
1:B:1404:THR:CA	1:B:2029:ILE:CA	2.99	0.40
1:A:1479:PHE:CA	1:A:1587:ASP:CA	2.99	0.40
1:B:1429:ASP:CA	1:B:1810:LYS:CA	2.99	0.40

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Interatomic distance (Å)	Clash overlap (Å)
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.99	0.40
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.99	0.40
1:B:1472:GLU:CA	1:B:1720:LEU:CA	2.99	0.40
1:B:1565:ASP:CA	1:B:2077:LEU:CA	2.99	0.40
1:B:1479:PHE:CA	1:B:1587:ASP:CA	3.00	0.40
1:A:1430:ALA:CA	1:A:1814:TYR:CA	2.99	0.40
1:A:1755:LEU:CA	1:B:1709:ILE:CA	2.99	0.40

There are no symmetry-related clashes.

5.3 Torsion angles [i](#)

5.3.1 Protein backbone [i](#)

There are no protein backbone outliers to report in this entry.

5.3.2 Protein sidechains [i](#)

There are no protein residues with a non-rotameric sidechain to report in this entry.

5.3.3 RNA [i](#)

There are no RNA molecules in this entry.

5.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

5.5 Carbohydrates [i](#)

There are no oligosaccharides in this entry.

5.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

5.7 Other polymers

There are no such residues in this entry.

5.8 Polymer linkage issues

There are no chain breaks in this entry.

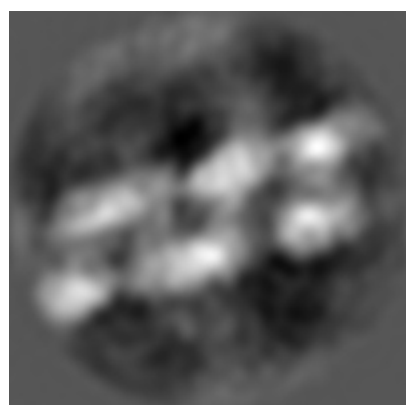
6 Map visualisation [i](#)

This section contains visualisations of the EMDB entry EMD-20825. These allow visual inspection of the internal detail of the map and identification of artifacts.

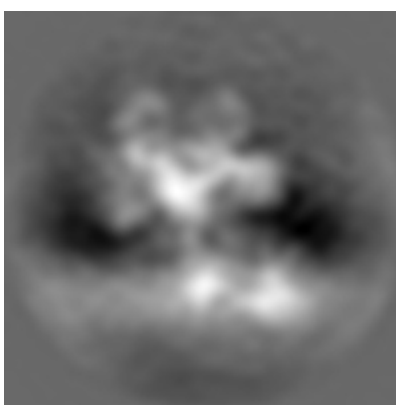
No raw map or half-maps were deposited for this entry and therefore no images, graphs, etc. pertaining to the raw map can be shown.

6.1 Orthogonal projections [i](#)

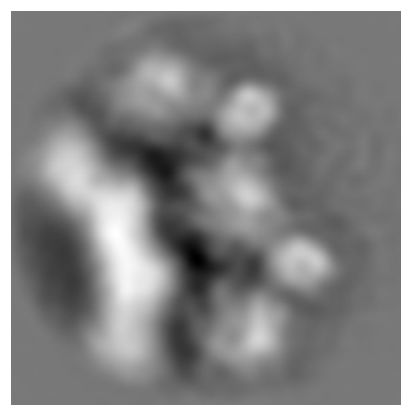
6.1.1 Primary map



X



Y

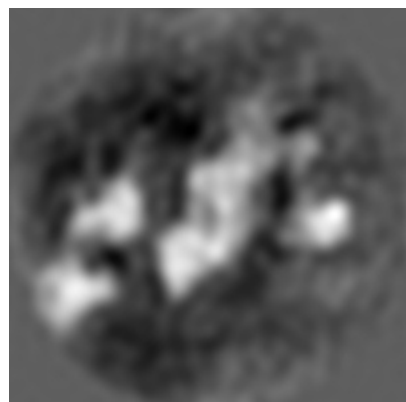


Z

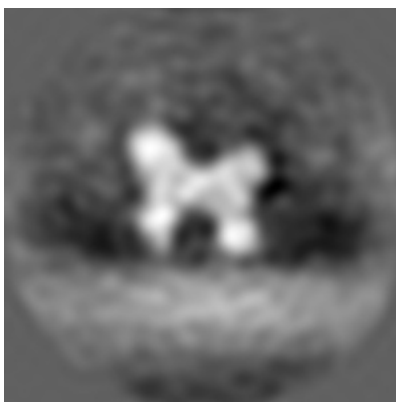
The images above show the map projected in three orthogonal directions.

6.2 Central slices [i](#)

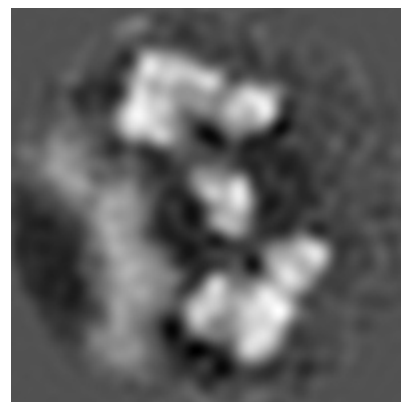
6.2.1 Primary map



X Index: 64



Y Index: 64

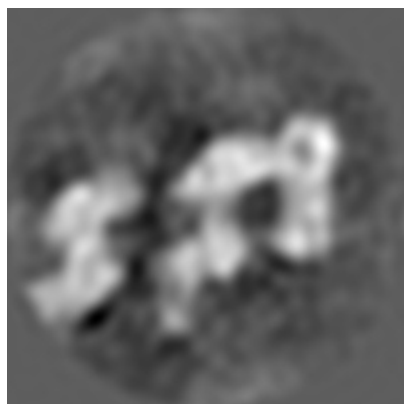


Z Index: 64

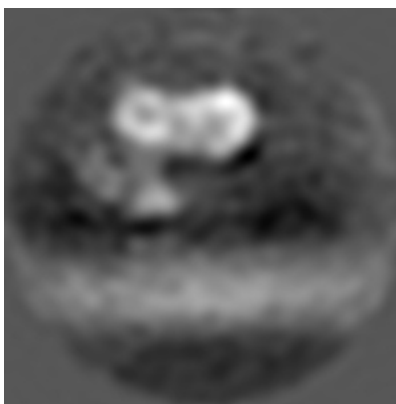
The images above show central slices of the map in three orthogonal directions.

6.3 Largest variance slices [i](#)

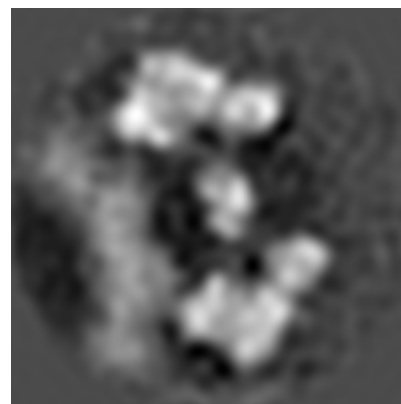
6.3.1 Primary map



X Index: 76



Y Index: 49

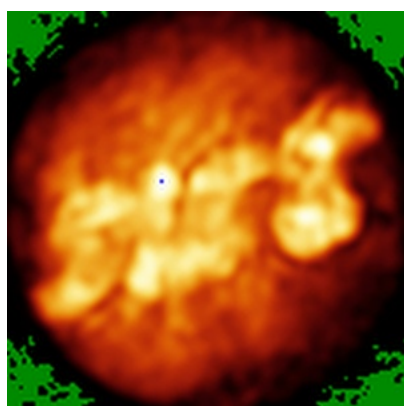


Z Index: 62

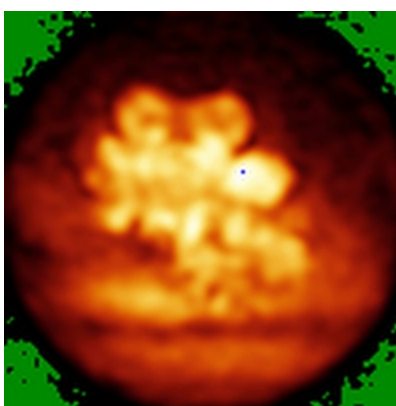
The images above show the largest variance slices of the map in three orthogonal directions.

6.4 Orthogonal standard-deviation projections (False-color) [i](#)

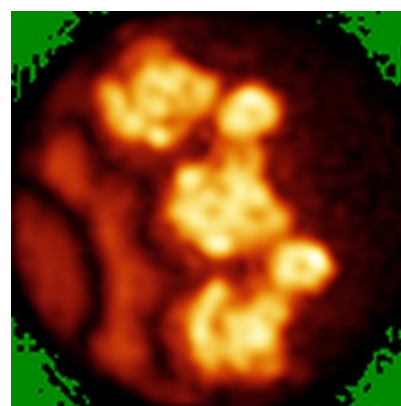
6.4.1 Primary map



X



Y

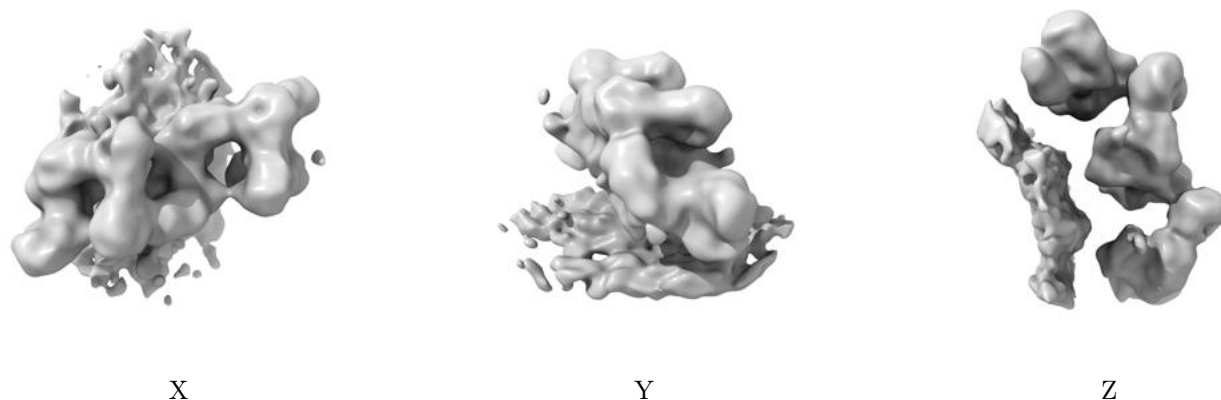


Z

The images above show the map standard deviation projections with false color in three orthogonal directions. Minimum values are shown in green, max in blue, and dark to light orange shades represent small to large values respectively.

6.5 Orthogonal surface views [i](#)

6.5.1 Primary map



The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.05. These images, in conjunction with the slice images, may facilitate assessment of whether an appropriate contour level has been provided.

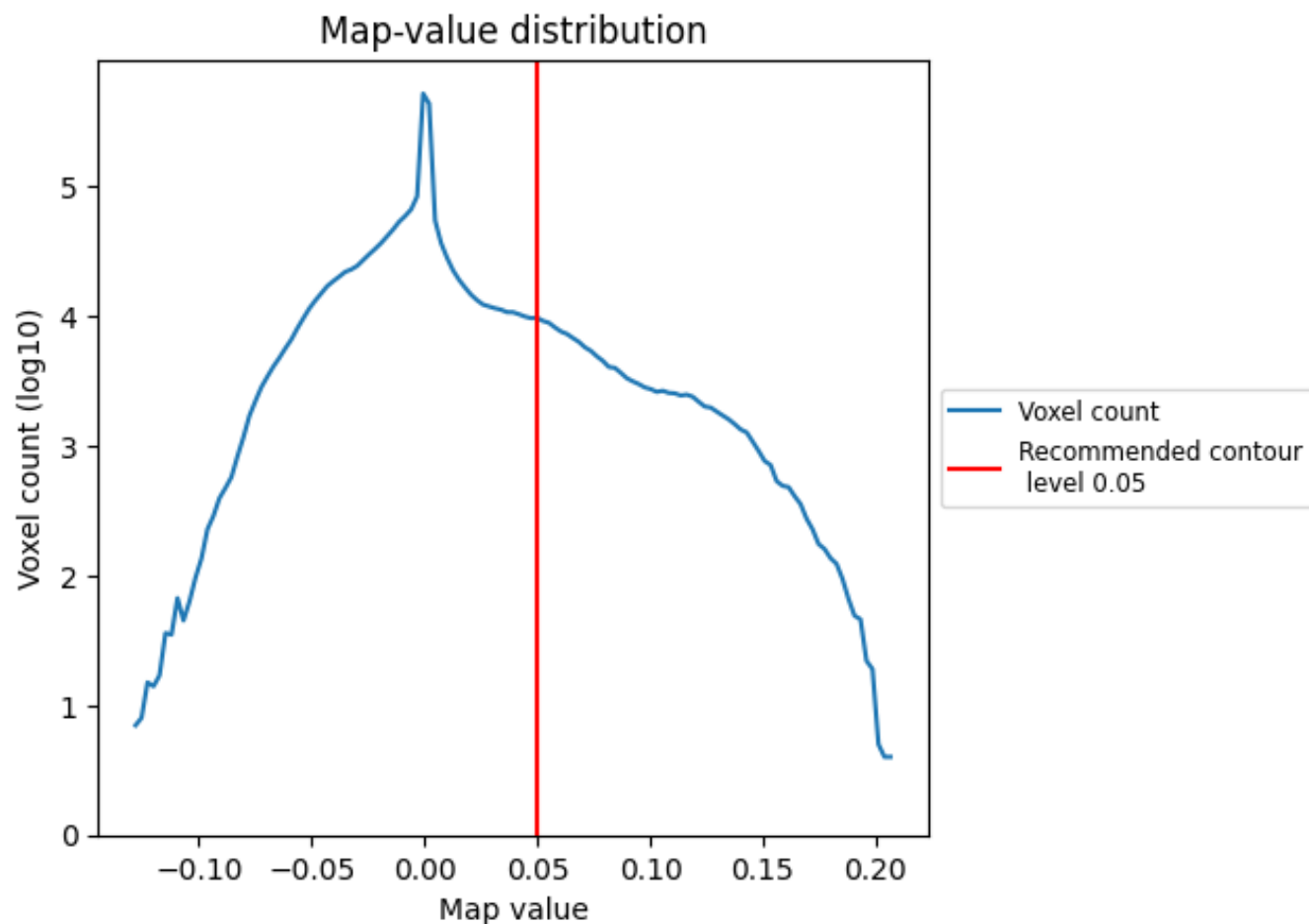
6.6 Mask visualisation [i](#)

This section was not generated. No masks/segmentation were deposited.

7 Map analysis [i](#)

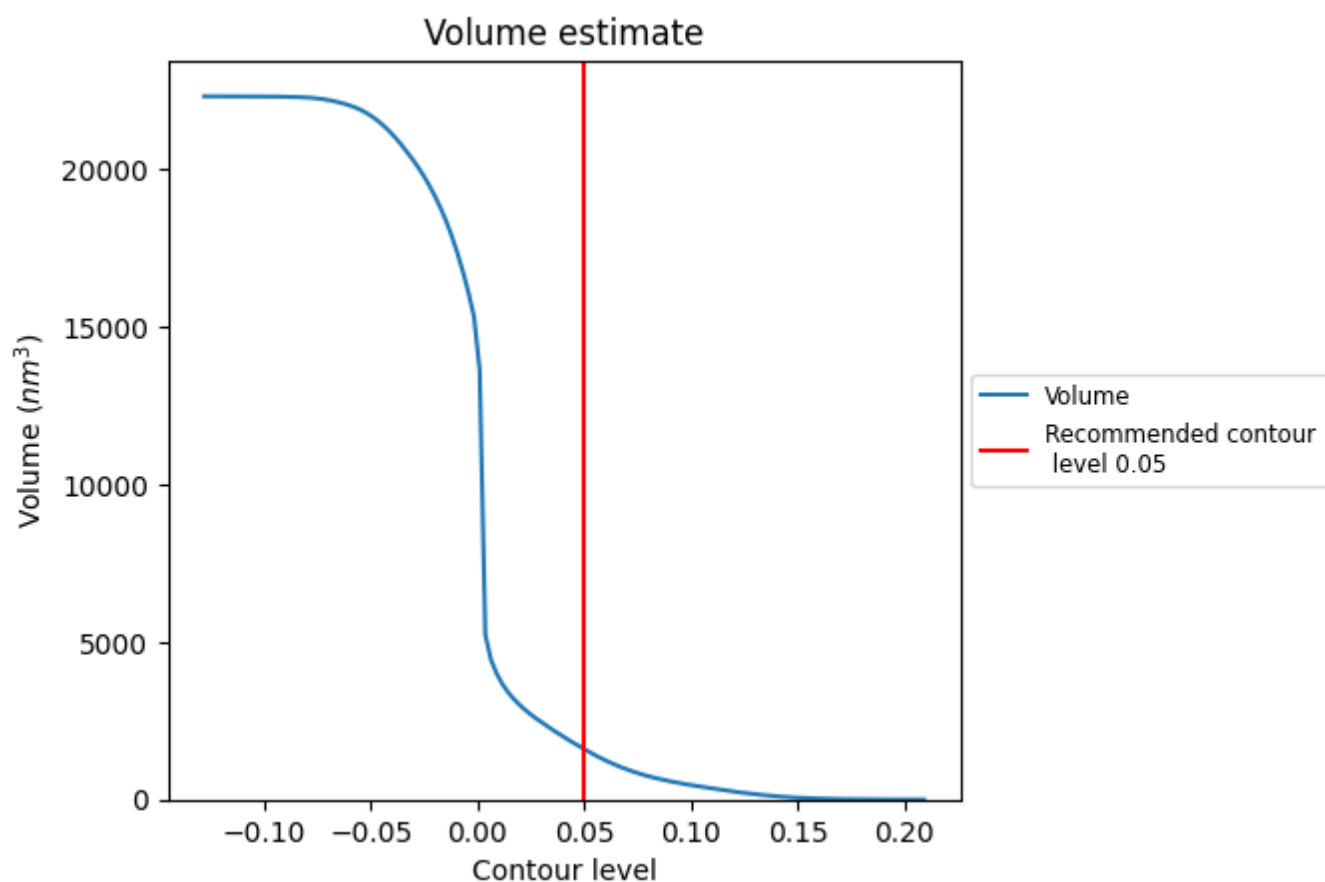
This section contains the results of statistical analysis of the map.

7.1 Map-value distribution [i](#)



The map-value distribution is plotted in 128 intervals along the x-axis. The y-axis is logarithmic. A spike in this graph at zero usually indicates that the volume has been masked.

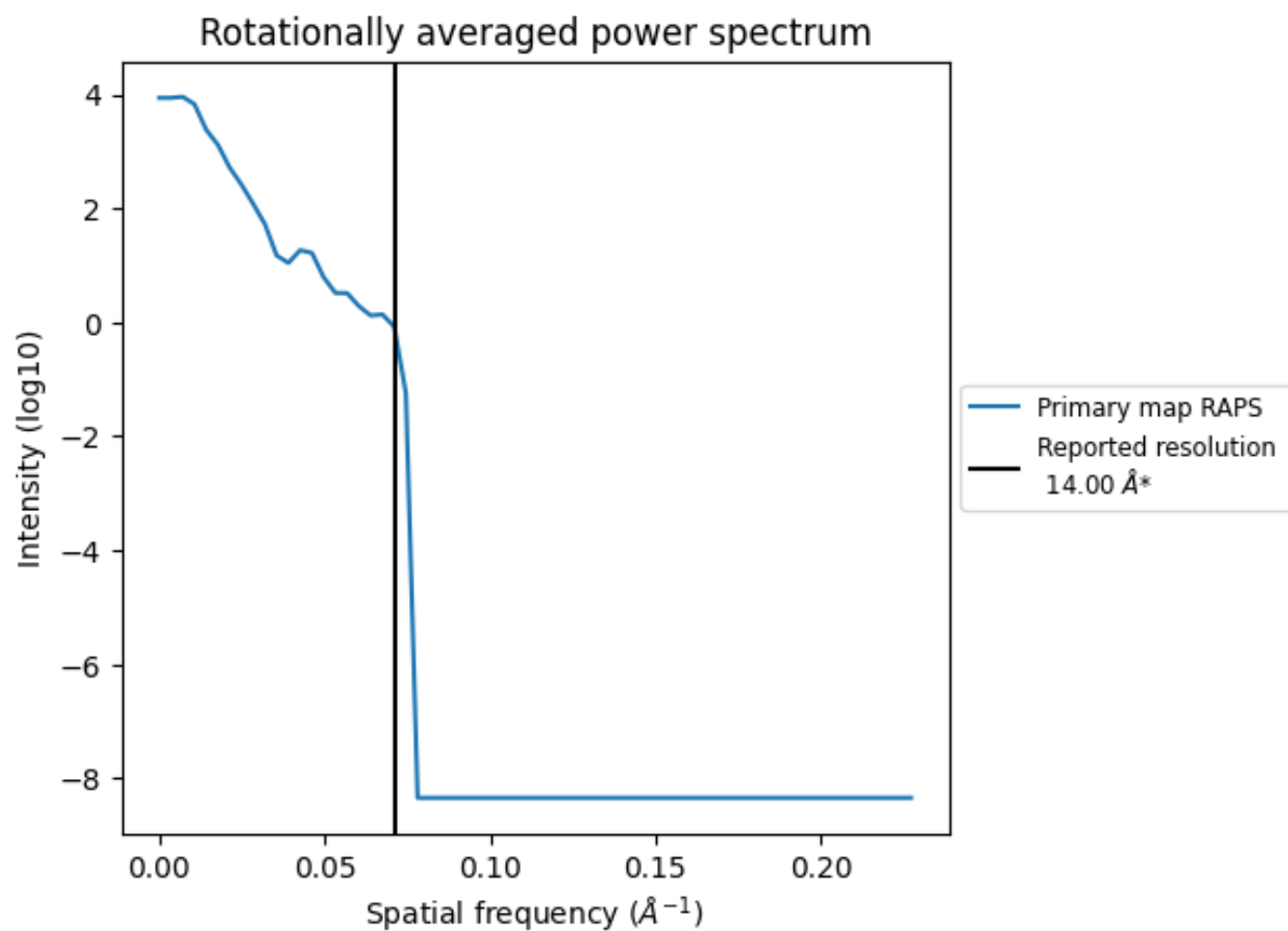
7.2 Volume estimate [i](#)



The volume at the recommended contour level is 1604 nm³; this corresponds to an approximate mass of 1449 kDa.

The volume estimate graph shows how the enclosed volume varies with the contour level. The recommended contour level is shown as a vertical line and the intersection between the line and the curve gives the volume of the enclosed surface at the given level.

7.3 Rotationally averaged power spectrum ⓘ



*Reported resolution corresponds to spatial frequency of 0.071 Å⁻¹

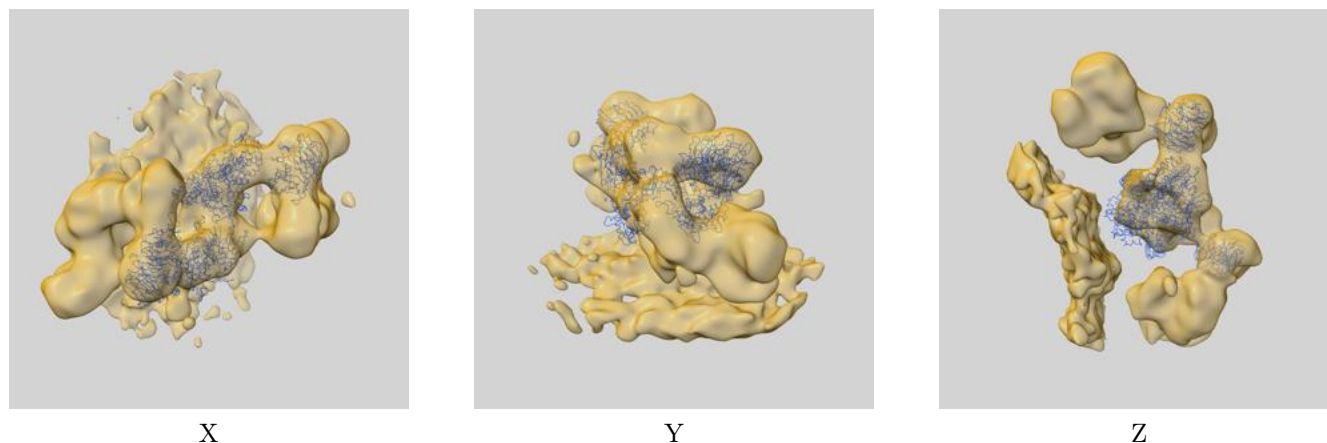
8 Fourier-Shell correlation ⓘ

This section was not generated. No FSC curve or half-maps provided.

9 Map-model fit [i](#)

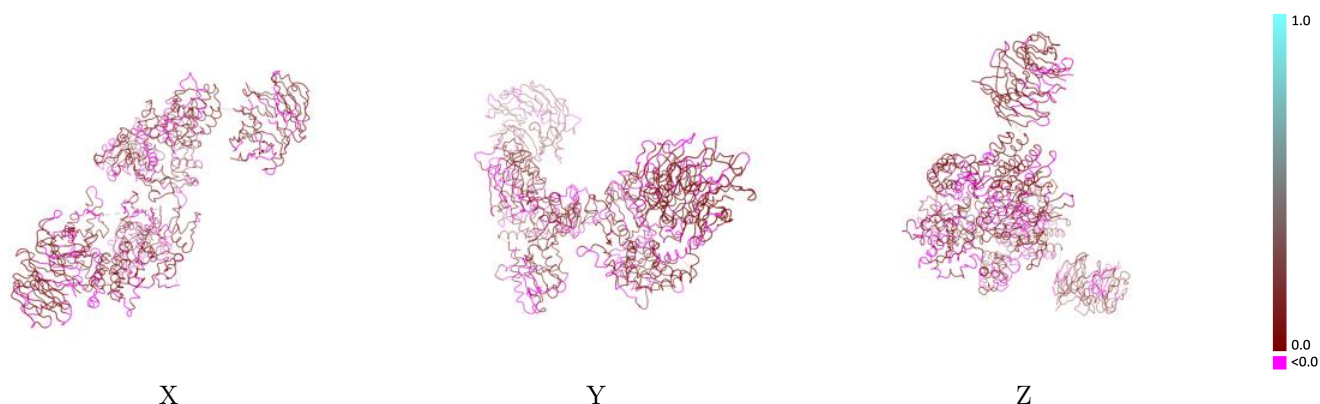
This section contains information regarding the fit between EMDB map EMD-20825 and PDB model 6XR4. Per-residue inclusion information can be found in section [3](#) on page [13](#).

9.1 Map-model overlay [i](#)



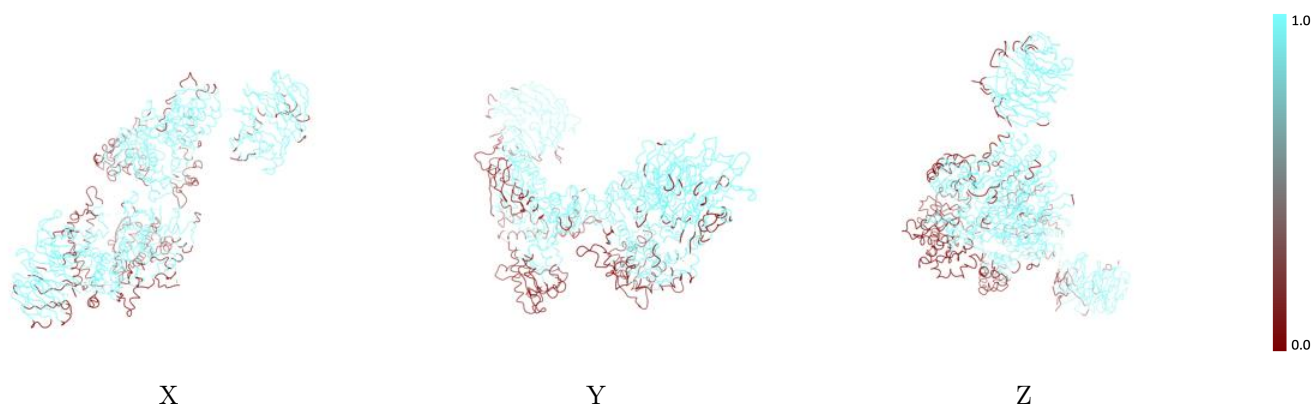
The images above show the 3D surface view of the map at the recommended contour level 0.05 at 50% transparency in yellow overlaid with a ribbon representation of the model coloured in blue. These images allow for the visual assessment of the quality of fit between the atomic model and the map.

9.2 Q-score mapped to coordinate model [i](#)



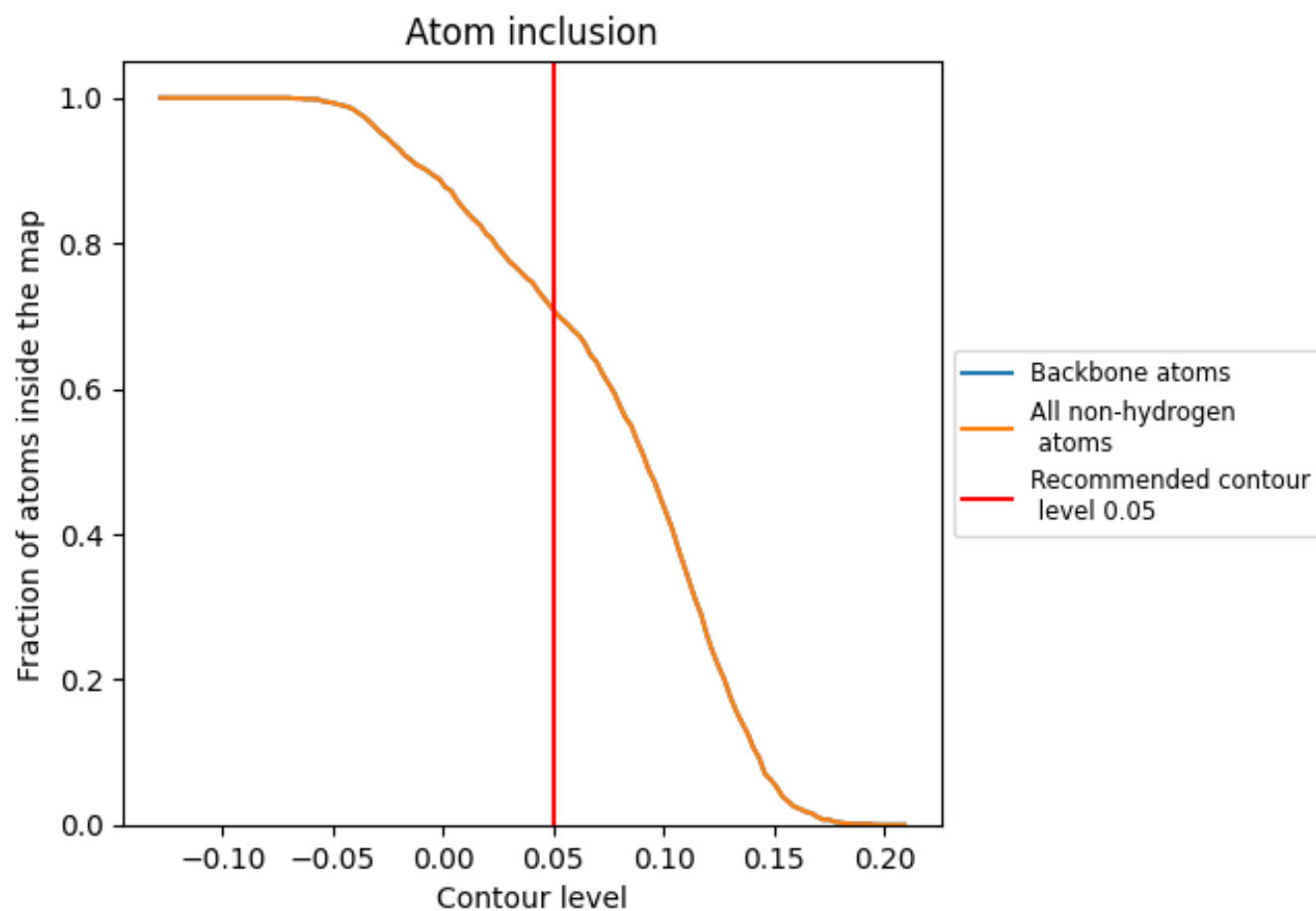
The images above show the model with each residue coloured according to its Q-score. This shows their resolvability in the map with higher Q-score values reflecting better resolvability. Please note: Q-score is calculating the resolvability of atoms, and thus high values are only expected at resolutions at which atoms can be resolved. Low Q-score values may therefore be expected for many entries.

9.3 Atom inclusion mapped to coordinate model [i](#)



The images above show the model with each residue coloured according to its atom inclusion. This shows to what extent they are inside the map at the recommended contour level (0.05).

9.4 Atom inclusion [i](#)



At the recommended contour level, 71% of all backbone atoms, 71% of all non-hydrogen atoms, are inside the map.

9.5 Map-model fit summary ⓘ

The table lists the average atom inclusion at the recommended contour level (0.05) and Q-score for the entire model and for each chain.

Chain	Atom inclusion	Q-score
All	0.7080	0.0370
A	0.7670	0.0390
B	0.6480	0.0340

