



Full wwPDB NMR Structure Validation Report ⓘ

Mar 9, 2026 – 06:48 AM UTC

PDB ID : 1Y8B / pdb_00001y8b
Title : Solution NMR-Derived Global Fold of Malate Synthase G from E.coli
Authors : Tugarinov, V.; Choy, W.-Y.; Orekhov, V.Y.; Kay, L.E.
Deposited on : 2004-12-10

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at validation@mail.wwpdb.org

A user guide is available at

<https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp>

with specific help available everywhere you see the ⓘ symbol.

The types of validation reports are described at

<http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types>.

The following versions of software and data (see [references ⓘ](#)) were used in the production of this report:

MolProbity : 4-5-2 with Phenix2.0
Percentile statistics : 20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
wwPDB-RCI : v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV : Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker : v1.2
Ideal geometry (proteins) : Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA) : Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP) : 2.49

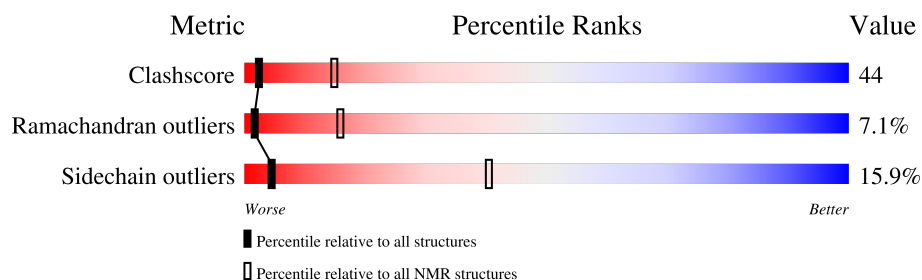
1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:

SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment was not calculated.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	229148	14424
Ramachandran outliers	224038	12848
Sidechain outliers	223484	12823

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for ≥ 3 , 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions $\leq 5\%$

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	731	

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 10 models. Model 5 is the overall representative, medoid model (most similar to other models). The authors have identified model 1 as representative, based on the following criterion: *lowest energy*.

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	Residue range (total)	Backbone RMSD (Å)	Medoid model
1	A:3-A:153, A:157-A:299, A:312-A:467, A:481-A:671, A:687-A:723 (678)	2.86	5

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 4 clusters. No single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	5, 6, 10
2	4, 8, 9
3	1, 7
4	2, 3

3 Entry composition

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 11282 atoms, of which 5627 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Malate synthase G.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
1	A	723	Total	C	H	N	O	S	0
			11282	3543	5627	1015	1068	29	

There are 10 discrepancies between the modelled and reference sequences:

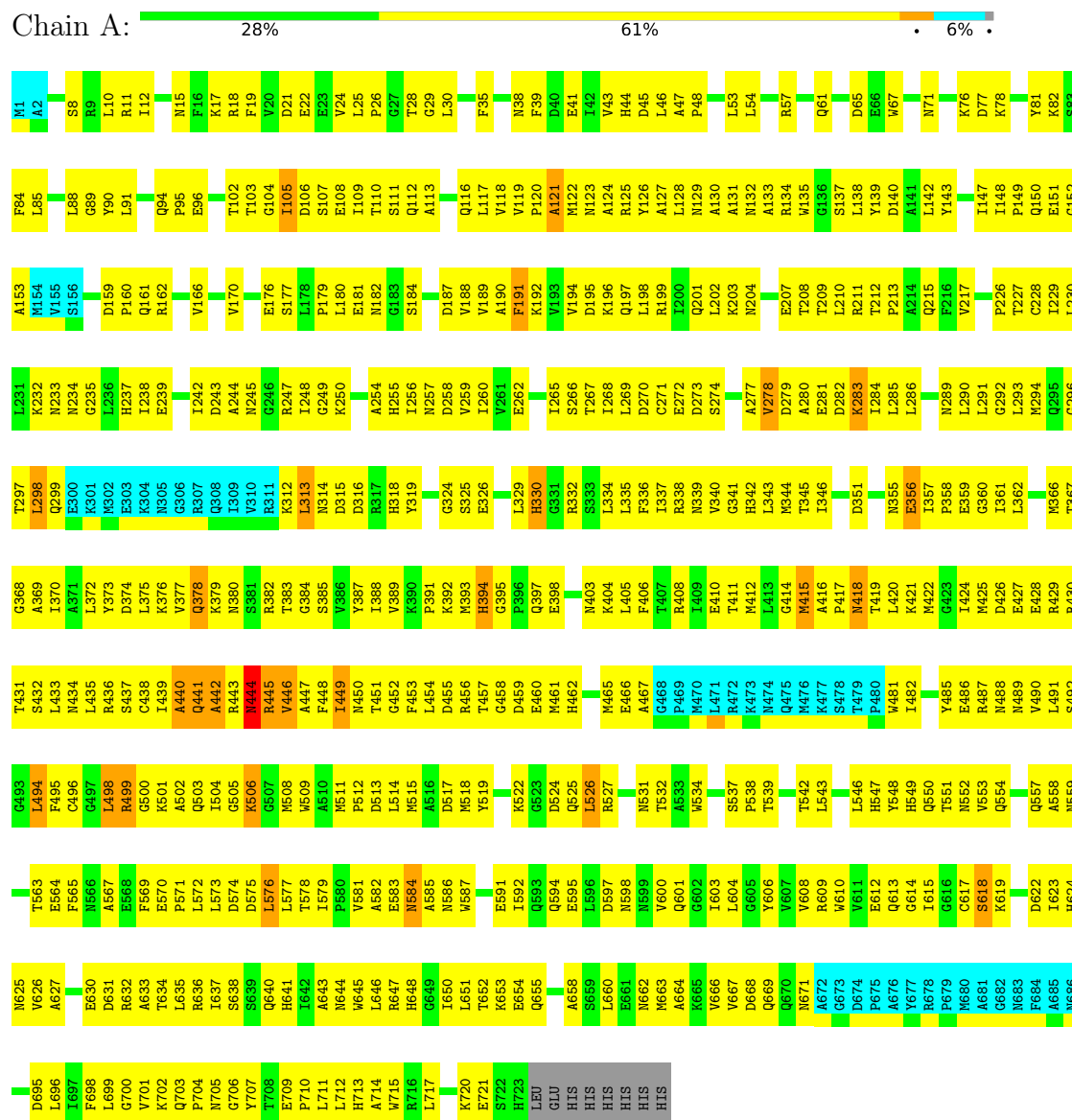
Chain	Residue	Modelled	Actual	Comment	Reference
A	1	MET	-	initiating methionine	UNP P37330
A	2	ALA	SER	engineered mutation	UNP P37330
A	724	LEU	-	cloning artifact	UNP P37330
A	725	GLU	-	cloning artifact	UNP P37330
A	726	HIS	-	expression tag	UNP P37330
A	727	HIS	-	expression tag	UNP P37330
A	728	HIS	-	expression tag	UNP P37330
A	729	HIS	-	expression tag	UNP P37330
A	730	HIS	-	expression tag	UNP P37330
A	731	HIS	-	expression tag	UNP P37330

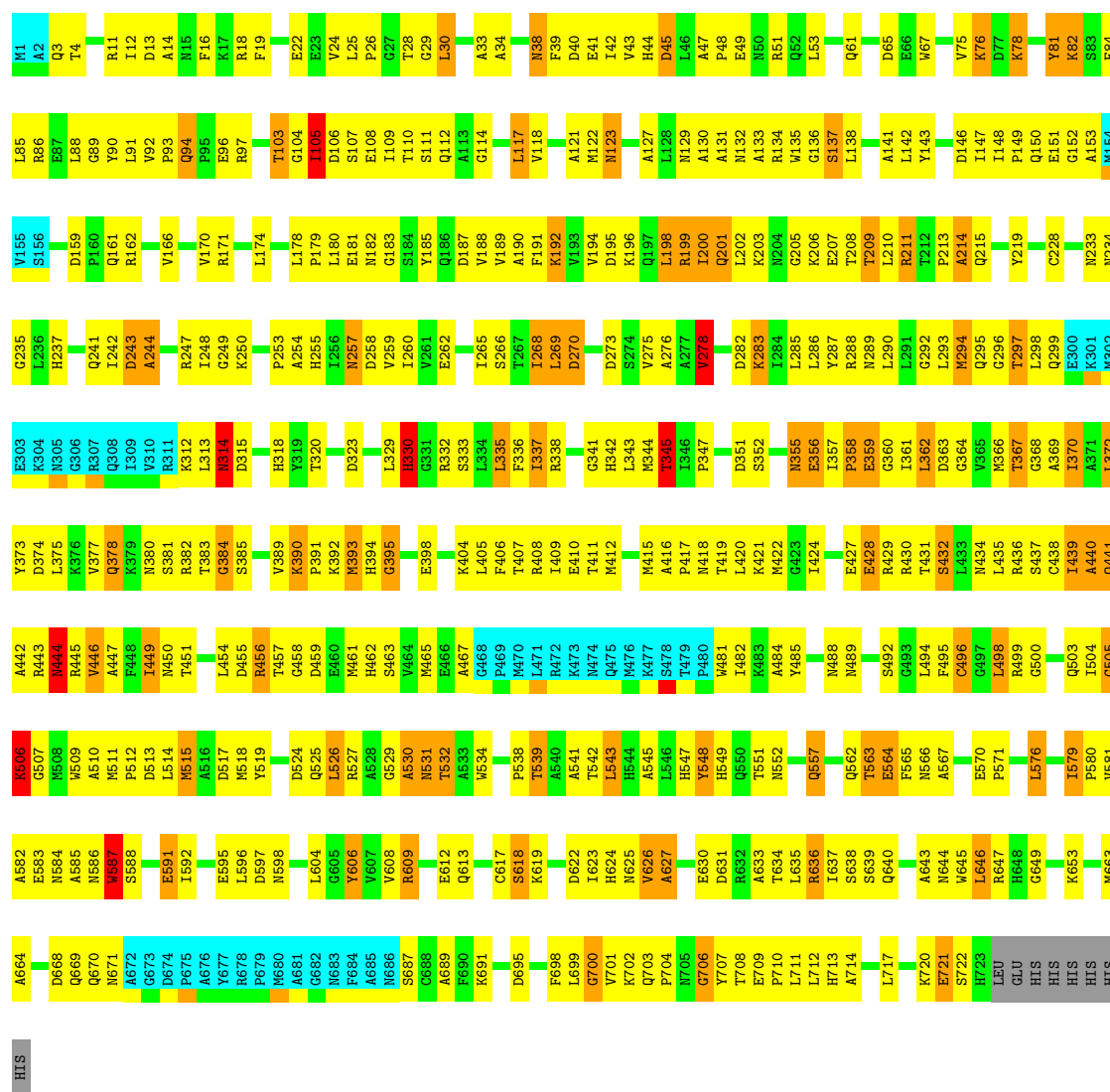
4 Residue-property plots

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

- Molecule 1: Malate synthase G

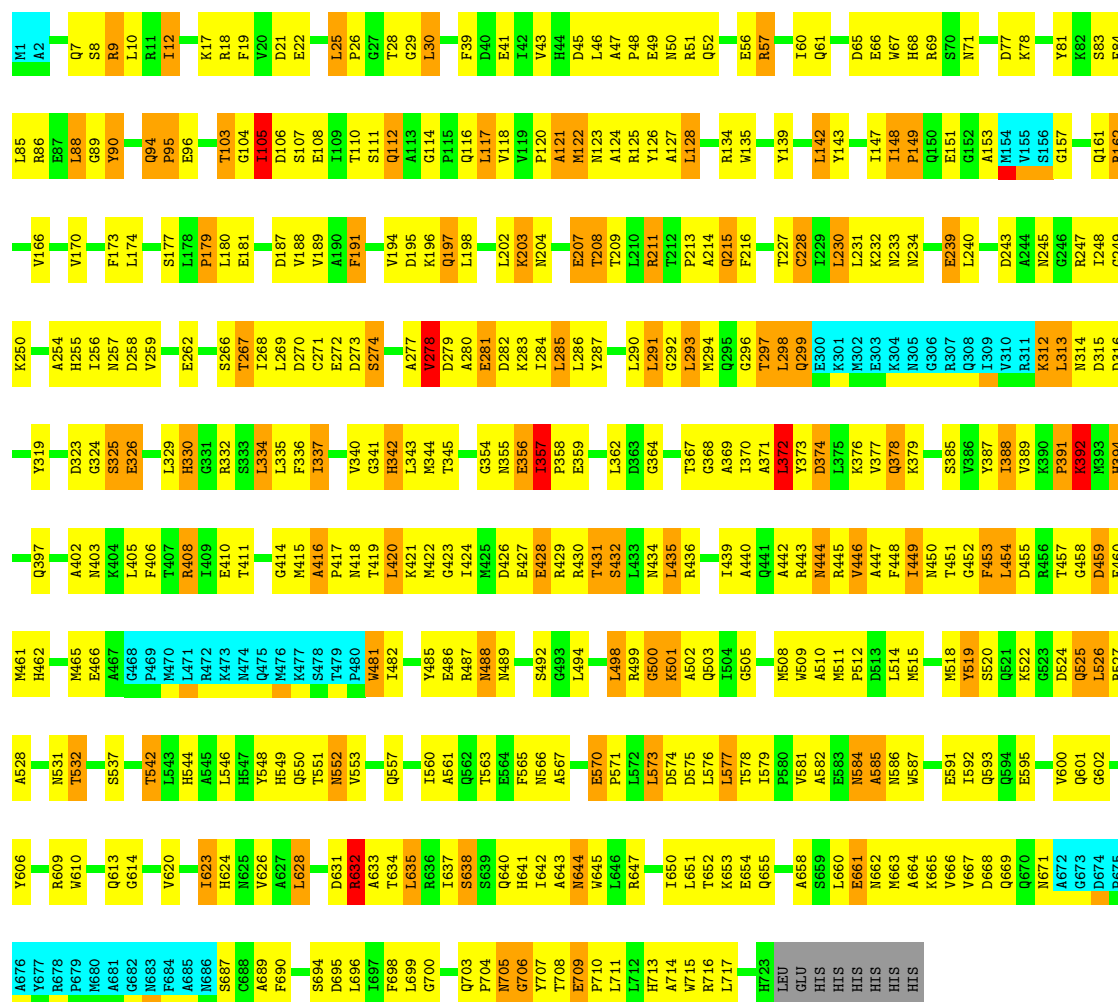




4.2.5 Score per residue for model 5 (medoid)

- Molecule 1: Malate synthase G

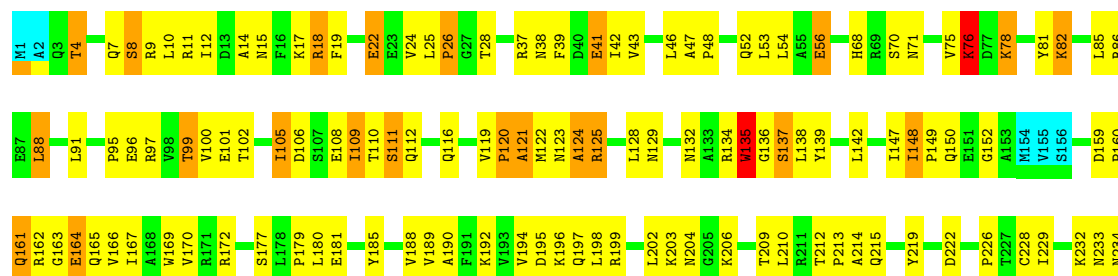
Chain A: 37% 42% 12% 6%

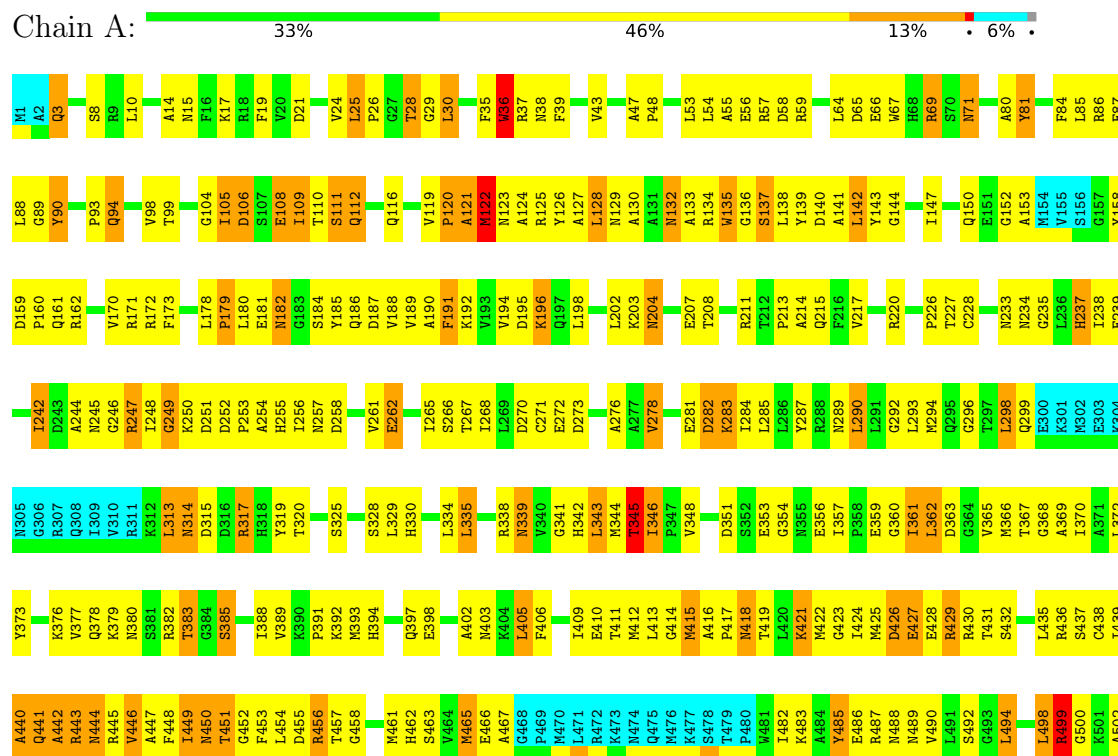
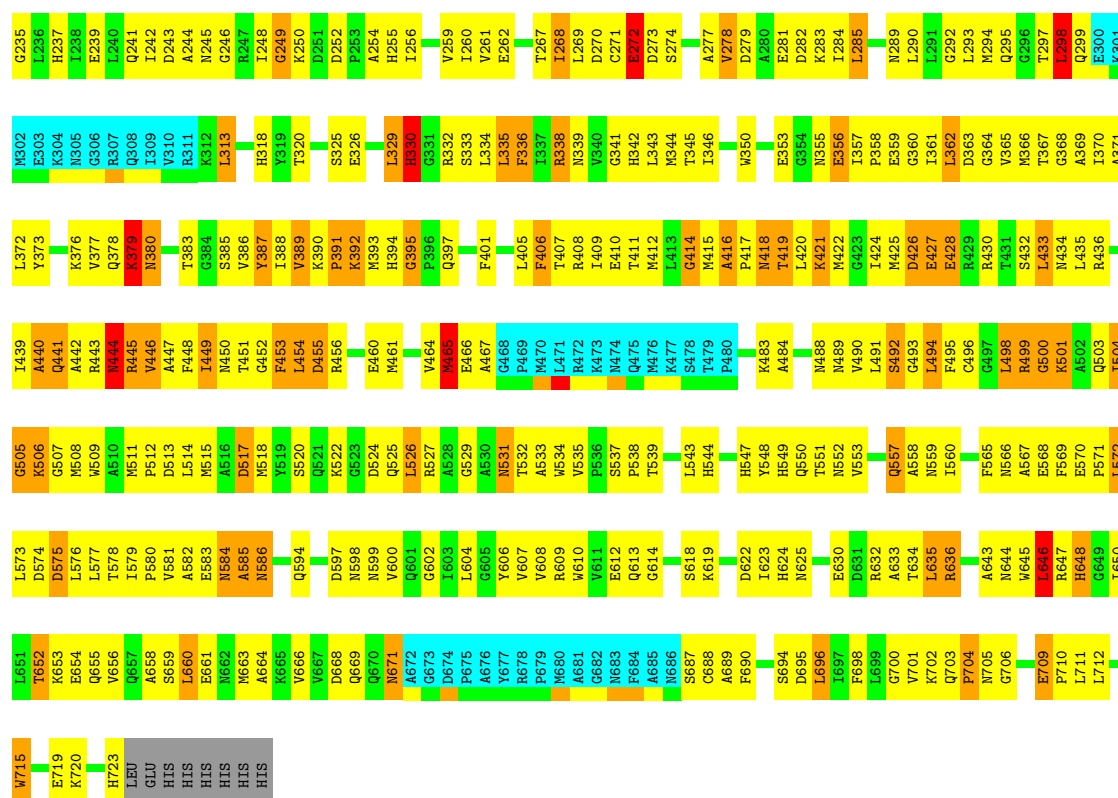


4.2.6 Score per residue for model 6

- Molecule 1: Malate synthase G

Chain A: 34% 46% 12% 6% 2%





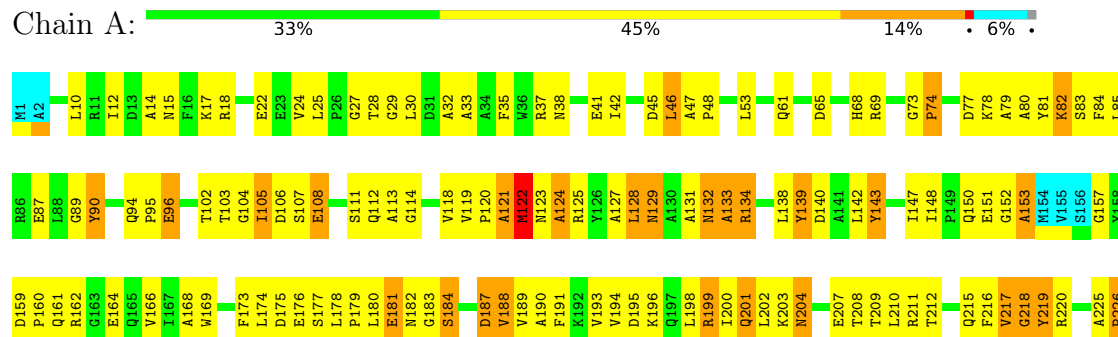
4.2.9 Score per residue for model 9

• Molecule 1: Malate synthase G



4.2.10 Score per residue for model 10

• Molecule 1: Malate synthase G



W715	L642	T578	A502	I439	T367	L298	T227
R716	A643	I579	Q503	A440		Q299	C226
L717	N644	F580	L504	Q441		E300	L229
R718	N645	F581	G505	A442		K301	L230
E719		A582	A506	N443		M302	L231
K720	H648	E583		R444		K303	K232
E721		N584	N511	R445		K304	N233
S722	L651	A585	P512	V446		N305	N234
H723	T652	N586	P513	A447		G306	G235
LEU	K653	W587	L514	F448		R307	L236
GLU	E654			I449		Q308	H237
HIS	Q655	E591	D517	N450		I309	L238
HIS	N656	I592	N518	T451		V310	
HIS	Q657	Q593		G452		R311	D243
HIS	A658	Q594	L526	P453		K312	A244
HIS		E595		L454		L313	L248
	E661	L596	G529	D455		N314	G249
	N662	D597	A530	R456		D315	
	N663	N598	N531			D316	
	A664	N599	T532	D459			D252
	K665	V600	A533	E460		A321	P253
	V666	Q601	N534	M461		A322	A254
	V667	G602		H462		D323	H255
	D668	I603	T539	S463		G324	I256
	Q669	L604	A540	V464		S325	
	Q670	G605	A541				D258
	N671	Y606	T542	G468		L329	V259
	A672	L543	H544	P469		H330	
	G673	V608	A545	M471		R331	E262
	D674	R609	L546	L470		R332	A263
	P675	W610	H547	R472		S333	A264
	A676	V611	H548	K473		L334	L265
	R678	E612	H549	M474		L335	S266
			Q550	Q475		F336	T267
			T551	M476		I337	L268
			N552	K477		R338	
	S618		V553	S478		N339	C271
	K619		Q554	T479		V340	E272
	V620		S555	P480		G341	D273
	F621		V556	W481		H342	S274
	D622		Q557	I482		L343	V275
	I623		A558	K483		M344	A276
	H624		N559	A484		T345	A277
	N625		V560	Y485		I346	V278
	V626			E486		P347	D279
	A627			R487		V348	A280
	L628		T563	N488			E281
	M629		F564	N489			D282
	E630		N565	V490			K283
	D631		A566	L491			L284
	R632		A567	S492			L285
	A633			G493		N355	
	T634		E570	R494		E356	N289
	L635		P571	L494		I357	L290
	R636		L572	F495			L291
	I637		L573	S432		G360	G292
	S638		B574	C497		I361	L293
	S639		D575	L498		L362	M294
	Q640		L576	R499		D363	
	A714		L577	G500		G364	T297

5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *simulated annealing torsion angle dynamics*.

Of the 60 calculated structures, 10 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
X-PLOR-NIH	refinement	2.9.3

No chemical shift data was provided.

6 Model quality [i](#)

6.1 Standard geometry [i](#)

The Z score for a bond length (or angle) is the number of standard deviations the observed value is removed from the expected value. A bond length (or angle) with $|Z| > 5$ is considered an outlier worth inspection. RMSZ is the (average) root-mean-square of all Z scores of the bond lengths (or angles).

Mol	Chain	Bond lengths		Bond angles	
		RMSZ	#Z>5	RMSZ	#Z>5
1	A	1.47±0.00	0±0/5412 (0.0± 0.0%)	1.20±0.01	1±1/7343 (0.0± 0.0%)
All	All	1.47	3/54120 (0.0%)	1.20	10/73430 (0.0%)

All unique bond outliers are listed below. They are sorted according to the Z-score of the worst occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(Å)	Ideal(Å)	Models	
								Worst	Total
1	A	218	GLY	N-CA	6.13	1.50	1.44	10	1
1	A	505	GLY	N-CA	5.23	1.50	1.45	4	1
1	A	136	GLY	N-CA	5.05	1.49	1.45	1	1

All unique angle outliers are listed below. They are sorted according to the Z-score of the worst occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Atoms	Z	Observed(°)	Ideal(°)	Models	
								Worst	Total
1	A	441	GLN	N-CA-C	-6.21	105.76	113.15	2	4
1	A	430	ARG	CB-CA-C	-6.15	109.49	116.63	6	1
1	A	8	SER	CB-CA-C	-6.14	109.50	116.63	1	3
1	A	618	SER	CB-CA-C	-5.38	109.38	115.79	3	1
1	A	448	PHE	CA-CB-CG	-5.35	108.45	113.80	9	1

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts [i](#)

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	5310	5271	5254	467±23
All	All	53100	52710	52540	4673

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 44.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:449:ILE:HD13	1:A:449:ILE:H	0.95	1.21	5	4
1:A:422:MET:O	1:A:447:ALA:HA	0.92	1.63	2	2
1:A:498:LEU:HD12	1:A:498:LEU:H	0.92	1.25	9	3
1:A:377:VAL:HG23	1:A:378:GLN:H	0.89	1.27	4	10
1:A:373:TYR:O	1:A:377:VAL:HG22	0.89	1.65	4	4
1:A:446:VAL:HG22	1:A:447:ALA:H	0.88	1.27	5	3
1:A:200:ILE:N	1:A:200:ILE:HD13	0.87	1.83	4	1
1:A:448:PHE:O	1:A:449:ILE:HD13	0.85	1.70	9	3
1:A:498:LEU:HD23	1:A:498:LEU:N	0.83	1.88	4	2
1:A:12:ILE:HD12	1:A:12:ILE:H	0.83	1.34	3	1
1:A:503:GLN:O	1:A:504:ILE:HD13	0.82	1.74	4	1
1:A:298:LEU:HD12	1:A:298:LEU:H	0.82	1.31	9	2
1:A:444:ASN:C	1:A:446:VAL:H	0.82	1.82	5	8
1:A:121:ALA:O	1:A:123:ASN:N	0.82	2.12	8	1
1:A:217:VAL:O	1:A:322:ALA:HB2	0.82	1.75	10	3
1:A:420:LEU:HD12	1:A:420:LEU:H	0.81	1.34	8	1
1:A:313:LEU:N	1:A:313:LEU:HD22	0.81	1.91	2	1
1:A:105:ILE:N	1:A:105:ILE:HD12	0.81	1.90	6	1
1:A:85:LEU:O	1:A:89:GLY:N	0.80	2.13	4	8
1:A:422:MET:O	1:A:447:ALA:HB3	0.79	1.76	5	5
1:A:449:ILE:H	1:A:449:ILE:HD12	0.79	1.36	4	2
1:A:336:PHE:O	1:A:337:ILE:HD13	0.79	1.76	10	1
1:A:335:LEU:N	1:A:335:LEU:HD22	0.79	1.93	6	3
1:A:109:ILE:HD11	1:A:448:PHE:CD2	0.78	2.13	1	1
1:A:441:GLN:C	1:A:443:ARG:H	0.78	1.82	8	7
1:A:120:PRO:O	1:A:122:MET:N	0.78	2.16	9	6
1:A:444:ASN:O	1:A:446:VAL:N	0.78	2.15	5	6
1:A:259:VAL:C	1:A:260:ILE:HD13	0.78	2.04	1	1
1:A:424:ILE:H	1:A:448:PHE:HB2	0.78	1.37	8	2
1:A:449:ILE:HD12	1:A:496:CYS:O	0.78	1.78	8	1
1:A:298:LEU:HD13	1:A:299:GLN:H	0.78	1.38	2	1
1:A:441:GLN:O	1:A:443:ARG:N	0.78	2.16	8	5
1:A:446:VAL:O	1:A:446:VAL:HG13	0.78	1.79	8	3
1:A:194:VAL:O	1:A:196:LYS:N	0.78	2.16	6	10

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:198:LEU:N	1:A:198:LEU:HD22	0.77	1.95	4	1
1:A:285:LEU:HD12	1:A:286:LEU:N	0.77	1.94	5	1
1:A:615:ILE:HD12	1:A:615:ILE:O	0.77	1.79	8	1
1:A:454:LEU:HD23	1:A:454:LEU:N	0.77	1.93	4	1
1:A:377:VAL:HG23	1:A:378:GLN:N	0.76	1.94	4	10
1:A:449:ILE:H	1:A:449:ILE:CD1	0.76	1.94	10	4
1:A:230:LEU:O	1:A:231:LEU:HD23	0.76	1.80	5	2
1:A:659:SER:O	1:A:663:MET:HE3	0.76	1.79	8	1
1:A:103:THR:HG22	1:A:104:GLY:H	0.76	1.41	2	1
1:A:119:VAL:HG23	1:A:119:VAL:O	0.75	1.81	8	2
1:A:194:VAL:C	1:A:196:LYS:H	0.75	1.90	1	10
1:A:422:MET:C	1:A:447:ALA:HB3	0.75	2.06	6	4
1:A:494:LEU:C	1:A:494:LEU:HD13	0.75	2.07	2	1
1:A:219:TYR:CG	1:A:220:ARG:N	0.75	2.54	3	1
1:A:293:LEU:C	1:A:293:LEU:HD12	0.74	2.06	3	2
1:A:29:GLY:C	1:A:30:LEU:HD12	0.74	2.06	7	1
1:A:105:ILE:HD13	1:A:105:ILE:N	0.74	1.96	2	2
1:A:711:LEU:HD13	1:A:711:LEU:C	0.74	2.08	9	1
1:A:260:ILE:HD13	1:A:260:ILE:N	0.74	1.96	1	1
1:A:148:ILE:N	1:A:149:PRO:CD	0.74	2.49	5	2
1:A:290:LEU:HD13	1:A:290:LEU:C	0.73	2.08	10	2
1:A:697:ILE:N	1:A:697:ILE:HD13	0.73	1.98	9	1
1:A:481:TRP:O	1:A:485:TYR:N	0.73	2.21	10	2
1:A:504:ILE:O	1:A:505:GLY:O	0.73	2.06	6	2
1:A:109:ILE:CD1	1:A:447:ALA:HB1	0.73	2.14	8	2
1:A:12:ILE:N	1:A:12:ILE:HD13	0.73	1.98	1	1
1:A:635:LEU:HD13	1:A:635:LEU:C	0.73	2.09	3	2
1:A:345:THR:HG22	1:A:346:ILE:H	0.73	1.42	10	1
1:A:198:LEU:HD22	1:A:198:LEU:H	0.73	1.40	4	1
1:A:576:LEU:C	1:A:576:LEU:HD13	0.73	2.09	1	1
1:A:439:ILE:O	1:A:441:GLN:N	0.73	2.21	1	8
1:A:357:ILE:N	1:A:358:PRO:CD	0.72	2.52	1	2
1:A:448:PHE:C	1:A:449:ILE:HD13	0.72	2.09	9	2
1:A:615:ILE:HG22	1:A:616:GLY:H	0.72	1.44	3	1
1:A:293:LEU:C	1:A:293:LEU:HD13	0.72	2.09	7	1
1:A:361:ILE:HD13	1:A:361:ILE:H	0.72	1.45	9	1
1:A:454:LEU:HD22	1:A:457:THR:OG1	0.72	1.85	1	1
1:A:440:ALA:C	1:A:442:ALA:H	0.72	1.91	3	8
1:A:183:GLY:O	1:A:184:SER:CB	0.72	2.38	10	2
1:A:268:ILE:HD11	1:A:338:ARG:CZ	0.72	2.15	7	1
1:A:298:LEU:HD13	1:A:299:GLN:N	0.72	1.99	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:579:ILE:O	1:A:581:VAL:N	0.72	2.22	8	4
1:A:526:LEU:HD12	1:A:551:THR:OG1	0.71	1.84	2	1
1:A:446:VAL:CG1	1:A:446:VAL:O	0.71	2.37	9	2
1:A:449:ILE:HD13	1:A:449:ILE:N	0.71	2.00	2	4
1:A:526:LEU:HD13	1:A:526:LEU:C	0.71	2.09	8	1
1:A:628:LEU:N	1:A:628:LEU:HD22	0.71	2.00	10	1
1:A:446:VAL:HG22	1:A:447:ALA:N	0.71	1.99	5	2
1:A:98:VAL:HG11	1:A:439:ILE:HG22	0.70	1.61	7	1
1:A:104:GLY:O	1:A:105:ILE:HG23	0.70	1.87	4	2
1:A:615:ILE:HG22	1:A:616:GLY:N	0.70	2.01	3	1
1:A:334:LEU:HD12	1:A:382:ARG:NH2	0.70	2.01	10	1
1:A:604:LEU:O	1:A:608:VAL:HG12	0.70	1.86	7	6
1:A:617:CYS:O	1:A:618:SER:CB	0.70	2.40	4	5
1:A:269:LEU:HD12	1:A:336:PHE:O	0.70	1.87	2	1
1:A:12:ILE:HD12	1:A:12:ILE:N	0.70	2.01	3	2
1:A:422:MET:O	1:A:447:ALA:CA	0.69	2.40	2	1
1:A:201:GLN:NE2	1:A:201:GLN:H	0.69	1.85	4	1
1:A:191:PHE:N	1:A:191:PHE:CD1	0.69	2.59	8	6
1:A:579:ILE:HD13	1:A:579:ILE:H	0.69	1.47	10	1
1:A:375:LEU:HD13	1:A:414:GLY:O	0.69	1.87	1	1
1:A:533:ALA:HB2	1:A:548:TYR:OH	0.69	1.87	7	1
1:A:389:VAL:HG23	1:A:389:VAL:O	0.69	1.87	1	1
1:A:581:VAL:O	1:A:581:VAL:HG13	0.69	1.88	1	4
1:A:105:ILE:HD11	1:A:421:LYS:NZ	0.69	2.02	6	1
1:A:265:ILE:HD12	1:A:265:ILE:N	0.69	2.03	7	1
1:A:584:ASN:N	1:A:584:ASN:HD22	0.69	1.85	8	2
1:A:134:ARG:CD	1:A:134:ARG:H	0.68	2.01	10	1
1:A:451:THR:HG23	1:A:485:TYR:OH	0.68	1.88	7	1
1:A:132:ASN:O	1:A:133:ALA:HB2	0.68	1.88	10	1
1:A:278:VAL:HG13	1:A:278:VAL:O	0.68	1.88	8	2
1:A:361:ILE:H	1:A:361:ILE:CD1	0.68	2.00	9	1
1:A:346:ILE:HD13	1:A:346:ILE:H	0.68	1.49	7	1
1:A:88:LEU:HD13	1:A:88:LEU:O	0.68	1.87	8	1
1:A:372:LEU:HD12	1:A:372:LEU:C	0.68	2.14	2	1
1:A:293:LEU:HD12	1:A:293:LEU:O	0.68	1.89	3	1
1:A:441:GLN:C	1:A:443:ARG:N	0.68	2.52	3	7
1:A:375:LEU:N	1:A:375:LEU:HD23	0.68	2.04	2	1
1:A:219:TYR:CE2	1:A:220:ARG:O	0.68	2.47	3	1
1:A:377:VAL:CG2	1:A:378:GLN:H	0.67	2.02	4	10
1:A:230:LEU:C	1:A:230:LEU:HD12	0.67	2.14	10	1
1:A:546:LEU:N	1:A:546:LEU:HD23	0.67	2.02	10	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:339:ASN:HB3	1:A:389:VAL:O	0.67	1.90	1	1
1:A:584:ASN:H	1:A:584:ASN:ND2	0.67	1.87	6	1
1:A:424:ILE:O	1:A:449:ILE:HG22	0.67	1.89	10	1
1:A:498:LEU:O	1:A:499:ARG:CB	0.67	2.42	3	4
1:A:511:MET:N	1:A:512:PRO:CD	0.67	2.58	7	6
1:A:108:GLU:O	1:A:112:GLN:O	0.67	2.12	2	2
1:A:200:ILE:N	1:A:200:ILE:CD1	0.67	2.56	4	1
1:A:103:THR:HG22	1:A:104:GLY:N	0.67	2.04	2	2
1:A:505:GLY:O	1:A:506:LYS:CB	0.67	2.42	2	1
1:A:420:LEU:HD12	1:A:420:LEU:N	0.67	2.04	8	1
1:A:134:ARG:NE	1:A:134:ARG:N	0.67	2.43	10	1
1:A:637:ILE:HD13	1:A:637:ILE:H	0.67	1.48	2	1
1:A:504:ILE:O	1:A:505:GLY:C	0.67	2.38	2	2
1:A:219:TYR:CD1	1:A:228:CYS:O	0.66	2.48	3	1
1:A:336:PHE:C	1:A:337:ILE:HD13	0.66	2.14	4	1
1:A:361:ILE:HD13	1:A:361:ILE:N	0.66	2.04	9	1
1:A:542:THR:O	1:A:544:HIS:N	0.66	2.28	10	1
1:A:325:SER:O	1:A:326:GLU:CB	0.66	2.43	5	3
1:A:343:LEU:HD23	1:A:343:LEU:N	0.66	2.05	5	2
1:A:260:ILE:N	1:A:260:ILE:HD12	0.66	2.05	6	2
1:A:439:ILE:O	1:A:442:ALA:N	0.66	2.29	4	4
1:A:362:LEU:HD23	1:A:362:LEU:H	0.66	1.49	7	3
1:A:194:VAL:C	1:A:196:LYS:N	0.66	2.53	9	10
1:A:216:PHE:O	1:A:216:PHE:CD1	0.66	2.49	2	1
1:A:67:TRP:CD1	1:A:81:TYR:HH	0.66	2.09	5	1
1:A:242:ILE:HD12	1:A:242:ILE:N	0.66	2.05	6	1
1:A:709:GLU:N	1:A:710:PRO:CD	0.66	2.58	10	9
1:A:650:ILE:HD12	1:A:650:ILE:N	0.66	2.06	2	2
1:A:346:ILE:HD13	1:A:346:ILE:N	0.66	2.06	7	1
1:A:584:ASN:O	1:A:585:ALA:HB2	0.66	1.89	5	1
1:A:490:VAL:O	1:A:494:LEU:HB3	0.66	1.91	2	2
1:A:481:TRP:H	1:A:481:TRP:CD1	0.65	2.07	5	1
1:A:579:ILE:HD13	1:A:579:ILE:N	0.65	2.06	10	1
1:A:57:ARG:N	1:A:57:ARG:NE	0.65	2.43	1	1
1:A:339:ASN:ND2	1:A:339:ASN:H	0.65	1.90	7	1
1:A:505:GLY:O	1:A:506:LYS:C	0.65	2.39	10	1
1:A:448:PHE:CZ	1:A:498:LEU:HD21	0.65	2.25	1	1
1:A:253:PRO:O	1:A:254:ALA:HB3	0.65	1.90	4	1
1:A:394:HIS:O	1:A:395:GLY:C	0.65	2.40	4	1
1:A:576:LEU:HD13	1:A:576:LEU:O	0.65	1.92	9	3
1:A:709:GLU:N	1:A:710:PRO:HD2	0.65	2.06	8	5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:581:VAL:HG23	1:A:581:VAL:O	0.65	1.90	6	1
1:A:54:LEU:O	1:A:54:LEU:HD23	0.65	1.92	7	1
1:A:357:ILE:H	1:A:358:PRO:HD3	0.65	1.52	1	1
1:A:505:GLY:O	1:A:506:LYS:HB3	0.65	1.92	6	1
1:A:424:ILE:O	1:A:448:PHE:CZ	0.65	2.49	9	2
1:A:132:ASN:OD1	1:A:298:LEU:HD23	0.65	1.91	10	1
1:A:436:ARG:NE	1:A:499:ARG:NH2	0.65	2.44	5	1
1:A:334:LEU:C	1:A:334:LEU:HD12	0.65	2.17	9	1
1:A:269:LEU:O	1:A:270:ASP:CB	0.65	2.44	9	6
1:A:610:TRP:O	1:A:614:GLY:N	0.65	2.30	2	4
1:A:118:VAL:HG23	1:A:534:TRP:NE1	0.65	2.07	10	2
1:A:442:ALA:O	1:A:444:ASN:N	0.64	2.31	9	2
1:A:169:TRP:NE1	1:A:173:PHE:CZ	0.64	2.66	10	1
1:A:388:ILE:N	1:A:388:ILE:HD12	0.64	2.08	6	2
1:A:584:ASN:ND2	1:A:645:TRP:HE1	0.64	1.90	6	1
1:A:29:GLY:O	1:A:30:LEU:HD12	0.64	1.92	7	1
1:A:134:ARG:H	1:A:134:ARG:NE	0.64	1.89	10	1
1:A:162:ARG:O	1:A:166:VAL:HG23	0.64	1.93	5	4
1:A:387:TYR:N	1:A:387:TYR:CD1	0.64	2.65	3	1
1:A:339:ASN:HD21	1:A:364:GLY:N	0.64	1.90	6	1
1:A:498:LEU:HD12	1:A:498:LEU:N	0.64	2.05	9	2
1:A:148:ILE:H	1:A:149:PRO:HD2	0.64	1.53	8	1
1:A:488:ASN:ND2	1:A:489:ASN:N	0.64	2.44	5	1
1:A:47:ALA:HB3	1:A:48:PRO:CD	0.64	2.23	1	4
1:A:201:GLN:H	1:A:201:GLN:HE21	0.64	1.33	4	1
1:A:587:TRP:CD1	1:A:587:TRP:N	0.64	2.62	4	2
1:A:88:LEU:HD13	1:A:88:LEU:C	0.64	2.18	8	1
1:A:237:HIS:CD2	1:A:237:HIS:H	0.64	2.07	7	1
1:A:600:VAL:HG23	1:A:601:GLN:N	0.64	2.06	9	1
1:A:337:ILE:HD13	1:A:337:ILE:N	0.64	2.08	4	1
1:A:208:THR:HG22	1:A:209:THR:N	0.64	2.07	3	2
1:A:481:TRP:CD1	1:A:578:THR:HG21	0.64	2.27	3	1
1:A:490:VAL:O	1:A:494:LEU:HB2	0.64	1.93	7	2
1:A:585:ALA:O	1:A:586:ASN:CB	0.64	2.46	6	1
1:A:548:TYR:CD1	1:A:549:HIS:N	0.64	2.66	9	1
1:A:488:ASN:HD21	1:A:572:LEU:HD22	0.64	1.53	10	1
1:A:180:LEU:O	1:A:181:GLU:C	0.63	2.41	3	5
1:A:637:ILE:HG22	1:A:637:ILE:O	0.63	1.92	8	1
1:A:122:MET:SD	1:A:122:MET:N	0.63	2.71	1	1
1:A:647:ARG:HE	1:A:647:ARG:N	0.63	1.92	3	1
1:A:436:ARG:HE	1:A:499:ARG:NH2	0.63	1.91	5	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:25:LEU:HD13	1:A:30:LEU:O	0.63	1.92	10	1
1:A:416:ALA:HB1	1:A:417:PRO:CD	0.63	2.24	3	2
1:A:453:PHE:N	1:A:453:PHE:CD1	0.63	2.64	1	2
1:A:237:HIS:N	1:A:237:HIS:CD2	0.63	2.67	3	1
1:A:424:ILE:H	1:A:424:ILE:HD12	0.63	1.53	5	2
1:A:134:ARG:N	1:A:134:ARG:HE	0.63	1.91	10	1
1:A:422:MET:O	1:A:447:ALA:N	0.63	2.31	10	3
1:A:253:PRO:O	1:A:254:ALA:HB2	0.63	1.92	10	1
1:A:204:ASN:N	1:A:204:ASN:ND2	0.63	2.47	7	1
1:A:180:LEU:C	1:A:182:ASN:H	0.63	2.01	10	1
1:A:342:HIS:N	1:A:359:GLU:CD	0.63	2.56	7	1
1:A:149:PRO:O	1:A:151:GLU:N	0.63	2.31	5	1
1:A:525:GLN:N	1:A:525:GLN:NE2	0.63	2.46	9	1
1:A:465:MET:HE2	1:A:705:ASN:ND2	0.63	2.08	5	1
1:A:436:ARG:O	1:A:440:ALA:HB2	0.63	1.93	8	1
1:A:456:ARG:NH1	1:A:485:TYR:CD1	0.63	2.66	1	1
1:A:394:HIS:NE2	1:A:438:CYS:SG	0.63	2.71	4	1
1:A:632:ARG:HH21	1:A:633:ALA:HB2	0.63	1.54	5	1
1:A:584:ASN:HD22	1:A:645:TRP:HE1	0.63	1.37	6	1
1:A:191:PHE:CD1	1:A:191:PHE:N	0.63	2.65	7	1
1:A:342:HIS:N	1:A:342:HIS:CD2	0.63	2.67	8	1
1:A:210:LEU:C	1:A:212:THR:H	0.62	2.02	1	1
1:A:279:ASP:O	1:A:281:GLU:N	0.62	2.31	2	3
1:A:355:ASN:O	1:A:356:GLU:C	0.62	2.42	5	4
1:A:122:MET:N	1:A:122:MET:SD	0.62	2.73	5	1
1:A:210:LEU:O	1:A:212:THR:N	0.62	2.32	1	1
1:A:324:GLY:O	1:A:325:SER:C	0.62	2.42	8	4
1:A:577:LEU:C	1:A:578:THR:HG23	0.62	2.20	5	1
1:A:563:THR:HG22	1:A:564:GLU:N	0.62	2.09	8	2
1:A:439:ILE:C	1:A:441:GLN:N	0.62	2.57	8	8
1:A:35:PHE:CZ	1:A:39:PHE:CE2	0.62	2.87	9	2
1:A:278:VAL:HG12	1:A:278:VAL:O	0.62	1.94	1	1
1:A:498:LEU:N	1:A:498:LEU:CD2	0.62	2.57	10	2
1:A:342:HIS:ND1	1:A:342:HIS:N	0.62	2.47	5	1
1:A:271:CYS:SG	1:A:632:ARG:NH2	0.62	2.73	1	1
1:A:236:LEU:HD23	1:A:237:HIS:N	0.62	2.09	2	1
1:A:509:TRP:CD1	1:A:510:ALA:H	0.62	2.13	2	1
1:A:319:TYR:CD1	1:A:319:TYR:N	0.62	2.67	2	1
1:A:446:VAL:CG2	1:A:447:ALA:H	0.62	2.05	5	1
1:A:119:VAL:O	1:A:119:VAL:CG2	0.62	2.47	8	1
1:A:443:ARG:O	1:A:444:ASN:CB	0.62	2.48	8	8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:ND2	0.61	2.47	4	1
1:A:387:TYR:CD1	1:A:387:TYR:N	0.61	2.64	6	3
1:A:557:GLN:NE2	1:A:557:GLN:N	0.61	2.47	6	1
1:A:449:ILE:HD11	1:A:499:ARG:HH11	0.61	1.55	8	1
1:A:414:GLY:O	1:A:416:ALA:N	0.61	2.33	7	3
1:A:43:VAL:O	1:A:47:ALA:HB3	0.61	1.95	5	2
1:A:442:ALA:HB1	1:A:446:VAL:HG23	0.61	1.71	5	1
1:A:209:THR:HG22	1:A:210:LEU:N	0.61	2.08	6	2
1:A:177:SER:O	1:A:178:LEU:HD12	0.61	1.95	8	1
1:A:35:PHE:CE2	1:A:39:PHE:CZ	0.61	2.88	9	1
1:A:17:LYS:O	1:A:21:ASP:N	0.61	2.30	3	2
1:A:94:GLN:N	1:A:94:GLN:NE2	0.61	2.48	5	1
1:A:38:ASN:HD22	1:A:412:MET:HE3	0.61	1.55	6	1
1:A:436:ARG:NH2	1:A:569:PHE:CZ	0.61	2.67	8	1
1:A:549:HIS:C	1:A:551:THR:H	0.61	2.03	10	1
1:A:90:TYR:CE1	1:A:394:HIS:NE2	0.61	2.68	5	1
1:A:451:THR:HG22	1:A:452:GLY:N	0.61	2.09	7	1
1:A:415:MET:O	1:A:416:ALA:HB3	0.61	1.93	2	3
1:A:216:PHE:CD1	1:A:217:VAL:N	0.61	2.69	3	1
1:A:257:ASN:HD22	1:A:258:ASP:N	0.61	1.93	4	1
1:A:422:MET:O	1:A:447:ALA:O	0.61	2.19	9	3
1:A:565:PHE:CD2	1:A:566:ASN:N	0.61	2.68	5	1
1:A:362:LEU:HD23	1:A:362:LEU:N	0.61	2.10	10	2
1:A:187:ASP:OD1	1:A:187:ASP:N	0.61	2.33	8	3
1:A:120:PRO:C	1:A:122:MET:H	0.61	2.03	9	6
1:A:382:ARG:N	1:A:382:ARG:NE	0.61	2.48	4	1
1:A:531:ASN:HD22	1:A:532:THR:N	0.61	1.94	4	1
1:A:456:ARG:HE	1:A:456:ARG:N	0.61	1.93	7	1
1:A:216:PHE:CG	1:A:216:PHE:O	0.61	2.53	8	1
1:A:118:VAL:HG23	1:A:534:TRP:HE1	0.61	1.56	3	2
1:A:110:THR:O	1:A:111:SER:CB	0.61	2.48	7	1
1:A:377:VAL:CG2	1:A:378:GLN:N	0.61	2.63	8	9
1:A:490:VAL:O	1:A:494:LEU:CB	0.61	2.49	3	3
1:A:414:GLY:O	1:A:415:MET:CB	0.61	2.47	8	2
1:A:451:THR:OG1	1:A:534:TRP:CE2	0.61	2.54	2	1
1:A:314:ASN:N	1:A:314:ASN:HD22	0.61	1.94	4	1
1:A:90:TYR:CZ	1:A:394:HIS:NE2	0.61	2.69	5	1
1:A:219:TYR:CD1	1:A:219:TYR:N	0.61	2.68	10	2
1:A:609:ARG:HH21	1:A:610:TRP:NE1	0.61	1.93	7	1
1:A:271:CYS:SG	1:A:636:ARG:NE	0.61	2.74	1	1
1:A:116:GLN:NE2	1:A:534:TRP:HE1	0.61	1.93	7	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:498:LEU:HD13	1:A:498:LEU:H	0.61	1.54	8	1
1:A:542:THR:C	1:A:544:HIS:H	0.61	2.03	10	1
1:A:313:LEU:N	1:A:313:LEU:CD2	0.60	2.64	2	1
1:A:297:THR:O	1:A:299:GLN:N	0.60	2.34	6	2
1:A:382:ARG:N	1:A:382:ARG:HE	0.60	1.94	4	1
1:A:123:ASN:O	1:A:124:ALA:HB3	0.60	1.96	5	1
1:A:620:VAL:HG22	1:A:628:LEU:O	0.60	1.96	10	1
1:A:298:LEU:N	1:A:298:LEU:HD12	0.60	2.11	1	2
1:A:645:TRP:O	1:A:649:GLY:N	0.60	2.34	8	4
1:A:136:GLY:O	1:A:137:SER:CB	0.60	2.48	4	2
1:A:116:GLN:NE2	1:A:116:GLN:N	0.60	2.49	5	1
1:A:626:VAL:O	1:A:627:ALA:HB2	0.60	1.96	1	2
1:A:334:LEU:HD21	1:A:387:TYR:CE2	0.60	2.31	3	1
1:A:489:ASN:OD1	1:A:489:ASN:N	0.60	2.34	3	1
1:A:242:ILE:HD12	1:A:242:ILE:H	0.60	1.57	6	1
1:A:339:ASN:C	1:A:339:ASN:ND2	0.60	2.58	1	1
1:A:57:ARG:NH2	1:A:429:ARG:NH2	0.60	2.50	2	1
1:A:552:ASN:ND2	1:A:554:GLN:H	0.60	1.95	2	2
1:A:565:PHE:CG	1:A:566:ASN:N	0.60	2.68	5	1
1:A:601:GLN:OE1	1:A:663:MET:HE1	0.60	1.95	5	1
1:A:415:MET:O	1:A:416:ALA:HB2	0.60	1.95	9	3
1:A:421:LYS:CB	1:A:421:LYS:NZ	0.60	2.64	7	1
1:A:609:ARG:NH2	1:A:610:TRP:NE1	0.60	2.50	7	1
1:A:711:LEU:HD12	1:A:712:LEU:N	0.60	2.11	7	1
1:A:93:PRO:O	1:A:94:GLN:NE2	0.60	2.35	4	2
1:A:355:ASN:ND2	1:A:355:ASN:N	0.60	2.46	4	1
1:A:394:HIS:CD2	1:A:438:CYS:SG	0.60	2.95	4	1
1:A:518:MET:SD	1:A:518:MET:N	0.60	2.74	2	1
1:A:43:VAL:O	1:A:47:ALA:HB2	0.60	1.96	8	3
1:A:57:ARG:NH2	1:A:429:ARG:HH21	0.60	1.94	2	1
1:A:228:CYS:SG	1:A:229:ILE:N	0.60	2.74	3	2
1:A:393:MET:SD	1:A:429:ARG:NH2	0.60	2.75	10	2
1:A:434:ASN:ND2	1:A:436:ARG:HH22	0.60	1.94	9	1
1:A:343:LEU:HD12	1:A:343:LEU:N	0.60	2.12	1	1
1:A:440:ALA:C	1:A:442:ALA:N	0.60	2.59	3	7
1:A:11:ARG:O	1:A:12:ILE:HG23	0.60	1.96	4	4
1:A:650:ILE:HG22	1:A:650:ILE:O	0.60	1.96	7	2
1:A:671:ASN:H	1:A:671:ASN:HD22	0.60	1.37	6	1
1:A:344:MET:SD	1:A:713:HIS:CE1	0.60	2.94	7	1
1:A:456:ARG:N	1:A:456:ARG:NE	0.60	2.50	7	1
1:A:134:ARG:NH1	1:A:382:ARG:NH2	0.60	2.48	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:334:LEU:HD23	1:A:336:PHE:CE1	0.60	2.32	1	1
1:A:422:MET:H	1:A:447:ALA:HB2	0.60	1.57	5	1
1:A:105:ILE:HD12	1:A:105:ILE:H	0.60	1.52	6	1
1:A:134:ARG:NH2	1:A:237:HIS:NE2	0.60	2.49	7	1
1:A:298:LEU:H	1:A:298:LEU:CD1	0.60	2.08	7	1
1:A:124:ALA:O	1:A:298:LEU:HD23	0.60	1.97	9	1
1:A:389:VAL:HG12	1:A:425:MET:SD	0.60	2.36	9	1
1:A:105:ILE:N	1:A:105:ILE:CD1	0.60	2.64	2	2
1:A:518:MET:SD	1:A:522:LYS:NZ	0.60	2.75	7	2
1:A:602:GLY:O	1:A:606:TYR:CD2	0.60	2.54	10	2
1:A:135:TRP:CG	1:A:135:TRP:O	0.60	2.54	9	1
1:A:188:VAL:HG12	1:A:189:VAL:N	0.59	2.12	7	10
1:A:374:ASP:O	1:A:377:VAL:CG2	0.59	2.49	3	3
1:A:119:VAL:HG21	1:A:269:LEU:HD23	0.59	1.74	2	1
1:A:424:ILE:O	1:A:448:PHE:CD1	0.59	2.56	3	1
1:A:94:GLN:NE2	1:A:437:SER:OG	0.59	2.35	4	1
1:A:355:ASN:N	1:A:355:ASN:HD22	0.59	1.94	10	2
1:A:454:LEU:N	1:A:454:LEU:CD2	0.59	2.65	4	1
1:A:430:ARG:C	1:A:432:SER:H	0.59	2.05	5	1
1:A:484:ALA:O	1:A:488:ASN:N	0.59	2.29	6	1
1:A:119:VAL:HG23	1:A:269:LEU:HA	0.59	1.74	2	1
1:A:135:TRP:O	1:A:261:VAL:O	0.59	2.19	6	2
1:A:192:LYS:NZ	1:A:199:ARG:HH21	0.59	1.95	4	1
1:A:635:LEU:HD12	1:A:636:ARG:NH1	0.59	2.12	4	1
1:A:450:ASN:OD1	1:A:451:THR:N	0.59	2.35	6	2
1:A:112:GLN:CD	1:A:113:ALA:N	0.59	2.60	10	1
1:A:57:ARG:NH1	1:A:429:ARG:HE	0.59	1.95	2	1
1:A:159:ASP:N	1:A:159:ASP:OD1	0.59	2.35	7	2
1:A:577:LEU:N	1:A:577:LEU:HD22	0.59	2.11	10	3
1:A:339:ASN:ND2	1:A:364:GLY:N	0.59	2.50	6	1
1:A:47:ALA:HB3	1:A:48:PRO:HD3	0.59	1.74	10	6
1:A:329:LEU:O	1:A:330:HIS:C	0.59	2.46	4	4
1:A:57:ARG:NH1	1:A:429:ARG:NE	0.59	2.51	2	1
1:A:330:HIS:ND1	1:A:330:HIS:N	0.59	2.47	9	2
1:A:653:LYS:CD	1:A:653:LYS:H	0.59	2.10	8	1
1:A:108:GLU:CD	1:A:108:GLU:H	0.59	2.05	10	3
1:A:439:ILE:C	1:A:441:GLN:H	0.59	2.06	1	8
1:A:200:ILE:O	1:A:207:GLU:O	0.59	2.21	4	1
1:A:35:PHE:CZ	1:A:39:PHE:CD2	0.59	2.91	3	1
1:A:233:ASN:N	1:A:233:ASN:HD22	0.59	1.96	3	1
1:A:345:THR:N	1:A:359:GLU:OE1	0.59	2.35	7	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:343:LEU:H	1:A:343:LEU:HD23	0.59	1.57	9	1
1:A:586:ASN:N	1:A:586:ASN:HD22	0.59	1.95	10	1
1:A:390:LYS:O	1:A:392:LYS:N	0.59	2.35	4	1
1:A:67:TRP:CH2	1:A:84:PHE:CD2	0.59	2.90	8	1
1:A:546:LEU:O	1:A:549:HIS:ND1	0.59	2.35	8	1
1:A:105:ILE:C	1:A:107:SER:H	0.59	2.06	9	1
1:A:600:VAL:HG23	1:A:601:GLN:H	0.59	1.57	9	1
1:A:422:MET:SD	1:A:447:ALA:HB2	0.59	2.38	1	1
1:A:663:MET:SD	1:A:663:MET:N	0.59	2.75	1	1
1:A:411:THR:O	1:A:415:MET:N	0.59	2.36	10	3
1:A:436:ARG:NE	1:A:436:ARG:H	0.59	1.94	7	1
1:A:204:ASN:OD1	1:A:204:ASN:N	0.59	2.36	10	3
1:A:337:ILE:HG22	1:A:338:ARG:N	0.59	2.13	1	1
1:A:515:MET:N	1:A:515:MET:SD	0.59	2.75	6	2
1:A:548:TYR:CD1	1:A:548:TYR:C	0.59	2.80	4	4
1:A:705:ASN:C	1:A:707:TYR:H	0.59	2.06	2	2
1:A:65:ASP:CG	1:A:66:GLU:N	0.59	2.61	3	1
1:A:194:VAL:HG21	1:A:199:ARG:CG	0.59	2.27	3	2
1:A:557:GLN:H	1:A:557:GLN:HE21	0.59	1.40	6	1
1:A:339:ASN:ND2	1:A:339:ASN:N	0.59	2.51	7	1
1:A:506:LYS:H	1:A:506:LYS:CD	0.59	2.11	9	1
1:A:422:MET:O	1:A:447:ALA:CB	0.59	2.51	7	5
1:A:15:ASN:HD22	1:A:16:PHE:H	0.59	1.40	3	1
1:A:335:LEU:N	1:A:335:LEU:CD2	0.59	2.66	6	2
1:A:482:ILE:CG2	1:A:483:LYS:N	0.59	2.66	10	2
1:A:332:ARG:O	1:A:382:ARG:NH2	0.59	2.36	10	1
1:A:187:ASP:O	1:A:203:LYS:N	0.58	2.36	8	8
1:A:123:ASN:ND2	1:A:124:ALA:H	0.58	1.96	3	1
1:A:135:TRP:O	1:A:135:TRP:CD2	0.58	2.56	9	2
1:A:699:LEU:O	1:A:703:GLN:N	0.58	2.36	4	1
1:A:340:VAL:HG22	1:A:341:GLY:N	0.58	2.13	5	2
1:A:584:ASN:O	1:A:585:ALA:CB	0.58	2.51	5	1
1:A:129:ASN:ND2	1:A:134:ARG:HE	0.58	1.96	9	1
1:A:635:LEU:HD23	1:A:635:LEU:O	0.58	1.97	2	2
1:A:350:TRP:CD1	1:A:350:TRP:N	0.58	2.71	3	2
1:A:436:ARG:H	1:A:436:ARG:HE	0.58	1.40	7	1
1:A:249:GLY:N	1:A:257:ASN:HD21	0.58	1.96	10	1
1:A:431:THR:OG1	1:A:432:SER:N	0.58	2.37	7	2
1:A:660:LEU:O	1:A:664:ALA:N	0.58	2.37	7	1
1:A:122:MET:SD	1:A:290:LEU:N	0.58	2.75	10	1
1:A:377:VAL:O	1:A:379:LYS:N	0.58	2.36	9	3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:89:GLY:O	1:A:90:TYR:CD2	0.58	2.57	7	1
1:A:204:ASN:ND2	1:A:204:ASN:H	0.58	1.97	7	1
1:A:121:ALA:C	1:A:123:ASN:H	0.58	2.05	8	1
1:A:341:GLY:C	1:A:342:HIS:CG	0.58	2.81	8	2
1:A:649:GLY:O	1:A:650:ILE:HG22	0.58	1.98	8	1
1:A:132:ASN:N	1:A:132:ASN:ND2	0.58	2.51	3	1
1:A:117:LEU:HD13	1:A:118:VAL:N	0.58	2.14	5	1
1:A:579:ILE:N	1:A:579:ILE:CD1	0.58	2.66	10	1
1:A:120:PRO:C	1:A:122:MET:N	0.58	2.62	10	6
1:A:709:GLU:OE1	1:A:709:GLU:N	0.58	2.34	2	1
1:A:634:THR:O	1:A:638:SER:N	0.58	2.37	10	2
1:A:25:LEU:HD22	1:A:29:GLY:HA3	0.58	1.76	7	1
1:A:292:GLY:O	1:A:296:GLY:N	0.58	2.36	7	2
1:A:508:MET:SD	1:A:508:MET:N	0.58	2.76	7	1
1:A:129:ASN:O	1:A:134:ARG:N	0.58	2.37	9	1
1:A:606:TYR:N	1:A:606:TYR:CD1	0.58	2.68	10	1
1:A:189:VAL:HG23	1:A:190:ALA:N	0.58	2.13	1	7
1:A:603:ILE:CG1	1:A:604:LEU:N	0.58	2.66	2	2
1:A:138:LEU:HD11	1:A:546:LEU:HD21	0.58	1.75	3	1
1:A:442:ALA:CA	1:A:446:VAL:HG11	0.58	2.29	4	3
1:A:608:VAL:HG13	1:A:609:ARG:N	0.58	2.13	8	4
1:A:121:ALA:O	1:A:122:MET:HB2	0.58	1.97	10	4
1:A:234:ASN:ND2	1:A:549:HIS:CE1	0.58	2.72	5	1
1:A:645:TRP:O	1:A:647:ARG:N	0.58	2.37	6	1
1:A:668:ASP:OD1	1:A:669:GLN:N	0.58	2.37	7	1
1:A:498:LEU:CD2	1:A:499:ARG:N	0.58	2.67	8	1
1:A:216:PHE:O	1:A:216:PHE:CG	0.58	2.57	2	1
1:A:262:GLU:N	1:A:262:GLU:CD	0.58	2.62	7	3
1:A:338:ARG:NH2	1:A:456:ARG:CZ	0.58	2.67	3	1
1:A:424:ILE:H	1:A:448:PHE:CB	0.58	2.11	8	2
1:A:446:VAL:O	1:A:446:VAL:CG1	0.58	2.50	8	1
1:A:416:ALA:HB1	1:A:417:PRO:HD2	0.58	1.76	1	4
1:A:444:ASN:C	1:A:446:VAL:N	0.58	2.51	5	7
1:A:282:ASP:O	1:A:284:ILE:N	0.58	2.37	7	5
1:A:202:LEU:N	1:A:206:LYS:HA	0.58	2.13	4	1
1:A:197:GLN:NE2	1:A:198:LEU:H	0.58	1.96	5	1
1:A:289:ASN:O	1:A:293:LEU:N	0.58	2.36	7	2
1:A:564:GLU:CD	1:A:564:GLU:H	0.58	2.07	9	1
1:A:393:MET:SD	1:A:393:MET:N	0.58	2.76	4	2
1:A:440:ALA:O	1:A:442:ALA:N	0.58	2.36	3	3
1:A:403:ASN:HD21	1:A:443:ARG:CB	0.58	2.12	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:577:LEU:N	1:A:577:LEU:CD2	0.58	2.67	10	3
1:A:443:ARG:O	1:A:444:ASN:CG	0.58	2.47	7	3
1:A:534:TRP:CH2	1:A:633:ALA:HB2	0.58	2.34	3	1
1:A:498:LEU:CD2	1:A:498:LEU:H	0.58	2.12	10	2
1:A:330:HIS:H	1:A:330:HIS:CD2	0.58	2.17	6	1
1:A:362:LEU:O	1:A:366:MET:N	0.58	2.37	7	1
1:A:361:ILE:CD1	1:A:361:ILE:N	0.58	2.67	9	1
1:A:57:ARG:HH22	1:A:429:ARG:HH21	0.57	1.40	2	1
1:A:705:ASN:O	1:A:707:TYR:N	0.57	2.35	2	1
1:A:119:VAL:HG12	1:A:130:ALA:HB1	0.57	1.73	3	1
1:A:325:SER:O	1:A:326:GLU:HB3	0.57	1.99	5	1
1:A:38:ASN:ND2	1:A:412:MET:SD	0.57	2.77	7	1
1:A:383:THR:O	1:A:385:SER:N	0.57	2.36	8	8
1:A:394:HIS:ND1	1:A:394:HIS:N	0.57	2.48	2	1
1:A:416:ALA:HB3	1:A:417:PRO:HD3	0.57	1.74	5	1
1:A:552:ASN:N	1:A:552:ASN:ND2	0.57	2.51	5	1
1:A:461:MET:O	1:A:465:MET:N	0.57	2.37	1	5
1:A:57:ARG:HH12	1:A:429:ARG:HE	0.57	1.40	2	1
1:A:208:THR:CG2	1:A:209:THR:N	0.57	2.67	2	2
1:A:343:LEU:N	1:A:343:LEU:HD22	0.57	2.13	6	1
1:A:436:ARG:NH1	1:A:499:ARG:NH1	0.57	2.52	10	1
1:A:219:TYR:CZ	1:A:220:ARG:O	0.57	2.56	3	1
1:A:338:ARG:CZ	1:A:456:ARG:NH2	0.57	2.67	3	1
1:A:433:LEU:HD13	1:A:433:LEU:O	0.57	1.98	6	2
1:A:123:ASN:N	1:A:123:ASN:HD22	0.57	1.97	4	1
1:A:671:ASN:HD22	1:A:671:ASN:N	0.57	1.97	6	1
1:A:424:ILE:O	1:A:448:PHE:CE2	0.57	2.58	9	2
1:A:343:LEU:C	1:A:345:THR:H	0.57	2.07	6	2
1:A:495:PHE:CZ	1:A:561:ALA:CB	0.57	2.88	1	1
1:A:16:PHE:CD2	1:A:284:ILE:CD1	0.57	2.87	9	1
1:A:449:ILE:HG21	1:A:502:ALA:HB1	0.57	1.74	9	1
1:A:127:ALA:O	1:A:131:ALA:N	0.57	2.38	10	4
1:A:162:ARG:O	1:A:166:VAL:N	0.57	2.33	1	1
1:A:24:VAL:O	1:A:28:THR:HG23	0.57	1.99	2	2
1:A:198:LEU:N	1:A:198:LEU:CD2	0.57	2.68	4	1
1:A:21:ASP:OD1	1:A:22:GLU:N	0.57	2.38	5	1
1:A:612:GLU:N	1:A:612:GLU:OE1	0.57	2.37	7	1
1:A:420:LEU:H	1:A:420:LEU:CD1	0.57	2.09	8	1
1:A:436:ARG:NH1	1:A:496:CYS:O	0.57	2.37	10	1
1:A:626:VAL:HG12	1:A:627:ALA:N	0.57	2.14	3	4
1:A:253:PRO:O	1:A:254:ALA:CB	0.57	2.53	4	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:357:ILE:O	1:A:358:PRO:O	0.57	2.23	4	2
1:A:449:ILE:HD12	1:A:449:ILE:N	0.57	2.14	6	2
1:A:142:LEU:HD12	1:A:143:TYR:N	0.57	2.13	5	1
1:A:391:PRO:O	1:A:392:LYS:CB	0.57	2.53	6	4
1:A:644:ASN:N	1:A:644:ASN:HD22	0.57	1.97	9	2
1:A:35:PHE:CE1	1:A:39:PHE:CZ	0.57	2.92	8	1
1:A:139:TYR:CD1	1:A:140:ASP:N	0.57	2.72	10	1
1:A:125:ARG:H	1:A:125:ARG:HE	0.57	1.40	1	1
1:A:710:PRO:O	1:A:713:HIS:ND1	0.57	2.38	9	1
1:A:436:ARG:NH1	1:A:499:ARG:HH12	0.57	1.98	10	1
1:A:366:MET:SD	1:A:366:MET:N	0.57	2.78	1	1
1:A:403:ASN:OD1	1:A:445:ARG:NH2	0.57	2.37	3	1
1:A:704:PRO:C	1:A:706:GLY:H	0.57	2.07	5	2
1:A:337:ILE:HB	1:A:388:ILE:HG22	0.57	1.77	5	1
1:A:89:GLY:O	1:A:90:TYR:CB	0.57	2.53	10	2
1:A:413:LEU:HD22	1:A:413:LEU:N	0.57	2.15	7	1
1:A:57:ARG:N	1:A:57:ARG:HE	0.57	1.97	1	1
1:A:427:GLU:CD	1:A:427:GLU:H	0.57	2.07	10	3
1:A:410:GLU:CD	1:A:445:ARG:NH2	0.57	2.63	2	1
1:A:198:LEU:H	1:A:198:LEU:CD2	0.57	2.12	4	1
1:A:94:GLN:NE2	1:A:94:GLN:H	0.57	1.97	5	1
1:A:247:ARG:HH11	1:A:247:ARG:H	0.57	1.43	7	1
1:A:583:GLU:CD	1:A:583:GLU:H	0.57	2.08	9	1
1:A:713:HIS:CG	1:A:714:ALA:N	0.57	2.72	9	1
1:A:138:LEU:O	1:A:141:ALA:N	0.56	2.38	1	1
1:A:568:GLU:N	1:A:568:GLU:OE1	0.56	2.38	1	1
1:A:449:ILE:CD1	1:A:449:ILE:N	0.56	2.68	7	4
1:A:624:HIS:O	1:A:625:ASN:CB	0.56	2.53	6	5
1:A:121:ALA:O	1:A:122:MET:CB	0.56	2.53	7	2
1:A:496:CYS:C	1:A:498:LEU:HD13	0.56	2.25	8	1
1:A:357:ILE:H	1:A:358:PRO:CD	0.56	2.10	1	1
1:A:109:ILE:O	1:A:501:LYS:NZ	0.56	2.33	2	1
1:A:254:ALA:C	1:A:256:ILE:H	0.56	2.07	2	6
1:A:161:GLN:CD	1:A:161:GLN:H	0.56	2.08	4	1
1:A:335:LEU:O	1:A:387:TYR:CZ	0.56	2.58	8	1
1:A:342:HIS:ND1	1:A:343:LEU:N	0.56	2.53	10	1
1:A:12:ILE:N	1:A:12:ILE:CD1	0.56	2.65	1	2
1:A:91:LEU:O	1:A:92:VAL:HG13	0.56	2.00	1	1
1:A:260:ILE:N	1:A:260:ILE:CD1	0.56	2.63	1	4
1:A:406:PHE:O	1:A:445:ARG:NH1	0.56	2.39	1	1
1:A:641:HIS:NE2	1:A:645:TRP:NE1	0.56	2.54	1	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:635:LEU:HD13	1:A:635:LEU:O	0.56	1.99	4	3
1:A:93:PRO:C	1:A:94:GLN:NE2	0.56	2.63	4	1
1:A:427:GLU:OE2	1:A:456:ARG:NH1	0.56	2.38	4	1
1:A:498:LEU:HD23	1:A:498:LEU:H	0.56	1.58	10	2
1:A:96:GLU:CD	1:A:96:GLU:H	0.56	2.09	5	1
1:A:394:HIS:CD2	1:A:397:GLN:NE2	0.56	2.73	5	1
1:A:560:ILE:O	1:A:563:THR:HG22	0.56	1.99	5	1
1:A:632:ARG:CD	1:A:632:ARG:H	0.56	2.12	9	2
1:A:209:THR:HG22	1:A:210:LEU:H	0.56	1.59	6	1
1:A:485:TYR:CD1	1:A:485:TYR:C	0.56	2.83	7	2
1:A:543:LEU:O	1:A:547:HIS:CE1	0.56	2.58	7	1
1:A:218:GLY:C	1:A:219:TYR:CG	0.56	2.83	10	1
1:A:375:LEU:O	1:A:378:GLN:CG	0.56	2.53	10	1
1:A:11:ARG:C	1:A:12:ILE:HD13	0.56	2.26	1	1
1:A:139:TYR:CD1	1:A:139:TYR:C	0.56	2.83	2	3
1:A:494:LEU:HD13	1:A:495:PHE:N	0.56	2.15	2	1
1:A:564:GLU:CD	1:A:565:PHE:N	0.56	2.63	4	1
1:A:107:SER:O	1:A:111:SER:N	0.56	2.39	9	2
1:A:108:GLU:OE1	1:A:109:ILE:N	0.56	2.39	6	1
1:A:355:ASN:O	1:A:356:GLU:CB	0.56	2.52	6	1
1:A:346:ILE:N	1:A:346:ILE:CD1	0.56	2.68	7	2
1:A:207:GLU:CD	1:A:207:GLU:H	0.56	2.08	1	2
1:A:402:ALA:O	1:A:406:PHE:N	0.56	2.38	7	5
1:A:259:VAL:C	1:A:260:ILE:HD12	0.56	2.26	2	4
1:A:624:HIS:O	1:A:624:HIS:ND1	0.56	2.38	2	1
1:A:151:GLU:CD	1:A:619:LYS:HZ1	0.56	2.08	8	1
1:A:88:LEU:O	1:A:90:TYR:N	0.56	2.38	1	2
1:A:241:GLN:O	1:A:257:ASN:ND2	0.56	2.39	4	1
1:A:577:LEU:O	1:A:578:THR:OG1	0.56	2.22	5	1
1:A:584:ASN:N	1:A:584:ASN:ND2	0.56	2.54	5	2
1:A:313:LEU:HD12	1:A:313:LEU:H	0.56	1.61	6	1
1:A:344:MET:SD	1:A:707:TYR:CE1	0.56	2.99	8	1
1:A:597:ASP:OD1	1:A:597:ASP:N	0.56	2.38	1	1
1:A:339:ASN:OD1	1:A:339:ASN:N	0.56	2.39	9	2
1:A:552:ASN:HD22	1:A:553:VAL:N	0.56	1.98	2	2
1:A:77:ASP:O	1:A:81:TYR:CD2	0.56	2.58	3	1
1:A:313:LEU:O	1:A:314:ASN:O	0.56	2.24	4	3
1:A:282:ASP:O	1:A:285:LEU:N	0.56	2.39	10	3
1:A:506:LYS:CG	1:A:507:GLY:N	0.56	2.69	6	1
1:A:711:LEU:HD12	1:A:711:LEU:C	0.56	2.25	7	1
1:A:121:ALA:C	1:A:123:ASN:N	0.56	2.63	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:125:ARG:HE	1:A:299:GLN:NE2	0.56	1.98	9	1
1:A:355:ASN:N	1:A:355:ASN:ND2	0.56	2.51	10	1
1:A:343:LEU:HD12	1:A:343:LEU:H	0.56	1.61	1	1
1:A:134:ARG:NH2	1:A:237:HIS:CE1	0.56	2.74	7	1
1:A:434:ASN:ND2	1:A:436:ARG:NH2	0.56	2.53	9	1
1:A:587:TRP:CD1	1:A:587:TRP:H	0.56	2.19	10	1
1:A:498:LEU:O	1:A:499:ARG:HB3	0.56	2.01	1	3
1:A:413:LEU:N	1:A:413:LEU:CD2	0.56	2.68	7	1
1:A:334:LEU:HD12	1:A:335:LEU:N	0.56	2.15	9	1
1:A:215:GLN:NE2	1:A:232:LYS:O	0.56	2.39	10	1
1:A:248:ILE:O	1:A:250:LYS:N	0.56	2.39	7	6
1:A:410:GLU:O	1:A:414:GLY:N	0.56	2.39	5	3
1:A:637:ILE:HD13	1:A:637:ILE:N	0.56	2.14	2	1
1:A:325:SER:O	1:A:326:GLU:CG	0.56	2.53	5	1
1:A:58:ASP:OD1	1:A:59:ARG:N	0.56	2.39	7	1
1:A:27:GLY:O	1:A:376:LYS:NZ	0.56	2.39	10	1
1:A:371:ALA:O	1:A:373:TYR:N	0.55	2.38	5	4
1:A:414:GLY:O	1:A:415:MET:C	0.55	2.49	7	2
1:A:290:LEU:O	1:A:292:GLY:N	0.55	2.39	10	2
1:A:356:GLU:O	1:A:357:ILE:C	0.55	2.48	6	2
1:A:543:LEU:O	1:A:547:HIS:ND1	0.55	2.39	8	1
1:A:356:GLU:CD	1:A:356:GLU:H	0.55	2.09	9	1
1:A:417:PRO:O	1:A:418:ASN:ND2	0.55	2.39	9	1
1:A:434:ASN:CG	1:A:436:ARG:NH2	0.55	2.64	9	1
1:A:485:TYR:CZ	1:A:489:ASN:OD1	0.55	2.59	9	1
1:A:406:PHE:CZ	1:A:422:MET:SD	0.55	2.99	2	1
1:A:637:ILE:N	1:A:637:ILE:CD1	0.55	2.69	2	1
1:A:242:ILE:O	1:A:243:ASP:C	0.55	2.47	4	2
1:A:709:GLU:N	1:A:709:GLU:OE1	0.55	2.39	5	2
1:A:125:ARG:CD	1:A:125:ARG:H	0.55	2.14	6	1
1:A:137:SER:O	1:A:141:ALA:HB2	0.55	2.01	9	2
1:A:549:HIS:ND1	1:A:550:GLN:N	0.55	2.55	10	1
1:A:106:ASP:OD1	1:A:109:ILE:N	0.55	2.40	4	1
1:A:192:LYS:HZ2	1:A:199:ARG:HH21	0.55	1.44	4	1
1:A:446:VAL:HG22	1:A:447:ALA:O	0.55	2.01	10	3
1:A:498:LEU:O	1:A:499:ARG:C	0.55	2.49	10	2
1:A:267:THR:N	1:A:334:LEU:O	0.55	2.39	5	1
1:A:488:ASN:CG	1:A:489:ASN:N	0.55	2.65	5	1
1:A:390:LYS:O	1:A:391:PRO:O	0.55	2.25	6	3
1:A:424:ILE:N	1:A:449:ILE:HG21	0.55	2.17	7	1
1:A:59:ARG:O	1:A:59:ARG:NE	0.55	2.39	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:134:ARG:O	1:A:135:TRP:CD1	0.55	2.60	9	1
1:A:492:SER:O	1:A:496:CYS:SG	0.55	2.64	9	1
1:A:112:GLN:NE2	1:A:113:ALA:N	0.55	2.54	10	1
1:A:342:HIS:CG	1:A:343:LEU:N	0.55	2.71	10	1
1:A:411:THR:HG23	1:A:412:MET:N	0.55	2.16	10	1
1:A:511:MET:N	1:A:512:PRO:HD3	0.55	2.16	1	2
1:A:92:VAL:O	1:A:94:GLN:NE2	0.55	2.39	4	1
1:A:234:ASN:HD21	1:A:552:ASN:ND2	0.55	1.99	4	1
1:A:644:ASN:OD1	1:A:645:TRP:N	0.55	2.40	6	1
1:A:116:GLN:NE2	1:A:534:TRP:NE1	0.55	2.54	7	1
1:A:563:THR:HG22	1:A:564:GLU:H	0.55	1.60	8	2
1:A:285:LEU:N	1:A:285:LEU:HD12	0.55	2.17	10	1
1:A:108:GLU:OE2	1:A:387:TYR:CZ	0.55	2.59	2	1
1:A:340:VAL:HG12	1:A:341:GLY:N	0.55	2.16	8	2
1:A:67:TRP:NE1	1:A:81:TYR:CZ	0.55	2.75	5	1
1:A:552:ASN:N	1:A:552:ASN:HD22	0.55	1.99	5	2
1:A:124:ALA:HB1	1:A:614:GLY:O	0.55	2.02	8	1
1:A:213:PRO:O	1:A:216:PHE:CD1	0.55	2.60	8	1
1:A:373:TYR:O	1:A:377:VAL:HG13	0.55	2.01	8	1
1:A:118:VAL:C	1:A:632:ARG:NH2	0.55	2.63	9	1
1:A:132:ASN:O	1:A:133:ALA:HB3	0.55	2.01	9	1
1:A:495:PHE:O	1:A:495:PHE:CD2	0.55	2.60	10	1
1:A:452:GLY:O	1:A:454:LEU:N	0.55	2.40	1	1
1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:HD12	0.55	2.16	2	1
1:A:699:LEU:O	1:A:701:VAL:N	0.55	2.39	3	2
1:A:508:MET:SD	1:A:525:GLN:NE2	0.55	2.79	5	1
1:A:436:ARG:HH21	1:A:437:SER:CB	0.55	2.15	9	1
1:A:357:ILE:O	1:A:359:GLU:N	0.55	2.40	2	1
1:A:503:GLN:C	1:A:504:ILE:HD12	0.55	2.27	3	2
1:A:424:ILE:O	1:A:448:PHE:CE1	0.55	2.60	3	3
1:A:267:THR:HG23	1:A:333:SER:OG	0.55	2.02	6	1
1:A:216:PHE:O	1:A:216:PHE:CD2	0.55	2.60	8	1
1:A:368:GLY:O	1:A:371:ALA:HB3	0.55	2.02	8	1
1:A:519:TYR:CE2	1:A:547:HIS:NE2	0.55	2.75	8	1
1:A:448:PHE:C	1:A:448:PHE:CD1	0.55	2.83	3	1
1:A:454:LEU:HD23	1:A:454:LEU:H	0.55	1.60	4	1
1:A:582:ALA:O	1:A:584:ASN:ND2	0.55	2.39	7	1
1:A:489:ASN:ND2	1:A:490:VAL:H	0.55	1.99	8	1
1:A:713:HIS:CD2	1:A:713:HIS:C	0.55	2.85	9	1
1:A:709:GLU:O	1:A:713:HIS:CD2	0.55	2.60	1	1
1:A:109:ILE:HD12	1:A:447:ALA:HB1	0.55	1.77	8	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:121:ALA:O	1:A:289:ASN:ND2	0.55	2.40	4	1
1:A:342:HIS:NE2	1:A:393:MET:SD	0.55	2.80	4	1
1:A:343:LEU:H	1:A:343:LEU:CD2	0.55	2.14	9	1
1:A:236:LEU:HD23	1:A:262:GLU:OE2	0.55	2.02	1	1
1:A:377:VAL:C	1:A:379:LYS:N	0.55	2.65	9	4
1:A:406:PHE:O	1:A:445:ARG:NH2	0.55	2.40	1	1
1:A:95:PRO:O	1:A:96:GLU:HB2	0.55	2.03	3	1
1:A:268:ILE:N	1:A:268:ILE:HD13	0.55	2.16	6	2
1:A:254:ALA:O	1:A:255:HIS:CB	0.55	2.54	9	3
1:A:443:ARG:O	1:A:444:ASN:ND2	0.55	2.40	7	1
1:A:458:GLY:O	1:A:462:HIS:CD2	0.55	2.60	7	1
1:A:545:ALA:O	1:A:549:HIS:ND1	0.55	2.40	7	1
1:A:344:MET:SD	1:A:707:TYR:CD1	0.55	3.00	8	1
1:A:133:ALA:N	1:A:333:SER:OG	0.55	2.40	9	1
1:A:403:ASN:ND2	1:A:441:GLN:OE1	0.54	2.40	1	1
1:A:454:LEU:O	1:A:456:ARG:N	0.54	2.40	8	4
1:A:329:LEU:O	1:A:331:GLY:N	0.54	2.40	2	3
1:A:372:LEU:HD12	1:A:372:LEU:O	0.54	2.01	2	1
1:A:531:ASN:ND2	1:A:532:THR:OG1	0.54	2.40	2	2
1:A:65:ASP:OD1	1:A:66:GLU:N	0.54	2.40	3	1
1:A:94:GLN:C	1:A:96:GLU:H	0.54	2.09	3	1
1:A:180:LEU:O	1:A:182:ASN:N	0.54	2.40	10	2
1:A:583:GLU:O	1:A:584:ASN:ND2	0.54	2.40	3	1
1:A:539:THR:O	1:A:543:LEU:HD12	0.54	2.02	8	1
1:A:88:LEU:C	1:A:90:TYR:H	0.54	2.10	1	2
1:A:579:ILE:HD12	1:A:579:ILE:O	0.54	2.02	4	2
1:A:503:GLN:N	1:A:503:GLN:CD	0.54	2.65	6	4
1:A:531:ASN:O	1:A:532:THR:HG23	0.54	2.02	2	1
1:A:355:ASN:O	1:A:357:ILE:N	0.54	2.40	9	2
1:A:632:ARG:O	1:A:635:LEU:N	0.54	2.40	6	1
1:A:247:ARG:HH11	1:A:247:ARG:N	0.54	2.00	7	1
1:A:444:ASN:CG	1:A:445:ARG:N	0.54	2.65	8	1
1:A:133:ALA:O	1:A:134:ARG:CB	0.54	2.55	9	1
1:A:262:GLU:O	1:A:544:HIS:CE1	0.54	2.60	10	1
1:A:269:LEU:CD1	1:A:336:PHE:O	0.54	2.56	1	1
1:A:491:LEU:N	1:A:491:LEU:CD2	0.54	2.70	1	2
1:A:554:GLN:O	1:A:558:ALA:N	0.54	2.40	2	2
1:A:290:LEU:O	1:A:294:MET:SD	0.54	2.65	2	1
1:A:10:LEU:HD12	1:A:10:LEU:C	0.54	2.28	9	2
1:A:522:LYS:O	1:A:547:HIS:CE1	0.54	2.60	3	1
1:A:430:ARG:CG	1:A:431:THR:H	0.54	2.15	4	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:405:LEU:N	1:A:405:LEU:CD1	0.54	2.71	5	1
1:A:108:GLU:CD	1:A:109:ILE:N	0.54	2.66	6	1
1:A:265:ILE:N	1:A:265:ILE:CD1	0.54	2.70	7	1
1:A:439:ILE:O	1:A:446:VAL:HG21	0.54	2.03	9	1
1:A:575:ASP:O	1:A:578:THR:HG22	0.54	2.03	9	1
1:A:444:ASN:N	1:A:444:ASN:ND2	0.54	2.52	10	1
1:A:550:GLN:O	1:A:550:GLN:NE2	0.54	2.38	10	1
1:A:661:GLU:CD	1:A:662:ASN:N	0.54	2.65	10	1
1:A:265:ILE:HD13	1:A:265:ILE:H	0.54	1.62	3	2
1:A:424:ILE:O	1:A:449:ILE:HG23	0.54	2.02	4	2
1:A:290:LEU:C	1:A:290:LEU:CD1	0.54	2.81	10	2
1:A:244:ALA:C	1:A:246:GLY:H	0.54	2.11	6	3
1:A:421:LYS:O	1:A:422:MET:SD	0.54	2.65	6	1
1:A:418:ASN:ND2	1:A:418:ASN:N	0.54	2.49	7	1
1:A:553:VAL:O	1:A:557:GLN:N	0.54	2.38	10	2
1:A:424:ILE:N	1:A:448:PHE:HB2	0.54	2.15	8	1
1:A:132:ASN:O	1:A:133:ALA:CB	0.54	2.51	10	2
1:A:359:GLU:CD	1:A:360:GLY:N	0.54	2.65	9	1
1:A:113:ALA:HB1	1:A:531:ASN:OD1	0.54	2.02	10	1
1:A:486:GLU:CD	1:A:487:ARG:NH1	0.54	2.66	10	1
1:A:719:GLU:CD	1:A:720:LYS:N	0.54	2.66	10	1
1:A:61:GLN:O	1:A:65:ASP:N	0.54	2.40	1	2
1:A:397:GLN:CD	1:A:397:GLN:H	0.54	2.11	6	3
1:A:31:ASP:OD1	1:A:31:ASP:N	0.54	2.40	3	1
1:A:530:ALA:O	1:A:557:GLN:NE2	0.54	2.41	4	1
1:A:335:LEU:O	1:A:387:TYR:CE1	0.54	2.60	8	2
1:A:341:GLY:O	1:A:342:HIS:CD2	0.54	2.61	6	2
1:A:403:ASN:CA	1:A:445:ARG:HH12	0.54	2.16	7	1
1:A:112:GLN:NE2	1:A:113:ALA:C	0.54	2.66	10	1
1:A:383:THR:C	1:A:385:SER:N	0.54	2.66	10	8
1:A:393:MET:O	1:A:394:HIS:CG	0.54	2.61	9	3
1:A:710:PRO:O	1:A:714:ALA:N	0.54	2.41	3	3
1:A:128:LEU:HD23	1:A:132:ASN:OD1	0.54	2.02	3	1
1:A:257:ASN:ND2	1:A:257:ASN:C	0.54	2.65	4	1
1:A:257:ASN:ND2	1:A:258:ASP:N	0.54	2.55	4	1
1:A:314:ASN:N	1:A:314:ASN:ND2	0.54	2.51	4	1
1:A:427:GLU:O	1:A:429:ARG:N	0.54	2.41	4	1
1:A:377:VAL:C	1:A:379:LYS:H	0.54	2.11	9	2
1:A:444:ASN:ND2	1:A:445:ARG:H	0.54	2.00	6	2
1:A:77:ASP:O	1:A:79:ALA:N	0.54	2.41	10	1
1:A:517:ASP:OD1	1:A:518:MET:N	0.54	2.41	10	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:80:ALA:O	1:A:84:PHE:CE2	0.54	2.61	1	1
1:A:351:ASP:OD1	1:A:355:ASN:N	0.54	2.41	1	1
1:A:207:GLU:CD	1:A:207:GLU:N	0.54	2.66	5	2
1:A:389:VAL:O	1:A:389:VAL:CG2	0.54	2.55	1	1
1:A:452:GLY:C	1:A:453:PHE:CG	0.54	2.84	1	1
1:A:138:LEU:N	1:A:259:VAL:O	0.54	2.35	2	2
1:A:359:GLU:N	1:A:359:GLU:OE1	0.54	2.41	3	1
1:A:513:ASP:O	1:A:515:MET:SD	0.54	2.66	7	2
1:A:134:ARG:NH1	1:A:262:GLU:OE2	0.54	2.40	6	1
1:A:393:MET:O	1:A:394:HIS:CD2	0.54	2.61	6	1
1:A:464:VAL:O	1:A:466:GLU:N	0.54	2.41	6	2
1:A:648:HIS:CG	1:A:648:HIS:O	0.54	2.59	10	3
1:A:509:TRP:CZ3	1:A:534:TRP:O	0.54	2.60	8	1
1:A:270:ASP:O	1:A:338:ARG:NH2	0.54	2.41	9	1
1:A:4:THR:OG1	1:A:11:ARG:NE	0.54	2.41	3	1
1:A:239:GLU:CD	1:A:317:ARG:NH1	0.54	2.66	3	1
1:A:277:ALA:O	1:A:278:VAL:HG13	0.54	2.03	9	4
1:A:637:ILE:O	1:A:638:SER:CB	0.54	2.56	9	2
1:A:212:THR:O	1:A:215:GLN:NE2	0.54	2.40	6	1
1:A:143:TYR:O	1:A:162:ARG:NH1	0.54	2.40	10	1
1:A:605:GLY:O	1:A:609:ARG:NE	0.54	2.40	10	1
1:A:711:LEU:C	1:A:711:LEU:HD23	0.54	2.28	10	1
1:A:68:HIS:CE1	1:A:81:TYR:OH	0.54	2.61	1	1
1:A:403:ASN:HD21	1:A:443:ARG:CD	0.54	2.15	2	1
1:A:431:THR:O	1:A:433:LEU:N	0.54	2.41	8	2
1:A:293:LEU:C	1:A:293:LEU:CD1	0.54	2.81	7	3
1:A:615:ILE:CG2	1:A:616:GLY:N	0.54	2.71	3	1
1:A:344:MET:O	1:A:345:THR:CB	0.54	2.56	9	3
1:A:720:LYS:O	1:A:722:SER:N	0.54	2.41	4	1
1:A:704:PRO:O	1:A:706:GLY:N	0.54	2.40	5	1
1:A:136:GLY:O	1:A:138:LEU:N	0.54	2.41	6	1
1:A:361:ILE:HG23	1:A:362:LEU:N	0.54	2.18	8	2
1:A:173:PHE:O	1:A:549:HIS:CD2	0.54	2.61	8	1
1:A:565:PHE:O	1:A:569:PHE:N	0.54	2.33	8	1
1:A:606:TYR:CE2	1:A:610:TRP:CG	0.54	2.96	8	1
1:A:105:ILE:CD1	1:A:106:ASP:H	0.54	2.16	9	1
1:A:233:ASN:O	1:A:235:GLY:N	0.54	2.41	9	1
1:A:315:ASP:CG	1:A:332:ARG:HH12	0.53	2.11	2	1
1:A:419:THR:O	1:A:420:LEU:O	0.53	2.26	2	2
1:A:436:ARG:HH21	1:A:492:SER:CB	0.53	2.16	2	1
1:A:47:ALA:N	1:A:48:PRO:HD2	0.53	2.18	7	6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:584:ASN:ND2	1:A:587:TRP:CZ3	0.53	2.76	4	1
1:A:273:ASP:OD1	1:A:707:TYR:CD1	0.53	2.62	5	1
1:A:408:ARG:O	1:A:408:ARG:NE	0.53	2.42	5	1
1:A:116:GLN:HE22	1:A:450:ASN:HD21	0.53	1.45	7	1
1:A:248:ILE:HG23	1:A:249:GLY:N	0.53	2.17	8	2
1:A:597:ASP:O	1:A:601:GLN:N	0.53	2.39	10	2
1:A:570:GLU:CD	1:A:570:GLU:N	0.53	2.67	8	1
1:A:709:GLU:CD	1:A:709:GLU:H	0.53	2.11	8	1
1:A:35:PHE:CE2	1:A:39:PHE:CE2	0.53	2.96	9	1
1:A:362:LEU:H	1:A:362:LEU:CD2	0.53	2.16	10	1
1:A:39:PHE:O	1:A:43:VAL:HG23	0.53	2.02	1	6
1:A:44:HIS:NE2	1:A:351:ASP:OD2	0.53	2.41	1	1
1:A:136:GLY:O	1:A:260:ILE:HG23	0.53	2.03	1	1
1:A:150:GLN:O	1:A:150:GLN:NE2	0.53	2.40	1	1
1:A:190:ALA:C	1:A:191:PHE:CD1	0.53	2.87	1	3
1:A:313:LEU:N	1:A:313:LEU:HD12	0.53	2.18	1	1
1:A:318:HIS:O	1:A:319:TYR:CD1	0.53	2.62	1	1
1:A:427:GLU:N	1:A:427:GLU:OE1	0.53	2.41	1	2
1:A:123:ASN:O	1:A:125:ARG:N	0.53	2.41	2	1
1:A:126:TYR:OH	1:A:632:ARG:N	0.53	2.41	2	1
1:A:143:TYR:O	1:A:150:GLN:NE2	0.53	2.41	2	1
1:A:273:ASP:OD1	1:A:636:ARG:NE	0.53	2.41	2	1
1:A:486:GLU:O	1:A:489:ASN:ND2	0.53	2.41	8	2
1:A:564:GLU:CD	1:A:564:GLU:N	0.53	2.66	2	2
1:A:94:GLN:O	1:A:96:GLU:N	0.53	2.41	3	1
1:A:586:ASN:ND2	1:A:649:GLY:O	0.53	2.41	4	1
1:A:18:ARG:NH2	1:A:19:PHE:CE1	0.53	2.76	5	1
1:A:51:ARG:HH11	1:A:355:ASN:ND2	0.53	2.01	5	1
1:A:90:TYR:OH	1:A:394:HIS:NE2	0.53	2.40	5	1
1:A:343:LEU:N	1:A:343:LEU:CD2	0.53	2.71	6	2
1:A:430:ARG:O	1:A:432:SER:N	0.53	2.41	5	1
1:A:553:VAL:O	1:A:557:GLN:NE2	0.53	2.41	5	2
1:A:687:SER:O	1:A:688:CYS:C	0.53	2.51	6	1
1:A:35:PHE:CZ	1:A:39:PHE:CZ	0.53	2.96	8	1
1:A:128:LEU:CD2	1:A:132:ASN:HD21	0.53	2.17	8	1
1:A:139:TYR:CE2	1:A:140:ASP:OD1	0.53	2.61	1	1
1:A:296:GLY:O	1:A:313:LEU:HD21	0.53	2.04	1	1
1:A:355:ASN:OD1	1:A:356:GLU:N	0.53	2.41	1	1
1:A:145:SER:N	1:A:150:GLN:NE2	0.53	2.57	2	1
1:A:222:ASP:OD1	1:A:225:ALA:N	0.53	2.41	2	1
1:A:253:PRO:O	1:A:255:HIS:CE1	0.53	2.61	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:132:ASN:C	1:A:134:ARG:H	0.53	2.12	3	2
1:A:337:ILE:HD12	1:A:337:ILE:N	0.53	2.18	3	1
1:A:434:ASN:O	1:A:438:CYS:SG	0.53	2.66	3	1
1:A:117:LEU:HD13	1:A:118:VAL:H	0.53	1.63	5	2
1:A:297:THR:HG22	1:A:332:ARG:NH2	0.53	2.19	5	1
1:A:491:LEU:O	1:A:493:GLY:N	0.53	2.41	10	1
1:A:586:ASN:N	1:A:586:ASN:ND2	0.53	2.52	10	1
1:A:150:GLN:NE2	1:A:150:GLN:C	0.53	2.67	1	1
1:A:450:ASN:OD1	1:A:503:GLN:NE2	0.53	2.41	1	1
1:A:12:ILE:HD12	1:A:12:ILE:O	0.53	2.03	2	1
1:A:199:ARG:NH2	1:A:201:GLN:CD	0.53	2.66	2	1
1:A:406:PHE:CD2	1:A:410:GLU:OE1	0.53	2.62	3	1
1:A:18:ARG:NH2	1:A:22:GLU:OE1	0.53	2.42	4	1
1:A:293:LEU:HD13	1:A:335:LEU:HD22	0.53	1.80	4	1
1:A:422:MET:C	1:A:447:ALA:CB	0.53	2.81	5	5
1:A:424:ILE:HD13	1:A:446:VAL:HG23	0.53	1.79	4	1
1:A:297:THR:HG22	1:A:332:ARG:HH22	0.53	1.63	5	1
1:A:385:SER:OG	1:A:420:LEU:N	0.53	2.42	9	2
1:A:164:GLU:N	1:A:164:GLU:OE1	0.53	2.41	6	1
1:A:68:HIS:CD2	1:A:464:VAL:HG12	0.53	2.38	10	1
1:A:134:ARG:CD	1:A:134:ARG:N	0.53	2.71	10	1
1:A:237:HIS:ND1	1:A:262:GLU:OE2	0.53	2.41	10	1
1:A:542:THR:C	1:A:544:HIS:N	0.53	2.65	10	1
1:A:78:LYS:O	1:A:82:LYS:N	0.53	2.42	6	2
1:A:104:GLY:O	1:A:105:ILE:O	0.53	2.27	3	3
1:A:226:PRO:C	1:A:228:CYS:N	0.53	2.66	2	3
1:A:148:ILE:HD11	1:A:166:VAL:HG22	0.53	1.81	2	1
1:A:213:PRO:O	1:A:216:PHE:CD2	0.53	2.62	2	1
1:A:234:ASN:OD1	1:A:552:ASN:ND2	0.53	2.41	2	1
1:A:299:GLN:HE21	1:A:299:GLN:C	0.53	2.12	2	1
1:A:330:HIS:O	1:A:330:HIS:ND1	0.53	2.42	2	1
1:A:359:GLU:O	1:A:361:ILE:N	0.53	2.36	6	2
1:A:450:ASN:ND2	1:A:534:TRP:HE1	0.53	2.01	2	1
1:A:575:ASP:C	1:A:577:LEU:N	0.53	2.66	10	2
1:A:38:ASN:C	1:A:38:ASN:ND2	0.53	2.66	4	1
1:A:279:ASP:OD1	1:A:280:ALA:N	0.53	2.41	5	2
1:A:68:HIS:NE2	1:A:81:TYR:OH	0.53	2.42	6	1
1:A:147:ILE:HA	1:A:516:ALA:HB2	0.53	1.80	7	1
1:A:629:MET:SD	1:A:629:MET:C	0.53	2.92	7	1
1:A:526:LEU:C	1:A:526:LEU:CD1	0.53	2.82	8	1
1:A:622:ASP:OD1	1:A:626:VAL:N	0.53	2.41	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:180:LEU:C	1:A:182:ASN:N	0.53	2.67	10	1
1:A:602:GLY:O	1:A:606:TYR:CG	0.53	2.62	10	1
1:A:653:LYS:O	1:A:657:GLN:NE2	0.53	2.41	10	1
1:A:112:GLN:O	1:A:113:ALA:HB2	0.53	2.04	3	2
1:A:213:PRO:O	1:A:215:GLN:N	0.53	2.42	4	4
1:A:350:TRP:CZ3	1:A:356:GLU:OE2	0.53	2.62	3	1
1:A:635:LEU:C	1:A:635:LEU:CD1	0.53	2.81	3	2
1:A:591:GLU:OE1	1:A:591:GLU:N	0.53	2.42	4	1
1:A:123:ASN:OD1	1:A:610:TRP:CH2	0.53	2.61	5	1
1:A:121:ALA:CB	1:A:270:ASP:O	0.53	2.57	6	1
1:A:450:ASN:ND2	1:A:532:THR:OG1	0.53	2.41	6	1
1:A:638:SER:OG	1:A:639:SER:N	0.53	2.41	8	1
1:A:105:ILE:O	1:A:107:SER:N	0.53	2.41	9	1
1:A:118:VAL:O	1:A:632:ARG:NH2	0.53	2.42	9	1
1:A:158:TYR:CD1	1:A:158:TYR:N	0.53	2.76	1	1
1:A:324:GLY:O	1:A:327:ILE:HG23	0.53	2.04	8	2
1:A:410:GLU:OE2	1:A:445:ARG:NH2	0.53	2.41	2	1
1:A:518:MET:C	1:A:520:SER:N	0.53	2.66	8	4
1:A:701:VAL:HG23	1:A:702:LYS:N	0.53	2.18	2	4
1:A:687:SER:OG	1:A:690:PHE:CE2	0.53	2.62	5	1
1:A:41:GLU:OE1	1:A:41:GLU:N	0.53	2.41	9	1
1:A:717:LEU:O	1:A:721:GLU:N	0.53	2.41	10	1
1:A:383:THR:C	1:A:385:SER:H	0.53	2.11	6	7
1:A:377:VAL:O	1:A:378:GLN:C	0.53	2.51	2	5
1:A:565:PHE:C	1:A:567:ALA:N	0.53	2.66	6	6
1:A:321:ALA:O	1:A:323:ASP:N	0.53	2.42	3	1
1:A:575:ASP:O	1:A:577:LEU:N	0.53	2.41	3	2
1:A:242:ILE:HG23	1:A:255:HIS:O	0.53	2.04	4	1
1:A:584:ASN:CB	1:A:587:TRP:CE3	0.53	2.92	4	1
1:A:151:GLU:CD	1:A:619:LYS:NZ	0.53	2.67	8	1
1:A:344:MET:SD	1:A:707:TYR:CZ	0.53	3.02	8	1
1:A:711:LEU:C	1:A:711:LEU:CD1	0.53	2.80	9	1
1:A:316:ASP:OD1	1:A:332:ARG:NH1	0.53	2.42	10	1
1:A:544:HIS:O	1:A:547:HIS:N	0.53	2.36	10	1
1:A:376:LYS:O	1:A:377:VAL:C	0.53	2.51	3	5
1:A:519:TYR:CD1	1:A:519:TYR:C	0.53	2.86	1	1
1:A:650:ILE:N	1:A:650:ILE:CD1	0.53	2.71	7	2
1:A:410:GLU:O	1:A:415:MET:N	0.53	2.37	3	1
1:A:715:TRP:O	1:A:719:GLU:N	0.53	2.41	3	1
1:A:361:ILE:O	1:A:364:GLY:N	0.53	2.42	4	1
1:A:637:ILE:CG1	1:A:638:SER:H	0.53	2.17	5	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:544:HIS:CD2	1:A:544:HIS:C	0.53	2.87	6	1
1:A:251:ASP:OD1	1:A:252:ASP:N	0.53	2.42	7	1
1:A:455:ASP:OD2	1:A:636:ARG:NH2	0.53	2.41	7	1
1:A:498:LEU:HD22	1:A:499:ARG:N	0.53	2.19	8	1
1:A:393:MET:SD	1:A:394:HIS:N	0.53	2.82	9	1
1:A:584:ASN:ND2	1:A:586:ASN:OD1	0.53	2.42	9	1
1:A:181:GLU:C	1:A:182:ASN:ND2	0.53	2.67	10	1
1:A:626:VAL:HG12	1:A:627:ALA:H	0.53	1.63	10	1
1:A:248:ILE:C	1:A:250:LYS:N	0.53	2.66	7	7
1:A:405:LEU:O	1:A:408:ARG:N	0.53	2.42	4	3
1:A:262:GLU:N	1:A:262:GLU:OE1	0.53	2.39	7	2
1:A:317:ARG:O	1:A:319:TYR:CE1	0.53	2.62	2	1
1:A:465:MET:C	1:A:467:ALA:H	0.53	2.12	7	4
1:A:234:ASN:N	1:A:234:ASN:OD1	0.53	2.41	3	1
1:A:575:ASP:N	1:A:575:ASP:OD1	0.53	2.40	3	1
1:A:695:ASP:OD2	1:A:715:TRP:CZ2	0.53	2.62	3	1
1:A:514:LEU:N	1:A:514:LEU:HD22	0.53	2.19	7	2
1:A:720:LYS:C	1:A:722:SER:N	0.53	2.66	4	1
1:A:234:ASN:CG	1:A:549:HIS:CE1	0.53	2.87	5	1
1:A:512:PRO:C	1:A:514:LEU:H	0.53	2.11	5	2
1:A:116:GLN:OE1	1:A:534:TRP:CZ2	0.53	2.62	7	1
1:A:346:ILE:N	1:A:346:ILE:HD12	0.53	2.18	8	1
1:A:649:GLY:O	1:A:651:LEU:N	0.53	2.41	8	1
1:A:271:CYS:C	1:A:273:ASP:N	0.53	2.66	9	1
1:A:363:ASP:OD1	1:A:363:ASP:N	0.53	2.42	9	1
1:A:119:VAL:HG22	1:A:269:LEU:HD23	0.52	1.81	1	2
1:A:278:VAL:O	1:A:278:VAL:CG1	0.52	2.56	8	2
1:A:537:SER:OG	1:A:629:MET:SD	0.52	2.68	9	2
1:A:121:ALA:CB	1:A:270:ASP:OD1	0.52	2.57	2	2
1:A:213:PRO:C	1:A:215:GLN:N	0.52	2.67	6	6
1:A:423:GLY:C	1:A:425:MET:SD	0.52	2.92	2	1
1:A:175:ASP:O	1:A:179:PRO:N	0.52	2.42	3	1
1:A:416:ALA:O	1:A:418:ASN:N	0.52	2.42	3	2
1:A:25:LEU:N	1:A:26:PRO:CD	0.52	2.72	9	6
1:A:117:LEU:HD23	1:A:118:VAL:N	0.52	2.18	4	1
1:A:365:VAL:C	1:A:367:THR:N	0.52	2.66	6	1
1:A:586:ASN:O	1:A:586:ASN:CG	0.52	2.53	6	1
1:A:137:SER:O	1:A:141:ALA:N	0.52	2.42	9	2
1:A:237:HIS:CD2	1:A:237:HIS:N	0.52	2.77	7	1
1:A:46:LEU:HD23	1:A:46:LEU:O	0.52	2.04	8	1
1:A:632:ARG:CD	1:A:632:ARG:N	0.52	2.72	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:640:GLN:CD	1:A:640:GLN:N	0.52	2.67	9	1
1:A:77:ASP:C	1:A:79:ALA:N	0.52	2.67	10	1
1:A:661:GLU:OE2	1:A:662:ASN:ND2	0.52	2.42	10	1
1:A:200:ILE:CD1	1:A:210:LEU:HD21	0.52	2.35	1	1
1:A:202:LEU:C	1:A:204:ASN:N	0.52	2.67	6	8
1:A:298:LEU:N	1:A:298:LEU:CD1	0.52	2.73	1	3
1:A:600:VAL:HG11	1:A:660:LEU:CD2	0.52	2.34	1	1
1:A:7:GLN:OE1	1:A:8:SER:N	0.52	2.42	2	1
1:A:415:MET:O	1:A:416:ALA:CB	0.52	2.58	2	2
1:A:294:MET:HE1	1:A:373:TYR:CB	0.52	2.33	3	1
1:A:696:LEU:N	1:A:696:LEU:CD2	0.52	2.73	3	1
1:A:51:ARG:HH11	1:A:355:ASN:HD21	0.52	1.47	5	1
1:A:128:LEU:HD23	1:A:128:LEU:O	0.52	2.04	5	2
1:A:422:MET:N	1:A:447:ALA:HB2	0.52	2.20	5	1
1:A:35:PHE:O	1:A:37:ARG:N	0.52	2.42	7	1
1:A:123:ASN:OD1	1:A:124:ALA:N	0.52	2.42	10	2
1:A:393:MET:O	1:A:429:ARG:NH2	0.52	2.40	10	1
1:A:531:ASN:O	1:A:550:GLN:NE2	0.52	2.42	10	1
1:A:549:HIS:O	1:A:551:THR:N	0.52	2.42	10	1
1:A:291:LEU:HD23	1:A:291:LEU:O	0.52	2.03	1	1
1:A:108:GLU:OE2	1:A:387:TYR:CE1	0.52	2.62	2	1
1:A:643:ALA:O	1:A:646:LEU:N	0.52	2.41	3	1
1:A:38:ASN:ND2	1:A:39:PHE:N	0.52	2.57	4	1
1:A:243:ASP:OD1	1:A:244:ALA:N	0.52	2.42	10	2
1:A:584:ASN:CG	1:A:587:TRP:CZ3	0.52	2.87	4	1
1:A:488:ASN:ND2	1:A:576:LEU:HD21	0.52	2.19	5	1
1:A:37:ARG:NH2	1:A:41:GLU:OE1	0.52	2.41	6	1
1:A:373:TYR:CD2	1:A:377:VAL:HG11	0.52	2.40	8	1
1:A:494:LEU:O	1:A:497:GLY:N	0.52	2.40	8	1
1:A:522:LYS:NZ	1:A:522:LYS:CB	0.52	2.72	8	1
1:A:257:ASN:C	1:A:257:ASN:ND2	0.52	2.64	9	1
1:A:436:ARG:H	1:A:436:ARG:CD	0.52	2.16	9	1
1:A:263:ALA:HB1	1:A:541:ALA:CB	0.52	2.35	10	1
1:A:285:LEU:N	1:A:285:LEU:CD1	0.52	2.73	10	1
1:A:44:HIS:CE1	1:A:351:ASP:OD2	0.52	2.63	1	1
1:A:451:THR:OG1	1:A:534:TRP:NE1	0.52	2.42	2	1
1:A:456:ARG:O	1:A:460:GLU:N	0.52	2.41	6	2
1:A:177:SER:O	1:A:549:HIS:CE1	0.52	2.61	5	1
1:A:273:ASP:OD1	1:A:707:TYR:CE1	0.52	2.62	5	1
1:A:414:GLY:C	1:A:415:MET:SD	0.52	2.93	6	1
1:A:715:TRP:CE3	1:A:719:GLU:CD	0.52	2.88	6	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:182:ASN:N	1:A:182:ASN:OD1	0.52	2.41	7	1
1:A:436:ARG:NH2	1:A:437:SER:OG	0.52	2.42	9	1
1:A:278:VAL:HG23	1:A:717:LEU:CD2	0.52	2.35	10	1
1:A:531:ASN:ND2	1:A:552:ASN:CG	0.52	2.68	10	1
1:A:57:ARG:NE	1:A:57:ARG:H	0.52	2.01	1	1
1:A:534:TRP:CD1	1:A:534:TRP:N	0.52	2.77	2	1
1:A:691:LYS:NZ	1:A:691:LYS:CB	0.52	2.73	2	1
1:A:433:LEU:C	1:A:433:LEU:HD13	0.52	2.29	3	1
1:A:106:ASP:OD1	1:A:107:SER:N	0.52	2.42	10	2
1:A:378:GLN:CD	1:A:378:GLN:O	0.52	2.52	4	1
1:A:271:CYS:O	1:A:273:ASP:N	0.52	2.43	9	3
1:A:70:SER:O	1:A:71:ASN:ND2	0.52	2.42	6	1
1:A:583:GLU:OE2	1:A:644:ASN:ND2	0.52	2.43	6	1
1:A:635:LEU:O	1:A:637:ILE:N	0.52	2.43	7	1
1:A:239:GLU:N	1:A:239:GLU:OE1	0.52	2.43	9	1
1:A:433:LEU:N	1:A:433:LEU:CD1	0.52	2.72	9	1
1:A:701:VAL:CG2	1:A:702:LYS:NZ	0.52	2.73	9	1
1:A:148:ILE:O	1:A:150:GLN:OE1	0.52	2.27	1	1
1:A:505:GLY:O	1:A:532:THR:N	0.52	2.42	2	1
1:A:595:GLU:N	1:A:595:GLU:CD	0.52	2.68	10	2
1:A:276:ALA:O	1:A:713:HIS:NE2	0.52	2.43	4	1
1:A:606:TYR:CE2	1:A:631:ASP:O	0.52	2.63	4	1
1:A:706:GLY:O	1:A:708:THR:N	0.52	2.41	4	1
1:A:61:GLN:OE1	1:A:462:HIS:CD2	0.52	2.62	5	1
1:A:282:ASP:C	1:A:284:ILE:H	0.52	2.13	5	2
1:A:449:ILE:O	1:A:503:GLN:O	0.52	2.28	5	1
1:A:640:GLN:O	1:A:644:ASN:ND2	0.52	2.43	5	2
1:A:450:ASN:O	1:A:452:GLY:N	0.52	2.42	7	1
1:A:455:ASP:CG	1:A:637:ILE:HG23	0.52	2.30	8	1
1:A:570:GLU:N	1:A:570:GLU:OE1	0.52	2.42	8	1
1:A:594:GLN:OE1	1:A:594:GLN:N	0.52	2.42	9	1
1:A:227:THR:O	1:A:228:CYS:SG	0.52	2.67	10	1
1:A:541:ALA:O	1:A:543:LEU:N	0.52	2.43	10	1
1:A:188:VAL:CG1	1:A:189:VAL:N	0.52	2.72	7	7
1:A:279:ASP:OD1	1:A:279:ASP:N	0.52	2.42	1	1
1:A:547:HIS:ND1	1:A:547:HIS:N	0.52	2.57	1	2
1:A:576:LEU:C	1:A:576:LEU:CD1	0.52	2.81	1	1
1:A:641:HIS:NE2	1:A:645:TRP:CE2	0.52	2.77	1	1
1:A:150:GLN:NE2	1:A:162:ARG:CZ	0.52	2.72	3	1
1:A:204:ASN:O	1:A:204:ASN:ND2	0.52	2.39	3	1
1:A:161:GLN:CD	1:A:161:GLN:N	0.52	2.68	4	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:510:ALA:H	1:A:631:ASP:CG	0.52	2.11	4	1
1:A:142:LEU:HD12	1:A:143:TYR:H	0.52	1.64	5	1
1:A:632:ARG:NH2	1:A:709:GLU:OE2	0.52	2.43	6	1
1:A:488:ASN:ND2	1:A:492:SER:OG	0.52	2.42	7	1
1:A:601:GLN:NE2	1:A:622:ASP:OD2	0.52	2.42	7	1
1:A:489:ASN:CG	1:A:490:VAL:N	0.52	2.68	8	1
1:A:95:PRO:O	1:A:96:GLU:CB	0.52	2.56	3	2
1:A:210:LEU:C	1:A:212:THR:N	0.52	2.67	1	1
1:A:426:ASP:O	1:A:427:GLU:O	0.52	2.28	1	1
1:A:511:MET:O	1:A:511:MET:SD	0.52	2.67	1	1
1:A:581:VAL:O	1:A:581:VAL:CG1	0.52	2.57	1	2
1:A:44:HIS:CD2	1:A:44:HIS:O	0.52	2.62	2	2
1:A:253:PRO:O	1:A:255:HIS:CD2	0.52	2.61	2	1
1:A:254:ALA:O	1:A:256:ILE:N	0.52	2.42	7	3
1:A:373:TYR:CD1	1:A:373:TYR:C	0.52	2.88	2	1
1:A:642:ILE:HG23	1:A:643:ALA:N	0.52	2.20	2	1
1:A:699:LEU:C	1:A:701:VAL:N	0.52	2.68	3	2
1:A:631:ASP:C	1:A:633:ALA:H	0.52	2.12	9	4
1:A:650:ILE:O	1:A:650:ILE:CG2	0.52	2.58	7	2
1:A:557:GLN:NE2	1:A:557:GLN:H	0.52	2.01	6	1
1:A:115:PRO:CG	1:A:545:ALA:HB2	0.52	2.35	8	1
1:A:355:ASN:ND2	1:A:355:ASN:O	0.52	2.43	10	1
1:A:273:ASP:OD1	1:A:273:ASP:N	0.52	2.42	4	2
1:A:450:ASN:HD22	1:A:534:TRP:HE1	0.52	1.46	2	1
1:A:233:ASN:HD22	1:A:233:ASN:H	0.52	1.48	3	1
1:A:486:GLU:O	1:A:489:ASN:OD1	0.52	2.28	3	1
1:A:609:ARG:NE	1:A:613:GLN:HE21	0.52	2.02	5	1
1:A:485:TYR:CE2	1:A:489:ASN:OD1	0.52	2.63	9	1
1:A:657:GLN:CD	1:A:658:ALA:N	0.52	2.68	9	1
1:A:85:LEU:O	1:A:89:GLY:CA	0.52	2.58	9	4
1:A:226:PRO:C	1:A:228:CYS:H	0.52	2.12	1	4
1:A:296:GLY:O	1:A:313:LEU:CD2	0.52	2.58	1	1
1:A:139:TYR:CG	1:A:140:ASP:N	0.52	2.77	2	2
1:A:518:MET:O	1:A:521:GLN:N	0.52	2.42	8	3
1:A:645:TRP:C	1:A:647:ARG:N	0.52	2.68	6	2
1:A:88:LEU:HD23	1:A:88:LEU:O	0.52	2.04	5	4
1:A:233:ASN:C	1:A:235:GLY:N	0.52	2.66	9	3
1:A:465:MET:SD	1:A:465:MET:O	0.52	2.68	6	1
1:A:132:ASN:CG	1:A:132:ASN:O	0.52	2.53	7	1
1:A:140:ASP:N	1:A:140:ASP:OD1	0.52	2.41	9	1
1:A:485:TYR:CE2	1:A:489:ASN:ND2	0.52	2.78	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:436:ARG:CZ	1:A:499:ARG:HH12	0.52	2.17	10	1
1:A:628:LEU:N	1:A:628:LEU:CD2	0.52	2.73	10	1
1:A:125:ARG:HE	1:A:125:ARG:N	0.51	2.03	1	1
1:A:181:GLU:N	1:A:210:LEU:O	0.51	2.41	3	2
1:A:417:PRO:O	1:A:418:ASN:O	0.51	2.28	9	2
1:A:697:ILE:HD12	1:A:697:ILE:N	0.51	2.20	3	1
1:A:258:ASP:OD1	1:A:259:VAL:N	0.51	2.41	4	1
1:A:512:PRO:O	1:A:514:LEU:N	0.51	2.43	9	2
1:A:294:MET:SD	1:A:370:ILE:O	0.51	2.68	6	1
1:A:104:GLY:O	1:A:106:ASP:N	0.51	2.42	7	1
1:A:515:MET:C	1:A:515:MET:SD	0.51	2.93	8	1
1:A:445:ARG:O	1:A:446:VAL:O	0.51	2.28	2	2
1:A:191:PHE:CD1	1:A:229:ILE:CD1	0.51	2.93	2	1
1:A:565:PHE:O	1:A:567:ALA:N	0.51	2.43	6	4
1:A:701:VAL:CG2	1:A:702:LYS:N	0.51	2.74	2	2
1:A:704:PRO:C	1:A:706:GLY:N	0.51	2.67	5	3
1:A:132:ASN:O	1:A:132:ASN:ND2	0.51	2.42	6	2
1:A:182:ASN:HD22	1:A:183:GLY:N	0.51	2.02	4	1
1:A:355:ASN:C	1:A:357:ILE:N	0.51	2.66	4	2
1:A:622:ASP:C	1:A:624:HIS:H	0.51	2.12	4	1
1:A:267:THR:O	1:A:336:PHE:N	0.51	2.39	5	1
1:A:406:PHE:CE2	1:A:410:GLU:CD	0.51	2.88	5	1
1:A:56:GLU:OE1	1:A:56:GLU:N	0.51	2.43	6	1
1:A:244:ALA:O	1:A:246:GLY:N	0.51	2.43	8	2
1:A:534:TRP:CD1	1:A:535:VAL:N	0.51	2.77	6	1
1:A:108:GLU:OE1	1:A:108:GLU:N	0.51	2.43	1	1
1:A:254:ALA:C	1:A:256:ILE:N	0.51	2.68	8	4
1:A:276:ALA:HB1	1:A:713:HIS:CD2	0.51	2.40	1	1
1:A:339:ASN:CB	1:A:389:VAL:O	0.51	2.58	1	1
1:A:366:MET:C	1:A:368:GLY:N	0.51	2.68	1	3
1:A:456:ARG:NH1	1:A:485:TYR:CE1	0.51	2.77	1	1
1:A:600:VAL:O	1:A:603:ILE:N	0.51	2.43	10	2
1:A:281:GLU:N	1:A:281:GLU:OE1	0.51	2.43	2	1
1:A:337:ILE:N	1:A:337:ILE:CD1	0.51	2.73	3	1
1:A:626:VAL:CG1	1:A:627:ALA:N	0.51	2.73	3	2
1:A:609:ARG:CZ	1:A:613:GLN:OE1	0.51	2.59	4	1
1:A:290:LEU:N	1:A:290:LEU:HD22	0.51	2.20	6	2
1:A:418:ASN:N	1:A:418:ASN:HD22	0.51	2.04	7	1
1:A:108:GLU:O	1:A:112:GLN:N	0.51	2.40	9	1
1:A:134:ARG:C	1:A:135:TRP:CD1	0.51	2.88	9	1
1:A:225:ALA:N	1:A:226:PRO:CD	0.51	2.73	9	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:68:HIS:CD2	1:A:464:VAL:CG1	0.51	2.94	10	1
1:A:119:VAL:HG21	1:A:269:LEU:CD2	0.51	2.35	2	1
1:A:213:PRO:C	1:A:215:GLN:H	0.51	2.14	3	6
1:A:24:VAL:O	1:A:28:THR:OG1	0.51	2.24	4	4
1:A:351:ASP:OD1	1:A:352:SER:N	0.51	2.44	3	2
1:A:525:GLN:NE2	1:A:530:ALA:CB	0.51	2.74	4	1
1:A:538:PRO:O	1:A:541:ALA:N	0.51	2.42	4	2
1:A:294:MET:O	1:A:294:MET:SD	0.51	2.68	5	1
1:A:488:ASN:O	1:A:492:SER:N	0.51	2.44	10	2
1:A:587:TRP:CE3	1:A:591:GLU:CD	0.51	2.89	5	1
1:A:669:GLN:O	1:A:669:GLN:NE2	0.51	2.43	7	2
1:A:690:PHE:O	1:A:694:SER:N	0.51	2.42	5	1
1:A:489:ASN:O	1:A:493:GLY:N	0.51	2.42	6	1
1:A:89:GLY:O	1:A:90:TYR:CG	0.51	2.63	7	1
1:A:406:PHE:CD1	1:A:406:PHE:C	0.51	2.87	7	1
1:A:455:ASP:C	1:A:456:ARG:HE	0.51	2.14	7	1
1:A:57:ARG:NH2	1:A:427:GLU:O	0.51	2.43	8	1
1:A:531:ASN:CG	1:A:548:TYR:HH	0.51	2.13	8	1
1:A:654:GLU:N	1:A:654:GLU:OE1	0.51	2.44	8	1
1:A:134:ARG:O	1:A:135:TRP:C	0.51	2.53	9	1
1:A:434:ASN:ND2	1:A:436:ARG:HH12	0.51	2.03	9	1
1:A:671:ASN:ND2	1:A:671:ASN:O	0.51	2.43	9	1
1:A:701:VAL:HG23	1:A:702:LYS:HG3	0.51	1.82	9	1
1:A:112:GLN:CG	1:A:113:ALA:N	0.51	2.74	10	1
1:A:321:ALA:N	1:A:325:SER:O	0.51	2.41	10	1
1:A:427:GLU:OE1	1:A:427:GLU:N	0.51	2.43	10	1
1:A:557:GLN:O	1:A:557:GLN:NE2	0.51	2.43	1	1
1:A:126:TYR:O	1:A:130:ALA:HB3	0.51	2.05	2	1
1:A:359:GLU:C	1:A:361:ILE:H	0.51	2.14	2	2
1:A:120:PRO:O	1:A:121:ALA:C	0.51	2.53	10	3
1:A:215:GLN:O	1:A:232:LYS:N	0.51	2.38	3	1
1:A:439:ILE:HD12	1:A:498:LEU:HD21	0.51	1.83	3	1
1:A:237:HIS:ND1	1:A:262:GLU:OE1	0.51	2.44	4	1
1:A:406:PHE:CE2	1:A:410:GLU:OE1	0.51	2.64	5	1
1:A:511:MET:N	1:A:512:PRO:HD2	0.51	2.21	5	1
1:A:416:ALA:O	1:A:417:PRO:O	0.51	2.28	8	1
1:A:604:LEU:HD13	1:A:667:VAL:CG2	0.51	2.36	8	1
1:A:291:LEU:O	1:A:294:MET:N	0.51	2.42	10	1
1:A:116:GLN:C	1:A:116:GLN:OE1	0.51	2.53	1	1
1:A:202:LEU:C	1:A:204:ASN:H	0.51	2.14	6	8
1:A:239:GLU:OE2	1:A:239:GLU:N	0.51	2.43	1	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:15:ASN:ND2	1:A:284:ILE:HD13	0.51	2.21	3	1
1:A:132:ASN:C	1:A:134:ARG:N	0.51	2.65	3	2
1:A:249:GLY:C	1:A:251:ASP:H	0.51	2.14	7	2
1:A:290:LEU:HD12	1:A:290:LEU:N	0.51	2.21	4	1
1:A:329:LEU:O	1:A:330:HIS:CD2	0.51	2.64	4	1
1:A:123:ASN:OD1	1:A:610:TRP:CZ2	0.51	2.64	5	1
1:A:406:PHE:CZ	1:A:410:GLU:CD	0.51	2.89	5	1
1:A:481:TRP:CD1	1:A:481:TRP:N	0.51	2.76	5	1
1:A:290:LEU:N	1:A:290:LEU:CD2	0.51	2.73	6	2
1:A:338:ARG:HH22	1:A:454:LEU:HD13	0.51	1.65	6	1
1:A:410:GLU:CG	1:A:420:LEU:HD13	0.51	2.35	6	1
1:A:715:TRP:CZ3	1:A:719:GLU:OE2	0.51	2.63	6	1
1:A:340:VAL:CG1	1:A:341:GLY:N	0.51	2.73	8	1
1:A:263:ALA:HB1	1:A:541:ALA:HB3	0.51	1.83	10	1
1:A:271:CYS:SG	1:A:636:ARG:CD	0.51	2.99	1	1
1:A:104:GLY:O	1:A:105:ILE:CG2	0.51	2.58	2	2
1:A:134:ARG:O	1:A:135:TRP:O	0.51	2.28	9	2
1:A:294:MET:C	1:A:296:GLY:H	0.51	2.14	3	1
1:A:399:VAL:CG1	1:A:403:ASN:ND2	0.51	2.74	3	1
1:A:410:GLU:CG	1:A:411:THR:N	0.51	2.74	3	2
1:A:581:VAL:O	1:A:581:VAL:HG23	0.51	2.03	3	1
1:A:192:LYS:NZ	1:A:199:ARG:HE	0.51	2.04	4	1
1:A:509:TRP:CD1	1:A:509:TRP:N	0.51	2.72	4	2
1:A:564:GLU:C	1:A:566:ASN:N	0.51	2.67	10	2
1:A:512:PRO:C	1:A:514:LEU:N	0.51	2.66	9	2
1:A:343:LEU:C	1:A:345:THR:N	0.51	2.69	6	1
1:A:487:ARG:C	1:A:489:ASN:HD22	0.51	2.14	8	1
1:A:603:ILE:CG2	1:A:604:LEU:N	0.51	2.73	9	1
1:A:312:LYS:CB	1:A:312:LYS:NZ	0.51	2.74	1	2
1:A:403:ASN:HD22	1:A:441:GLN:HE22	0.51	1.49	1	1
1:A:415:MET:O	1:A:415:MET:SD	0.51	2.68	2	1
1:A:436:ARG:NE	1:A:492:SER:OG	0.51	2.43	2	1
1:A:290:LEU:C	1:A:292:GLY:N	0.51	2.66	10	2
1:A:430:ARG:C	1:A:432:SER:N	0.51	2.68	5	1
1:A:498:LEU:HD13	1:A:502:ALA:HB2	0.51	1.83	5	1
1:A:593:GLN:NE2	1:A:655:GLN:OE1	0.51	2.43	5	1
1:A:273:ASP:O	1:A:632:ARG:NH1	0.51	2.43	6	1
1:A:343:LEU:O	1:A:345:THR:N	0.51	2.43	6	1
1:A:504:ILE:O	1:A:504:ILE:HG22	0.51	2.05	8	3
1:A:429:ARG:NH2	1:A:460:GLU:OE2	0.51	2.44	8	1
1:A:600:VAL:CG2	1:A:601:GLN:N	0.51	2.74	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:123:ASN:CG	1:A:124:ALA:N	0.51	2.69	10	1
1:A:176:GLU:O	1:A:548:TYR:CD1	0.51	2.63	10	1
1:A:592:ILE:HG23	1:A:593:GLN:N	0.51	2.20	10	1
1:A:414:GLY:C	1:A:416:ALA:N	0.51	2.66	7	2
1:A:418:ASN:CG	1:A:419:THR:N	0.51	2.68	2	2
1:A:487:ARG:O	1:A:490:VAL:N	0.51	2.44	1	1
1:A:540:ALA:O	1:A:544:HIS:CD2	0.51	2.64	2	1
1:A:132:ASN:O	1:A:134:ARG:N	0.51	2.44	3	1
1:A:394:HIS:NE2	1:A:438:CYS:CB	0.51	2.73	4	1
1:A:134:ARG:NH1	1:A:262:GLU:OE1	0.51	2.39	5	1
1:A:465:MET:SD	1:A:465:MET:C	0.51	2.94	5	1
1:A:148:ILE:HG22	1:A:162:ARG:HH22	0.51	1.66	6	1
1:A:325:SER:O	1:A:326:GLU:HB2	0.51	2.06	8	1
1:A:582:ALA:C	1:A:584:ASN:H	0.51	2.14	9	1
1:A:183:GLY:O	1:A:184:SER:HB2	0.51	2.05	10	1
1:A:549:HIS:C	1:A:551:THR:N	0.51	2.69	10	1
1:A:637:ILE:CG2	1:A:641:HIS:NE2	0.51	2.73	10	1
1:A:189:VAL:CG2	1:A:190:ALA:N	0.51	2.74	9	8
1:A:550:GLN:C	1:A:550:GLN:NE2	0.51	2.69	1	1
1:A:28:THR:O	1:A:30:LEU:N	0.51	2.43	3	2
1:A:233:ASN:O	1:A:233:ASN:ND2	0.51	2.44	3	1
1:A:524:ASP:OD1	1:A:524:ASP:N	0.51	2.44	3	2
1:A:134:ARG:N	1:A:333:SER:OG	0.51	2.44	4	1
1:A:205:GLY:O	1:A:206:LYS:C	0.51	2.54	4	1
1:A:494:LEU:HD12	1:A:495:PHE:N	0.51	2.21	4	1
1:A:459:ASP:OD1	1:A:459:ASP:N	0.51	2.43	5	1
1:A:581:VAL:O	1:A:581:VAL:CG2	0.51	2.59	6	1
1:A:121:ALA:O	1:A:122:MET:SD	0.51	2.69	7	1
1:A:144:GLY:O	1:A:619:LYS:NZ	0.51	2.42	7	2
1:A:330:HIS:C	1:A:332:ARG:N	0.51	2.69	8	1
1:A:147:ILE:HG22	1:A:147:ILE:O	0.51	2.06	10	1
1:A:564:GLU:O	1:A:566:ASN:N	0.51	2.44	10	1
1:A:47:ALA:HB1	1:A:355:ASN:HD21	0.50	1.67	1	1
1:A:119:VAL:CG2	1:A:269:LEU:HD23	0.50	2.35	1	1
1:A:131:ALA:C	1:A:133:ALA:H	0.50	2.15	1	2
1:A:103:THR:CG2	1:A:104:GLY:N	0.50	2.74	2	2
1:A:137:SER:OG	1:A:139:TYR:CD2	0.50	2.60	2	1
1:A:379:LYS:O	1:A:380:ASN:ND2	0.50	2.45	2	2
1:A:219:TYR:O	1:A:320:THR:N	0.50	2.40	4	3
1:A:272:GLU:N	1:A:272:GLU:CD	0.50	2.69	3	1
1:A:574:ASP:OD1	1:A:574:ASP:N	0.50	2.43	3	3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:200:ILE:HD13	1:A:200:ILE:H	0.50	1.65	4	1
1:A:197:GLN:OE1	1:A:216:PHE:CG	0.50	2.64	5	1
1:A:134:ARG:NE	1:A:332:ARG:O	0.50	2.42	6	1
1:A:234:ASN:CG	1:A:548:TYR:CE2	0.50	2.89	6	1
1:A:336:PHE:CE1	1:A:389:VAL:HG13	0.50	2.41	6	1
1:A:65:ASP:N	1:A:65:ASP:OD1	0.50	2.44	7	2
1:A:487:ARG:O	1:A:489:ASN:ND2	0.50	2.44	8	1
1:A:131:ALA:O	1:A:333:SER:OG	0.50	2.29	9	1
1:A:32:ALA:O	1:A:35:PHE:N	0.50	2.44	10	1
1:A:121:ALA:O	1:A:286:LEU:HD21	0.50	2.06	1	1
1:A:202:LEU:O	1:A:204:ASN:N	0.50	2.43	6	6
1:A:282:ASP:C	1:A:284:ILE:N	0.50	2.66	7	5
1:A:119:VAL:O	1:A:120:PRO:C	0.50	2.54	3	3
1:A:175:ASP:OD1	1:A:176:GLU:N	0.50	2.43	3	1
1:A:316:ASP:OD1	1:A:317:ARG:N	0.50	2.41	3	1
1:A:601:GLN:NE2	1:A:622:ASP:OD1	0.50	2.44	3	1
1:A:378:GLN:O	1:A:378:GLN:CG	0.50	2.58	4	1
1:A:514:LEU:N	1:A:514:LEU:CD2	0.50	2.74	7	2
1:A:7:GLN:O	1:A:8:SER:C	0.50	2.52	6	3
1:A:323:ASP:OD1	1:A:324:GLY:N	0.50	2.44	5	1
1:A:326:GLU:CD	1:A:326:GLU:N	0.50	2.69	6	1
1:A:257:ASN:OD1	1:A:258:ASP:N	0.50	2.44	7	1
1:A:530:ALA:O	1:A:553:VAL:HG11	0.50	2.06	8	1
1:A:112:GLN:NE2	1:A:235:GLY:O	0.50	2.44	1	1
1:A:454:LEU:C	1:A:456:ARG:N	0.50	2.68	8	4
1:A:716:ARG:O	1:A:719:GLU:N	0.50	2.43	1	1
1:A:103:THR:OG1	1:A:104:GLY:N	0.50	2.43	4	1
1:A:457:THR:O	1:A:459:ASP:N	0.50	2.44	4	2
1:A:465:MET:SD	1:A:640:GLN:OE1	0.50	2.69	4	1
1:A:123:ASN:HD21	1:A:716:ARG:HH22	0.50	1.49	5	1
1:A:389:VAL:HG12	1:A:423:GLY:H	0.50	1.67	5	1
1:A:522:LYS:HZ1	1:A:544:HIS:CG	0.50	2.25	5	1
1:A:194:VAL:HG21	1:A:199:ARG:HG3	0.50	1.84	8	2
1:A:222:ASP:OD1	1:A:222:ASP:N	0.50	2.42	6	1
1:A:242:ILE:H	1:A:242:ILE:CD1	0.50	2.20	6	1
1:A:21:ASP:O	1:A:26:PRO:CG	0.50	2.59	7	1
1:A:242:ILE:N	1:A:242:ILE:HD13	0.50	2.21	7	2
1:A:345:THR:O	1:A:346:ILE:HG23	0.50	2.07	9	1
1:A:549:HIS:CG	1:A:550:GLN:N	0.50	2.78	9	1
1:A:293:LEU:N	1:A:293:LEU:CD2	0.50	2.74	10	1
1:A:455:ASP:OD1	1:A:455:ASP:N	0.50	2.45	10	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:279:ASP:C	1:A:281:GLU:N	0.50	2.69	2	3
1:A:337:ILE:HG22	1:A:338:ARG:H	0.50	1.65	1	1
1:A:698:PHE:C	1:A:700:GLY:H	0.50	2.14	2	5
1:A:412:MET:SD	1:A:412:MET:C	0.50	2.94	3	1
1:A:522:LYS:HB2	1:A:522:LYS:HZ2	0.50	1.66	3	1
1:A:234:ASN:ND2	1:A:548:TYR:CE2	0.50	2.79	6	1
1:A:696:LEU:O	1:A:696:LEU:HD23	0.50	2.06	6	1
1:A:9:ARG:NH1	1:A:44:HIS:CG	0.50	2.79	9	1
1:A:61:GLN:NE2	1:A:430:ARG:NH2	0.50	2.58	10	1
1:A:345:THR:HG22	1:A:346:ILE:N	0.50	2.19	10	1
1:A:668:ASP:O	1:A:671:ASN:N	0.50	2.36	10	1
1:A:106:ASP:O	1:A:107:SER:C	0.50	2.54	5	5
1:A:441:GLN:O	1:A:441:GLN:NE2	0.50	2.45	1	1
1:A:148:ILE:O	1:A:150:GLN:N	0.50	2.44	2	1
1:A:512:PRO:O	1:A:515:MET:SD	0.50	2.69	4	2
1:A:290:LEU:HD13	1:A:290:LEU:O	0.50	2.06	3	2
1:A:646:LEU:HD13	1:A:646:LEU:O	0.50	2.07	3	2
1:A:136:GLY:O	1:A:137:SER:OG	0.50	2.29	4	2
1:A:444:ASN:ND2	1:A:444:ASN:N	0.50	2.56	6	1
1:A:339:ASN:N	1:A:339:ASN:HD22	0.50	2.04	7	1
1:A:417:PRO:O	1:A:418:ASN:C	0.50	2.53	9	2
1:A:336:PHE:CE2	1:A:387:TYR:CD2	0.50	2.99	10	1
1:A:526:LEU:HD11	1:A:551:THR:O	0.50	2.06	10	1
1:A:459:ASP:O	1:A:460:GLU:C	0.50	2.55	10	2
1:A:349:ILE:HD11	1:A:359:GLU:OE1	0.50	2.06	2	1
1:A:630:GLU:N	1:A:630:GLU:OE1	0.50	2.45	2	1
1:A:635:LEU:C	1:A:637:ILE:N	0.50	2.68	7	2
1:A:137:SER:O	1:A:141:ALA:CB	0.50	2.60	9	2
1:A:237:HIS:ND1	1:A:237:HIS:N	0.50	2.58	4	2
1:A:361:ILE:O	1:A:363:ASP:N	0.50	2.45	9	2
1:A:457:THR:C	1:A:459:ASP:N	0.50	2.70	4	2
1:A:557:GLN:N	1:A:557:GLN:OE1	0.50	2.45	4	1
1:A:631:ASP:C	1:A:633:ALA:N	0.50	2.68	9	5
1:A:489:ASN:OD1	1:A:490:VAL:N	0.50	2.43	6	1
1:A:493:GLY:C	1:A:495:PHE:N	0.50	2.69	6	1
1:A:500:GLY:O	1:A:501:LYS:CG	0.50	2.60	6	1
1:A:35:PHE:C	1:A:37:ARG:N	0.50	2.69	7	1
1:A:341:GLY:C	1:A:343:LEU:N	0.50	2.70	7	1
1:A:67:TRP:O	1:A:68:HIS:C	0.50	2.53	8	1
1:A:152:GLY:O	1:A:153:ALA:C	0.50	2.54	10	2
1:A:553:VAL:HG23	1:A:554:GLN:N	0.50	2.22	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:434:ASN:ND2	1:A:436:ARG:NH1	0.50	2.60	9	1
1:A:388:ILE:HD13	1:A:388:ILE:N	0.50	2.22	1	1
1:A:21:ASP:HA	1:A:25:LEU:HD12	0.50	1.83	2	1
1:A:198:LEU:CD1	1:A:198:LEU:N	0.50	2.75	9	4
1:A:442:ALA:HA	1:A:446:VAL:HG11	0.50	1.82	10	3
1:A:455:ASP:C	1:A:457:THR:N	0.50	2.68	8	3
1:A:513:ASP:OD1	1:A:513:ASP:N	0.50	2.44	4	1
1:A:704:PRO:O	1:A:708:THR:OG1	0.50	2.29	4	1
1:A:197:GLN:CD	1:A:198:LEU:H	0.50	2.15	5	1
1:A:279:ASP:CG	1:A:280:ALA:N	0.50	2.70	5	1
1:A:340:VAL:CG2	1:A:341:GLY:N	0.50	2.75	5	1
1:A:9:ARG:HH11	1:A:44:HIS:CG	0.50	2.25	9	1
1:A:129:ASN:C	1:A:129:ASN:HD22	0.50	2.14	2	1
1:A:450:ASN:O	1:A:451:THR:CB	0.50	2.60	10	2
1:A:496:CYS:O	1:A:497:GLY:C	0.50	2.55	2	2
1:A:455:ASP:O	1:A:457:THR:N	0.50	2.45	8	3
1:A:405:LEU:N	1:A:405:LEU:HD12	0.50	2.22	5	1
1:A:663:MET:O	1:A:666:VAL:N	0.50	2.42	6	2
1:A:67:TRP:CH2	1:A:84:PHE:CE2	0.50	3.00	8	1
1:A:134:ARG:CZ	1:A:330:HIS:O	0.50	2.60	8	1
1:A:397:GLN:CD	1:A:397:GLN:N	0.50	2.69	8	1
1:A:38:ASN:O	1:A:42:ILE:HG22	0.50	2.07	10	1
1:A:159:ASP:O	1:A:161:GLN:N	0.50	2.45	9	4
1:A:539:THR:C	1:A:541:ALA:N	0.50	2.70	1	1
1:A:282:ASP:O	1:A:283:LYS:C	0.50	2.54	4	7
1:A:420:LEU:O	1:A:445:ARG:CB	0.50	2.60	2	1
1:A:547:HIS:N	1:A:547:HIS:CD2	0.50	2.77	4	1
1:A:368:GLY:O	1:A:371:ALA:N	0.50	2.45	5	1
1:A:518:MET:O	1:A:520:SER:N	0.50	2.44	8	2
1:A:119:VAL:HG13	1:A:267:THR:OG1	0.50	2.06	7	1
1:A:393:MET:SD	1:A:393:MET:C	0.50	2.95	9	2
1:A:595:GLU:O	1:A:599:ASN:ND2	0.49	2.45	1	1
1:A:116:GLN:NE2	1:A:266:SER:OG	0.49	2.45	2	1
1:A:439:ILE:HD11	1:A:449:ILE:HD11	0.49	1.84	2	1
1:A:505:GLY:O	1:A:506:LYS:HB2	0.49	2.05	2	2
1:A:441:GLN:C	1:A:441:GLN:NE2	0.49	2.70	4	1
1:A:637:ILE:HG23	1:A:638:SER:N	0.49	2.22	4	1
1:A:522:LYS:HZ1	1:A:544:HIS:CB	0.49	2.20	5	1
1:A:197:GLN:NE2	1:A:198:LEU:O	0.49	2.45	6	1
1:A:365:VAL:O	1:A:367:THR:N	0.49	2.45	6	1
1:A:464:VAL:C	1:A:466:GLU:N	0.49	2.69	6	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:429:ARG:O	1:A:430:ARG:CB	0.49	2.60	7	1
1:A:330:HIS:C	1:A:332:ARG:H	0.49	2.14	8	1
1:A:299:GLN:NE2	1:A:299:GLN:O	0.49	2.44	9	1
1:A:142:LEU:HD12	1:A:142:LEU:H	0.49	1.68	1	1
1:A:444:ASN:N	1:A:444:ASN:OD1	0.49	2.43	1	3
1:A:316:ASP:OD2	1:A:382:ARG:NH1	0.49	2.45	2	1
1:A:249:GLY:C	1:A:251:ASP:N	0.49	2.68	7	2
1:A:584:ASN:ND2	1:A:645:TRP:NE1	0.49	2.60	6	1
1:A:290:LEU:O	1:A:290:LEU:HD23	0.49	2.07	7	1
1:A:649:GLY:C	1:A:651:LEU:N	0.49	2.68	8	2
1:A:35:PHE:O	1:A:39:PHE:CD1	0.49	2.65	8	2
1:A:335:LEU:O	1:A:387:TYR:CE2	0.49	2.64	8	1
1:A:344:MET:SD	1:A:707:TYR:CG	0.49	3.05	8	1
1:A:169:TRP:CE2	1:A:173:PHE:CE1	0.49	3.00	10	1
1:A:336:PHE:CZ	1:A:387:TYR:CD2	0.49	3.00	10	1
1:A:491:LEU:C	1:A:493:GLY:N	0.49	2.68	10	1
1:A:695:ASP:N	1:A:695:ASP:OD1	0.49	2.42	10	1
1:A:176:GLU:N	1:A:176:GLU:CD	0.49	2.71	1	2
1:A:176:GLU:N	1:A:176:GLU:OE1	0.49	2.45	1	2
1:A:47:ALA:N	1:A:48:PRO:CD	0.49	2.75	2	2
1:A:105:ILE:C	1:A:105:ILE:HD12	0.49	2.32	4	1
1:A:202:LEU:H	1:A:207:GLU:H	0.49	1.49	4	1
1:A:367:THR:CG2	1:A:368:GLY:N	0.49	2.76	5	1
1:A:376:LYS:CG	1:A:377:VAL:N	0.49	2.75	5	1
1:A:416:ALA:H	1:A:417:PRO:HD2	0.49	1.66	5	1
1:A:637:ILE:CG1	1:A:638:SER:N	0.49	2.76	5	1
1:A:244:ALA:C	1:A:246:GLY:N	0.49	2.66	8	2
1:A:635:LEU:HD22	1:A:636:ARG:NH2	0.49	2.23	6	1
1:A:565:PHE:CD1	1:A:565:PHE:N	0.49	2.80	7	1
1:A:509:TRP:O	1:A:509:TRP:CD1	0.49	2.65	8	1
1:A:640:GLN:NE2	1:A:705:ASN:O	0.49	2.45	8	1
1:A:233:ASN:ND2	1:A:234:ASN:H	0.49	2.06	9	1
1:A:335:LEU:O	1:A:387:TYR:CG	0.49	2.64	9	1
1:A:230:LEU:C	1:A:230:LEU:CD1	0.49	2.81	10	1
1:A:30:LEU:HD23	1:A:31:ASP:H	0.49	1.67	1	1
1:A:292:GLY:O	1:A:295:GLN:N	0.49	2.41	9	3
1:A:427:GLU:CD	1:A:427:GLU:N	0.49	2.70	1	2
1:A:428:GLU:O	1:A:429:ARG:CB	0.49	2.58	1	1
1:A:600:VAL:O	1:A:601:GLN:C	0.49	2.55	1	5
1:A:641:HIS:O	1:A:642:ILE:C	0.49	2.55	7	3
1:A:600:VAL:HG11	1:A:663:MET:SD	0.49	2.47	2	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:128:LEU:HD21	1:A:298:LEU:O	0.49	2.07	3	1
1:A:372:LEU:HA	1:A:375:LEU:HD12	0.49	1.84	3	2
1:A:42:ILE:O	1:A:46:LEU:N	0.49	2.39	6	2
1:A:290:LEU:HD22	1:A:370:ILE:HD13	0.49	1.83	7	1
1:A:446:VAL:HG23	1:A:447:ALA:N	0.49	2.22	7	1
1:A:498:LEU:HD22	1:A:502:ALA:CB	0.49	2.37	7	1
1:A:57:ARG:NE	1:A:427:GLU:OE1	0.49	2.45	8	1
1:A:177:SER:OG	1:A:178:LEU:N	0.49	2.46	10	1
1:A:276:ALA:HB2	1:A:610:TRP:CZ2	0.49	2.43	10	1
1:A:293:LEU:N	1:A:293:LEU:HD22	0.49	2.21	10	1
1:A:121:ALA:O	1:A:286:LEU:CD2	0.49	2.59	1	2
1:A:439:ILE:O	1:A:440:ALA:C	0.49	2.55	8	9
1:A:448:PHE:CE2	1:A:498:LEU:HD21	0.49	2.42	1	1
1:A:43:VAL:CG1	1:A:359:GLU:OE2	0.49	2.61	2	1
1:A:105:ILE:HD13	1:A:105:ILE:H	0.49	1.68	2	1
1:A:237:HIS:O	1:A:262:GLU:OE1	0.49	2.29	7	3
1:A:449:ILE:N	1:A:449:ILE:CD1	0.49	2.68	2	2
1:A:637:ILE:H	1:A:637:ILE:CD1	0.49	2.16	2	1
1:A:705:ASN:C	1:A:707:TYR:N	0.49	2.71	2	2
1:A:321:ALA:C	1:A:323:ASP:N	0.49	2.67	3	1
1:A:288:ARG:O	1:A:292:GLY:N	0.49	2.46	4	1
1:A:148:ILE:N	1:A:149:PRO:HD2	0.49	2.19	5	2
1:A:148:ILE:H	1:A:149:PRO:CD	0.49	2.18	5	2
1:A:56:GLU:OE1	1:A:56:GLU:CA	0.49	2.61	6	1
1:A:134:ARG:HE	1:A:332:ARG:C	0.49	2.15	6	1
1:A:242:ILE:N	1:A:242:ILE:CD1	0.49	2.75	6	2
1:A:267:THR:HG22	1:A:334:LEU:O	0.49	2.08	7	1
1:A:482:ILE:HG23	1:A:483:LYS:N	0.49	2.21	10	2
1:A:664:ALA:O	1:A:668:ASP:OD1	0.49	2.30	7	1
1:A:134:ARG:H	1:A:134:ARG:HD3	0.49	1.68	10	1
1:A:342:HIS:O	1:A:345:THR:HG23	0.49	2.07	1	1
1:A:565:PHE:C	1:A:567:ALA:H	0.49	2.16	6	4
1:A:143:TYR:OH	1:A:159:ASP:N	0.49	2.40	3	1
1:A:299:GLN:NE2	1:A:312:LYS:NZ	0.49	2.61	4	1
1:A:604:LEU:O	1:A:608:VAL:CG1	0.49	2.61	4	5
1:A:198:LEU:HD13	1:A:216:PHE:CE1	0.49	2.42	5	1
1:A:329:LEU:N	1:A:329:LEU:HD12	0.49	2.23	5	1
1:A:356:GLU:O	1:A:357:ILE:O	0.49	2.30	10	2
1:A:128:LEU:HD12	1:A:299:GLN:CB	0.49	2.38	7	1
1:A:339:ASN:O	1:A:391:PRO:CD	0.49	2.61	7	1
1:A:628:LEU:HD22	1:A:628:LEU:H	0.49	1.65	10	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:241:GLN:HB2	1:A:260:ILE:HD11	0.49	1.83	1	1
1:A:663:MET:O	1:A:664:ALA:C	0.49	2.56	9	8
1:A:103:THR:CG2	1:A:104:GLY:H	0.49	2.17	2	1
1:A:604:LEU:O	1:A:604:LEU:HD23	0.49	2.07	7	2
1:A:76:LYS:NZ	1:A:76:LYS:CB	0.49	2.76	4	1
1:A:669:GLN:C	1:A:671:ASN:N	0.49	2.69	4	2
1:A:632:ARG:N	1:A:632:ARG:NE	0.49	2.61	5	1
1:A:533:ALA:HB3	1:A:544:HIS:CE1	0.49	2.43	7	1
1:A:231:LEU:N	1:A:238:ILE:O	0.49	2.44	10	1
1:A:333:SER:C	1:A:382:ARG:HH22	0.49	2.16	10	1
1:A:345:THR:HG21	1:A:360:GLY:CA	0.49	2.38	10	1
1:A:127:ALA:O	1:A:131:ALA:CB	0.49	2.61	2	2
1:A:535:VAL:HG21	1:A:541:ALA:HB2	0.49	1.84	1	1
1:A:17:LYS:CB	1:A:17:LYS:NZ	0.49	2.75	2	1
1:A:28:THR:C	1:A:30:LEU:N	0.49	2.69	3	2
1:A:342:HIS:CE1	1:A:343:LEU:CD1	0.49	2.96	4	1
1:A:669:GLN:NE2	1:A:669:GLN:C	0.49	2.71	7	2
1:A:7:GLN:O	1:A:9:ARG:N	0.49	2.46	6	1
1:A:68:HIS:CD2	1:A:81:TYR:OH	0.49	2.65	6	1
1:A:454:LEU:CD2	1:A:455:ASP:H	0.49	2.21	6	1
1:A:625:ASN:N	1:A:625:ASN:ND2	0.49	2.60	9	1
1:A:666:VAL:O	1:A:669:GLN:N	0.49	2.42	10	1
1:A:282:ASP:N	1:A:282:ASP:OD1	0.49	2.45	6	2
1:A:286:LEU:C	1:A:286:LEU:HD23	0.49	2.33	1	2
1:A:315:ASP:O	1:A:316:ASP:C	0.49	2.56	1	2
1:A:371:ALA:C	1:A:373:TYR:N	0.49	2.70	1	4
1:A:450:ASN:N	1:A:450:ASN:HD22	0.49	2.05	1	1
1:A:584:ASN:CG	1:A:585:ALA:H	0.49	2.16	2	1
1:A:640:GLN:NE2	1:A:707:TYR:CE1	0.49	2.81	2	1
1:A:271:CYS:O	1:A:271:CYS:SG	0.49	2.71	3	1
1:A:318:HIS:CD2	1:A:318:HIS:N	0.49	2.81	8	3
1:A:382:ARG:NE	1:A:382:ARG:CA	0.49	2.76	4	1
1:A:494:LEU:HD12	1:A:494:LEU:C	0.49	2.32	4	1
1:A:529:GLY:O	1:A:530:ALA:O	0.49	2.31	4	1
1:A:592:ILE:O	1:A:596:LEU:N	0.49	2.41	4	1
1:A:576:LEU:C	1:A:578:THR:H	0.49	2.14	6	2
1:A:109:ILE:N	1:A:109:ILE:HD13	0.49	2.20	7	1
1:A:298:LEU:HD12	1:A:298:LEU:N	0.49	2.13	9	2
1:A:424:ILE:O	1:A:449:ILE:HG21	0.49	2.07	7	1
1:A:104:GLY:O	1:A:105:ILE:C	0.49	2.56	10	1
1:A:114:GLY:N	1:A:265:ILE:HD11	0.49	2.22	1	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:612:GLU:CG	1:A:613:GLN:N	0.49	2.75	1	1
1:A:313:LEU:O	1:A:314:ASN:C	0.49	2.53	7	3
1:A:275:VAL:HG22	1:A:276:ALA:N	0.49	2.22	4	1
1:A:57:ARG:O	1:A:60:ILE:HG22	0.49	2.07	5	1
1:A:103:THR:O	1:A:104:GLY:C	0.49	2.56	5	2
1:A:464:VAL:O	1:A:465:MET:C	0.49	2.54	6	2
1:A:190:ALA:C	1:A:191:PHE:CG	0.49	2.89	8	1
1:A:527:ARG:CZ	1:A:551:THR:OG1	0.49	2.60	8	1
1:A:63:ALA:O	1:A:67:TRP:CD1	0.49	2.65	9	1
1:A:362:LEU:N	1:A:362:LEU:CD2	0.49	2.76	10	1
1:A:339:ASN:C	1:A:339:ASN:HD22	0.48	2.15	1	1
1:A:366:MET:O	1:A:368:GLY:N	0.48	2.46	1	2
1:A:626:VAL:O	1:A:627:ALA:CB	0.48	2.61	1	2
1:A:124:ALA:O	1:A:127:ALA:N	0.48	2.41	2	1
1:A:298:LEU:CD1	1:A:299:GLN:N	0.48	2.75	2	1
1:A:315:ASP:O	1:A:316:ASP:CB	0.48	2.61	9	2
1:A:208:THR:HG22	1:A:209:THR:H	0.48	1.68	3	1
1:A:449:ILE:CG2	1:A:503:GLN:O	0.48	2.61	3	1
1:A:717:LEU:N	1:A:717:LEU:HD12	0.48	2.23	5	1
1:A:313:LEU:H	1:A:313:LEU:CD1	0.48	2.19	6	1
1:A:367:THR:O	1:A:368:GLY:C	0.48	2.56	6	1
1:A:421:LYS:C	1:A:422:MET:SD	0.48	2.96	6	1
1:A:454:LEU:O	1:A:458:GLY:N	0.48	2.41	7	1
1:A:114:GLY:O	1:A:532:THR:CG2	0.48	2.61	9	1
1:A:108:GLU:HG2	1:A:334:LEU:HD22	0.48	1.84	1	1
1:A:119:VAL:CG2	1:A:119:VAL:O	0.48	2.60	1	1
1:A:147:ILE:HG23	1:A:148:ILE:HG23	0.48	1.85	2	1
1:A:585:ALA:C	1:A:586:ASN:HD22	0.48	2.16	4	1
1:A:43:VAL:O	1:A:47:ALA:CB	0.48	2.61	6	3
1:A:370:ILE:CD1	1:A:370:ILE:N	0.48	2.76	5	1
1:A:577:LEU:O	1:A:578:THR:CB	0.48	2.61	7	2
1:A:252:ASP:OD2	1:A:255:HIS:N	0.48	2.46	6	1
1:A:237:HIS:CG	1:A:262:GLU:OE2	0.48	2.66	10	1
1:A:344:MET:SD	1:A:709:GLU:OE2	0.48	2.71	10	1
1:A:585:ALA:HB2	1:A:645:TRP:CZ3	0.48	2.43	10	1
1:A:139:TYR:CD2	1:A:140:ASP:OD1	0.48	2.66	1	1
1:A:239:GLU:N	1:A:239:GLU:CD	0.48	2.72	1	1
1:A:123:ASN:C	1:A:125:ARG:N	0.48	2.69	2	1
1:A:465:MET:C	1:A:467:ALA:N	0.48	2.70	7	4
1:A:338:ARG:NH1	1:A:456:ARG:NH2	0.48	2.60	3	1
1:A:615:ILE:CG2	1:A:616:GLY:H	0.48	2.15	3	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:323:ASP:OD1	1:A:323:ASP:N	0.48	2.44	4	1
1:A:637:ILE:O	1:A:640:GLN:N	0.48	2.45	10	2
1:A:45:ASP:OD1	1:A:45:ASP:N	0.48	2.45	5	1
1:A:417:PRO:O	1:A:418:ASN:CB	0.48	2.61	5	1
1:A:442:ALA:C	1:A:444:ASN:N	0.48	2.71	9	2
1:A:444:ASN:HD22	1:A:445:ARG:N	0.48	2.05	6	2
1:A:500:GLY:O	1:A:501:LYS:CB	0.48	2.61	6	1
1:A:56:GLU:OE2	1:A:59:ARG:NH1	0.48	2.46	7	1
1:A:281:GLU:O	1:A:284:ILE:HG22	0.48	2.07	7	1
1:A:433:LEU:HD12	1:A:434:ASN:H	0.48	1.68	10	1
1:A:53:LEU:O	1:A:56:GLU:N	0.48	2.42	1	1
1:A:624:HIS:C	1:A:626:VAL:N	0.48	2.70	1	2
1:A:645:TRP:O	1:A:646:LEU:C	0.48	2.56	8	4
1:A:433:LEU:C	1:A:433:LEU:CD1	0.48	2.86	3	1
1:A:706:GLY:O	1:A:707:TYR:C	0.48	2.55	3	1
1:A:53:LEU:HD12	1:A:53:LEU:H	0.48	1.68	4	1
1:A:669:GLN:C	1:A:671:ASN:H	0.48	2.16	10	2
1:A:435:LEU:O	1:A:439:ILE:N	0.48	2.35	6	1
1:A:560:ILE:HG22	1:A:565:PHE:CE2	0.48	2.44	6	1
1:A:234:ASN:OD1	1:A:551:THR:O	0.48	2.31	7	1
1:A:613:GLN:C	1:A:615:ILE:N	0.48	2.70	7	1
1:A:376:LYS:C	1:A:376:LYS:CD	0.48	2.86	8	1
1:A:449:ILE:CG2	1:A:502:ALA:HB1	0.48	2.38	9	1
1:A:508:MET:O	1:A:509:TRP:CG	0.48	2.66	9	1
1:A:172:ARG:O	1:A:176:GLU:OE1	0.48	2.31	1	1
1:A:371:ALA:O	1:A:372:LEU:C	0.48	2.55	5	4
1:A:659:SER:O	1:A:663:MET:SD	0.48	2.71	1	1
1:A:18:ARG:O	1:A:22:GLU:N	0.48	2.40	2	3
1:A:28:THR:C	1:A:30:LEU:H	0.48	2.16	10	2
1:A:258:ASP:OD1	1:A:258:ASP:N	0.48	2.46	10	2
1:A:459:ASP:OD2	1:A:707:TYR:CZ	0.48	2.67	3	1
1:A:570:GLU:CB	1:A:571:PRO:CD	0.48	2.90	3	5
1:A:695:ASP:CG	1:A:715:TRP:CZ2	0.48	2.91	3	1
1:A:278:VAL:CG2	1:A:347:PRO:O	0.48	2.62	4	1
1:A:267:THR:C	1:A:268:ILE:HD13	0.48	2.34	6	1
1:A:66:GLU:O	1:A:69:ARG:N	0.48	2.47	7	1
1:A:625:ASN:O	1:A:626:VAL:C	0.48	2.55	7	1
1:A:344:MET:SD	1:A:707:TYR:CE2	0.48	3.07	8	1
1:A:509:TRP:O	1:A:509:TRP:CG	0.48	2.66	8	1
1:A:9:ARG:HE	1:A:9:ARG:C	0.48	2.17	9	1
1:A:334:LEU:C	1:A:334:LEU:CD1	0.48	2.84	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:343:LEU:O	1:A:357:ILE:O	0.48	2.32	1	1
1:A:450:ASN:O	1:A:451:THR:C	0.48	2.55	7	3
1:A:698:PHE:C	1:A:700:GLY:N	0.48	2.71	5	4
1:A:216:PHE:CD1	1:A:216:PHE:C	0.48	2.92	10	2
1:A:351:ASP:OD2	1:A:357:ILE:HG21	0.48	2.08	2	1
1:A:366:MET:O	1:A:366:MET:SD	0.48	2.71	2	1
1:A:38:ASN:C	1:A:38:ASN:HD22	0.48	2.17	4	1
1:A:380:ASN:ND2	1:A:382:ARG:NH2	0.48	2.61	4	1
1:A:542:THR:O	1:A:545:ALA:N	0.48	2.46	4	1
1:A:717:LEU:N	1:A:717:LEU:CD1	0.48	2.76	5	1
1:A:209:THR:CG2	1:A:210:LEU:N	0.48	2.77	6	2
1:A:128:LEU:CD2	1:A:132:ASN:ND2	0.48	2.77	8	1
1:A:439:ILE:HG12	1:A:498:LEU:HD11	0.48	1.86	8	1
1:A:35:PHE:CD1	1:A:35:PHE:C	0.48	2.91	9	1
1:A:583:GLU:C	1:A:585:ALA:N	0.48	2.70	10	1
1:A:119:VAL:O	1:A:119:VAL:HG23	0.48	2.07	1	1
1:A:538:PRO:O	1:A:541:ALA:HB3	0.48	2.09	1	1
1:A:539:THR:O	1:A:541:ALA:N	0.48	2.47	1	1
1:A:140:ASP:C	1:A:140:ASP:OD1	0.48	2.56	2	1
1:A:431:THR:C	1:A:433:LEU:H	0.48	2.17	2	1
1:A:721:GLU:C	1:A:723:HIS:N	0.48	2.70	2	1
1:A:374:ASP:CG	1:A:384:GLY:O	0.48	2.56	3	1
1:A:410:GLU:C	1:A:410:GLU:OE1	0.48	2.57	4	1
1:A:534:TRP:CD1	1:A:534:TRP:C	0.48	2.88	4	1
1:A:49:GLU:CG	1:A:50:ASN:N	0.48	2.76	5	1
1:A:94:GLN:N	1:A:94:GLN:CD	0.48	2.72	5	1
1:A:632:ARG:HE	1:A:633:ALA:N	0.48	2.07	5	1
1:A:703:GLN:CD	1:A:703:GLN:C	0.48	2.81	5	1
1:A:361:ILE:HD13	1:A:361:ILE:O	0.48	2.08	7	1
1:A:632:ARG:HH22	1:A:712:LEU:HD13	0.48	1.67	7	1
1:A:273:ASP:OD2	1:A:338:ARG:O	0.48	2.32	8	1
1:A:498:LEU:HD22	1:A:498:LEU:N	0.48	2.23	8	1
1:A:293:LEU:O	1:A:293:LEU:HD13	0.48	2.09	9	1
1:A:78:LYS:O	1:A:82:LYS:CB	0.48	2.62	1	2
1:A:184:SER:OG	1:A:185:TYR:N	0.48	2.46	1	1
1:A:269:LEU:C	1:A:270:ASP:OD2	0.48	2.57	2	1
1:A:385:SER:OG	1:A:386:VAL:N	0.48	2.46	2	1
1:A:78:LYS:O	1:A:82:LYS:CG	0.48	2.62	3	1
1:A:389:VAL:HG13	1:A:389:VAL:O	0.48	2.09	3	2
1:A:277:ALA:C	1:A:278:VAL:CG2	0.48	2.86	5	1
1:A:448:PHE:CE2	1:A:503:GLN:OE1	0.48	2.67	6	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:227:THR:HG22	1:A:227:THR:O	0.48	2.08	7	1
1:A:498:LEU:O	1:A:499:ARG:CG	0.48	2.61	7	1
1:A:531:ASN:O	1:A:548:TYR:CZ	0.48	2.67	7	1
1:A:578:THR:HG23	1:A:578:THR:O	0.48	2.08	9	1
1:A:579:ILE:CD1	1:A:581:VAL:HG12	0.48	2.38	1	1
1:A:97:ARG:CG	1:A:98:VAL:N	0.48	2.77	2	1
1:A:226:PRO:O	1:A:228:CYS:N	0.48	2.46	2	1
1:A:584:ASN:OD1	1:A:585:ALA:N	0.48	2.46	2	1
1:A:622:ASP:CG	1:A:623:ILE:H	0.48	2.16	9	5
1:A:608:VAL:O	1:A:612:GLU:CG	0.48	2.62	4	2
1:A:442:ALA:CB	1:A:446:VAL:HG23	0.48	2.38	5	1
1:A:703:GLN:CD	1:A:703:GLN:O	0.48	2.56	5	1
1:A:164:GLU:OE1	1:A:164:GLU:CA	0.48	2.62	6	1
1:A:655:GLN:CD	1:A:655:GLN:C	0.48	2.82	6	2
1:A:656:VAL:O	1:A:660:LEU:HD12	0.48	2.08	6	1
1:A:512:PRO:O	1:A:513:ASP:CB	0.48	2.62	10	2
1:A:418:ASN:O	1:A:419:THR:CB	0.48	2.59	8	1
1:A:260:ILE:HD12	1:A:260:ILE:N	0.48	2.24	9	1
1:A:530:ALA:C	1:A:553:VAL:CG1	0.48	2.87	10	1
1:A:541:ALA:C	1:A:543:LEU:N	0.48	2.71	10	1
1:A:554:GLN:OE1	1:A:554:GLN:O	0.48	2.32	10	1
1:A:714:ALA:C	1:A:716:ARG:N	0.48	2.72	10	1
1:A:94:GLN:C	1:A:96:GLU:N	0.48	2.72	3	2
1:A:152:GLY:O	1:A:153:ALA:HB3	0.48	2.09	1	1
1:A:494:LEU:C	1:A:494:LEU:CD1	0.48	2.80	2	1
1:A:62:ALA:O	1:A:65:ASP:OD2	0.48	2.32	3	1
1:A:175:ASP:CG	1:A:176:GLU:N	0.48	2.71	3	1
1:A:488:ASN:O	1:A:489:ASN:C	0.48	2.55	6	5
1:A:215:GLN:OE1	1:A:233:ASN:ND2	0.48	2.47	5	1
1:A:386:VAL:HG12	1:A:388:ILE:HD11	0.48	1.85	6	2
1:A:494:LEU:C	1:A:496:CYS:N	0.48	2.69	8	2
1:A:498:LEU:N	1:A:498:LEU:CD1	0.48	2.71	9	2
1:A:715:TRP:CE3	1:A:719:GLU:OE1	0.48	2.66	6	1
1:A:613:GLN:C	1:A:615:ILE:H	0.48	2.17	7	1
1:A:506:LYS:CD	1:A:506:LYS:N	0.48	2.76	9	1
1:A:414:GLY:O	1:A:415:MET:O	0.48	2.31	10	1
1:A:513:ASP:C	1:A:514:LEU:HD22	0.47	2.34	1	1
1:A:425:MET:CG	1:A:450:ASN:OD1	0.47	2.61	2	1
1:A:568:GLU:N	1:A:568:GLU:CD	0.47	2.72	2	1
1:A:430:ARG:N	1:A:460:GLU:OE1	0.47	2.47	3	1
1:A:442:ALA:O	1:A:443:ARG:C	0.47	2.55	7	3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:557:GLN:CG	1:A:558:ALA:N	0.47	2.77	3	2
1:A:228:CYS:SG	1:A:241:GLN:OE1	0.47	2.72	4	1
1:A:148:ILE:H	1:A:149:PRO:HD3	0.47	1.69	5	1
1:A:581:VAL:HG22	1:A:582:ALA:N	0.47	2.22	5	1
1:A:161:GLN:HE21	1:A:161:GLN:C	0.47	2.17	6	1
1:A:606:TYR:CD1	1:A:606:TYR:C	0.47	2.92	9	2
1:A:458:GLY:O	1:A:460:GLU:N	0.47	2.47	9	1
1:A:546:LEU:O	1:A:548:TYR:N	0.47	2.46	10	1
1:A:80:ALA:O	1:A:84:PHE:CD2	0.47	2.67	1	1
1:A:143:TYR:CD1	1:A:143:TYR:C	0.47	2.91	10	4
1:A:211:ARG:C	1:A:212:THR:OG1	0.47	2.55	1	1
1:A:324:GLY:O	1:A:325:SER:O	0.47	2.32	1	1
1:A:391:PRO:C	1:A:393:MET:H	0.47	2.17	1	1
1:A:578:THR:HG22	1:A:579:ILE:N	0.47	2.24	10	3
1:A:26:PRO:C	1:A:28:THR:N	0.47	2.72	2	1
1:A:315:ASP:CG	1:A:332:ARG:NH1	0.47	2.72	2	1
1:A:583:GLU:C	1:A:585:ALA:H	0.47	2.17	10	3
1:A:584:ASN:O	1:A:585:ALA:C	0.47	2.56	3	3
1:A:133:ALA:C	1:A:135:TRP:N	0.47	2.71	4	1
1:A:608:VAL:CG1	1:A:609:ARG:N	0.47	2.78	4	5
1:A:601:GLN:HE21	1:A:667:VAL:CG2	0.47	2.22	5	1
1:A:108:GLU:CD	1:A:109:ILE:H	0.47	2.16	6	1
1:A:67:TRP:NE1	1:A:84:PHE:CD2	0.47	2.82	7	1
1:A:341:GLY:C	1:A:343:LEU:H	0.47	2.17	7	1
1:A:362:LEU:O	1:A:363:ASP:C	0.47	2.56	7	1
1:A:643:ALA:O	1:A:647:ARG:CG	0.47	2.62	7	1
1:A:248:ILE:CG2	1:A:249:GLY:N	0.47	2.76	8	1
1:A:361:ILE:CG2	1:A:362:LEU:N	0.47	2.77	8	1
1:A:609:ARG:CZ	1:A:670:GLN:OE1	0.47	2.61	9	1
1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:CD	0.47	2.72	10	1
1:A:606:TYR:O	1:A:610:TRP:CB	0.47	2.62	10	4
1:A:40:ASP:OD1	1:A:44:HIS:CE1	0.47	2.67	4	1
1:A:123:ASN:O	1:A:124:ALA:CB	0.47	2.61	5	1
1:A:293:LEU:HD23	1:A:293:LEU:N	0.47	2.25	5	1
1:A:343:LEU:HD23	1:A:343:LEU:H	0.47	1.69	5	1
1:A:713:HIS:O	1:A:716:ARG:N	0.47	2.41	5	1
1:A:341:GLY:O	1:A:342:HIS:CG	0.47	2.68	6	1
1:A:645:TRP:O	1:A:648:HIS:N	0.47	2.42	6	1
1:A:671:ASN:N	1:A:671:ASN:ND2	0.47	2.62	6	1
1:A:600:VAL:O	1:A:602:GLY:N	0.47	2.47	7	1
1:A:430:ARG:NH2	1:A:459:ASP:CB	0.47	2.77	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:433:LEU:N	1:A:433:LEU:HD12	0.47	2.21	9	1
1:A:454:LEU:O	1:A:457:THR:N	0.47	2.43	9	1
1:A:458:GLY:C	1:A:460:GLU:N	0.47	2.71	9	1
1:A:640:GLN:N	1:A:640:GLN:OE1	0.47	2.44	9	1
1:A:96:GLU:C	1:A:436:ARG:HH21	0.47	2.17	10	1
1:A:121:ALA:N	1:A:122:MET:SD	0.47	2.87	1	1
1:A:391:PRO:C	1:A:393:MET:N	0.47	2.70	1	1
1:A:429:ARG:CZ	1:A:460:GLU:OE2	0.47	2.63	1	1
1:A:454:LEU:O	1:A:455:ASP:C	0.47	2.58	6	7
1:A:596:LEU:O	1:A:600:VAL:HG23	0.47	2.09	1	1
1:A:78:LYS:CE	1:A:574:ASP:OD2	0.47	2.62	2	1
1:A:335:LEU:HD22	1:A:335:LEU:H	0.47	1.68	2	1
1:A:634:THR:O	1:A:637:ILE:CD1	0.47	2.62	2	1
1:A:653:LYS:CB	1:A:653:LYS:NZ	0.47	2.77	2	1
1:A:17:LYS:O	1:A:21:ASP:CB	0.47	2.63	3	3
1:A:609:ARG:HH12	1:A:671:ASN:HD21	0.47	1.52	3	1
1:A:92:VAL:HG23	1:A:94:GLN:HE22	0.47	1.69	4	1
1:A:361:ILE:O	1:A:362:LEU:C	0.47	2.56	7	3
1:A:450:ASN:OD1	1:A:532:THR:OG1	0.47	2.31	6	1
1:A:557:GLN:N	1:A:557:GLN:HE21	0.47	2.04	6	1
1:A:600:VAL:C	1:A:602:GLY:N	0.47	2.70	7	1
1:A:631:ASP:O	1:A:633:ALA:N	0.47	2.47	8	4
1:A:377:VAL:O	1:A:378:GLN:CG	0.47	2.62	8	1
1:A:197:GLN:HE22	1:A:213:PRO:CB	0.47	2.22	9	1
1:A:132:ASN:OD1	1:A:298:LEU:CD2	0.47	2.61	10	1
1:A:39:PHE:CZ	1:A:43:VAL:HG21	0.47	2.45	1	2
1:A:257:ASN:O	1:A:258:ASP:CG	0.47	2.58	5	3
1:A:703:GLN:NE2	1:A:706:GLY:C	0.47	2.71	1	1
1:A:509:TRP:CD1	1:A:510:ALA:N	0.47	2.81	2	1
1:A:710:PRO:O	1:A:711:LEU:C	0.47	2.57	9	4
1:A:105:ILE:C	1:A:105:ILE:CD1	0.47	2.87	4	1
1:A:199:ARG:C	1:A:200:ILE:HD13	0.47	2.33	4	1
1:A:405:LEU:O	1:A:406:PHE:C	0.47	2.57	4	3
1:A:492:SER:O	1:A:493:GLY:C	0.47	2.56	6	1
1:A:715:TRP:CZ3	1:A:719:GLU:CD	0.47	2.93	6	1
1:A:344:MET:SD	1:A:707:TYR:CD2	0.47	3.08	8	1
1:A:147:ILE:CG2	1:A:147:ILE:O	0.47	2.63	9	1
1:A:485:TYR:CD1	1:A:486:GLU:N	0.47	2.82	9	1
1:A:129:ASN:C	1:A:129:ASN:ND2	0.47	2.72	2	1
1:A:137:SER:O	1:A:140:ASP:CG	0.47	2.57	2	1
1:A:269:LEU:O	1:A:270:ASP:OD2	0.47	2.32	2	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:421:LYS:CG	1:A:446:VAL:O	0.47	2.62	2	1
1:A:587:TRP:CZ3	1:A:645:TRP:CH2	0.47	3.02	2	1
1:A:53:LEU:HD13	1:A:53:LEU:O	0.47	2.10	8	2
1:A:297:THR:O	1:A:298:LEU:C	0.47	2.57	3	4
1:A:688:CYS:C	1:A:690:PHE:N	0.47	2.72	6	2
1:A:383:THR:O	1:A:383:THR:HG22	0.47	2.09	4	1
1:A:430:ARG:CG	1:A:431:THR:N	0.47	2.76	4	1
1:A:529:GLY:O	1:A:557:GLN:NE2	0.47	2.47	4	1
1:A:435:LEU:O	1:A:436:ARG:C	0.47	2.58	9	5
1:A:585:ALA:O	1:A:586:ASN:HB2	0.47	2.09	6	1
1:A:643:ALA:O	1:A:701:VAL:CG1	0.47	2.62	6	1
1:A:334:LEU:HD12	1:A:334:LEU:N	0.47	2.25	7	1
1:A:427:GLU:N	1:A:427:GLU:CD	0.47	2.72	7	1
1:A:137:SER:CB	1:A:140:ASP:OD1	0.47	2.62	8	1
1:A:129:ASN:CG	1:A:134:ARG:HE	0.47	2.17	9	1
1:A:401:PHE:CD1	1:A:401:PHE:C	0.47	2.92	9	1
1:A:47:ALA:CB	1:A:48:PRO:CD	0.47	2.91	1	2
1:A:146:ASP:CG	1:A:146:ASP:O	0.47	2.58	2	2
1:A:194:VAL:HG21	1:A:199:ARG:HB2	0.47	1.87	1	1
1:A:358:PRO:O	1:A:359:GLU:C	0.47	2.56	1	1
1:A:403:ASN:ND2	1:A:441:GLN:HE22	0.47	2.07	1	1
1:A:419:THR:O	1:A:419:THR:OG1	0.47	2.32	1	1
1:A:422:MET:HB3	1:A:447:ALA:HB2	0.47	1.85	1	1
1:A:524:ASP:O	1:A:525:GLN:C	0.47	2.58	7	7
1:A:557:GLN:C	1:A:557:GLN:CD	0.47	2.83	7	2
1:A:62:ALA:O	1:A:65:ASP:OD1	0.47	2.32	2	1
1:A:243:ASP:C	1:A:245:ASN:H	0.47	2.18	2	1
1:A:269:LEU:HD11	1:A:335:LEU:HB3	0.47	1.86	2	1
1:A:312:LYS:C	1:A:313:LEU:HD22	0.47	2.35	2	1
1:A:32:ALA:O	1:A:33:ALA:C	0.47	2.57	10	3
1:A:11:ARG:O	1:A:12:ILE:CG2	0.47	2.61	4	3
1:A:89:GLY:C	1:A:91:LEU:HD12	0.47	2.34	4	1
1:A:247:ARG:C	1:A:249:GLY:N	0.47	2.73	4	1
1:A:117:LEU:HD21	1:A:537:SER:O	0.47	2.10	5	1
1:A:364:GLY:O	1:A:367:THR:HG22	0.47	2.08	5	1
1:A:371:ALA:O	1:A:374:ASP:OD2	0.47	2.32	8	2
1:A:448:PHE:CD1	1:A:448:PHE:C	0.47	2.93	5	1
1:A:654:GLU:CG	1:A:655:GLN:N	0.47	2.77	6	1
1:A:233:ASN:C	1:A:235:GLY:H	0.47	2.17	7	3
1:A:287:TYR:OH	1:A:370:ILE:HD11	0.47	2.10	7	1
1:A:591:GLU:O	1:A:594:GLN:N	0.47	2.47	7	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:635:LEU:C	1:A:637:ILE:H	0.47	2.18	7	1
1:A:436:ARG:NH2	1:A:569:PHE:CE1	0.47	2.83	8	1
1:A:554:GLN:O	1:A:558:ALA:HB2	0.47	2.10	8	1
1:A:649:GLY:O	1:A:650:ILE:CG2	0.47	2.63	8	1
1:A:436:ARG:N	1:A:436:ARG:NE	0.47	2.62	9	1
1:A:490:VAL:HG21	1:A:529:GLY:O	0.47	2.09	9	1
1:A:697:ILE:N	1:A:697:ILE:CD1	0.47	2.64	9	1
1:A:118:VAL:CG2	1:A:534:TRP:NE1	0.47	2.76	10	1
1:A:150:GLN:C	1:A:152:GLY:N	0.47	2.72	10	1
1:A:231:LEU:O	1:A:238:ILE:N	0.47	2.37	10	1
1:A:439:ILE:CG2	1:A:440:ALA:N	0.47	2.78	10	1
1:A:482:ILE:HD13	1:A:482:ILE:O	0.47	2.09	10	1
1:A:450:ASN:N	1:A:450:ASN:ND2	0.47	2.63	1	1
1:A:531:ASN:ND2	1:A:532:THR:N	0.47	2.62	2	1
1:A:652:THR:O	1:A:655:GLN:N	0.47	2.42	2	1
1:A:487:ARG:O	1:A:491:LEU:HD12	0.47	2.10	3	1
1:A:93:PRO:O	1:A:94:GLN:CD	0.47	2.57	7	2
1:A:586:ASN:O	1:A:587:TRP:O	0.47	2.32	4	1
1:A:90:TYR:CZ	1:A:394:HIS:CD2	0.47	3.03	5	1
1:A:290:LEU:O	1:A:291:LEU:C	0.47	2.58	10	2
1:A:485:TYR:O	1:A:488:ASN:OD1	0.47	2.33	5	1
1:A:277:ALA:O	1:A:278:VAL:CG1	0.47	2.63	9	2
1:A:278:VAL:HG23	1:A:278:VAL:O	0.47	2.09	6	2
1:A:526:LEU:HD12	1:A:530:ALA:O	0.47	2.09	10	2
1:A:526:LEU:CD2	1:A:530:ALA:O	0.47	2.63	8	1
1:A:193:VAL:HG13	1:A:219:TYR:CZ	0.47	2.43	10	1
1:A:547:HIS:O	1:A:551:THR:N	0.47	2.48	10	1
1:A:592:ILE:CG2	1:A:593:GLN:N	0.47	2.77	10	1
1:A:91:LEU:O	1:A:92:VAL:CG1	0.47	2.62	1	1
1:A:170:VAL:C	1:A:172:ARG:N	0.47	2.72	1	1
1:A:117:LEU:O	1:A:267:THR:HA	0.47	2.10	2	1
1:A:273:ASP:OD1	1:A:636:ARG:CZ	0.47	2.63	2	1
1:A:642:ILE:CG2	1:A:643:ALA:N	0.47	2.78	2	1
1:A:524:ASP:O	1:A:527:ARG:N	0.47	2.46	7	3
1:A:335:LEU:HD12	1:A:335:LEU:O	0.47	2.10	4	1
1:A:699:LEU:O	1:A:700:GLY:C	0.47	2.58	4	1
1:A:442:ALA:C	1:A:444:ASN:H	0.47	2.18	5	2
1:A:494:LEU:C	1:A:496:CYS:H	0.47	2.17	6	1
1:A:694:SER:OG	1:A:695:ASP:N	0.47	2.48	6	1
1:A:184:SER:O	1:A:187:ASP:OD1	0.47	2.33	7	3
1:A:419:THR:CG2	1:A:444:ASN:OD1	0.47	2.63	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:578:THR:HG22	1:A:579:ILE:H	0.47	1.70	10	1
1:A:286:LEU:HD23	1:A:286:LEU:O	0.47	2.10	1	1
1:A:550:GLN:C	1:A:550:GLN:CD	0.47	2.83	1	1
1:A:160:PRO:O	1:A:161:GLN:C	0.47	2.58	2	3
1:A:175:ASP:CG	1:A:184:SER:HG	0.47	2.17	2	1
1:A:395:GLY:O	1:A:398:GLU:N	0.47	2.48	2	2
1:A:436:ARG:CB	1:A:496:CYS:O	0.47	2.63	4	1
1:A:100:VAL:HG22	1:A:442:ALA:HB1	0.47	1.85	6	1
1:A:252:ASP:N	1:A:252:ASP:OD1	0.47	2.48	7	1
1:A:691:LYS:C	1:A:693:ALA:N	0.47	2.73	7	1
1:A:491:LEU:HD13	1:A:491:LEU:C	0.47	2.34	8	1
1:A:604:LEU:HD11	1:A:660:LEU:CD1	0.47	2.40	8	1
1:A:435:LEU:O	1:A:437:SER:N	0.47	2.48	9	1
1:A:95:PRO:O	1:A:436:ARG:NE	0.47	2.43	10	1
1:A:424:ILE:O	1:A:425:MET:C	0.47	2.57	10	1
1:A:393:MET:O	1:A:394:HIS:ND1	0.46	2.48	1	1
1:A:443:ARG:C	1:A:444:ASN:CG	0.46	2.83	6	3
1:A:712:LEU:C	1:A:712:LEU:CD2	0.46	2.88	8	2
1:A:137:SER:O	1:A:140:ASP:OD2	0.46	2.33	2	1
1:A:484:ALA:O	1:A:485:TYR:C	0.46	2.57	10	4
1:A:30:LEU:C	1:A:30:LEU:HD23	0.46	2.35	3	1
1:A:54:LEU:HD13	1:A:54:LEU:O	0.46	2.09	3	1
1:A:123:ASN:ND2	1:A:124:ALA:N	0.46	2.63	3	1
1:A:61:GLN:OE1	1:A:462:HIS:ND1	0.46	2.47	4	1
1:A:133:ALA:O	1:A:134:ARG:C	0.46	2.57	4	1
1:A:377:VAL:O	1:A:378:GLN:HG3	0.46	2.10	4	1
1:A:595:GLU:N	1:A:595:GLU:OE1	0.46	2.48	4	2
1:A:636:ARG:HH12	1:A:712:LEU:CD1	0.46	2.23	4	1
1:A:342:HIS:O	1:A:345:THR:N	0.46	2.41	10	2
1:A:526:LEU:C	1:A:528:ALA:N	0.46	2.72	5	2
1:A:576:LEU:C	1:A:578:THR:N	0.46	2.72	6	1
1:A:703:GLN:O	1:A:704:PRO:O	0.46	2.33	6	2
1:A:58:ASP:OD1	1:A:58:ASP:C	0.46	2.55	7	1
1:A:80:ALA:O	1:A:84:PHE:CD1	0.46	2.68	7	1
1:A:340:VAL:O	1:A:341:GLY:C	0.46	2.58	8	1
1:A:340:VAL:O	1:A:341:GLY:O	0.46	2.33	9	1
1:A:599:ASN:N	1:A:599:ASN:HD22	0.46	2.07	9	1
1:A:563:THR:O	1:A:564:GLU:CB	0.46	2.63	10	1
1:A:343:LEU:H	1:A:343:LEU:CD1	0.46	2.23	1	1
1:A:277:ALA:O	1:A:278:VAL:CG2	0.46	2.64	2	1
1:A:293:LEU:CD1	1:A:294:MET:SD	0.46	3.03	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:552:ASN:ND2	1:A:552:ASN:C	0.46	2.73	2	1
1:A:591:GLU:O	1:A:592:ILE:C	0.46	2.58	7	4
1:A:179:PRO:O	1:A:180:LEU:C	0.46	2.56	10	7
1:A:252:ASP:OD1	1:A:252:ASP:N	0.46	2.48	3	1
1:A:375:LEU:CD1	1:A:415:MET:SD	0.46	3.03	4	1
1:A:583:GLU:OE1	1:A:645:TRP:CZ3	0.46	2.68	4	1
1:A:637:ILE:O	1:A:638:SER:C	0.46	2.57	4	2
1:A:67:TRP:CD1	1:A:81:TYR:CZ	0.46	3.02	5	1
1:A:329:LEU:O	1:A:330:HIS:O	0.46	2.33	5	3
1:A:370:ILE:N	1:A:370:ILE:HD12	0.46	2.25	5	1
1:A:695:ASP:O	1:A:696:LEU:C	0.46	2.56	9	4
1:A:169:TRP:CE3	1:A:172:ARG:NH2	0.46	2.84	6	1
1:A:169:TRP:CZ3	1:A:172:ARG:NH2	0.46	2.83	6	1
1:A:658:ALA:O	1:A:659:SER:C	0.46	2.59	6	2
1:A:430:ARG:HH22	1:A:459:ASP:CG	0.46	2.17	8	1
1:A:609:ARG:NE	1:A:670:GLN:OE1	0.46	2.48	9	1
1:A:132:ASN:ND2	1:A:315:ASP:OD1	0.46	2.49	2	1
1:A:265:ILE:O	1:A:265:ILE:HG22	0.46	2.10	2	1
1:A:454:LEU:O	1:A:457:THR:OG1	0.46	2.33	2	1
1:A:622:ASP:O	1:A:670:GLN:NE2	0.46	2.48	3	1
1:A:431:THR:O	1:A:432:SER:CB	0.46	2.62	4	2
1:A:634:THR:O	1:A:637:ILE:O	0.46	2.34	5	1
1:A:690:PHE:CD1	1:A:690:PHE:N	0.46	2.79	5	1
1:A:243:ASP:OD1	1:A:243:ASP:O	0.46	2.33	8	2
1:A:583:GLU:O	1:A:584:ASN:O	0.46	2.33	8	1
1:A:88:LEU:C	1:A:90:TYR:N	0.46	2.74	1	1
1:A:138:LEU:O	1:A:139:TYR:C	0.46	2.58	1	2
1:A:284:ILE:CG2	1:A:285:LEU:N	0.46	2.78	1	1
1:A:233:ASN:OD1	1:A:234:ASN:ND2	0.46	2.49	2	1
1:A:426:ASP:C	1:A:428:GLU:N	0.46	2.73	2	1
1:A:456:ARG:C	1:A:458:GLY:N	0.46	2.72	2	2
1:A:16:PHE:CD1	1:A:16:PHE:C	0.46	2.94	4	1
1:A:78:LYS:NZ	1:A:82:LYS:CB	0.46	2.78	4	1
1:A:329:LEU:C	1:A:330:HIS:CG	0.46	2.93	4	1
1:A:584:ASN:CG	1:A:587:TRP:CE3	0.46	2.94	4	1
1:A:434:ASN:O	1:A:436:ARG:N	0.46	2.49	5	1
1:A:587:TRP:CZ3	1:A:591:GLU:OE2	0.46	2.69	5	1
1:A:406:PHE:C	1:A:408:ARG:N	0.46	2.73	6	2
1:A:406:PHE:O	1:A:408:ARG:N	0.46	2.48	10	2
1:A:241:GLN:NE2	1:A:241:GLN:C	0.46	2.74	8	1
1:A:515:MET:O	1:A:518:MET:N	0.46	2.46	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:82:LYS:NZ	1:A:577:LEU:HD21	0.46	2.25	10	1
1:A:123:ASN:HB3	1:A:127:ALA:HB2	0.46	1.88	10	1
1:A:152:GLY:O	1:A:153:ALA:O	0.46	2.33	10	1
1:A:512:PRO:O	1:A:513:ASP:OD1	0.46	2.32	10	1
1:A:16:PHE:O	1:A:20:VAL:HG23	0.46	2.10	1	1
1:A:425:MET:O	1:A:426:ASP:O	0.46	2.33	1	2
1:A:175:ASP:OD1	1:A:175:ASP:C	0.46	2.58	2	1
1:A:484:ALA:HB1	1:A:572:LEU:HD23	0.46	1.87	2	1
1:A:248:ILE:HD12	1:A:249:GLY:N	0.46	2.26	6	2
1:A:418:ASN:C	1:A:419:THR:HG22	0.46	2.36	3	1
1:A:424:ILE:O	1:A:448:PHE:CG	0.46	2.68	3	1
1:A:548:TYR:O	1:A:551:THR:O	0.46	2.34	7	2
1:A:552:ASN:C	1:A:552:ASN:HD22	0.46	2.18	3	1
1:A:85:LEU:O	1:A:86:ARG:C	0.46	2.57	4	3
1:A:372:LEU:O	1:A:372:LEU:HD23	0.46	2.10	4	1
1:A:451:THR:H	1:A:505:GLY:N	0.46	2.09	4	1
1:A:513:ASP:CG	1:A:514:LEU:H	0.46	2.19	4	1
1:A:526:LEU:HA	1:A:530:ALA:HB3	0.46	1.86	4	1
1:A:8:SER:OG	1:A:9:ARG:N	0.46	2.47	5	2
1:A:197:GLN:OE1	1:A:216:PHE:CB	0.46	2.64	5	1
1:A:446:VAL:CG2	1:A:447:ALA:N	0.46	2.68	5	1
1:A:453:PHE:C	1:A:455:ASP:H	0.46	2.18	5	1
1:A:99:THR:OG1	1:A:101:GLU:OE1	0.46	2.33	6	1
1:A:493:GLY:O	1:A:495:PHE:N	0.46	2.48	6	1
1:A:618:SER:OG	1:A:630:GLU:N	0.46	2.42	6	1
1:A:24:VAL:O	1:A:28:THR:N	0.46	2.44	7	1
1:A:290:LEU:CD1	1:A:290:LEU:C	0.46	2.88	8	1
1:A:449:ILE:O	1:A:450:ASN:CG	0.46	2.58	8	1
1:A:615:ILE:HD12	1:A:615:ILE:C	0.46	2.35	8	1
1:A:375:LEU:CD2	1:A:418:ASN:OD1	0.46	2.63	9	1
1:A:176:GLU:O	1:A:177:SER:C	0.46	2.56	10	1
1:A:201:GLN:OE1	1:A:202:LEU:O	0.46	2.33	10	1
1:A:24:VAL:O	1:A:28:THR:CG2	0.46	2.63	2	1
1:A:242:ILE:HD13	1:A:242:ILE:H	0.46	1.71	2	1
1:A:485:TYR:O	1:A:486:GLU:C	0.46	2.59	5	5
1:A:105:ILE:CG2	1:A:110:THR:OG1	0.46	2.64	3	1
1:A:127:ALA:O	1:A:128:LEU:C	0.46	2.58	9	4
1:A:194:VAL:HG21	1:A:199:ARG:HG2	0.46	1.88	3	1
1:A:294:MET:C	1:A:296:GLY:N	0.46	2.74	3	1
1:A:490:VAL:HG13	1:A:494:LEU:HD12	0.46	1.85	3	2
1:A:44:HIS:O	1:A:48:PRO:CD	0.46	2.63	4	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:25:LEU:N	1:A:26:PRO:HD2	0.46	2.25	5	1
1:A:125:ARG:O	1:A:127:ALA:N	0.46	2.49	5	1
1:A:135:TRP:CE3	1:A:314:ASN:OD1	0.46	2.69	5	1
1:A:153:ALA:HB3	1:A:161:GLN:HE22	0.46	1.70	5	1
1:A:644:ASN:HD22	1:A:644:ASN:H	0.46	1.54	5	1
1:A:276:ALA:CB	1:A:611:VAL:O	0.46	2.63	7	1
1:A:40:ASP:OD1	1:A:40:ASP:N	0.46	2.46	8	1
1:A:137:SER:OG	1:A:140:ASP:CG	0.46	2.59	8	1
1:A:147:ILE:C	1:A:148:ILE:CG1	0.46	2.89	8	1
1:A:299:GLN:O	1:A:299:GLN:CD	0.46	2.59	9	1
1:A:347:PRO:O	1:A:348:VAL:HG23	0.46	2.10	10	2
1:A:701:VAL:HG23	1:A:702:LYS:NZ	0.46	2.26	9	1
1:A:482:ILE:HD13	1:A:482:ILE:C	0.46	2.36	10	1
1:A:131:ALA:C	1:A:133:ALA:N	0.46	2.73	1	1
1:A:292:GLY:O	1:A:293:LEU:C	0.46	2.58	9	3
1:A:375:LEU:N	1:A:375:LEU:CD2	0.46	2.68	2	1
1:A:10:LEU:C	1:A:10:LEU:CD1	0.46	2.89	9	2
1:A:416:ALA:CB	1:A:417:PRO:CD	0.46	2.92	3	1
1:A:449:ILE:HG21	1:A:503:GLN:N	0.46	2.25	3	1
1:A:699:LEU:C	1:A:701:VAL:H	0.46	2.18	8	2
1:A:356:GLU:OE2	1:A:356:GLU:O	0.46	2.34	4	1
1:A:526:LEU:O	1:A:529:GLY:N	0.46	2.37	6	2
1:A:653:LYS:CD	1:A:653:LYS:N	0.46	2.79	4	2
1:A:669:GLN:O	1:A:671:ASN:N	0.46	2.48	4	2
1:A:391:PRO:O	1:A:392:LYS:CG	0.46	2.64	5	1
1:A:661:GLU:OE2	1:A:662:ASN:N	0.46	2.49	5	1
1:A:498:LEU:HD22	1:A:499:ARG:H	0.46	1.70	8	1
1:A:398:GLU:CD	1:A:399:VAL:HG23	0.46	2.36	10	1
1:A:142:LEU:O	1:A:143:TYR:C	0.46	2.56	7	9
1:A:159:ASP:C	1:A:161:GLN:N	0.46	2.74	1	3
1:A:357:ILE:N	1:A:358:PRO:HD3	0.46	2.18	1	2
1:A:555:SER:O	1:A:559:ASN:CG	0.46	2.59	1	1
1:A:597:ASP:O	1:A:598:ASN:C	0.46	2.59	1	3
1:A:132:ASN:HD22	1:A:132:ASN:N	0.46	2.08	2	2
1:A:119:VAL:O	1:A:120:PRO:O	0.46	2.32	3	1
1:A:416:ALA:C	1:A:418:ASN:H	0.46	2.18	3	1
1:A:435:LEU:O	1:A:438:CYS:SG	0.46	2.70	3	1
1:A:552:ASN:HD22	1:A:554:GLN:H	0.46	1.53	3	1
1:A:696:LEU:N	1:A:696:LEU:HD22	0.46	2.26	3	1
1:A:278:VAL:O	1:A:717:LEU:HD21	0.46	2.11	4	2
1:A:363:ASP:O	1:A:367:THR:N	0.46	2.39	10	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:28:THR:OG1	1:A:372:LEU:HD23	0.46	2.10	5	1
1:A:280:ALA:O	1:A:281:GLU:C	0.46	2.57	5	1
1:A:506:LYS:NZ	1:A:533:ALA:HB1	0.46	2.25	6	1
1:A:695:ASP:O	1:A:698:PHE:N	0.46	2.49	10	2
1:A:135:TRP:CZ3	1:A:317:ARG:NH2	0.46	2.84	7	1
1:A:253:PRO:C	1:A:255:HIS:H	0.46	2.18	7	1
1:A:328:SER:C	1:A:329:LEU:HD12	0.46	2.36	7	1
1:A:711:LEU:CD1	1:A:712:LEU:N	0.46	2.79	7	1
1:A:88:LEU:C	1:A:88:LEU:CD1	0.46	2.89	8	1
1:A:416:ALA:O	1:A:418:ASN:OD1	0.46	2.34	9	1
1:A:148:ILE:CD1	1:A:166:VAL:HG22	0.46	2.40	10	1
1:A:274:SER:O	1:A:610:TRP:CZ2	0.46	2.69	10	1
1:A:538:PRO:O	1:A:539:THR:C	0.46	2.58	4	6
1:A:62:ALA:C	1:A:65:ASP:OD1	0.46	2.58	2	1
1:A:425:MET:O	1:A:427:GLU:N	0.46	2.49	2	1
1:A:7:GLN:HB2	1:A:12:ILE:HD11	0.46	1.88	3	1
1:A:29:GLY:O	1:A:30:LEU:C	0.46	2.57	5	4
1:A:239:GLU:OE2	1:A:317:ARG:NH1	0.46	2.49	3	1
1:A:265:ILE:HD13	1:A:265:ILE:N	0.46	2.25	3	1
1:A:121:ALA:O	1:A:122:MET:C	0.46	2.59	4	1
1:A:488:ASN:ND2	1:A:492:SER:CB	0.46	2.79	4	1
1:A:542:THR:O	1:A:543:LEU:C	0.46	2.57	4	1
1:A:713:HIS:O	1:A:714:ALA:C	0.46	2.59	5	3
1:A:96:GLU:O	1:A:436:ARG:NH2	0.46	2.42	5	1
1:A:402:ALA:O	1:A:406:PHE:CB	0.46	2.64	5	1
1:A:143:TYR:C	1:A:143:TYR:CD1	0.46	2.93	7	1
1:A:426:ASP:OD2	1:A:428:GLU:O	0.46	2.34	7	1
1:A:365:VAL:O	1:A:368:GLY:N	0.46	2.45	8	1
1:A:13:ASP:CG	1:A:280:ALA:HB1	0.46	2.36	9	1
1:A:94:GLN:OE1	1:A:95:PRO:O	0.46	2.34	9	1
1:A:257:ASN:C	1:A:257:ASN:HD22	0.46	2.18	9	1
1:A:315:ASP:C	1:A:316:ASP:CG	0.46	2.83	9	1
1:A:337:ILE:O	1:A:389:VAL:HG23	0.46	2.11	9	1
1:A:18:ARG:O	1:A:22:GLU:CD	0.46	2.59	10	1
1:A:14:ALA:O	1:A:15:ASN:C	0.46	2.59	1	4
1:A:124:ALA:O	1:A:125:ARG:C	0.46	2.59	9	4
1:A:248:ILE:C	1:A:250:LYS:H	0.46	2.17	7	4
1:A:403:ASN:ND2	1:A:441:GLN:NE2	0.46	2.64	1	1
1:A:116:GLN:O	1:A:535:VAL:HG22	0.46	2.11	2	1
1:A:271:CYS:O	1:A:272:GLU:C	0.46	2.58	2	2
1:A:439:ILE:HD12	1:A:498:LEU:CD2	0.46	2.40	3	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:575:ASP:C	1:A:577:LEU:H	0.46	2.18	3	2
1:A:41:GLU:O	1:A:45:ASP:OD1	0.46	2.35	4	3
1:A:275:VAL:CG2	1:A:276:ALA:N	0.46	2.78	4	1
1:A:586:ASN:O	1:A:587:TRP:C	0.46	2.56	4	1
1:A:367:THR:HG23	1:A:368:GLY:N	0.46	2.25	5	1
1:A:134:ARG:NH1	1:A:262:GLU:CD	0.46	2.74	6	1
1:A:160:PRO:O	1:A:164:GLU:CD	0.46	2.59	6	1
1:A:491:LEU:C	1:A:491:LEU:CD1	0.46	2.89	8	1
1:A:147:ILE:O	1:A:147:ILE:HG22	0.46	2.11	9	1
1:A:462:HIS:CD2	1:A:705:ASN:ND2	0.46	2.84	9	1
1:A:102:THR:OG1	1:A:105:ILE:CD1	0.46	2.64	10	1
1:A:24:VAL:O	1:A:25:LEU:C	0.45	2.59	3	4
1:A:186:GLN:OE1	1:A:186:GLN:C	0.45	2.59	1	1
1:A:418:ASN:O	1:A:419:THR:OG1	0.45	2.33	1	3
1:A:656:VAL:O	1:A:657:GLN:C	0.45	2.56	1	1
1:A:198:LEU:N	1:A:198:LEU:HD12	0.45	2.26	9	4
1:A:394:HIS:NE2	1:A:441:GLN:NE2	0.45	2.64	3	1
1:A:423:GLY:HA2	1:A:448:PHE:HB2	0.45	1.87	3	1
1:A:445:ARG:H	1:A:445:ARG:HD3	0.45	1.71	3	1
1:A:3:GLN:CD	1:A:3:GLN:O	0.45	2.58	4	1
1:A:146:ASP:C	1:A:148:ILE:N	0.45	2.74	9	2
1:A:585:ALA:O	1:A:586:ASN:CG	0.45	2.59	5	1
1:A:129:ASN:O	1:A:129:ASN:ND2	0.45	2.46	6	1
1:A:688:CYS:O	1:A:690:PHE:N	0.45	2.49	6	1
1:A:559:ASN:C	1:A:559:ASN:HD22	0.45	2.19	7	1
1:A:691:LYS:O	1:A:693:ALA:N	0.45	2.49	7	1
1:A:108:GLU:OE2	1:A:112:GLN:NE2	0.45	2.49	8	1
1:A:335:LEU:O	1:A:387:TYR:CD1	0.45	2.69	8	1
1:A:541:ALA:O	1:A:542:THR:C	0.45	2.58	10	1
1:A:714:ALA:O	1:A:716:ARG:N	0.45	2.49	10	1
1:A:690:PHE:CD1	1:A:690:PHE:C	0.45	2.92	6	2
1:A:26:PRO:C	1:A:28:THR:H	0.45	2.19	2	1
1:A:77:ASP:OD1	1:A:77:ASP:O	0.45	2.34	2	2
1:A:269:LEU:N	1:A:269:LEU:HD23	0.45	2.26	3	1
1:A:630:GLU:CG	1:A:634:THR:OG1	0.45	2.64	4	1
1:A:637:ILE:CG2	1:A:638:SER:N	0.45	2.79	4	1
1:A:125:ARG:C	1:A:127:ALA:N	0.45	2.71	5	2
1:A:99:THR:O	1:A:101:GLU:OE1	0.45	2.34	6	1
1:A:338:ARG:HH22	1:A:454:LEU:CD1	0.45	2.24	6	1
1:A:655:GLN:NE2	1:A:656:VAL:N	0.45	2.64	6	1
1:A:108:GLU:CD	1:A:108:GLU:N	0.45	2.74	7	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:649:GLY:C	1:A:651:LEU:H	0.45	2.20	7	1
1:A:16:PHE:CG	1:A:284:ILE:CD1	0.45	2.99	9	1
1:A:191:PHE:CE2	1:A:256:ILE:HD11	0.45	2.46	9	1
1:A:220:ARG:NH2	1:A:318:HIS:O	0.45	2.49	9	1
1:A:657:GLN:CD	1:A:657:GLN:C	0.45	2.85	9	1
1:A:397:GLN:NE2	1:A:401:PHE:CZ	0.45	2.84	10	1
1:A:661:GLU:OE2	1:A:662:ASN:CG	0.45	2.59	10	1
1:A:116:GLN:CD	1:A:266:SER:OG	0.45	2.60	2	1
1:A:178:LEU:HD22	1:A:215:GLN:NE2	0.45	2.26	2	1
1:A:273:ASP:O	1:A:274:SER:C	0.45	2.58	5	2
1:A:425:MET:SD	1:A:450:ASN:OD1	0.45	2.74	2	1
1:A:228:CYS:SG	1:A:240:LEU:O	0.45	2.70	3	1
1:A:398:GLU:N	1:A:398:GLU:CD	0.45	2.75	3	1
1:A:517:ASP:O	1:A:518:MET:C	0.45	2.60	6	6
1:A:383:THR:O	1:A:384:GLY:C	0.45	2.57	9	4
1:A:108:GLU:C	1:A:110:THR:N	0.45	2.73	6	1
1:A:234:ASN:CB	1:A:549:HIS:CD2	0.45	2.99	6	1
1:A:270:ASP:HB3	1:A:274:SER:H	0.45	1.71	6	1
1:A:134:ARG:NE	1:A:330:HIS:O	0.45	2.47	7	1
1:A:341:GLY:O	1:A:343:LEU:N	0.45	2.49	7	1
1:A:498:LEU:CD2	1:A:498:LEU:C	0.45	2.90	8	1
1:A:630:GLU:C	1:A:631:ASP:OD1	0.45	2.59	8	1
1:A:411:THR:CG2	1:A:412:MET:N	0.45	2.80	10	1
1:A:427:GLU:OE2	1:A:493:GLY:CA	0.45	2.64	10	1
1:A:583:GLU:O	1:A:585:ALA:N	0.45	2.49	10	1
1:A:41:GLU:O	1:A:42:ILE:C	0.45	2.60	6	2
1:A:584:ASN:OD1	1:A:584:ASN:C	0.45	2.59	3	1
1:A:43:VAL:O	1:A:44:HIS:C	0.45	2.58	4	1
1:A:410:GLU:C	1:A:410:GLU:CD	0.45	2.84	4	2
1:A:451:THR:O	1:A:451:THR:HG22	0.45	2.10	4	1
1:A:720:LYS:C	1:A:722:SER:H	0.45	2.19	4	1
1:A:83:SER:O	1:A:84:PHE:C	0.45	2.59	9	3
1:A:428:GLU:C	1:A:430:ARG:H	0.45	2.19	5	1
1:A:448:PHE:CD1	1:A:448:PHE:O	0.45	2.70	5	1
1:A:53:LEU:HD23	1:A:53:LEU:O	0.45	2.11	6	1
1:A:29:GLY:C	1:A:30:LEU:CD1	0.45	2.85	7	1
1:A:563:THR:CG2	1:A:564:GLU:N	0.45	2.77	8	2
1:A:612:GLU:OE1	1:A:612:GLU:CA	0.45	2.64	7	1
1:A:151:GLU:OE1	1:A:619:LYS:NZ	0.45	2.48	8	1
1:A:428:GLU:O	1:A:428:GLU:OE1	0.45	2.35	8	1
1:A:430:ARG:HH12	1:A:459:ASP:CG	0.45	2.19	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:149:PRO:O	1:A:150:GLN:O	0.45	2.35	9	1
1:A:582:ALA:O	1:A:584:ASN:N	0.45	2.49	9	1
1:A:550:GLN:O	1:A:550:GLN:CG	0.45	2.65	10	1
1:A:125:ARG:H	1:A:125:ARG:NE	0.45	2.08	1	1
1:A:393:MET:CB	1:A:438:CYS:SG	0.45	3.05	1	1
1:A:652:THR:O	1:A:653:LYS:C	0.45	2.60	2	5
1:A:150:GLN:OE1	1:A:627:ALA:CB	0.45	2.65	2	1
1:A:179:PRO:O	1:A:180:LEU:O	0.45	2.34	8	2
1:A:498:LEU:CB	1:A:502:ALA:HB2	0.45	2.41	2	1
1:A:632:ARG:C	1:A:634:THR:N	0.45	2.73	2	2
1:A:421:LYS:HB3	1:A:447:ALA:HB3	0.45	1.89	3	1
1:A:504:ILE:HD12	1:A:504:ILE:N	0.45	2.25	3	1
1:A:636:ARG:NE	1:A:708:THR:OG1	0.45	2.50	3	1
1:A:270:ASP:O	1:A:338:ARG:O	0.45	2.34	4	1
1:A:431:THR:O	1:A:432:SER:O	0.45	2.35	5	1
1:A:485:TYR:CE1	1:A:489:ASN:ND2	0.45	2.85	5	1
1:A:632:ARG:HE	1:A:632:ARG:C	0.45	2.19	5	1
1:A:116:GLN:OE1	1:A:450:ASN:CG	0.45	2.60	6	1
1:A:166:VAL:O	1:A:170:VAL:HG23	0.45	2.12	6	1
1:A:517:ASP:O	1:A:520:SER:N	0.45	2.48	6	1
1:A:687:SER:O	1:A:689:ALA:N	0.45	2.50	6	1
1:A:57:ARG:HH11	1:A:392:LYS:NZ	0.45	2.10	7	1
1:A:105:ILE:C	1:A:106:ASP:CG	0.45	2.84	7	1
1:A:282:ASP:OD1	1:A:282:ASP:N	0.45	2.46	7	1
1:A:456:ARG:N	1:A:456:ARG:CD	0.45	2.79	7	1
1:A:496:CYS:O	1:A:498:LEU:HD13	0.45	2.12	8	1
1:A:539:THR:O	1:A:543:LEU:CD1	0.45	2.65	8	1
1:A:637:ILE:O	1:A:637:ILE:CG2	0.45	2.63	8	1
1:A:449:ILE:HG21	1:A:502:ALA:CB	0.45	2.40	9	1
1:A:527:ARG:CD	1:A:527:ARG:N	0.45	2.79	9	1
1:A:594:GLN:OE1	1:A:594:GLN:CA	0.45	2.65	9	1
1:A:721:GLU:CD	1:A:721:GLU:C	0.45	2.85	10	2
1:A:719:GLU:C	1:A:719:GLU:OE1	0.45	2.59	10	1
1:A:452:GLY:O	1:A:453:PHE:C	0.45	2.60	1	3
1:A:461:MET:O	1:A:462:HIS:C	0.45	2.58	1	3
1:A:148:ILE:O	1:A:149:PRO:C	0.45	2.59	4	2
1:A:366:MET:SD	1:A:366:MET:C	0.45	2.99	2	1
1:A:425:MET:O	1:A:427:GLU:OE2	0.45	2.33	2	1
1:A:177:SER:OG	1:A:549:HIS:ND1	0.45	2.41	3	1
1:A:219:TYR:O	1:A:320:THR:CB	0.45	2.65	3	1
1:A:601:GLN:OE1	1:A:601:GLN:O	0.45	2.34	3	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:668:ASP:O	1:A:669:GLN:C	0.45	2.59	10	3
1:A:147:ILE:HD12	1:A:543:LEU:HD11	0.45	1.88	4	1
1:A:441:GLN:C	1:A:441:GLN:CD	0.45	2.84	4	1
1:A:297:THR:O	1:A:297:THR:HG22	0.45	2.12	6	1
1:A:451:THR:OG1	1:A:452:GLY:N	0.45	2.50	6	1
1:A:498:LEU:CD1	1:A:498:LEU:H	0.45	2.21	6	1
1:A:293:LEU:HD13	1:A:293:LEU:O	0.45	2.11	7	1
1:A:339:ASN:HD21	1:A:389:VAL:C	0.45	2.20	7	1
1:A:632:ARG:HH11	1:A:632:ARG:CG	0.45	2.23	7	1
1:A:249:GLY:O	1:A:252:ASP:O	0.45	2.35	10	2
1:A:520:SER:O	1:A:524:ASP:OD2	0.45	2.35	8	1
1:A:37:ARG:O	1:A:41:GLU:OE1	0.45	2.35	9	1
1:A:105:ILE:C	1:A:107:SER:N	0.45	2.71	9	1
1:A:270:ASP:C	1:A:338:ARG:HH21	0.45	2.19	9	1
1:A:508:MET:C	1:A:509:TRP:CG	0.45	2.95	9	1
1:A:283:LYS:NZ	1:A:348:VAL:HG22	0.45	2.27	10	1
1:A:143:TYR:CD1	1:A:144:GLY:N	0.45	2.85	2	2
1:A:61:GLN:O	1:A:65:ASP:OD1	0.45	2.34	2	2
1:A:710:PRO:O	1:A:714:ALA:CB	0.45	2.64	3	3
1:A:721:GLU:O	1:A:723:HIS:N	0.45	2.49	2	1
1:A:547:HIS:CD2	1:A:547:HIS:C	0.45	2.95	3	1
1:A:571:PRO:O	1:A:574:ASP:CG	0.45	2.59	3	1
1:A:461:MET:C	1:A:463:SER:N	0.45	2.74	7	2
1:A:510:ALA:O	1:A:511:MET:C	0.45	2.60	5	2
1:A:622:ASP:O	1:A:624:HIS:N	0.45	2.44	4	1
1:A:421:LYS:O	1:A:422:MET:CG	0.45	2.64	5	2
1:A:500:GLY:O	1:A:557:GLN:OE1	0.45	2.34	5	1
1:A:367:THR:C	1:A:369:ALA:N	0.45	2.74	6	1
1:A:719:GLU:O	1:A:723:HIS:N	0.45	2.50	6	1
1:A:38:ASN:HD21	1:A:412:MET:CB	0.45	2.24	7	1
1:A:344:MET:SD	1:A:713:HIS:ND1	0.45	2.89	7	1
1:A:518:MET:SD	1:A:522:LYS:CE	0.45	3.05	7	1
1:A:276:ALA:HB2	1:A:709:GLU:OE2	0.45	2.10	9	1
1:A:344:MET:C	1:A:345:THR:OG1	0.45	2.59	9	1
1:A:600:VAL:CG2	1:A:601:GLN:H	0.45	2.24	9	1
1:A:695:ASP:O	1:A:699:LEU:N	0.45	2.36	9	1
1:A:112:GLN:NE2	1:A:113:ALA:CA	0.45	2.79	10	1
1:A:219:TYR:CD2	1:A:220:ARG:N	0.45	2.85	3	1
1:A:379:LYS:O	1:A:380:ASN:OD1	0.45	2.35	3	1
1:A:133:ALA:O	1:A:135:TRP:N	0.45	2.50	4	1
1:A:361:ILE:C	1:A:363:ASP:N	0.45	2.74	9	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:465:MET:O	1:A:467:ALA:N	0.45	2.50	7	2
1:A:297:THR:CG2	1:A:332:ARG:NH2	0.45	2.80	5	1
1:A:299:GLN:CD	1:A:299:GLN:C	0.45	2.84	5	1
1:A:466:GLU:CD	1:A:466:GLU:O	0.45	2.60	8	2
1:A:699:LEU:CD2	1:A:699:LEU:N	0.45	2.79	5	1
1:A:270:ASP:CG	1:A:271:CYS:H	0.45	2.19	7	1
1:A:425:MET:HE3	1:A:456:ARG:NH1	0.45	2.26	7	1
1:A:654:GLU:C	1:A:654:GLU:CD	0.45	2.84	7	1
1:A:241:GLN:C	1:A:241:GLN:CD	0.45	2.85	8	1
1:A:456:ARG:O	1:A:458:GLY:N	0.45	2.50	8	1
1:A:527:ARG:C	1:A:529:GLY:H	0.45	2.20	8	1
1:A:649:GLY:O	1:A:650:ILE:C	0.45	2.60	8	1
1:A:65:ASP:OD2	1:A:69:ARG:NE	0.45	2.49	10	1
1:A:44:HIS:O	1:A:48:PRO:CG	0.45	2.65	1	1
1:A:273:ASP:O	1:A:274:SER:OG	0.45	2.34	1	1
1:A:624:HIS:O	1:A:626:VAL:N	0.45	2.50	1	2
1:A:123:ASN:O	1:A:124:ALA:C	0.45	2.60	2	1
1:A:524:ASP:OD2	1:A:527:ARG:NH1	0.45	2.42	2	1
1:A:385:SER:O	1:A:387:TYR:CE1	0.45	2.70	3	1
1:A:130:ALA:O	1:A:133:ALA:N	0.45	2.42	9	3
1:A:587:TRP:CD1	1:A:588:SER:H	0.45	2.30	4	1
1:A:622:ASP:C	1:A:624:HIS:N	0.45	2.75	4	1
1:A:234:ASN:OD1	1:A:549:HIS:O	0.45	2.35	5	1
1:A:357:ILE:O	1:A:357:ILE:CG1	0.45	2.64	6	1
1:A:110:THR:O	1:A:111:SER:OG	0.45	2.35	7	1
1:A:270:ASP:OD1	1:A:271:CYS:N	0.45	2.50	7	1
1:A:273:ASP:O	1:A:632:ARG:NE	0.45	2.49	7	1
1:A:610:TRP:O	1:A:611:VAL:C	0.45	2.59	7	1
1:A:226:PRO:O	1:A:227:THR:C	0.45	2.59	9	2
1:A:340:VAL:HG21	1:A:345:THR:OG1	0.45	2.11	10	1
1:A:170:VAL:O	1:A:171:ARG:C	0.45	2.60	1	3
1:A:269:LEU:C	1:A:270:ASP:CG	0.45	2.81	1	2
1:A:568:GLU:O	1:A:569:PHE:C	0.45	2.60	6	3
1:A:587:TRP:CH2	1:A:645:TRP:CH2	0.45	3.05	2	1
1:A:687:SER:C	1:A:689:ALA:N	0.45	2.72	5	3
1:A:117:LEU:HD23	1:A:118:VAL:O	0.45	2.12	3	1
1:A:498:LEU:O	1:A:499:ARG:HB2	0.45	2.10	3	1
1:A:553:VAL:O	1:A:554:GLN:C	0.45	2.59	3	3
1:A:583:GLU:O	1:A:584:ASN:CG	0.45	2.59	3	1
1:A:591:GLU:O	1:A:595:GLU:OE1	0.45	2.34	4	3
1:A:40:ASP:O	1:A:44:HIS:CD2	0.45	2.70	4	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:230:LEU:C	1:A:231:LEU:HD23	0.45	2.34	5	1
1:A:367:THR:O	1:A:369:ALA:N	0.45	2.50	6	1
1:A:406:PHE:O	1:A:407:THR:C	0.45	2.59	10	2
1:A:508:MET:SD	1:A:534:TRP:CE3	0.45	3.10	6	1
1:A:19:PHE:HB2	1:A:284:ILE:HD11	0.45	1.88	7	1
1:A:35:PHE:O	1:A:36:TRP:C	0.45	2.57	7	1
1:A:129:ASN:O	1:A:130:ALA:C	0.45	2.60	7	1
1:A:336:PHE:CE1	1:A:389:VAL:HG22	0.45	2.47	9	1
1:A:129:ASN:N	1:A:129:ASN:HD22	0.45	2.09	10	1
1:A:291:LEU:O	1:A:292:GLY:C	0.45	2.58	10	1
1:A:459:ASP:O	1:A:461:MET:N	0.45	2.50	10	1
1:A:670:GLN:O	1:A:670:GLN:CD	0.45	2.60	10	1
1:A:285:LEU:HD23	1:A:285:LEU:O	0.44	2.12	1	1
1:A:466:GLU:O	1:A:467:ALA:C	0.44	2.60	1	1
1:A:487:ARG:O	1:A:488:ASN:C	0.44	2.60	1	3
1:A:532:THR:HG22	1:A:533:ALA:N	0.44	2.27	1	1
1:A:610:TRP:CD1	1:A:610:TRP:C	0.44	2.95	5	2
1:A:41:GLU:O	1:A:45:ASP:CG	0.44	2.60	9	3
1:A:238:ILE:HG23	1:A:261:VAL:HG12	0.44	1.88	7	2
1:A:526:LEU:O	1:A:527:ARG:C	0.44	2.60	6	4
1:A:552:ASN:HD22	1:A:552:ASN:C	0.44	2.20	2	1
1:A:150:GLN:NE2	1:A:162:ARG:NE	0.44	2.65	3	1
1:A:368:GLY:O	1:A:369:ALA:C	0.44	2.58	5	3
1:A:451:THR:HG21	1:A:534:TRP:HB3	0.44	1.88	4	1
1:A:531:ASN:ND2	1:A:532:THR:HG23	0.44	2.27	4	1
1:A:546:LEU:HD12	1:A:546:LEU:N	0.44	2.27	5	1
1:A:669:GLN:C	1:A:669:GLN:CD	0.44	2.85	5	3
1:A:162:ARG:HH21	1:A:165:GLN:NE2	0.44	2.10	6	1
1:A:272:GLU:O	1:A:273:ASP:C	0.44	2.60	6	2
1:A:607:VAL:O	1:A:608:VAL:C	0.44	2.59	10	2
1:A:705:ASN:ND2	1:A:706:GLY:N	0.44	2.65	6	1
1:A:421:LYS:C	1:A:422:MET:CG	0.44	2.90	7	1
1:A:19:PHE:O	1:A:23:GLU:CB	0.44	2.65	8	2
1:A:54:LEU:CD2	1:A:342:HIS:CE1	0.44	3.00	8	1
1:A:243:ASP:OD1	1:A:243:ASP:C	0.44	2.60	8	1
1:A:524:ASP:OD1	1:A:525:GLN:N	0.44	2.50	8	1
1:A:334:LEU:HD12	1:A:382:ARG:HH21	0.44	1.70	10	1
1:A:273:ASP:CG	1:A:455:ASP:OD2	0.44	2.60	1	1
1:A:511:MET:H	1:A:512:PRO:HD3	0.44	1.72	1	1
1:A:712:LEU:C	1:A:712:LEU:HD23	0.44	2.38	8	2
1:A:36:TRP:O	1:A:36:TRP:CD1	0.44	2.71	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:53:LEU:N	1:A:53:LEU:CD1	0.44	2.79	2	1
1:A:137:SER:OG	1:A:140:ASP:OD2	0.44	2.35	8	2
1:A:186:GLN:OE1	1:A:187:ASP:CG	0.44	2.61	2	1
1:A:314:ASN:CG	1:A:315:ASP:H	0.44	2.18	2	2
1:A:452:GLY:O	1:A:453:PHE:CB	0.44	2.64	2	1
1:A:547:HIS:CD2	1:A:547:HIS:O	0.44	2.71	3	1
1:A:78:LYS:HZ3	1:A:82:LYS:HB2	0.44	1.72	4	1
1:A:417:PRO:O	1:A:418:ASN:OD1	0.44	2.36	4	1
1:A:513:ASP:O	1:A:514:LEU:C	0.44	2.60	8	2
1:A:625:ASN:O	1:A:626:VAL:O	0.44	2.35	4	2
1:A:17:LYS:O	1:A:21:ASP:OD1	0.44	2.35	5	1
1:A:526:LEU:C	1:A:528:ALA:H	0.44	2.19	5	1
1:A:121:ALA:HB2	1:A:270:ASP:O	0.44	2.12	6	1
1:A:365:VAL:O	1:A:366:MET:C	0.44	2.61	8	3
1:A:418:ASN:CG	1:A:419:THR:H	0.44	2.19	6	1
1:A:184:SER:OG	1:A:187:ASP:OD2	0.44	2.35	10	2
1:A:202:LEU:HD11	1:A:208:THR:HG21	0.44	1.88	7	1
1:A:353:GLU:O	1:A:354:GLY:C	0.44	2.58	7	1
1:A:436:ARG:CD	1:A:436:ARG:N	0.44	2.80	9	1
1:A:452:GLY:N	1:A:505:GLY:O	0.44	2.49	9	1
1:A:546:LEU:C	1:A:548:TYR:N	0.44	2.75	10	1
1:A:563:THR:O	1:A:564:GLU:HB3	0.44	2.12	10	1
1:A:35:PHE:O	1:A:39:PHE:CB	0.44	2.65	1	1
1:A:314:ASN:O	1:A:314:ASN:ND2	0.44	2.49	1	1
1:A:330:HIS:NE2	1:A:334:LEU:HD12	0.44	2.27	1	1
1:A:31:ASP:N	1:A:31:ASP:OD1	0.44	2.50	2	1
1:A:279:ASP:C	1:A:281:GLU:H	0.44	2.19	2	1
1:A:289:ASN:O	1:A:290:LEU:C	0.44	2.61	4	3
1:A:32:ALA:O	1:A:36:TRP:N	0.44	2.50	3	1
1:A:695:ASP:OD2	1:A:715:TRP:CE2	0.44	2.71	3	1
1:A:366:MET:O	1:A:367:THR:C	0.44	2.59	7	2
1:A:52:GLN:O	1:A:56:GLU:OE1	0.44	2.35	5	2
1:A:342:HIS:O	1:A:343:LEU:C	0.44	2.61	10	2
1:A:460:GLU:C	1:A:460:GLU:CD	0.44	2.85	5	1
1:A:70:SER:C	1:A:71:ASN:ND2	0.44	2.75	6	1
1:A:233:ASN:O	1:A:549:HIS:CE1	0.44	2.70	6	1
1:A:427:GLU:C	1:A:427:GLU:CD	0.44	2.85	6	1
1:A:427:GLU:O	1:A:428:GLU:O	0.44	2.35	6	1
1:A:570:GLU:OE1	1:A:570:GLU:CA	0.44	2.63	8	1
1:A:101:GLU:O	1:A:101:GLU:CD	0.44	2.60	9	1
1:A:417:PRO:C	1:A:418:ASN:CG	0.44	2.85	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:662:ASN:H	1:A:662:ASN:ND2	0.44	2.10	9	1
1:A:294:MET:CG	1:A:370:ILE:HD12	0.44	2.42	10	1
1:A:340:VAL:HG22	1:A:341:GLY:H	0.44	1.72	10	1
1:A:586:ASN:HD22	1:A:586:ASN:H	0.44	1.54	10	1
1:A:644:ASN:OD1	1:A:644:ASN:N	0.44	2.49	10	1
1:A:658:ALA:O	1:A:661:GLU:OE2	0.44	2.34	10	1
1:A:57:ARG:HE	1:A:57:ARG:H	0.44	1.53	1	1
1:A:319:TYR:O	1:A:326:GLU:OE2	0.44	2.35	1	1
1:A:337:ILE:CG2	1:A:338:ARG:N	0.44	2.80	1	1
1:A:343:LEU:N	1:A:343:LEU:CD1	0.44	2.80	1	1
1:A:445:ARG:O	1:A:446:VAL:C	0.44	2.58	2	2
1:A:175:ASP:CG	1:A:184:SER:OG	0.44	2.60	2	1
1:A:426:ASP:OD1	1:A:426:ASP:N	0.44	2.50	2	1
1:A:67:TRP:O	1:A:71:ASN:OD1	0.44	2.36	3	1
1:A:297:THR:O	1:A:297:THR:OG1	0.44	2.36	4	2
1:A:623:ILE:HD13	1:A:623:ILE:H	0.44	1.73	5	1
1:A:665:LYS:O	1:A:669:GLN:CB	0.44	2.65	5	1
1:A:250:LYS:NZ	1:A:250:LYS:CB	0.44	2.80	7	1
1:A:421:LYS:CB	1:A:421:LYS:HZ3	0.44	2.24	7	1
1:A:533:ALA:CB	1:A:544:HIS:CE1	0.44	2.99	7	1
1:A:76:LYS:C	1:A:76:LYS:CD	0.44	2.90	8	1
1:A:506:LYS:NZ	1:A:534:TRP:CZ3	0.44	2.80	8	1
1:A:77:ASP:C	1:A:79:ALA:H	0.44	2.19	10	1
1:A:430:ARG:NH2	1:A:463:SER:OG	0.44	2.50	10	1
1:A:494:LEU:C	1:A:494:LEU:HD12	0.44	2.38	10	1
1:A:655:GLN:O	1:A:655:GLN:NE2	0.44	2.50	10	1
1:A:159:ASP:C	1:A:161:GLN:H	0.44	2.20	1	1
1:A:245:ASN:O	1:A:245:ASN:ND2	0.44	2.50	1	2
1:A:279:ASP:O	1:A:280:ALA:C	0.44	2.59	1	3
1:A:429:ARG:NH1	1:A:460:GLU:OE2	0.44	2.51	1	1
1:A:654:GLU:O	1:A:655:GLN:C	0.44	2.61	5	3
1:A:65:ASP:OD1	1:A:65:ASP:N	0.44	2.50	2	1
1:A:359:GLU:C	1:A:361:ILE:N	0.44	2.76	2	2
1:A:481:TRP:CG	1:A:578:THR:HG21	0.44	2.48	2	1
1:A:118:VAL:CG2	1:A:534:TRP:HE1	0.44	2.25	10	2
1:A:522:LYS:HZ2	1:A:522:LYS:CB	0.44	2.26	3	1
1:A:540:ALA:O	1:A:541:ALA:C	0.44	2.60	3	1
1:A:655:GLN:OE1	1:A:655:GLN:C	0.44	2.60	3	1
1:A:688:CYS:O	1:A:689:ALA:C	0.44	2.61	6	2
1:A:108:GLU:CG	1:A:109:ILE:N	0.44	2.81	6	2
1:A:525:GLN:C	1:A:525:GLN:CD	0.44	2.85	4	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:542:THR:HG23	1:A:543:LEU:N	0.44	2.26	4	2
1:A:622:ASP:OD1	1:A:622:ASP:N	0.44	2.48	8	2
1:A:198:LEU:HD21	1:A:229:ILE:HD11	0.44	1.89	6	1
1:A:444:ASN:C	1:A:446:VAL:HG12	0.44	2.37	6	1
1:A:584:ASN:ND2	1:A:584:ASN:N	0.44	2.64	6	1
1:A:239:GLU:CD	1:A:319:TYR:OH	0.44	2.61	7	1
1:A:422:MET:C	1:A:447:ALA:HB2	0.44	2.37	7	1
1:A:115:PRO:HG2	1:A:545:ALA:HB2	0.44	1.89	8	1
1:A:132:ASN:OD1	1:A:332:ARG:NE	0.44	2.50	8	1
1:A:171:ARG:O	1:A:175:ASP:CG	0.44	2.60	8	1
1:A:215:GLN:OE1	1:A:232:LYS:O	0.44	2.36	8	1
1:A:237:HIS:O	1:A:262:GLU:CD	0.44	2.60	8	1
1:A:290:LEU:C	1:A:290:LEU:HD13	0.44	2.38	8	1
1:A:94:GLN:O	1:A:95:PRO:O	0.44	2.35	9	1
1:A:701:VAL:HG23	1:A:702:LYS:HZ2	0.44	1.73	9	1
1:A:713:HIS:CD2	1:A:714:ALA:N	0.44	2.85	9	1
1:A:482:ILE:C	1:A:482:ILE:CD1	0.44	2.90	10	1
1:A:512:PRO:O	1:A:513:ASP:CG	0.44	2.60	10	1
1:A:695:ASP:C	1:A:697:ILE:N	0.44	2.73	10	1
1:A:189:VAL:O	1:A:255:HIS:ND1	0.44	2.50	1	1
1:A:366:MET:C	1:A:368:GLY:H	0.44	2.20	1	1
1:A:424:ILE:HG22	1:A:424:ILE:O	0.44	2.12	1	1
1:A:281:GLU:N	1:A:281:GLU:CD	0.44	2.75	2	1
1:A:71:ASN:OD1	1:A:71:ASN:O	0.44	2.35	3	1
1:A:42:ILE:O	1:A:43:VAL:C	0.44	2.60	4	1
1:A:451:THR:OG1	1:A:532:THR:O	0.44	2.36	4	1
1:A:609:ARG:NH1	1:A:617:CYS:O	0.44	2.51	4	1
1:A:125:ARG:O	1:A:126:TYR:C	0.44	2.61	8	3
1:A:312:LYS:HZ2	1:A:312:LYS:HB2	0.44	1.72	5	1
1:A:123:ASN:O	1:A:124:ALA:O	0.44	2.36	8	2
1:A:197:GLN:OE1	1:A:198:LEU:O	0.44	2.35	6	1
1:A:358:PRO:O	1:A:361:ILE:CG2	0.44	2.66	6	1
1:A:425:MET:O	1:A:426:ASP:C	0.44	2.59	6	3
1:A:366:MET:O	1:A:369:ALA:N	0.44	2.50	7	1
1:A:517:ASP:OD2	1:A:521:GLN:NE2	0.44	2.51	7	1
1:A:524:ASP:OD1	1:A:524:ASP:C	0.44	2.60	8	1
1:A:565:PHE:O	1:A:566:ASN:C	0.44	2.61	8	1
1:A:101:GLU:O	1:A:101:GLU:OE1	0.44	2.35	9	1
1:A:359:GLU:CD	1:A:359:GLU:C	0.44	2.86	9	1
1:A:560:ILE:O	1:A:563:THR:OG1	0.44	2.31	9	1
1:A:590:GLN:O	1:A:594:GLN:CD	0.44	2.61	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:276:ALA:HB1	1:A:713:HIS:NE2	0.44	2.27	1	1
1:A:434:ASN:C	1:A:436:ARG:N	0.44	2.70	5	2
1:A:450:ASN:ND2	1:A:450:ASN:C	0.44	2.76	1	2
1:A:554:GLN:O	1:A:558:ALA:CB	0.44	2.65	7	2
1:A:703:GLN:OE1	1:A:707:TYR:O	0.44	2.36	8	2
1:A:126:TYR:CD1	1:A:632:ARG:NH2	0.44	2.86	2	1
1:A:624:HIS:C	1:A:625:ASN:OD1	0.44	2.61	2	1
1:A:394:HIS:CE1	1:A:441:GLN:NE2	0.44	2.86	3	1
1:A:290:LEU:N	1:A:290:LEU:CD1	0.44	2.80	4	1
1:A:375:LEU:HD21	1:A:419:THR:HG21	0.44	1.89	4	1
1:A:371:ALA:O	1:A:374:ASP:CG	0.44	2.61	5	1
1:A:272:GLU:OE2	1:A:277:ALA:O	0.44	2.36	6	1
1:A:450:ASN:C	1:A:451:THR:HG1	0.44	2.17	6	1
1:A:249:GLY:O	1:A:251:ASP:N	0.44	2.50	7	1
1:A:241:GLN:HE22	1:A:243:ASP:CB	0.44	2.25	8	1
1:A:282:ASP:OD1	1:A:283:LYS:N	0.44	2.51	8	1
1:A:572:LEU:C	1:A:574:ASP:N	0.44	2.74	8	1
1:A:291:LEU:HD23	1:A:370:ILE:HG12	0.44	1.90	9	1
1:A:118:VAL:HG23	1:A:534:TRP:CD1	0.44	2.47	10	1
1:A:402:ALA:O	1:A:403:ASN:C	0.44	2.59	9	4
1:A:434:ASN:O	1:A:435:LEU:C	0.44	2.60	8	3
1:A:498:LEU:HD22	1:A:502:ALA:HB2	0.44	1.88	1	1
1:A:594:GLN:O	1:A:597:ASP:OD1	0.44	2.36	1	2
1:A:601:GLN:C	1:A:601:GLN:CD	0.44	2.85	10	3
1:A:278:VAL:O	1:A:279:ASP:O	0.44	2.35	2	1
1:A:369:ALA:O	1:A:370:ILE:C	0.44	2.59	8	3
1:A:430:ARG:O	1:A:460:GLU:OE1	0.44	2.36	3	1
1:A:114:GLY:C	1:A:532:THR:HG21	0.44	2.38	4	1
1:A:288:ARG:O	1:A:289:ASN:C	0.44	2.60	4	1
1:A:461:MET:O	1:A:463:SER:N	0.44	2.50	7	2
1:A:114:GLY:O	1:A:116:GLN:OE1	0.44	2.35	5	1
1:A:504:ILE:H	1:A:531:ASN:HD22	0.44	1.56	6	1
1:A:547:HIS:O	1:A:548:TYR:C	0.44	2.59	10	3
1:A:711:LEU:HG	1:A:712:LEU:N	0.44	2.28	6	1
1:A:112:GLN:CD	1:A:112:GLN:C	0.44	2.86	7	1
1:A:562:GLN:CD	1:A:562:GLN:N	0.44	2.76	7	1
1:A:213:PRO:O	1:A:216:PHE:CE1	0.44	2.71	8	1
1:A:486:GLU:C	1:A:486:GLU:CD	0.44	2.85	8	1
1:A:604:LEU:HD22	1:A:667:VAL:HG21	0.44	1.89	8	1
1:A:264:ALA:O	1:A:265:ILE:C	0.44	2.61	9	1
1:A:337:ILE:O	1:A:389:VAL:N	0.44	2.41	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:435:LEU:C	1:A:437:SER:N	0.44	2.74	9	1
1:A:572:LEU:O	1:A:576:LEU:CB	0.44	2.66	1	1
1:A:711:LEU:O	1:A:714:ALA:HB3	0.44	2.13	1	1
1:A:22:GLU:CD	1:A:22:GLU:C	0.44	2.85	2	1
1:A:66:GLU:O	1:A:67:TRP:C	0.44	2.58	7	3
1:A:374:ASP:C	1:A:377:VAL:HG22	0.44	2.38	3	1
1:A:234:ASN:HD21	1:A:552:ASN:CG	0.44	2.20	4	1
1:A:208:THR:OG1	1:A:209:THR:N	0.44	2.50	5	1
1:A:278:VAL:HG13	1:A:717:LEU:HD21	0.44	1.89	5	1
1:A:661:GLU:OE2	1:A:662:ASN:CA	0.44	2.66	5	1
1:A:419:THR:O	1:A:420:LEU:C	0.44	2.61	6	1
1:A:444:ASN:HD22	1:A:445:ARG:H	0.44	1.55	6	1
1:A:488:ASN:ND2	1:A:575:ASP:OD2	0.44	2.48	6	1
1:A:38:ASN:OD1	1:A:412:MET:SD	0.44	2.76	7	1
1:A:204:ASN:N	1:A:204:ASN:HD22	0.44	2.11	7	1
1:A:339:ASN:H	1:A:339:ASN:HD22	0.44	1.53	7	1
1:A:506:LYS:O	1:A:530:ALA:HB1	0.44	2.13	7	1
1:A:509:TRP:CD1	1:A:509:TRP:C	0.44	2.94	7	1
1:A:709:GLU:O	1:A:711:LEU:N	0.44	2.51	8	2
1:A:170:VAL:O	1:A:173:PHE:N	0.44	2.50	8	1
1:A:184:SER:CA	1:A:187:ASP:OD1	0.44	2.66	8	1
1:A:212:THR:O	1:A:212:THR:OG1	0.44	2.31	8	1
1:A:609:ARG:O	1:A:610:TRP:C	0.44	2.61	8	1
1:A:699:LEU:HD23	1:A:702:LYS:HZ1	0.44	1.73	8	1
1:A:289:ASN:ND2	1:A:297:THR:HG21	0.44	2.28	9	1
1:A:670:GLN:OE1	1:A:670:GLN:C	0.44	2.61	9	1
1:A:41:GLU:CD	1:A:41:GLU:C	0.44	2.86	10	1
1:A:112:GLN:NE2	1:A:114:GLY:N	0.44	2.66	10	1
1:A:428:GLU:O	1:A:460:GLU:OE1	0.44	2.36	10	1
1:A:514:LEU:O	1:A:517:ASP:OD1	0.44	2.36	10	1
1:A:150:GLN:C	1:A:150:GLN:HE21	0.43	2.21	1	1
1:A:539:THR:O	1:A:540:ALA:C	0.43	2.58	1	1
1:A:631:ASP:OD1	1:A:631:ASP:N	0.43	2.51	1	1
1:A:23:GLU:C	1:A:23:GLU:OE1	0.43	2.61	2	1
1:A:111:SER:O	1:A:112:GLN:OE1	0.43	2.36	2	1
1:A:273:ASP:OD1	1:A:274:SER:N	0.43	2.51	2	2
1:A:426:ASP:C	1:A:428:GLU:H	0.43	2.21	2	1
1:A:435:LEU:C	1:A:435:LEU:CD2	0.43	2.91	3	1
1:A:75:VAL:HG11	1:A:81:TYR:CG	0.43	2.48	4	1
1:A:192:LYS:HZ3	1:A:199:ARG:HE	0.43	1.56	4	1
1:A:61:GLN:OE1	1:A:462:HIS:O	0.43	2.36	5	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:460:GLU:OE1	1:A:460:GLU:O	0.43	2.36	5	1
1:A:544:HIS:O	1:A:544:HIS:ND1	0.43	2.51	5	1
1:A:699:LEU:N	1:A:699:LEU:HD22	0.43	2.28	5	1
1:A:112:GLN:OE1	1:A:237:HIS:CE1	0.43	2.71	6	1
1:A:624:HIS:C	1:A:625:ASN:CG	0.43	2.85	7	2
1:A:452:GLY:O	1:A:485:TYR:OH	0.43	2.36	8	1
1:A:606:TYR:CD1	1:A:606:TYR:O	0.43	2.70	8	2
1:A:698:PHE:O	1:A:701:VAL:HG22	0.43	2.12	9	1
1:A:721:GLU:CD	1:A:721:GLU:O	0.43	2.61	9	1
1:A:53:LEU:O	1:A:54:LEU:C	0.43	2.61	1	1
1:A:130:ALA:O	1:A:133:ALA:HB3	0.43	2.13	1	1
1:A:313:LEU:N	1:A:313:LEU:CD1	0.43	2.81	1	1
1:A:516:ALA:O	1:A:517:ASP:C	0.43	2.59	1	1
1:A:614:GLY:O	1:A:615:ILE:HG23	0.43	2.13	8	2
1:A:624:HIS:C	1:A:626:VAL:H	0.43	2.20	5	2
1:A:531:ASN:O	1:A:532:THR:CG2	0.43	2.65	2	1
1:A:692:ALA:O	1:A:693:ALA:C	0.43	2.62	2	2
1:A:594:GLN:CD	1:A:594:GLN:C	0.43	2.85	3	1
1:A:606:TYR:CZ	1:A:631:ASP:O	0.43	2.71	4	1
1:A:174:LEU:HD21	1:A:259:VAL:HG11	0.43	1.89	5	1
1:A:453:PHE:C	1:A:455:ASP:N	0.43	2.74	5	1
1:A:557:GLN:O	1:A:561:ALA:CB	0.43	2.66	5	1
1:A:606:TYR:CE1	1:A:620:VAL:HG21	0.43	2.47	5	1
1:A:634:THR:HG23	1:A:635:LEU:N	0.43	2.29	5	1
1:A:100:VAL:C	1:A:101:GLU:OE1	0.43	2.61	6	1
1:A:358:PRO:O	1:A:361:ILE:HG22	0.43	2.13	6	1
1:A:711:LEU:O	1:A:715:TRP:N	0.43	2.42	7	1
1:A:52:GLN:OE1	1:A:52:GLN:C	0.43	2.62	8	1
1:A:519:TYR:O	1:A:519:TYR:CD1	0.43	2.71	8	1
1:A:547:HIS:C	1:A:549:HIS:N	0.43	2.73	8	1
1:A:719:GLU:C	1:A:719:GLU:CD	0.43	2.86	8	1
1:A:152:GLY:O	1:A:153:ALA:HB2	0.43	2.13	9	1
1:A:582:ALA:C	1:A:584:ASN:N	0.43	2.76	9	1
1:A:53:LEU:O	1:A:394:HIS:CE1	0.43	2.71	10	1
1:A:666:VAL:C	1:A:668:ASP:N	0.43	2.76	10	1
1:A:703:GLN:CD	1:A:708:THR:OG1	0.43	2.62	10	1
1:A:61:GLN:O	1:A:65:ASP:CB	0.43	2.66	1	1
1:A:286:LEU:CD2	1:A:286:LEU:C	0.43	2.91	1	1
1:A:291:LEU:HD23	1:A:291:LEU:C	0.43	2.38	1	1
1:A:453:PHE:O	1:A:507:GLY:O	0.43	2.37	1	1
1:A:3:GLN:CD	1:A:3:GLN:C	0.43	2.87	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:176:GLU:OE1	1:A:550:GLN:OE1	0.43	2.36	2	1
1:A:279:ASP:OD1	1:A:347:PRO:O	0.43	2.36	2	1
1:A:687:SER:C	1:A:689:ALA:H	0.43	2.22	5	3
1:A:667:VAL:O	1:A:668:ASP:C	0.43	2.60	8	2
1:A:136:GLY:C	1:A:137:SER:OG	0.43	2.60	4	1
1:A:143:TYR:OH	1:A:159:ASP:O	0.43	2.36	4	1
1:A:213:PRO:O	1:A:214:ALA:C	0.43	2.61	5	2
1:A:427:GLU:O	1:A:428:GLU:C	0.43	2.62	4	2
1:A:455:ASP:O	1:A:456:ARG:C	0.43	2.61	4	2
1:A:531:ASN:ND2	1:A:531:ASN:C	0.43	2.76	4	1
1:A:597:ASP:OD2	1:A:663:MET:SD	0.43	2.77	4	1
1:A:485:TYR:C	1:A:487:ARG:N	0.43	2.73	5	1
1:A:641:HIS:O	1:A:645:TRP:CD1	0.43	2.71	5	2
1:A:142:LEU:CD2	1:A:147:ILE:HG21	0.43	2.43	6	1
1:A:719:GLU:O	1:A:723:HIS:C	0.43	2.61	6	1
1:A:53:LEU:HD12	1:A:54:LEU:N	0.43	2.27	7	1
1:A:257:ASN:OD1	1:A:257:ASN:C	0.43	2.60	7	1
1:A:380:ASN:ND2	1:A:382:ARG:HH21	0.43	2.11	7	1
1:A:601:GLN:OE1	1:A:663:MET:SD	0.43	2.76	7	1
1:A:624:HIS:ND1	1:A:624:HIS:N	0.43	2.64	7	1
1:A:293:LEU:O	1:A:293:LEU:CD1	0.43	2.66	9	1
1:A:524:ASP:O	1:A:526:LEU:N	0.43	2.51	9	1
1:A:181:GLU:O	1:A:182:ASN:CG	0.43	2.61	10	1
1:A:622:ASP:OD2	1:A:628:LEU:HD23	0.43	2.12	10	1
1:A:714:ALA:O	1:A:715:TRP:C	0.43	2.60	10	1
1:A:422:MET:N	1:A:446:VAL:O	0.43	2.37	1	1
1:A:37:ARG:O	1:A:38:ASN:C	0.43	2.62	3	2
1:A:168:ALA:O	1:A:169:TRP:C	0.43	2.62	10	2
1:A:386:VAL:O	1:A:421:LYS:N	0.43	2.50	3	1
1:A:587:TRP:CD1	1:A:588:SER:N	0.43	2.86	4	1
1:A:104:GLY:O	1:A:105:ILE:CD1	0.43	2.66	5	1
1:A:135:TRP:CZ3	1:A:314:ASN:OD1	0.43	2.72	5	1
1:A:296:GLY:O	1:A:297:THR:OG1	0.43	2.35	5	1
1:A:99:THR:OG1	1:A:101:GLU:CD	0.43	2.61	6	1
1:A:212:THR:OG1	1:A:215:GLN:NE2	0.43	2.51	6	1
1:A:219:TYR:O	1:A:320:THR:OG1	0.43	2.36	6	1
1:A:268:ILE:N	1:A:268:ILE:CD1	0.43	2.78	6	1
1:A:630:GLU:OE1	1:A:634:THR:HG22	0.43	2.13	6	1
1:A:262:GLU:CD	1:A:262:GLU:O	0.43	2.62	7	1
1:A:298:LEU:CD1	1:A:298:LEU:N	0.43	2.81	7	1
1:A:402:ALA:CB	1:A:445:ARG:NH2	0.43	2.81	7	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:632:ARG:CG	1:A:632:ARG:NH1	0.43	2.77	7	1
1:A:169:TRP:O	1:A:173:PHE:CD1	0.43	2.72	8	1
1:A:184:SER:OG	1:A:187:ASP:OD1	0.43	2.35	8	1
1:A:184:SER:OG	1:A:187:ASP:CG	0.43	2.61	10	2
1:A:546:LEU:O	1:A:547:HIS:C	0.43	2.62	9	3
1:A:129:ASN:ND2	1:A:134:ARG:NE	0.43	2.67	9	1
1:A:238:ILE:C	1:A:239:GLU:OE1	0.43	2.62	9	1
1:A:436:ARG:CA	1:A:436:ARG:HE	0.43	2.26	9	1
1:A:448:PHE:C	1:A:449:ILE:CD1	0.43	2.89	9	1
1:A:593:GLN:O	1:A:597:ASP:CG	0.43	2.61	9	1
1:A:61:GLN:HE22	1:A:430:ARG:NH2	0.43	2.12	10	1
1:A:199:ARG:NH2	1:A:207:GLU:OE2	0.43	2.43	10	1
1:A:322:ALA:C	1:A:324:GLY:H	0.43	2.20	10	1
1:A:351:ASP:OD2	1:A:355:ASN:OD1	0.43	2.36	10	1
1:A:429:ARG:C	1:A:460:GLU:OE2	0.43	2.62	10	1
1:A:162:ARG:O	1:A:163:GLY:C	0.43	2.59	1	1
1:A:330:HIS:HD1	1:A:331:GLY:N	0.43	2.11	1	1
1:A:336:PHE:CD2	1:A:387:TYR:CB	0.43	3.01	1	1
1:A:53:LEU:CD1	1:A:53:LEU:H	0.43	2.27	2	1
1:A:111:SER:C	1:A:112:GLN:NE2	0.43	2.77	2	1
1:A:321:ALA:HB2	1:A:327:ILE:CD1	0.43	2.43	2	1
1:A:565:PHE:O	1:A:568:GLU:OE1	0.43	2.37	2	1
1:A:632:ARG:O	1:A:633:ALA:C	0.43	2.59	6	2
1:A:192:LYS:O	1:A:198:LEU:HA	0.43	2.13	3	3
1:A:298:LEU:CD1	1:A:298:LEU:H	0.43	2.27	3	1
1:A:148:ILE:O	1:A:148:ILE:HG23	0.43	2.12	4	1
1:A:294:MET:CE	1:A:374:ASP:OD2	0.43	2.67	4	1
1:A:358:PRO:O	1:A:359:GLU:OE1	0.43	2.36	4	1
1:A:94:GLN:O	1:A:95:PRO:C	0.43	2.61	5	2
1:A:451:THR:OG1	1:A:505:GLY:O	0.43	2.33	5	1
1:A:557:GLN:O	1:A:561:ALA:N	0.43	2.49	5	1
1:A:353:GLU:H	1:A:353:GLU:CD	0.43	2.11	6	1
1:A:365:VAL:C	1:A:367:THR:H	0.43	2.21	6	1
1:A:433:LEU:CD1	1:A:433:LEU:C	0.43	2.92	8	1
1:A:61:GLN:O	1:A:65:ASP:CG	0.43	2.62	9	1
1:A:108:GLU:OE1	1:A:112:GLN:OE1	0.43	2.36	9	1
1:A:609:ARG:O	1:A:613:GLN:CB	0.43	2.66	9	1
1:A:491:LEU:O	1:A:492:SER:C	0.43	2.60	10	1
1:A:544:HIS:C	1:A:546:LEU:N	0.43	2.75	10	1
1:A:717:LEU:O	1:A:721:GLU:CB	0.43	2.65	10	1
1:A:170:VAL:O	1:A:172:ARG:N	0.43	2.51	1	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:248:ILE:O	1:A:249:GLY:C	0.43	2.61	10	4
1:A:330:HIS:CD2	1:A:332:ARG:O	0.43	2.72	1	1
1:A:703:GLN:OE1	1:A:707:TYR:C	0.43	2.61	1	1
1:A:404:LYS:C	1:A:406:PHE:N	0.43	2.76	2	1
1:A:586:ASN:OD1	1:A:586:ASN:O	0.43	2.37	2	1
1:A:632:ARG:O	1:A:634:THR:N	0.43	2.51	2	1
1:A:374:ASP:O	1:A:377:VAL:HG22	0.43	2.12	3	1
1:A:513:ASP:OD1	1:A:514:LEU:N	0.43	2.51	4	1
1:A:639:SER:C	1:A:703:GLN:HE22	0.43	2.22	4	1
1:A:108:GLU:CG	1:A:109:ILE:H	0.43	2.25	6	1
1:A:411:THR:O	1:A:412:MET:C	0.43	2.60	10	2
1:A:558:ALA:O	1:A:559:ASN:C	0.43	2.59	9	2
1:A:641:HIS:O	1:A:644:ASN:N	0.43	2.52	7	1
1:A:110:THR:O	1:A:501:LYS:NZ	0.43	2.51	8	1
1:A:321:ALA:O	1:A:324:GLY:N	0.43	2.51	9	1
1:A:404:LYS:O	1:A:407:THR:OG1	0.43	2.37	9	1
1:A:439:ILE:HG23	1:A:440:ALA:N	0.43	2.27	10	1
1:A:593:GLN:C	1:A:593:GLN:OE1	0.43	2.61	10	1
1:A:47:ALA:HB1	1:A:355:ASN:ND2	0.43	2.27	1	1
1:A:182:ASN:ND2	1:A:207:GLU:O	0.43	2.51	1	1
1:A:354:GLY:O	1:A:355:ASN:C	0.43	2.60	5	3
1:A:518:MET:O	1:A:519:TYR:C	0.43	2.61	3	6
1:A:403:ASN:ND2	1:A:443:ARG:CD	0.43	2.81	2	1
1:A:638:SER:C	1:A:640:GLN:N	0.43	2.74	2	1
1:A:172:ARG:O	1:A:175:ASP:OD2	0.43	2.36	3	1
1:A:281:GLU:O	1:A:282:ASP:C	0.43	2.61	3	4
1:A:435:LEU:C	1:A:435:LEU:HD23	0.43	2.38	3	1
1:A:24:VAL:O	1:A:28:THR:CB	0.43	2.66	4	2
1:A:107:SER:O	1:A:110:THR:OG1	0.43	2.32	4	1
1:A:488:ASN:ND2	1:A:492:SER:H	0.43	2.12	4	1
1:A:562:GLN:O	1:A:563:THR:CB	0.43	2.65	4	1
1:A:68:HIS:O	1:A:71:ASN:C	0.43	2.62	5	1
1:A:488:ASN:ND2	1:A:488:ASN:C	0.43	2.76	5	1
1:A:571:PRO:O	1:A:575:ASP:OD2	0.43	2.37	5	1
1:A:703:GLN:OE1	1:A:708:THR:HG22	0.43	2.14	5	1
1:A:394:HIS:O	1:A:395:GLY:O	0.43	2.37	6	1
1:A:584:ASN:HD22	1:A:645:TRP:NE1	0.43	2.07	6	1
1:A:55:ALA:O	1:A:58:ASP:OD1	0.43	2.36	7	1
1:A:662:ASN:OD1	1:A:662:ASN:C	0.43	2.62	7	1
1:A:52:GLN:C	1:A:52:GLN:CD	0.43	2.87	8	1
1:A:171:ARG:O	1:A:175:ASP:OD1	0.43	2.35	8	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:272:GLU:CD	1:A:345:THR:OG1	0.43	2.61	8	1
1:A:19:PHE:O	1:A:23:GLU:N	0.43	2.52	9	1
1:A:340:VAL:O	1:A:340:VAL:HG13	0.43	2.12	9	1
1:A:557:GLN:HE21	1:A:560:ILE:HD11	0.43	1.74	10	1
1:A:691:LYS:O	1:A:695:ASP:OD1	0.43	2.37	10	1
1:A:18:ARG:O	1:A:22:GLU:CB	0.43	2.67	5	2
1:A:182:ASN:OD1	1:A:208:THR:OG1	0.43	2.35	1	1
1:A:592:ILE:O	1:A:593:GLN:C	0.43	2.61	1	1
1:A:715:TRP:O	1:A:716:ARG:C	0.43	2.61	1	2
1:A:716:ARG:O	1:A:717:LEU:C	0.43	2.61	1	1
1:A:281:GLU:C	1:A:281:GLU:CD	0.43	2.87	3	1
1:A:710:PRO:O	1:A:714:ALA:HB2	0.43	2.14	5	2
1:A:247:ARG:O	1:A:249:GLY:N	0.43	2.52	4	1
1:A:153:ALA:HB3	1:A:161:GLN:NE2	0.43	2.28	5	1
1:A:466:GLU:CD	1:A:466:GLU:C	0.43	2.86	5	2
1:A:661:GLU:C	1:A:661:GLU:CD	0.43	2.87	5	3
1:A:150:GLN:C	1:A:152:GLY:H	0.43	2.20	10	2
1:A:270:ASP:C	1:A:272:GLU:H	0.43	2.21	6	1
1:A:271:CYS:SG	1:A:338:ARG:O	0.43	2.70	6	1
1:A:464:VAL:O	1:A:467:ALA:N	0.43	2.52	6	1
1:A:17:LYS:NZ	1:A:36:TRP:CZ2	0.43	2.80	7	1
1:A:262:GLU:O	1:A:262:GLU:OE2	0.43	2.36	7	1
1:A:641:HIS:O	1:A:643:ALA:N	0.43	2.52	7	1
1:A:373:TYR:C	1:A:375:LEU:N	0.43	2.76	8	1
1:A:514:LEU:CD2	1:A:517:ASP:CG	0.43	2.91	8	1
1:A:356:GLU:CD	1:A:356:GLU:N	0.43	2.77	9	1
1:A:273:ASP:O	1:A:632:ARG:CD	0.43	2.66	10	1
1:A:671:ASN:OD1	1:A:671:ASN:O	0.43	2.36	1	1
1:A:359:GLU:CD	1:A:359:GLU:O	0.43	2.61	3	1
1:A:511:MET:O	1:A:515:MET:SD	0.43	2.77	4	1
1:A:294:MET:SD	1:A:373:TYR:CB	0.43	3.06	6	1
1:A:484:ALA:O	1:A:488:ASN:CG	0.43	2.62	6	1
1:A:184:SER:C	1:A:187:ASP:OD1	0.43	2.62	8	1
1:A:330:HIS:O	1:A:332:ARG:N	0.43	2.51	8	1
1:A:430:ARG:NH2	1:A:459:ASP:CG	0.43	2.77	8	1
1:A:554:GLN:NE2	1:A:557:GLN:NE2	0.43	2.66	8	1
1:A:181:GLU:CD	1:A:209:THR:OG1	0.43	2.62	9	1
1:A:189:VAL:O	1:A:254:ALA:O	0.43	2.37	9	1
1:A:359:GLU:OE2	1:A:360:GLY:O	0.43	2.37	9	1
1:A:451:THR:O	1:A:452:GLY:O	0.43	2.36	9	1
1:A:73:GLY:O	1:A:74:PRO:C	0.43	2.60	10	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:666:VAL:O	1:A:667:VAL:C	0.43	2.62	10	1
1:A:102:THR:HG22	1:A:103:THR:N	0.43	2.28	1	1
1:A:109:ILE:HD11	1:A:448:PHE:CE2	0.43	2.49	1	1
1:A:450:ASN:ND2	1:A:450:ASN:O	0.43	2.52	1	1
1:A:243:ASP:OD1	1:A:245:ASN:C	0.43	2.62	2	1
1:A:372:LEU:C	1:A:372:LEU:CD1	0.43	2.82	2	1
1:A:691:LYS:O	1:A:692:ALA:C	0.43	2.60	7	2
1:A:643:ALA:O	1:A:644:ASN:C	0.43	2.61	4	4
1:A:709:GLU:OE1	1:A:713:HIS:ND1	0.43	2.52	3	1
1:A:13:ASP:O	1:A:14:ALA:C	0.43	2.62	4	1
1:A:255:HIS:O	1:A:256:ILE:C	0.43	2.61	5	1
1:A:313:LEU:H	1:A:313:LEU:HD23	0.43	1.73	5	2
1:A:408:ARG:O	1:A:411:THR:HG22	0.43	2.14	5	1
1:A:522:LYS:NZ	1:A:544:HIS:CG	0.43	2.87	5	1
1:A:654:GLU:O	1:A:658:ALA:N	0.43	2.37	5	1
1:A:635:LEU:C	1:A:635:LEU:HD23	0.43	2.38	6	1
1:A:416:ALA:O	1:A:417:PRO:C	0.43	2.62	7	1
1:A:101:GLU:C	1:A:102:THR:CG2	0.43	2.91	8	1
1:A:41:GLU:N	1:A:41:GLU:CD	0.43	2.77	9	1
1:A:130:ALA:O	1:A:131:ALA:C	0.43	2.61	9	1
1:A:210:LEU:O	1:A:211:ARG:C	0.43	2.60	9	1
1:A:314:ASN:OD1	1:A:314:ASN:N	0.43	2.51	9	1
1:A:510:ALA:O	1:A:513:ASP:OD1	0.43	2.37	9	1
1:A:122:MET:SD	1:A:289:ASN:C	0.43	3.01	10	1
1:A:129:ASN:O	1:A:133:ALA:O	0.43	2.36	10	1
1:A:407:THR:O	1:A:411:THR:HG22	0.43	2.14	10	1
1:A:459:ASP:OD1	1:A:459:ASP:C	0.43	2.62	10	1
1:A:39:PHE:O	1:A:43:VAL:CG2	0.42	2.67	1	3
1:A:181:GLU:C	1:A:182:ASN:OD1	0.42	2.62	1	1
1:A:269:LEU:O	1:A:270:ASP:CG	0.42	2.62	1	1
1:A:351:ASP:OD1	1:A:354:GLY:C	0.42	2.62	1	1
1:A:292:GLY:C	1:A:294:MET:N	0.42	2.75	4	3
1:A:126:TYR:OH	1:A:617:CYS:SG	0.42	2.77	3	1
1:A:594:GLN:O	1:A:594:GLN:NE2	0.42	2.51	3	1
1:A:647:ARG:N	1:A:647:ARG:NE	0.42	2.64	3	1
1:A:96:GLU:O	1:A:97:ARG:CG	0.42	2.67	4	2
1:A:287:TYR:CZ	1:A:370:ILE:HD11	0.42	2.49	4	1
1:A:588:SER:OG	1:A:591:GLU:OE2	0.42	2.36	4	1
1:A:46:LEU:O	1:A:47:ALA:C	0.42	2.61	10	2
1:A:239:GLU:OE1	1:A:240:LEU:C	0.42	2.61	5	1
1:A:95:PRO:O	1:A:96:GLU:C	0.42	2.61	6	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:136:GLY:O	1:A:137:SER:C	0.42	2.59	6	1
1:A:160:PRO:O	1:A:164:GLU:OE2	0.42	2.36	6	1
1:A:163:GLY:O	1:A:167:ILE:CD1	0.42	2.67	6	1
1:A:212:THR:O	1:A:214:ALA:N	0.42	2.52	6	1
1:A:338:ARG:NH2	1:A:454:LEU:HD13	0.42	2.29	6	1
1:A:449:ILE:HD13	1:A:496:CYS:SG	0.42	2.54	6	1
1:A:594:GLN:C	1:A:597:ASP:OD1	0.42	2.62	6	1
1:A:644:ASN:OD1	1:A:644:ASN:C	0.42	2.61	6	1
1:A:28:THR:O	1:A:369:ALA:O	0.42	2.37	7	1
1:A:363:ASP:O	1:A:367:THR:OG1	0.42	2.35	7	1
1:A:506:LYS:HB2	1:A:506:LYS:HZ2	0.42	1.74	7	1
1:A:137:SER:O	1:A:140:ASP:OD1	0.42	2.37	8	1
1:A:57:ARG:CD	1:A:61:GLN:NE2	0.42	2.82	9	1
1:A:271:CYS:C	1:A:273:ASP:H	0.42	2.21	9	1
1:A:578:THR:O	1:A:578:THR:CG2	0.42	2.67	9	1
1:A:640:GLN:O	1:A:643:ALA:HB3	0.42	2.14	10	1
1:A:39:PHE:CE1	1:A:43:VAL:HG21	0.42	2.49	1	1
1:A:90:TYR:CE1	1:A:393:MET:HE1	0.42	2.48	2	1
1:A:277:ALA:C	1:A:278:VAL:HG23	0.42	2.40	2	1
1:A:323:ASP:O	1:A:323:ASP:CG	0.42	2.62	2	1
1:A:654:GLU:O	1:A:658:ALA:HB2	0.42	2.14	2	1
1:A:182:ASN:ND2	1:A:183:GLY:N	0.42	2.67	3	1
1:A:658:ALA:O	1:A:662:ASN:OD1	0.42	2.37	3	1
1:A:33:ALA:O	1:A:34:ALA:C	0.42	2.61	4	1
1:A:485:TYR:OH	1:A:576:LEU:O	0.42	2.32	4	1
1:A:638:SER:O	1:A:639:SER:C	0.42	2.63	4	1
1:A:485:TYR:O	1:A:487:ARG:N	0.42	2.51	5	1
1:A:549:HIS:O	1:A:550:GLN:C	0.42	2.61	5	1
1:A:628:LEU:HD23	1:A:628:LEU:N	0.42	2.30	5	1
1:A:632:ARG:N	1:A:632:ARG:CD	0.42	2.82	5	1
1:A:608:VAL:O	1:A:612:GLU:OE1	0.42	2.35	6	1
1:A:25:LEU:HD13	1:A:29:GLY:O	0.42	2.14	7	1
1:A:351:ASP:N	1:A:351:ASP:OD1	0.42	2.50	7	1
1:A:559:ASN:C	1:A:559:ASN:ND2	0.42	2.77	10	2
1:A:708:THR:O	1:A:709:GLU:C	0.42	2.59	7	1
1:A:272:GLU:O	1:A:272:GLU:OE2	0.42	2.37	8	1
1:A:282:ASP:OD1	1:A:282:ASP:C	0.42	2.60	8	1
1:A:435:LEU:HD21	1:A:496:CYS:SG	0.42	2.54	8	1
1:A:456:ARG:O	1:A:457:THR:C	0.42	2.61	8	1
1:A:531:ASN:CG	1:A:548:TYR:OH	0.42	2.61	8	1
1:A:701:VAL:CG2	1:A:702:LYS:HZ3	0.42	2.27	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:564:GLU:C	1:A:566:ASN:H	0.42	2.23	10	1
1:A:243:ASP:O	1:A:257:ASN:CG	0.42	2.63	1	1
1:A:642:ILE:O	1:A:646:LEU:N	0.42	2.45	2	2
1:A:318:HIS:ND1	1:A:318:HIS:N	0.42	2.67	2	1
1:A:432:SER:O	1:A:433:LEU:C	0.42	2.62	2	1
1:A:283:LYS:O	1:A:287:TYR:CD1	0.42	2.72	3	1
1:A:67:TRP:CZ3	1:A:84:PHE:CZ	0.42	3.08	4	1
1:A:242:ILE:O	1:A:243:ASP:O	0.42	2.37	4	1
1:A:457:THR:O	1:A:458:GLY:C	0.42	2.60	5	2
1:A:114:GLY:O	1:A:532:THR:OG1	0.42	2.37	5	1
1:A:277:ALA:C	1:A:278:VAL:HG22	0.42	2.40	5	1
1:A:342:HIS:C	1:A:344:MET:N	0.42	2.76	5	1
1:A:241:GLN:O	1:A:243:ASP:OD2	0.42	2.37	6	1
1:A:380:ASN:C	1:A:380:ASN:HD22	0.42	2.22	6	1
1:A:567:ALA:O	1:A:571:PRO:CD	0.42	2.67	7	1
1:A:92:VAL:O	1:A:94:GLN:OE1	0.42	2.37	8	1
1:A:634:THR:O	1:A:638:SER:CB	0.42	2.68	8	1
1:A:65:ASP:O	1:A:66:GLU:C	0.42	2.62	9	1
1:A:176:GLU:C	1:A:548:TYR:OH	0.42	2.62	9	1
1:A:438:CYS:SG	1:A:439:ILE:N	0.42	2.91	9	1
1:A:459:ASP:C	1:A:461:MET:N	0.42	2.76	10	1
1:A:657:GLN:CD	1:A:657:GLN:N	0.42	2.77	10	1
1:A:116:GLN:NE2	1:A:451:THR:HG21	0.42	2.30	1	1
1:A:481:TRP:O	1:A:482:ILE:C	0.42	2.62	1	4
1:A:111:SER:O	1:A:112:GLN:CD	0.42	2.62	2	1
1:A:127:ALA:O	1:A:131:ALA:HB2	0.42	2.14	2	1
1:A:175:ASP:OD2	1:A:184:SER:OG	0.42	2.36	2	1
1:A:659:SER:O	1:A:660:LEU:C	0.42	2.59	2	1
1:A:665:LYS:O	1:A:666:VAL:C	0.42	2.62	3	3
1:A:571:PRO:O	1:A:575:ASP:OD1	0.42	2.37	3	1
1:A:697:ILE:O	1:A:698:PHE:C	0.42	2.62	3	1
1:A:94:GLN:O	1:A:94:GLN:OE1	0.42	2.37	5	1
1:A:575:ASP:O	1:A:576:LEU:C	0.42	2.62	8	4
1:A:105:ILE:O	1:A:106:ASP:CB	0.42	2.67	7	1
1:A:451:THR:CG2	1:A:452:GLY:N	0.42	2.77	7	1
1:A:498:LEU:C	1:A:499:ARG:CG	0.42	2.92	7	1
1:A:488:ASN:ND2	1:A:572:LEU:HD13	0.42	2.29	8	1
1:A:461:MET:SD	1:A:462:HIS:ND1	0.42	2.89	9	1
1:A:524:ASP:C	1:A:526:LEU:N	0.42	2.76	9	1
1:A:49:GLU:C	1:A:49:GLU:CD	0.42	2.87	9	2
1:A:355:ASN:O	1:A:356:GLU:CG	0.42	2.67	1	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:138:LEU:HD23	1:A:138:LEU:O	0.42	2.15	2	1
1:A:175:ASP:OD2	1:A:184:SER:CB	0.42	2.68	2	1
1:A:404:LYS:O	1:A:405:LEU:C	0.42	2.62	2	1
1:A:47:ALA:O	1:A:359:GLU:OE2	0.42	2.38	4	1
1:A:287:TYR:O	1:A:288:ARG:C	0.42	2.61	4	1
1:A:293:LEU:CD2	1:A:293:LEU:H	0.42	2.27	5	1
1:A:296:GLY:C	1:A:297:THR:OG1	0.42	2.63	5	1
1:A:599:ASN:O	1:A:602:GLY:N	0.42	2.53	6	1
1:A:128:LEU:HD12	1:A:299:GLN:HB2	0.42	1.92	7	1
1:A:402:ALA:C	1:A:445:ARG:HH22	0.42	2.22	7	1
1:A:437:SER:O	1:A:441:GLN:OE1	0.42	2.37	8	1
1:A:146:ASP:C	1:A:148:ILE:H	0.42	2.22	9	1
1:A:73:GLY:O	1:A:74:PRO:O	0.42	2.36	10	1
1:A:629:MET:O	1:A:630:GLU:CD	0.42	2.63	10	1
1:A:243:ASP:O	1:A:257:ASN:OD1	0.42	2.37	1	1
1:A:570:GLU:O	1:A:571:PRO:C	0.42	2.63	1	1
1:A:18:ARG:O	1:A:19:PHE:C	0.42	2.63	6	3
1:A:17:LYS:O	1:A:21:ASP:CG	0.42	2.62	5	1
1:A:239:GLU:OE1	1:A:239:GLU:C	0.42	2.62	5	1
1:A:465:MET:CE	1:A:705:ASN:ND2	0.42	2.82	5	1
1:A:75:VAL:O	1:A:76:LYS:O	0.42	2.38	6	1
1:A:406:PHE:CE1	1:A:422:MET:HE2	0.42	2.50	6	1
1:A:397:GLN:O	1:A:398:GLU:C	0.42	2.62	7	1
1:A:405:LEU:CD1	1:A:409:ILE:HG23	0.42	2.45	7	1
1:A:437:SER:O	1:A:438:CYS:C	0.42	2.63	7	2
1:A:603:ILE:O	1:A:604:LEU:C	0.42	2.62	8	2
1:A:323:ASP:OD1	1:A:323:ASP:O	0.42	2.37	8	1
1:A:547:HIS:O	1:A:549:HIS:N	0.42	2.53	8	1
1:A:622:ASP:OD1	1:A:626:VAL:O	0.42	2.38	8	1
1:A:630:GLU:O	1:A:631:ASP:OD1	0.42	2.37	8	1
1:A:385:SER:OG	1:A:420:LEU:CA	0.42	2.68	9	1
1:A:458:GLY:O	1:A:459:ASP:C	0.42	2.61	9	1
1:A:598:ASN:N	1:A:598:ASN:HD22	0.42	2.12	10	1
1:A:374:ASP:OD2	1:A:383:THR:OG1	0.42	2.38	1	1
1:A:641:HIS:CD2	1:A:645:TRP:CE2	0.42	3.07	1	1
1:A:641:HIS:CD2	1:A:645:TRP:CZ2	0.42	3.08	1	1
1:A:13:ASP:OD1	1:A:13:ASP:C	0.42	2.63	2	1
1:A:159:ASP:OD1	1:A:159:ASP:O	0.42	2.38	2	1
1:A:571:PRO:O	1:A:572:LEU:C	0.42	2.62	3	3
1:A:5:ILE:HG22	1:A:6:THR:N	0.42	2.29	3	1
1:A:65:ASP:OD1	1:A:65:ASP:C	0.42	2.62	3	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:332:ARG:NH1	1:A:332:ARG:CB	0.42	2.83	3	1
1:A:399:VAL:HG12	1:A:403:ASN:ND2	0.42	2.28	3	1
1:A:450:ASN:HD22	1:A:451:THR:N	0.42	2.12	4	1
1:A:557:GLN:OE1	1:A:557:GLN:CA	0.42	2.68	4	1
1:A:121:ALA:C	1:A:122:MET:SD	0.42	3.02	5	1
1:A:197:GLN:OE1	1:A:216:PHE:CD2	0.42	2.73	5	1
1:A:228:CYS:SG	1:A:319:TYR:OH	0.42	2.77	5	1
1:A:116:GLN:OE1	1:A:450:ASN:ND2	0.42	2.52	6	1
1:A:265:ILE:CD1	1:A:265:ILE:H	0.42	2.28	7	1
1:A:424:ILE:N	1:A:449:ILE:CG2	0.42	2.82	7	1
1:A:456:ARG:NE	1:A:456:ARG:CA	0.42	2.83	7	1
1:A:493:GLY:O	1:A:494:LEU:C	0.42	2.62	8	1
1:A:175:ASP:C	1:A:176:GLU:OE1	0.42	2.63	9	1
1:A:432:SER:C	1:A:433:LEU:HD12	0.42	2.39	9	1
1:A:462:HIS:O	1:A:463:SER:C	0.42	2.62	10	1
1:A:719:GLU:OE1	1:A:720:LYS:N	0.42	2.52	10	1
1:A:703:GLN:O	1:A:704:PRO:C	0.42	2.62	1	1
1:A:92:VAL:O	1:A:434:ASN:OD1	0.42	2.37	2	1
1:A:106:ASP:OD1	1:A:385:SER:OG	0.42	2.38	3	1
1:A:150:GLN:HE22	1:A:162:ARG:CZ	0.42	2.28	3	1
1:A:425:MET:O	1:A:426:ASP:OD1	0.42	2.38	3	1
1:A:325:SER:O	1:A:326:GLU:CD	0.42	2.63	5	1
1:A:427:GLU:O	1:A:428:GLU:CG	0.42	2.68	5	1
1:A:207:GLU:C	1:A:207:GLU:CD	0.42	2.87	7	1
1:A:207:GLU:CD	1:A:207:GLU:O	0.42	2.62	7	1
1:A:654:GLU:OE2	1:A:654:GLU:O	0.42	2.37	7	1
1:A:563:THR:CG2	1:A:564:GLU:H	0.42	2.28	8	1
1:A:130:ALA:O	1:A:333:SER:OG	0.42	2.37	9	1
1:A:181:GLU:OE1	1:A:209:THR:OG1	0.42	2.38	9	1
1:A:422:MET:C	1:A:447:ALA:O	0.42	2.63	9	1
1:A:525:GLN:NE2	1:A:525:GLN:CA	0.42	2.82	9	1
1:A:375:LEU:O	1:A:378:GLN:CD	0.42	2.62	10	1
1:A:343:LEU:O	1:A:358:PRO:O	0.42	2.37	1	1
1:A:559:ASN:O	1:A:560:ILE:C	0.42	2.61	1	1
1:A:564:GLU:O	1:A:568:GLU:OE2	0.42	2.38	1	1
1:A:178:LEU:HD22	1:A:215:GLN:CD	0.42	2.40	2	1
1:A:517:ASP:O	1:A:520:SER:OG	0.42	2.37	2	1
1:A:582:ALA:O	1:A:583:GLU:C	0.42	2.63	7	2
1:A:588:SER:O	1:A:589:ALA:C	0.42	2.63	2	1
1:A:660:LEU:HD13	1:A:660:LEU:O	0.42	2.15	2	1
1:A:76:LYS:O	1:A:77:ASP:C	0.42	2.61	3	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:364:GLY:O	1:A:367:THR:OG1	0.42	2.35	3	1
1:A:395:GLY:O	1:A:399:VAL:HG23	0.42	2.15	3	1
1:A:445:ARG:O	1:A:445:ARG:HG2	0.42	2.15	3	1
1:A:29:GLY:O	1:A:30:LEU:O	0.42	2.38	4	1
1:A:65:ASP:OD1	1:A:463:SER:O	0.42	2.38	4	1
1:A:170:VAL:O	1:A:174:LEU:N	0.42	2.39	4	1
1:A:77:ASP:O	1:A:78:LYS:C	0.42	2.61	8	2
1:A:83:SER:O	1:A:86:ARG:N	0.42	2.52	9	2
1:A:173:PHE:O	1:A:174:LEU:C	0.42	2.61	5	1
1:A:273:ASP:OD1	1:A:707:TYR:CG	0.42	2.73	5	1
1:A:548:TYR:O	1:A:549:HIS:C	0.42	2.62	7	3
1:A:602:GLY:O	1:A:606:TYR:CD1	0.42	2.73	5	1
1:A:660:LEU:O	1:A:664:ALA:CB	0.42	2.68	5	1
1:A:410:GLU:HG2	1:A:420:LEU:HD13	0.42	1.89	6	1
1:A:414:GLY:O	1:A:415:MET:HB2	0.42	2.13	6	1
1:A:599:ASN:O	1:A:600:VAL:C	0.42	2.59	6	1
1:A:494:LEU:HD23	1:A:494:LEU:O	0.42	2.14	9	1
1:A:349:ILE:CG2	1:A:350:TRP:N	0.42	2.82	1	1
1:A:360:GLY:C	1:A:362:LEU:N	0.42	2.75	1	1
1:A:486:GLU:OE2	1:A:506:LYS:CG	0.42	2.68	1	1
1:A:609:ARG:HH22	1:A:630:GLU:CB	0.42	2.27	1	1
1:A:711:LEU:CD1	1:A:711:LEU:C	0.42	2.93	1	1
1:A:108:GLU:OE2	1:A:387:TYR:OH	0.42	2.37	2	1
1:A:552:ASN:ND2	1:A:554:GLN:N	0.42	2.66	2	1
1:A:576:LEU:C	1:A:577:LEU:HD22	0.42	2.40	2	1
1:A:281:GLU:O	1:A:281:GLU:CD	0.42	2.63	3	1
1:A:89:GLY:O	1:A:90:TYR:C	0.42	2.63	4	2
1:A:148:ILE:O	1:A:148:ILE:CG2	0.42	2.68	4	1
1:A:342:HIS:CE1	1:A:343:LEU:HD13	0.42	2.50	4	1
1:A:634:THR:O	1:A:635:LEU:C	0.42	2.63	4	1
1:A:106:ASP:O	1:A:110:THR:OG1	0.42	2.37	5	2
1:A:243:ASP:OD2	1:A:245:ASN:N	0.42	2.42	5	1
1:A:105:ILE:HD11	1:A:421:LYS:HZ3	0.42	1.70	6	1
1:A:433:LEU:O	1:A:434:ASN:OD1	0.42	2.37	6	1
1:A:572:LEU:O	1:A:573:LEU:C	0.42	2.62	8	3
1:A:641:HIS:C	1:A:643:ALA:N	0.42	2.77	7	1
1:A:120:PRO:O	1:A:121:ALA:HB3	0.42	2.15	8	1
1:A:151:GLU:OE2	1:A:619:LYS:NZ	0.42	2.48	8	1
1:A:373:TYR:C	1:A:377:VAL:HG13	0.42	2.40	8	1
1:A:436:ARG:N	1:A:436:ARG:HE	0.42	2.12	9	1
1:A:710:PRO:O	1:A:713:HIS:N	0.42	2.52	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:147:ILE:O	1:A:147:ILE:CG2	0.42	2.68	10	1
1:A:564:GLU:O	1:A:565:PHE:C	0.42	2.62	10	1
1:A:85:LEU:HG	1:A:577:LEU:HD21	0.41	1.91	1	1
1:A:360:GLY:O	1:A:361:ILE:C	0.41	2.62	1	2
1:A:424:ILE:HD12	1:A:447:ALA:HB3	0.41	1.92	1	1
1:A:537:SER:OG	1:A:629:MET:HE1	0.41	2.15	1	1
1:A:667:VAL:O	1:A:671:ASN:OD1	0.41	2.38	2	1
1:A:359:GLU:OE1	1:A:359:GLU:C	0.41	2.62	3	1
1:A:448:PHE:CD1	1:A:449:ILE:N	0.41	2.88	3	1
1:A:583:GLU:O	1:A:584:ASN:CB	0.41	2.68	3	1
1:A:180:LEU:CD2	1:A:209:THR:O	0.41	2.68	4	1
1:A:531:ASN:OD1	1:A:531:ASN:N	0.41	2.53	5	1
1:A:664:ALA:O	1:A:668:ASP:CG	0.41	2.63	5	1
1:A:386:VAL:CG1	1:A:388:ILE:HD11	0.41	2.45	6	1
1:A:418:ASN:C	1:A:419:THR:OG1	0.41	2.63	6	1
1:A:504:ILE:H	1:A:531:ASN:ND2	0.41	2.13	6	1
1:A:547:HIS:O	1:A:550:GLN:N	0.41	2.50	6	1
1:A:549:HIS:CD2	1:A:549:HIS:N	0.41	2.88	6	1
1:A:25:LEU:CD1	1:A:29:GLY:O	0.41	2.68	7	1
1:A:71:ASN:ND2	1:A:81:TYR:OH	0.41	2.53	7	1
1:A:110:THR:C	1:A:111:SER:OG	0.41	2.63	7	1
1:A:178:LEU:HD11	1:A:233:ASN:ND2	0.41	2.29	7	1
1:A:49:GLU:OE2	1:A:49:GLU:O	0.41	2.38	9	1
1:A:212:THR:O	1:A:215:GLN:OE1	0.41	2.37	9	1
1:A:247:ARG:O	1:A:248:ILE:C	0.41	2.62	9	1
1:A:389:VAL:HG13	1:A:423:GLY:HA3	0.41	1.91	9	1
1:A:488:ASN:O	1:A:491:LEU:N	0.41	2.53	9	1
1:A:498:LEU:H	1:A:498:LEU:CD1	0.41	2.04	9	1
1:A:576:LEU:HD13	1:A:576:LEU:C	0.41	2.40	9	1
1:A:709:GLU:CD	1:A:709:GLU:C	0.41	2.88	9	1
1:A:53:LEU:O	1:A:394:HIS:NE2	0.41	2.53	10	1
1:A:95:PRO:C	1:A:97:ARG:H	0.41	2.24	1	1
1:A:318:HIS:CD2	1:A:318:HIS:C	0.41	2.98	1	1
1:A:104:GLY:C	1:A:105:ILE:HG23	0.41	2.39	2	1
1:A:289:ASN:O	1:A:292:GLY:N	0.41	2.53	2	1
1:A:399:VAL:O	1:A:403:ASN:CB	0.41	2.68	2	1
1:A:504:ILE:N	1:A:504:ILE:CD1	0.41	2.83	2	1
1:A:605:GLY:O	1:A:609:ARG:NH1	0.41	2.54	2	1
1:A:15:ASN:O	1:A:16:PHE:C	0.41	2.61	3	1
1:A:619:LYS:O	1:A:670:GLN:OE1	0.41	2.37	4	1
1:A:573:LEU:O	1:A:574:ASP:C	0.41	2.63	5	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:129:ASN:O	1:A:132:ASN:OD1	0.41	2.37	7	1
1:A:610:TRP:O	1:A:612:GLU:N	0.41	2.53	7	1
1:A:722:SER:O	1:A:723:HIS:CD2	0.41	2.73	7	1
1:A:147:ILE:HG22	1:A:148:ILE:HG12	0.41	1.91	8	1
1:A:278:VAL:HG21	1:A:282:ASP:CG	0.41	2.40	8	1
1:A:335:LEU:O	1:A:387:TYR:CD2	0.41	2.74	8	1
1:A:494:LEU:O	1:A:495:PHE:C	0.41	2.63	8	1
1:A:399:VAL:HG21	1:A:441:GLN:CD	0.41	2.40	9	1
1:A:721:GLU:O	1:A:721:GLU:OE2	0.41	2.38	9	1
1:A:484:ALA:O	1:A:487:ARG:N	0.41	2.53	10	1
1:A:544:HIS:O	1:A:545:ALA:C	0.41	2.62	10	1
1:A:642:ILE:O	1:A:643:ALA:C	0.41	2.63	1	2
1:A:600:VAL:HG13	1:A:601:GLN:N	0.41	2.29	2	1
1:A:108:GLU:OE1	1:A:266:SER:OG	0.41	2.38	3	1
1:A:128:LEU:O	1:A:132:ASN:CG	0.41	2.63	3	1
1:A:233:ASN:N	1:A:233:ASN:ND2	0.41	2.66	3	1
1:A:239:GLU:CD	1:A:317:ARG:HH11	0.41	2.23	3	1
1:A:378:GLN:O	1:A:378:GLN:OE1	0.41	2.37	4	1
1:A:591:GLU:OE1	1:A:591:GLU:CA	0.41	2.68	4	1
1:A:121:ALA:CB	1:A:274:SER:OG	0.41	2.67	5	1
1:A:501:LYS:HZ3	1:A:502:ALA:N	0.41	2.13	5	1
1:A:524:ASP:O	1:A:527:ARG:CB	0.41	2.67	5	1
1:A:609:ARG:NE	1:A:613:GLN:NE2	0.41	2.68	5	1
1:A:112:GLN:OE1	1:A:235:GLY:O	0.41	2.38	6	1
1:A:630:GLU:OE1	1:A:634:THR:CG2	0.41	2.68	6	1
1:A:298:LEU:CD1	1:A:298:LEU:O	0.41	2.68	8	1
1:A:704:PRO:O	1:A:705:ASN:C	0.41	2.62	8	1
1:A:273:ASP:OD2	1:A:455:ASP:CG	0.41	2.63	9	1
1:A:334:LEU:HD12	1:A:335:LEU:C	0.41	2.40	9	1
1:A:237:HIS:ND1	1:A:262:GLU:CD	0.41	2.78	10	1
1:A:486:GLU:CD	1:A:487:ARG:HH11	0.41	2.21	10	1
1:A:554:GLN:O	1:A:555:SER:C	0.41	2.63	10	1
1:A:385:SER:OG	1:A:387:TYR:CZ	0.41	2.72	1	1
1:A:406:PHE:O	1:A:445:ARG:CZ	0.41	2.68	1	1
1:A:498:LEU:HD23	1:A:499:ARG:HG3	0.41	1.92	1	1
1:A:663:MET:O	1:A:667:VAL:N	0.41	2.48	1	1
1:A:132:ASN:CG	1:A:315:ASP:OD1	0.41	2.63	2	1
1:A:132:ASN:HD21	1:A:332:ARG:NH2	0.41	2.14	2	1
1:A:222:ASP:CG	1:A:225:ALA:HB3	0.41	2.40	2	1
1:A:424:ILE:HD13	1:A:438:CYS:SG	0.41	2.56	2	1
1:A:494:LEU:O	1:A:494:LEU:HD22	0.41	2.16	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:208:THR:CG2	1:A:209:THR:H	0.41	2.28	3	1
1:A:321:ALA:O	1:A:322:ALA:C	0.41	2.61	3	1
1:A:339:ASN:ND2	1:A:363:ASP:C	0.41	2.78	6	1
1:A:694:SER:O	1:A:698:PHE:CD1	0.41	2.74	7	1
1:A:184:SER:OG	1:A:184:SER:O	0.41	2.27	8	1
1:A:244:ALA:O	1:A:245:ASN:C	0.41	2.63	8	1
1:A:709:GLU:N	1:A:709:GLU:CD	0.41	2.79	8	1
1:A:508:MET:O	1:A:509:TRP:CD2	0.41	2.73	9	1
1:A:400:ALA:O	1:A:404:LYS:CD	0.41	2.68	10	1
1:A:572:LEU:O	1:A:576:LEU:N	0.41	2.41	10	1
1:A:593:GLN:C	1:A:593:GLN:CD	0.41	2.89	10	1
1:A:441:GLN:O	1:A:441:GLN:CG	0.41	2.68	1	1
1:A:222:ASP:OD1	1:A:225:ALA:HB3	0.41	2.15	2	1
1:A:603:ILE:HG13	1:A:604:LEU:N	0.41	2.30	2	1
1:A:77:ASP:OD1	1:A:77:ASP:N	0.41	2.54	3	1
1:A:161:GLN:N	1:A:161:GLN:OE1	0.41	2.54	4	1
1:A:381:SER:N	1:A:382:ARG:HH21	0.41	2.12	4	1
1:A:51:ARG:NH1	1:A:355:ASN:ND2	0.41	2.68	5	1
1:A:7:GLN:OE1	1:A:12:ILE:HG21	0.41	2.15	6	1
1:A:111:SER:O	1:A:111:SER:OG	0.41	2.31	6	1
1:A:570:GLU:C	1:A:572:LEU:N	0.41	2.79	6	1
1:A:359:GLU:C	1:A:359:GLU:OE1	0.41	2.64	9	1
1:A:392:LYS:CB	1:A:392:LYS:NZ	0.41	2.84	9	1
1:A:442:ALA:O	1:A:446:VAL:HB	0.41	2.14	9	1
1:A:80:ALA:O	1:A:81:TYR:C	0.41	2.62	10	1
1:A:112:GLN:HG2	1:A:113:ALA:H	0.41	1.75	10	1
1:A:491:LEU:HG	1:A:492:SER:H	0.41	1.76	10	1
1:A:253:PRO:C	1:A:255:HIS:N	0.41	2.78	7	2
1:A:324:GLY:O	1:A:326:GLU:N	0.41	2.54	2	1
1:A:194:VAL:O	1:A:195:ASP:C	0.41	2.64	3	1
1:A:316:ASP:OD2	1:A:331:GLY:N	0.41	2.43	3	1
1:A:697:ILE:O	1:A:701:VAL:HG13	0.41	2.15	3	1
1:A:61:GLN:O	1:A:65:ASP:OD2	0.41	2.37	4	1
1:A:151:GLU:O	1:A:152:GLY:C	0.41	2.64	4	1
1:A:633:ALA:O	1:A:634:THR:C	0.41	2.62	4	1
1:A:699:LEU:O	1:A:702:LYS:N	0.41	2.54	4	1
1:A:623:ILE:HD13	1:A:623:ILE:N	0.41	2.29	5	1
1:A:4:THR:HG21	1:A:11:ARG:HE	0.41	1.75	6	1
1:A:359:GLU:CG	1:A:360:GLY:H	0.41	2.28	6	1
1:A:359:GLU:CG	1:A:360:GLY:N	0.41	2.81	7	1
1:A:443:ARG:O	1:A:444:ASN:HB2	0.41	2.15	7	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:104:GLY:C	1:A:105:ILE:HG13	0.41	2.39	9	1
1:A:421:LYS:HB2	1:A:421:LYS:HZ3	0.41	1.76	9	1
1:A:267:THR:HG21	1:A:333:SER:OG	0.41	2.16	10	1
1:A:501:LYS:O	1:A:502:ALA:HB2	0.41	2.13	10	1
1:A:495:PHE:CE1	1:A:561:ALA:HB2	0.41	2.50	1	1
1:A:532:THR:CG2	1:A:533:ALA:N	0.41	2.84	1	1
1:A:720:LYS:O	1:A:721:GLU:C	0.41	2.62	2	3
1:A:112:GLN:O	1:A:113:ALA:CB	0.41	2.68	3	1
1:A:292:GLY:O	1:A:295:GLN:OE1	0.41	2.39	4	1
1:A:49:GLU:HG2	1:A:50:ASN:N	0.41	2.31	5	1
1:A:42:ILE:O	1:A:46:LEU:CB	0.41	2.68	6	1
1:A:233:ASN:O	1:A:234:ASN:CB	0.41	2.67	10	2
1:A:185:TYR:OH	1:A:256:ILE:HD13	0.41	2.16	7	1
1:A:482:ILE:O	1:A:486:GLU:CB	0.41	2.69	7	1
1:A:41:GLU:O	1:A:45:ASP:CB	0.41	2.69	8	1
1:A:61:GLN:OE1	1:A:462:HIS:CE1	0.41	2.73	8	1
1:A:439:ILE:HD13	1:A:496:CYS:SG	0.41	2.56	8	1
1:A:444:ASN:C	1:A:444:ASN:OD1	0.41	2.63	8	1
1:A:526:LEU:HD13	1:A:526:LEU:O	0.41	2.16	8	1
1:A:325:SER:C	1:A:326:GLU:OE1	0.41	2.64	9	1
1:A:290:LEU:HD11	1:A:370:ILE:HD13	0.41	1.92	10	1
1:A:418:ASN:O	1:A:419:THR:C	0.41	2.64	10	1
1:A:669:GLN:C	1:A:669:GLN:NE2	0.41	2.79	10	1
1:A:695:ASP:O	1:A:697:ILE:N	0.41	2.53	10	1
1:A:714:ALA:O	1:A:717:LEU:N	0.41	2.41	10	1
1:A:594:GLN:O	1:A:598:ASN:CG	0.41	2.63	1	1
1:A:23:GLU:OE1	1:A:24:VAL:N	0.41	2.54	2	1
1:A:373:TYR:O	1:A:377:VAL:CG2	0.41	2.67	2	1
1:A:431:THR:C	1:A:433:LEU:N	0.41	2.78	2	1
1:A:20:VAL:HG22	1:A:366:MET:HE1	0.41	1.93	3	1
1:A:449:ILE:HG13	1:A:503:GLN:H	0.41	1.74	3	1
1:A:510:ALA:C	1:A:512:PRO:CD	0.41	2.94	3	1
1:A:290:LEU:CD1	1:A:290:LEU:H	0.41	2.29	4	1
1:A:583:GLU:CD	1:A:645:TRP:CH2	0.41	2.99	4	1
1:A:596:LEU:O	1:A:597:ASP:C	0.41	2.64	4	1
1:A:57:ARG:NE	1:A:429:ARG:O	0.41	2.54	5	1
1:A:170:VAL:O	1:A:174:LEU:HD23	0.41	2.16	5	1
1:A:508:MET:HE3	1:A:525:GLN:NE2	0.41	2.30	5	1
1:A:570:GLU:CB	1:A:571:PRO:HD3	0.41	2.45	5	1
1:A:623:ILE:H	1:A:623:ILE:CD1	0.41	2.27	5	1
1:A:632:ARG:H	1:A:632:ARG:HD3	0.41	1.75	5	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:643:ALA:O	1:A:647:ARG:N	0.41	2.52	5	1
1:A:54:LEU:N	1:A:54:LEU:CD2	0.41	2.84	6	1
1:A:169:TRP:CH2	1:A:172:ARG:NH2	0.41	2.89	6	1
1:A:38:ASN:CG	1:A:412:MET:SD	0.41	3.04	7	1
1:A:660:LEU:N	1:A:660:LEU:HD12	0.41	2.29	7	1
1:A:67:TRP:O	1:A:71:ASN:N	0.41	2.34	8	1
1:A:70:SER:O	1:A:71:ASN:O	0.41	2.39	8	1
1:A:694:SER:O	1:A:695:ASP:C	0.41	2.62	8	1
1:A:118:VAL:HG22	1:A:268:ILE:HD11	0.41	1.92	9	1
1:A:421:LYS:HB2	1:A:421:LYS:NZ	0.41	2.31	9	1
1:A:345:THR:HG21	1:A:360:GLY:HA3	0.41	1.93	10	1
1:A:444:ASN:ND2	1:A:445:ARG:N	0.41	2.68	10	1
1:A:129:ASN:OD1	1:A:129:ASN:C	0.41	2.64	1	1
1:A:388:ILE:O	1:A:422:MET:CG	0.41	2.69	1	1
1:A:391:PRO:O	1:A:393:MET:N	0.41	2.54	1	1
1:A:578:THR:CG2	1:A:579:ILE:N	0.41	2.83	1	1
1:A:711:LEU:O	1:A:712:LEU:C	0.41	2.62	1	1
1:A:424:ILE:CD1	1:A:438:CYS:SG	0.41	3.09	2	1
1:A:35:PHE:CE1	1:A:39:PHE:CG	0.41	3.09	3	1
1:A:175:ASP:O	1:A:179:PRO:CD	0.41	2.69	3	1
1:A:210:LEU:C	1:A:210:LEU:CD1	0.41	2.94	3	1
1:A:334:LEU:HD21	1:A:387:TYR:CZ	0.41	2.51	3	1
1:A:388:ILE:O	1:A:423:GLY:N	0.41	2.44	3	1
1:A:691:LYS:O	1:A:695:ASP:OD2	0.41	2.38	4	1
1:A:466:GLU:O	1:A:466:GLU:OE2	0.41	2.39	5	1
1:A:493:GLY:C	1:A:495:PHE:H	0.41	2.23	6	1
1:A:583:GLU:CD	1:A:644:ASN:ND2	0.41	2.79	6	1
1:A:610:TRP:CE3	1:A:610:TRP:O	0.41	2.74	6	1
1:A:171:ARG:NH2	1:A:186:GLN:O	0.41	2.54	7	1
1:A:68:HIS:O	1:A:69:ARG:C	0.41	2.63	8	1
1:A:220:ARG:NH1	1:A:319:TYR:CE1	0.41	2.88	9	1
1:A:273:ASP:OD2	1:A:455:ASP:OD2	0.41	2.39	9	1
1:A:391:PRO:O	1:A:392:LYS:HB2	0.41	2.16	9	1
1:A:84:PHE:O	1:A:87:GLU:N	0.41	2.53	10	1
1:A:114:GLY:O	1:A:532:THR:HG22	0.41	2.16	10	1
1:A:121:ALA:HB1	1:A:271:CYS:C	0.41	2.40	10	1
1:A:160:PRO:O	1:A:164:GLU:N	0.41	2.48	10	1
1:A:503:GLN:CG	1:A:552:ASN:HD21	0.41	2.27	10	1
1:A:107:SER:O	1:A:108:GLU:C	0.41	2.63	2	4
1:A:191:PHE:CG	1:A:229:ILE:CD1	0.41	3.04	1	1
1:A:291:LEU:C	1:A:291:LEU:CD2	0.41	2.94	1	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:560:ILE:HD12	1:A:561:ALA:N	0.41	2.31	1	1
1:A:641:HIS:NE2	1:A:645:TRP:CZ2	0.41	2.89	1	1
1:A:111:SER:C	1:A:112:GLN:CD	0.41	2.89	2	1
1:A:640:GLN:O	1:A:641:HIS:C	0.41	2.62	2	1
1:A:583:GLU:OE2	1:A:641:HIS:CD2	0.41	2.74	3	1
1:A:135:TRP:O	1:A:135:TRP:CE3	0.41	2.73	4	1
1:A:525:GLN:C	1:A:525:GLN:OE1	0.41	2.64	4	1
1:A:96:GLU:CD	1:A:96:GLU:N	0.41	2.78	5	1
1:A:273:ASP:OD1	1:A:707:TYR:CZ	0.41	2.74	5	1
1:A:431:THR:O	1:A:431:THR:HG22	0.41	2.15	5	1
1:A:452:GLY:O	1:A:453:PHE:O	0.41	2.38	5	1
1:A:542:THR:O	1:A:546:LEU:CD1	0.41	2.69	5	1
1:A:446:VAL:CG2	1:A:447:ALA:O	0.41	2.68	6	1
1:A:488:ASN:ND2	1:A:575:ASP:CG	0.41	2.79	6	1
1:A:613:GLN:O	1:A:614:GLY:C	0.41	2.62	6	1
1:A:87:GLU:C	1:A:88:LEU:HD12	0.41	2.41	7	1
1:A:421:LYS:HZ3	1:A:421:LYS:HB3	0.41	1.75	7	1
1:A:430:ARG:NH1	1:A:459:ASP:CG	0.41	2.79	8	1
1:A:454:LEU:HD12	1:A:507:GLY:O	0.41	2.16	8	1
1:A:101:GLU:O	1:A:101:GLU:CG	0.41	2.69	9	1
1:A:172:ARG:O	1:A:176:GLU:OE2	0.41	2.38	9	1
1:A:127:ALA:O	1:A:131:ALA:HB3	0.41	2.15	10	1
1:A:181:GLU:N	1:A:209:THR:O	0.41	2.47	10	1
1:A:290:LEU:C	1:A:292:GLY:H	0.41	2.24	10	1
1:A:333:SER:O	1:A:382:ARG:NH1	0.41	2.50	10	1
1:A:26:PRO:O	1:A:28:THR:N	0.40	2.54	2	1
1:A:103:THR:O	1:A:105:ILE:CD1	0.40	2.70	2	1
1:A:195:ASP:OD1	1:A:195:ASP:O	0.40	2.39	2	1
1:A:243:ASP:H	1:A:257:ASN:HD22	0.40	1.59	2	1
1:A:713:HIS:O	1:A:717:LEU:N	0.40	2.40	2	1
1:A:265:ILE:H	1:A:265:ILE:CD1	0.40	2.22	3	1
1:A:202:LEU:HG	1:A:207:GLU:H	0.40	1.76	4	1
1:A:296:GLY:O	1:A:332:ARG:NH2	0.40	2.54	4	1
1:A:106:ASP:O	1:A:110:THR:N	0.40	2.51	5	1
1:A:401:PHE:O	1:A:405:LEU:N	0.40	2.46	6	1
1:A:174:LEU:O	1:A:175:ASP:C	0.40	2.61	10	2
1:A:233:ASN:O	1:A:234:ASN:C	0.40	2.63	9	1
1:A:346:ILE:H	1:A:359:GLU:HG3	0.40	1.75	9	1
1:A:38:ASN:O	1:A:42:ILE:CG2	0.40	2.69	10	1
1:A:134:ARG:HG2	1:A:263:ALA:HB3	0.40	1.93	10	1
1:A:490:VAL:HG22	1:A:529:GLY:O	0.40	2.15	10	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:690:PHE:O	1:A:691:LYS:C	0.40	2.63	10	1
1:A:45:ASP:OD1	1:A:45:ASP:C	0.40	2.64	1	1
1:A:402:ALA:HB1	1:A:406:PHE:CE1	0.40	2.50	1	1
1:A:486:GLU:O	1:A:486:GLU:OE1	0.40	2.39	1	1
1:A:568:GLU:OE1	1:A:568:GLU:CA	0.40	2.69	1	1
1:A:124:ALA:C	1:A:126:TYR:N	0.40	2.79	2	1
1:A:321:ALA:C	1:A:323:ASP:H	0.40	2.22	3	1
1:A:494:LEU:C	1:A:494:LEU:CD2	0.40	2.94	3	1
1:A:719:GLU:O	1:A:723:HIS:CE1	0.40	2.74	3	1
1:A:135:TRP:O	1:A:135:TRP:CG	0.40	2.73	4	1
1:A:529:GLY:C	1:A:530:ALA:O	0.40	2.64	4	1
1:A:583:GLU:OE1	1:A:645:TRP:CH2	0.40	2.74	4	1
1:A:21:ASP:OD1	1:A:21:ASP:C	0.40	2.61	5	1
1:A:18:ARG:O	1:A:22:GLU:CG	0.40	2.69	6	1
1:A:453:PHE:O	1:A:454:LEU:CB	0.40	2.68	6	1
1:A:597:ASP:OD1	1:A:598:ASN:N	0.40	2.53	6	1
1:A:161:GLN:CG	1:A:162:ARG:N	0.40	2.83	7	1
1:A:238:ILE:CG2	1:A:239:GLU:N	0.40	2.82	8	1
1:A:368:GLY:O	1:A:371:ALA:CB	0.40	2.68	8	1
1:A:518:MET:C	1:A:520:SER:H	0.40	2.23	8	1
1:A:651:LEU:HD12	1:A:651:LEU:O	0.40	2.16	8	1
1:A:336:PHE:CE1	1:A:421:LYS:CE	0.40	3.04	9	1
1:A:569:PHE:HA	1:A:572:LEU:HD12	0.40	1.91	9	1
1:A:252:ASP:OD2	1:A:256:ILE:O	0.40	2.38	10	1
1:A:347:PRO:O	1:A:348:VAL:CG2	0.40	2.69	10	1
1:A:430:ARG:O	1:A:431:THR:O	0.40	2.38	10	1
1:A:137:SER:O	1:A:138:LEU:C	0.40	2.64	1	1
1:A:150:GLN:N	1:A:150:GLN:CD	0.40	2.78	1	1
1:A:270:ASP:OD1	1:A:270:ASP:N	0.40	2.54	1	1
1:A:437:SER:OG	1:A:438:CYS:N	0.40	2.55	1	1
1:A:135:TRP:CH2	1:A:239:GLU:OE2	0.40	2.75	2	1
1:A:243:ASP:C	1:A:245:ASN:N	0.40	2.79	2	1
1:A:600:VAL:CG1	1:A:601:GLN:N	0.40	2.84	2	1
1:A:609:ARG:NH2	1:A:613:GLN:OE1	0.40	2.55	4	1
1:A:509:TRP:CG	1:A:510:ALA:N	0.40	2.89	5	1
1:A:661:GLU:CG	1:A:662:ASN:N	0.40	2.85	5	1
1:A:511:MET:O	1:A:513:ASP:OD2	0.40	2.39	6	1
1:A:282:ASP:OD2	1:A:720:LYS:NZ	0.40	2.47	7	1
1:A:334:LEU:N	1:A:334:LEU:CD1	0.40	2.84	7	1
1:A:345:THR:H	1:A:359:GLU:CD	0.40	2.23	7	1
1:A:409:ILE:O	1:A:410:GLU:C	0.40	2.64	7	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:436:ARG:N	1:A:436:ARG:CD	0.40	2.84	7	1
1:A:450:ASN:ND2	1:A:534:TRP:CZ2	0.40	2.89	9	1
1:A:622:ASP:CG	1:A:623:ILE:N	0.40	2.79	9	1
1:A:233:ASN:ND2	1:A:233:ASN:N	0.40	2.70	10	1
1:A:314:ASN:CG	1:A:315:ASP:N	0.40	2.78	10	1
1:A:363:ASP:O	1:A:364:GLY:C	0.40	2.62	10	1
1:A:461:MET:O	1:A:465:MET:CB	0.40	2.69	1	1
1:A:495:PHE:CZ	1:A:561:ALA:HB2	0.40	2.51	1	1
1:A:195:ASP:O	1:A:195:ASP:CG	0.40	2.64	2	1
1:A:482:ILE:O	1:A:483:LYS:C	0.40	2.61	2	1
1:A:123:ASN:ND2	1:A:125:ARG:H	0.40	2.14	3	1
1:A:245:ASN:O	1:A:246:GLY:C	0.40	2.64	3	1
1:A:531:ASN:HD22	1:A:531:ASN:C	0.40	2.23	4	1
1:A:403:ASN:O	1:A:403:ASN:ND2	0.40	2.54	5	1
1:A:446:VAL:HG22	1:A:446:VAL:O	0.40	2.13	6	1
1:A:405:LEU:CD1	1:A:405:LEU:C	0.40	2.95	7	1
1:A:603:ILE:C	1:A:605:GLY:N	0.40	2.80	7	1
1:A:341:GLY:C	1:A:342:HIS:CD2	0.40	2.99	8	1
1:A:553:VAL:CG2	1:A:554:GLN:N	0.40	2.85	8	1
1:A:233:ASN:C	1:A:234:ASN:CG	0.40	2.87	10	1
1:A:268:ILE:HD11	1:A:338:ARG:N	0.40	2.31	10	1
1:A:145:SER:OG	1:A:539:THR:HG21	0.40	2.16	1	1
1:A:360:GLY:O	1:A:362:LEU:N	0.40	2.55	1	1
1:A:188:VAL:HG13	1:A:200:ILE:HG23	0.40	1.93	3	1
1:A:545:ALA:O	1:A:549:HIS:CD2	0.40	2.75	3	1
1:A:49:GLU:O	1:A:53:LEU:HD12	0.40	2.17	4	1
1:A:511:MET:HE3	1:A:630:GLU:OE1	0.40	2.16	4	1
1:A:22:GLU:O	1:A:26:PRO:CG	0.40	2.70	5	1
1:A:96:GLU:N	1:A:96:GLU:OE1	0.40	2.44	5	1
1:A:490:VAL:O	1:A:491:LEU:C	0.40	2.63	6	1
1:A:576:LEU:O	1:A:578:THR:N	0.40	2.54	6	1
1:A:606:TYR:CD1	1:A:630:GLU:O	0.40	2.75	6	1
1:A:579:ILE:O	1:A:579:ILE:CD1	0.40	2.70	7	1
1:A:515:MET:O	1:A:516:ALA:C	0.40	2.62	8	1
1:A:185:TYR:O	1:A:185:TYR:CG	0.40	2.74	9	1
1:A:484:ALA:O	1:A:487:ARG:CG	0.40	2.69	9	1
1:A:702:LYS:HD2	1:A:702:LYS:H	0.40	1.75	9	1
1:A:550:GLN:O	1:A:550:GLN:HG3	0.40	2.16	10	1

6.3 Torsion angles

6.3.1 Protein backbone

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	677/731 (93%)	520±10 (77±1%)	109±9 (16±1%)	48±4 (7±1%)	2	16
All	All	6770/7310 (93%)	5202 (77%)	1090 (16%)	478 (7%)	2	16

All 180 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	195	ASP	10
1	A	278	VAL	10
1	A	444	ASN	10
1	A	500	GLY	9
1	A	440	ALA	8
1	A	105	ILE	7
1	A	356	GLU	7
1	A	415	MET	7
1	A	426	ASP	7
1	A	330	HIS	7
1	A	391	PRO	7
1	A	121	ALA	6
1	A	211	ARG	6
1	A	417	PRO	6
1	A	414	GLY	6
1	A	445	ARG	6
1	A	298	LEU	5
1	A	325	SER	5
1	A	358	PRO	5
1	A	394	HIS	5
1	A	442	ALA	5
1	A	499	ARG	5
1	A	506	LYS	5
1	A	513	ASP	5
1	A	314	ASN	5
1	A	272	GLU	5
1	A	74	PRO	4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	149	PRO	4
1	A	160	PRO	4
1	A	378	GLN	4
1	A	420	LEU	4
1	A	428	GLU	4
1	A	446	VAL	4
1	A	626	VAL	4
1	A	650	ILE	4
1	A	124	ALA	4
1	A	283	LYS	4
1	A	418	ASN	4
1	A	580	PRO	4
1	A	618	SER	4
1	A	706	GLY	4
1	A	30	LEU	4
1	A	150	GLN	4
1	A	432	SER	4
1	A	111	SER	4
1	A	203	LYS	4
1	A	76	LYS	3
1	A	270	ASP	3
1	A	280	ALA	3
1	A	453	PHE	3
1	A	179	PRO	3
1	A	255	HIS	3
1	A	326	GLU	3
1	A	585	ALA	3
1	A	704	PRO	3
1	A	95	PRO	3
1	A	113	ALA	3
1	A	120	PRO	3
1	A	135	TRP	3
1	A	197	GLN	3
1	A	217	VAL	3
1	A	392	LYS	3
1	A	429	ARG	3
1	A	451	THR	3
1	A	638	SER	3
1	A	137	SER	3
1	A	345	THR	3
1	A	384	GLY	3
1	A	90	TYR	3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	416	ALA	3
1	A	122	MET	3
1	A	348	VAL	3
1	A	344	MET	2
1	A	372	LEU	2
1	A	511	MET	2
1	A	616	GLY	2
1	A	627	ALA	2
1	A	637	ILE	2
1	A	180	LEU	2
1	A	342	HIS	2
1	A	466	GLU	2
1	A	505	GLY	2
1	A	508	MET	2
1	A	133	ALA	2
1	A	151	GLU	2
1	A	152	GLY	2
1	A	379	LYS	2
1	A	419	THR	2
1	A	441	GLN	2
1	A	452	GLY	2
1	A	576	LEU	2
1	A	700	GLY	2
1	A	214	ALA	2
1	A	315	ASP	2
1	A	341	GLY	2
1	A	360	GLY	2
1	A	395	GLY	2
1	A	456	ARG	2
1	A	564	GLU	2
1	A	707	TYR	2
1	A	291	LEU	2
1	A	357	ILE	2
1	A	431	THR	2
1	A	443	ARG	2
1	A	519	TYR	2
1	A	577	LEU	2
1	A	26	PRO	2
1	A	106	ASP	2
1	A	249	GLY	2
1	A	455	ASP	2
1	A	184	SER	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	245	ASN	2
1	A	584	ASN	2
1	A	153	ALA	2
1	A	226	PRO	2
1	A	89	GLY	1
1	A	93	PRO	1
1	A	427	GLU	1
1	A	454	LEU	1
1	A	512	PRO	1
1	A	614	GLY	1
1	A	227	THR	1
1	A	279	ASP	1
1	A	699	LEU	1
1	A	210	LEU	1
1	A	271	CYS	1
1	A	322	ALA	1
1	A	563	THR	1
1	A	243	ASP	1
1	A	244	ALA	1
1	A	367	THR	1
1	A	393	MET	1
1	A	507	GLY	1
1	A	530	ALA	1
1	A	587	TRP	1
1	A	623	ILE	1
1	A	721	GLU	1
1	A	157	GLY	1
1	A	274	SER	1
1	A	297	THR	1
1	A	632	ARG	1
1	A	705	ASN	1
1	A	8	SER	1
1	A	465	MET	1
1	A	501	LYS	1
1	A	531	ASN	1
1	A	566	ASN	1
1	A	586	ASN	1
1	A	619	LYS	1
1	A	646	LEU	1
1	A	3	GLN	1
1	A	36	TRP	1
1	A	423	GLY	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	578	THR	1
1	A	636	ARG	1
1	A	71	ASN	1
1	A	72	PRO	1
1	A	148	ILE	1
1	A	189	VAL	1
1	A	430	ARG	1
1	A	498	LEU	1
1	A	115	PRO	1
1	A	234	ASN	1
1	A	296	GLY	1
1	A	362	LEU	1
1	A	459	ASP	1
1	A	583	GLU	1
1	A	29	GLY	1
1	A	78	LYS	1
1	A	181	GLU	1
1	A	188	VAL	1
1	A	254	ALA	1
1	A	313	LEU	1
1	A	340	VAL	1
1	A	492	SER	1
1	A	542	THR	1
1	A	543	LEU	1
1	A	547	HIS	1
1	A	550	GLN	1
1	A	565	PHE	1

6.3.2 Protein sidechains ⓘ

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles	
1	A	563/607 (93%)	473±7 (84±1%)	90±7 (16±1%)	4	40
All	All	5630/6070 (93%)	4734 (84%)	896 (16%)	4	40

All 375 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	498	LEU	10
1	A	105	ILE	8
1	A	335	LEU	8
1	A	449	ILE	8
1	A	10	LEU	7
1	A	128	LEU	7
1	A	191	PHE	7
1	A	444	ASN	7
1	A	494	LEU	7
1	A	526	LEU	7
1	A	298	LEU	7
1	A	313	LEU	7
1	A	491	LEU	6
1	A	551	THR	6
1	A	446	VAL	6
1	A	506	LYS	6
1	A	579	ILE	6
1	A	12	ILE	5
1	A	78	LYS	5
1	A	88	LEU	5
1	A	91	LEU	5
1	A	279	ASP	5
1	A	362	LEU	5
1	A	379	LYS	5
1	A	433	LEU	5
1	A	499	ARG	5
1	A	522	LYS	5
1	A	204	ASN	5
1	A	482	ILE	5
1	A	576	LEU	5
1	A	334	LEU	5
1	A	387	TYR	5
1	A	584	ASN	5
1	A	421	LYS	5
1	A	108	GLU	4
1	A	148	ILE	4
1	A	278	VAL	4
1	A	285	LEU	4
1	A	339	ASN	4
1	A	515	MET	4
1	A	618	SER	4
1	A	651	LEU	4
1	A	709	GLU	4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	76	LYS	4
1	A	132	ASN	4
1	A	138	LEU	4
1	A	269	LEU	4
1	A	294	MET	4
1	A	330	HIS	4
1	A	372	LEU	4
1	A	394	HIS	4
1	A	427	GLU	4
1	A	501	LYS	4
1	A	25	LEU	4
1	A	199	ARG	4
1	A	211	ARG	4
1	A	268	ILE	4
1	A	336	PHE	4
1	A	465	MET	4
1	A	646	LEU	4
1	A	94	GLN	4
1	A	266	SER	4
1	A	283	LYS	4
1	A	409	ILE	4
1	A	532	THR	4
1	A	696	LEU	4
1	A	443	ARG	4
1	A	4	THR	3
1	A	17	LYS	3
1	A	18	ARG	3
1	A	30	LEU	3
1	A	57	ARG	3
1	A	59	ARG	3
1	A	125	ARG	3
1	A	142	LEU	3
1	A	143	TYR	3
1	A	147	ILE	3
1	A	206	LYS	3
1	A	212	THR	3
1	A	238	ILE	3
1	A	239	GLU	3
1	A	312	LYS	3
1	A	388	ILE	3
1	A	420	LEU	3
1	A	450	ASN	3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	454	LEU	3
1	A	711	LEU	3
1	A	134	ARG	3
1	A	247	ARG	3
1	A	297	THR	3
1	A	357	ILE	3
1	A	376	LYS	3
1	A	404	LYS	3
1	A	432	SER	3
1	A	451	THR	3
1	A	489	ASN	3
1	A	519	TYR	3
1	A	543	LEU	3
1	A	604	LEU	3
1	A	653	LYS	3
1	A	702	LYS	3
1	A	237	HIS	3
1	A	265	ILE	3
1	A	290	LEU	3
1	A	293	LEU	3
1	A	342	HIS	3
1	A	355	ASN	3
1	A	359	GLU	3
1	A	429	ARG	3
1	A	537	SER	3
1	A	587	TRP	3
1	A	632	ARG	3
1	A	647	ARG	3
1	A	82	LYS	3
1	A	112	GLN	3
1	A	117	LEU	3
1	A	201	GLN	3
1	A	208	THR	3
1	A	345	THR	3
1	A	370	ILE	3
1	A	439	ILE	3
1	A	481	TRP	3
1	A	557	GLN	3
1	A	122	MET	3
1	A	230	LEU	3
1	A	232	LYS	3
1	A	392	LYS	3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	628	LEU	3
1	A	635	LEU	3
1	A	102	THR	3
1	A	135	TRP	3
1	A	325	SER	3
1	A	346	ILE	3
1	A	389	VAL	3
1	A	504	ILE	3
1	A	514	LEU	3
1	A	393	MET	3
1	A	85	LEU	2
1	A	186	GLN	2
1	A	192	LYS	2
1	A	271	CYS	2
1	A	366	MET	2
1	A	378	GLN	2
1	A	401	PHE	2
1	A	424	ILE	2
1	A	434	ASN	2
1	A	453	PHE	2
1	A	511	MET	2
1	A	563	THR	2
1	A	601	GLN	2
1	A	663	MET	2
1	A	712	LEU	2
1	A	6	THR	2
1	A	23	GLU	2
1	A	67	TRP	2
1	A	137	SER	2
1	A	139	TYR	2
1	A	209	THR	2
1	A	242	ILE	2
1	A	281	GLU	2
1	A	299	GLN	2
1	A	319	TYR	2
1	A	374	ASP	2
1	A	407	THR	2
1	A	415	MET	2
1	A	422	MET	2
1	A	445	ARG	2
1	A	534	TRP	2
1	A	591	GLU	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	619	LYS	2
1	A	631	ASP	2
1	A	641	HIS	2
1	A	660	LEU	2
1	A	41	GLU	2
1	A	53	LEU	2
1	A	65	ASP	2
1	A	158	TYR	2
1	A	177	SER	2
1	A	182	ASN	2
1	A	210	LEU	2
1	A	229	ILE	2
1	A	233	ASN	2
1	A	234	ASN	2
1	A	381	SER	2
1	A	405	LEU	2
1	A	412	MET	2
1	A	419	THR	2
1	A	448	PHE	2
1	A	462	HIS	2
1	A	586	ASN	2
1	A	652	THR	2
1	A	707	TYR	2
1	A	720	LYS	2
1	A	81	TYR	2
1	A	103	THR	2
1	A	185	TYR	2
1	A	198	LEU	2
1	A	200	ILE	2
1	A	257	ASN	2
1	A	286	LEU	2
1	A	337	ILE	2
1	A	435	LEU	2
1	A	539	THR	2
1	A	548	TYR	2
1	A	606	TYR	2
1	A	636	ARG	2
1	A	9	ARG	2
1	A	69	ARG	2
1	A	197	GLN	2
1	A	215	GLN	2
1	A	227	THR	2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	267	THR	2
1	A	525	GLN	2
1	A	542	THR	2
1	A	552	ASN	2
1	A	570	GLU	2
1	A	573	LEU	2
1	A	638	SER	2
1	A	644	ASN	2
1	A	715	TRP	2
1	A	99	THR	2
1	A	109	ILE	2
1	A	380	ASN	2
1	A	577	LEU	2
1	A	64	LEU	2
1	A	196	LYS	2
1	A	220	ARG	2
1	A	282	ASP	2
1	A	343	LEU	2
1	A	361	ILE	2
1	A	373	TYR	2
1	A	383	THR	2
1	A	418	ASN	2
1	A	441	GLN	2
1	A	456	ARG	2
1	A	559	ASN	2
1	A	581	VAL	2
1	A	603	ILE	2
1	A	615	ILE	2
1	A	713	HIS	2
1	A	46	LEU	2
1	A	140	ASP	2
1	A	187	ASP	2
1	A	236	LEU	2
1	A	569	PHE	2
1	A	332	ARG	2
1	A	546	LEU	2
1	A	564	GLU	2
1	A	11	ARG	1
1	A	44	HIS	1
1	A	116	GLN	1
1	A	150	GLN	1
1	A	260	ILE	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	349	ILE	1
1	A	397	GLN	1
1	A	487	ARG	1
1	A	503	GLN	1
1	A	568	GLU	1
1	A	630	GLU	1
1	A	3	GLN	1
1	A	203	LYS	1
1	A	327	ILE	1
1	A	375	LEU	1
1	A	382	ARG	1
1	A	413	LEU	1
1	A	508	MET	1
1	A	518	MET	1
1	A	637	ILE	1
1	A	691	LYS	1
1	A	698	PHE	1
1	A	699	LEU	1
1	A	703	GLN	1
1	A	13	ASP	1
1	A	15	ASN	1
1	A	31	ASP	1
1	A	54	LEU	1
1	A	250	LYS	1
1	A	275	VAL	1
1	A	437	SER	1
1	A	574	ASP	1
1	A	645	TRP	1
1	A	655	GLN	1
1	A	38	ASN	1
1	A	45	ASP	1
1	A	51	ARG	1
1	A	123	ASN	1
1	A	178	LEU	1
1	A	270	ASP	1
1	A	314	ASN	1
1	A	318	HIS	1
1	A	390	LYS	1
1	A	496	CYS	1
1	A	531	ASN	1
1	A	549	HIS	1
1	A	609	ARG	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	66	GLU	1
1	A	162	ARG	1
1	A	207	GLU	1
1	A	228	CYS	1
1	A	287	TYR	1
1	A	408	ARG	1
1	A	459	ASP	1
1	A	488	ASN	1
1	A	592	ILE	1
1	A	623	ILE	1
1	A	661	GLU	1
1	A	22	GLU	1
1	A	56	GLU	1
1	A	161	GLN	1
1	A	164	GLU	1
1	A	245	ASN	1
1	A	272	GLU	1
1	A	329	LEU	1
1	A	338	ARG	1
1	A	406	PHE	1
1	A	483	LYS	1
1	A	492	SER	1
1	A	517	ASP	1
1	A	572	LEU	1
1	A	575	ASP	1
1	A	648	HIS	1
1	A	650	ILE	1
1	A	671	ASN	1
1	A	28	THR	1
1	A	36	TRP	1
1	A	71	ASN	1
1	A	106	ASP	1
1	A	172	ARG	1
1	A	173	PHE	1
1	A	262	GLU	1
1	A	317	ARG	1
1	A	320	THR	1
1	A	385	SER	1
1	A	411	THR	1
1	A	457	THR	1
1	A	485	TYR	1
1	A	550	GLN	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	578	THR	1
1	A	612	GLU	1
1	A	629	MET	1
1	A	634	THR	1
1	A	717	LEU	1
1	A	16	PHE	1
1	A	171	ARG	1
1	A	243	ASP	1
1	A	344	MET	1
1	A	428	GLU	1
1	A	610	TRP	1
1	A	654	GLU	1
1	A	665	LYS	1
1	A	60	ILE	1
1	A	126	TYR	1
1	A	151	GLU	1
1	A	176	GLU	1
1	A	326	GLU	1
1	A	356	GLU	1
1	A	425	MET	1
1	A	430	ARG	1
1	A	436	ARG	1
1	A	583	GLU	1
1	A	594	GLN	1
1	A	599	ASN	1
1	A	625	ASN	1
1	A	662	ASN	1
1	A	697	ILE	1
1	A	37	ARG	1
1	A	96	GLU	1
1	A	129	ASN	1
1	A	159	ASP	1
1	A	219	TYR	1
1	A	333	SER	1
1	A	398	GLU	1
1	A	565	PHE	1
1	A	595	GLU	1
1	A	598	ASN	1

6.3.3 RNA ⓘ

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains [i](#)

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates [i](#)

There are no oligosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry [i](#)

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers [i](#)

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues [i](#)

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

No chemical shift data were provided