Full wwPDB NMR Structure Validation Report (i)

Mar 9, 2026 – 05:36 AM UTC

PDB ID	:	6YTS / pdb_00006yts
BMRB ID	:	27989
Title	:	Solution NMR structure of type-I ribosome-inactivating protein trichobakin (TBK)
Authors	:	Britikov, V.V.; Bocharov, E.V.; Britikova, E.V.; Le, T.B.T.; Phan, C.V.; Boyko, K.M.; Arseniev, A.S.; Usanov, S.A.
Deposited on	:	2020-04-24

This is a Full wwPDB NMR Structure Validation Report for a publicly released PDB entry.

We welcome your comments at *validation@mail.wwpdb.org*
A user guide is available at
https://www.wwpdb.org/validation/2017/NMRValidationReportHelp
with specific help available everywhere you see the (i) symbol.

The types of validation reports are described at
http://www.wwpdb.org/validation/2017/FAQs#types.

The following versions of software and data (see references (1)) were used in the production of this report:

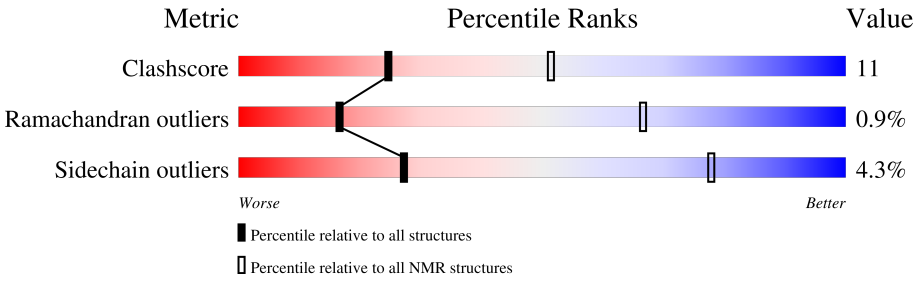
MolProbity	:	4-5-2 with Phenix2.0
Percentile statistics	:	20250101.v01 (using entries in the PDB archive January 1st 2025)
wwPDB-RCI	:	v_1n_11_5_13_A (Berjanski et al., 2005)
PANAV	:	Wang et al. (2010)
wwPDB-ShiftChecker	:	v1.2
BMRB Restraints Analysis	:	v1.2
Ideal geometry (proteins)	:	Engh & Huber (2001)
Ideal geometry (DNA, RNA)	:	Parkinson et al. (1996)
Validation Pipeline (wwPDB-VP)	:	2.49

1 Overall quality at a glance

The following experimental techniques were used to determine the structure:
SOLUTION NMR

The overall completeness of chemical shifts assignment is 84%.

Percentile scores (ranging between 0-100) for global validation metrics of the entry are shown in the following graphic. The table shows the number of entries on which the scores are based.



Metric	Whole archive (#Entries)	NMR archive (#Entries)
Clashscore	229148	14424
Ramachandran outliers	224038	12848
Sidechain outliers	223484	12823

The table below summarises the geometric issues observed across the polymeric chains and their fit to the experimental data. The red, orange, yellow and green segments indicate the fraction of residues that contain outliers for >=3, 2, 1 and 0 types of geometric quality criteria. A cyan segment indicates the fraction of residues that are not part of the well-defined cores, and a grey segment represents the fraction of residues that are not modelled. The numeric value for each fraction is indicated below the corresponding segment, with a dot representing fractions <=5%

Mol	Chain	Length	Quality of chain
1	A	247	70% 26%

2 Ensemble composition and analysis

This entry contains 20 models. Model 1 is the overall representative, medoid model (most similar to other models).

The following residues are included in the computation of the global validation metrics.

Well-defined (core) protein residues			
Well-defined core	**Residue range (total)**	**Backbone RMSD (Å)**	**Medoid model**
1	A:1-A:230, A:235-A:242 (238)	0.40	1

Ill-defined regions of proteins are excluded from the global statistics.

Ligands and non-protein polymers are included in the analysis.

The models can be grouped into 4 clusters and 2 single-model clusters were found.

Cluster number	Models
1	1, 8, 13, 14, 18, 19, 20
2	3, 7, 9, 12, 17
3	4, 10, 11, 15
4	5, 6
Single-model clusters	2; 16

3 Entry composition (i)

There is only 1 type of molecule in this entry. The entry contains 3862 atoms, of which 1942 are hydrogens and 0 are deuteriums.

- Molecule 1 is a protein called Trichobakin.

Mol	Chain	Residues	Atoms						Trace
			Total	C	H	N	O	S	
1	A	247	3862	1220	1942	328	369	3	0

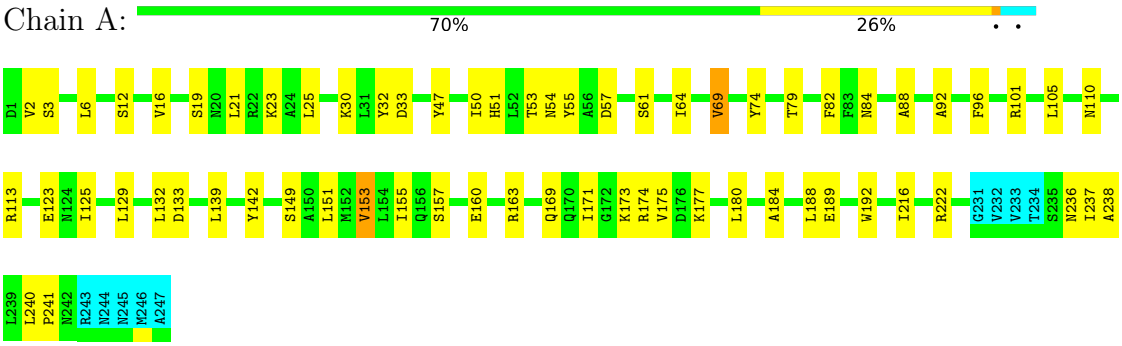
4 Residue-property plots (i)

4.1 Average score per residue in the NMR ensemble

These plots are provided for all protein, RNA, DNA and oligosaccharide chains in the entry. The first graphic is the same as shown in the summary in section 1 of this report. The second graphic shows the sequence where residues are colour-coded according to the number of geometric quality criteria for which they contain at least one outlier: green = 0, yellow = 1, orange = 2 and red = 3 or more. Stretches of 2 or more consecutive residues without any outliers are shown as green connectors. Residues which are classified as ill-defined in the NMR ensemble, are shown in cyan with an underline colour-coded according to the previous scheme. Residues which were present in the experimental sample, but not modelled in the final structure are shown in grey.

• Molecule 1: Trichobakin

Chain A:



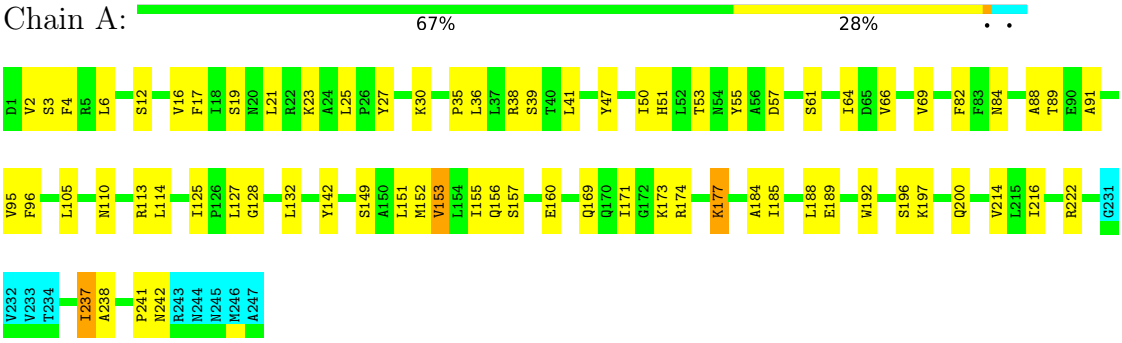
4.2 Scores per residue for each member of the ensemble

Colouring as in section 4.1 above.

4.2.1 Score per residue for model 1 (medoid)

• Molecule 1: Trichobakin

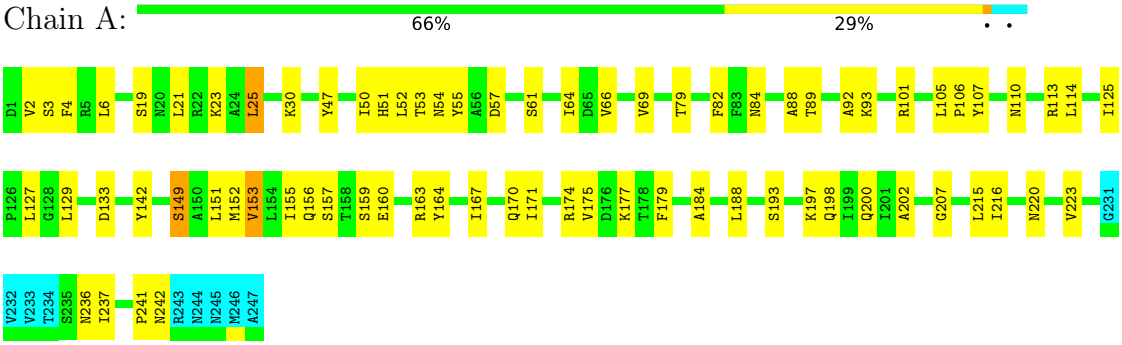
Chain A:



4.2.2 Score per residue for model 2

• Molecule 1: Trichobakin

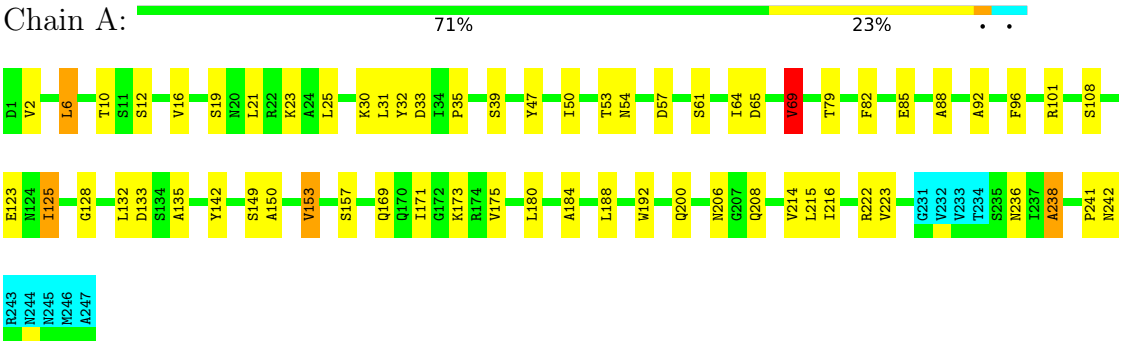
Chain A:



4.2.3 Score per residue for model 3

• Molecule 1: Trichobakin

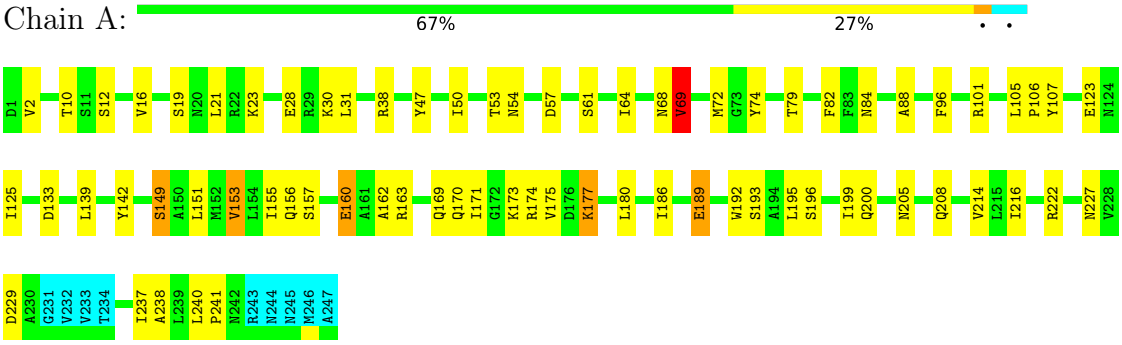
Chain A:



4.2.4 Score per residue for model 4

• Molecule 1: Trichobakin

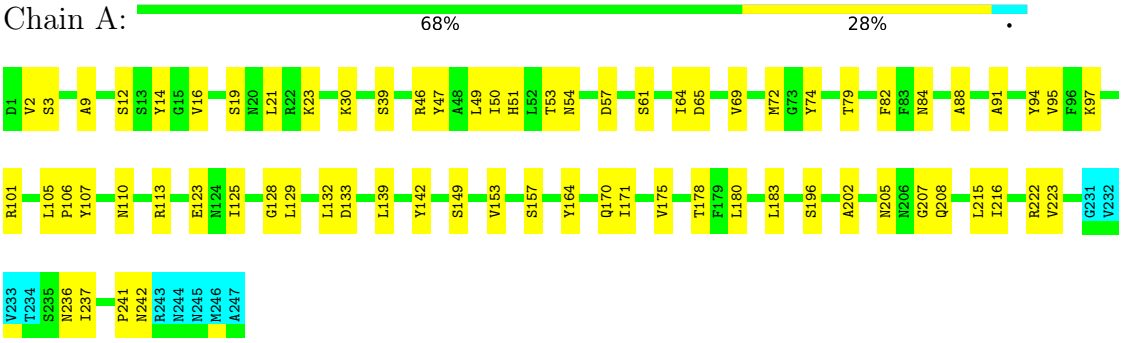
Chain A:



4.2.5 Score per residue for model 5

• Molecule 1: Trichobakin

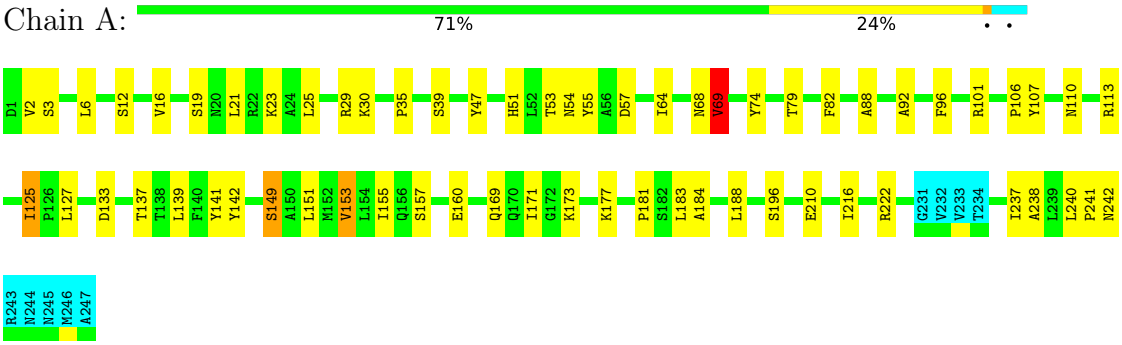
Chain A:



4.2.6 Score per residue for model 6

• Molecule 1: Trichobakin

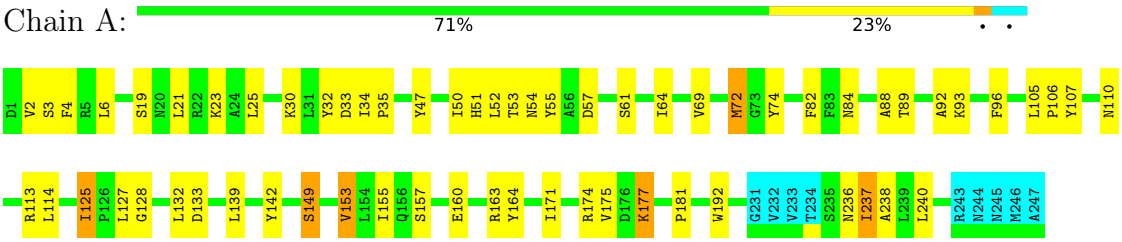
Chain A:



4.2.7 Score per residue for model 7

• Molecule 1: Trichobakin

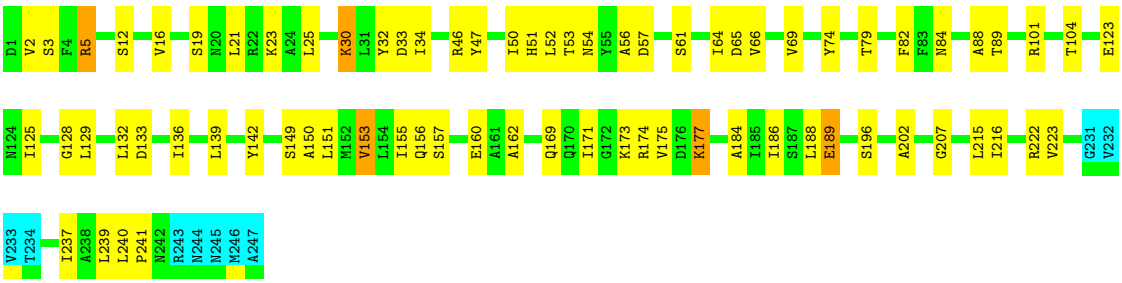
Chain A:



4.2.8 Score per residue for model 8

• Molecule 1: Trichobakin

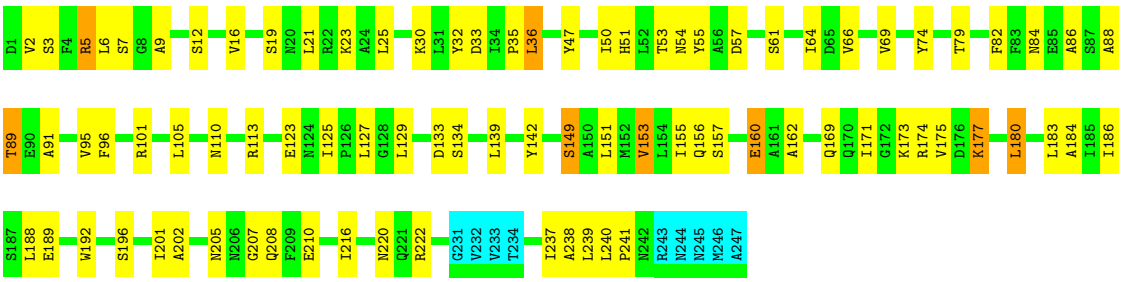
Chain A:



4.2.9 Score per residue for model 9

• Molecule 1: Trichobakin

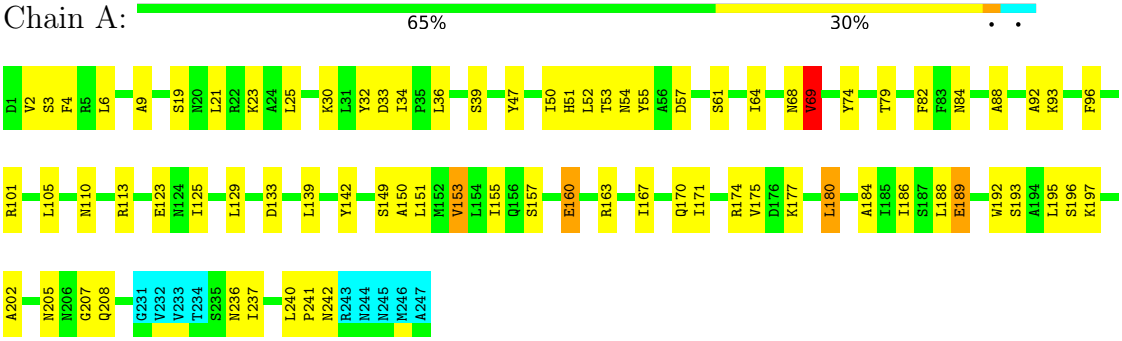
Chain A: 62% 32%



4.2.10 Score per residue for model 10

• Molecule 1: Trichobakin

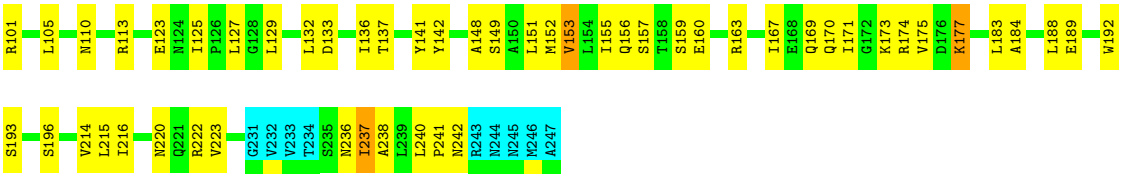
Chain A: 65% 30%



4.2.11 Score per residue for model 11

• Molecule 1: Trichobakin

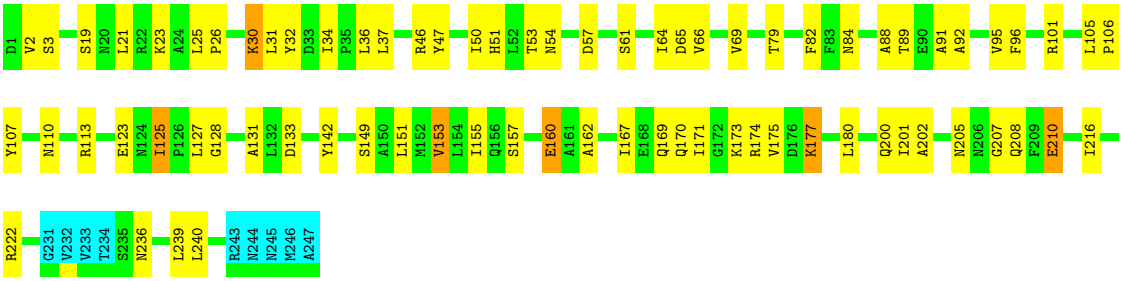
Chain A: 62% 33%



4.2.12 Score per residue for model 12

• Molecule 1: Trichobakin

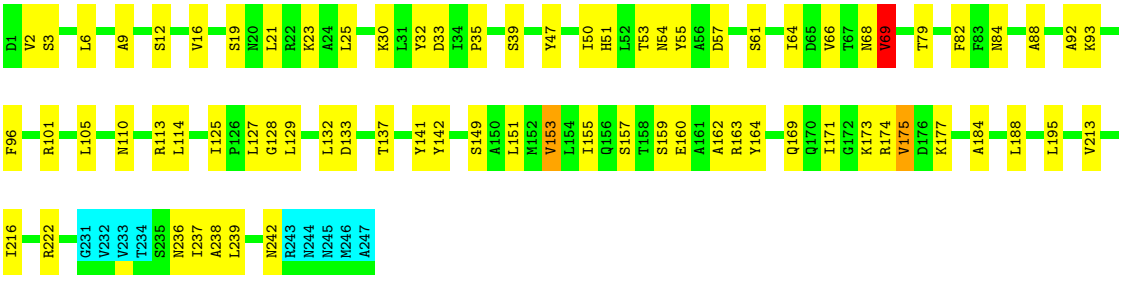
Chain A:



4.2.13 Score per residue for model 13

• Molecule 1: Trichobakin

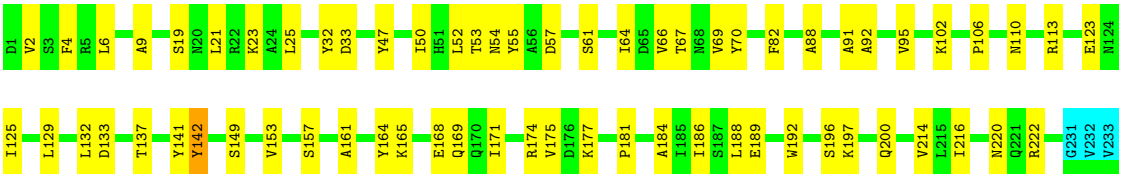
Chain A:

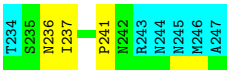


4.2.14 Score per residue for model 14

• Molecule 1: Trichobakin

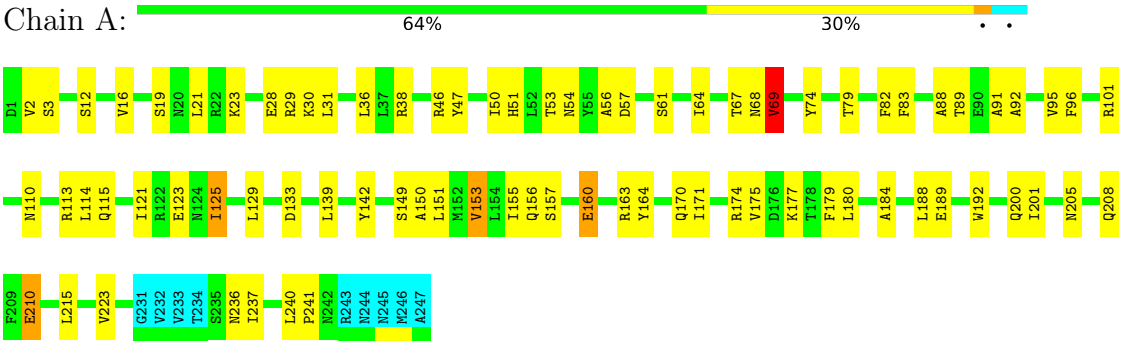
Chain A:





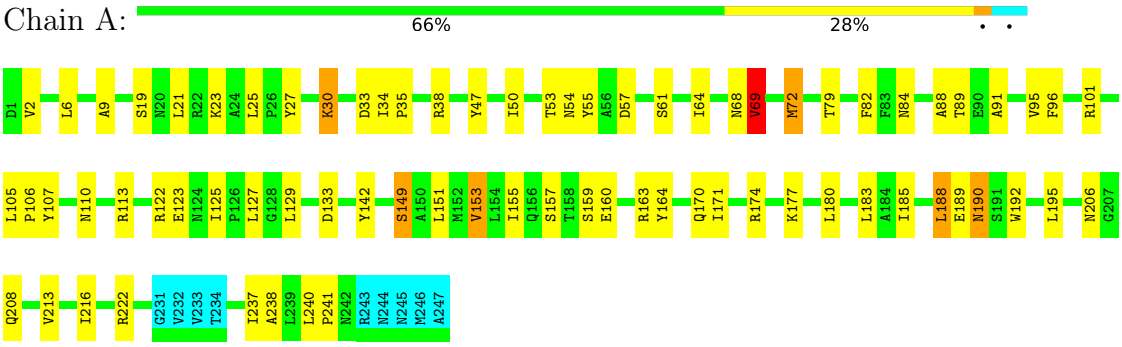
4.2.15 Score per residue for model 15

• Molecule 1: Trichobakin



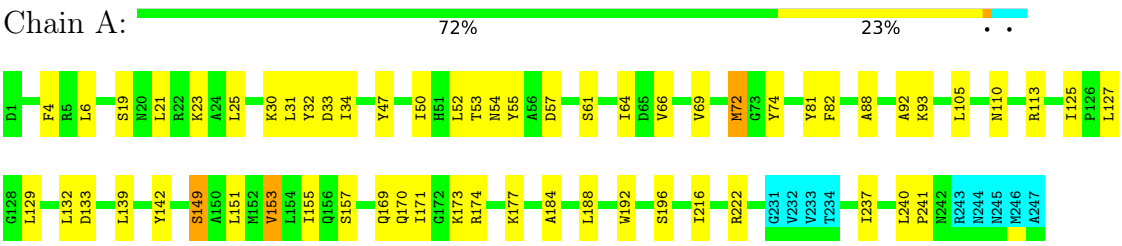
4.2.16 Score per residue for model 16

• Molecule 1: Trichobakin



4.2.17 Score per residue for model 17

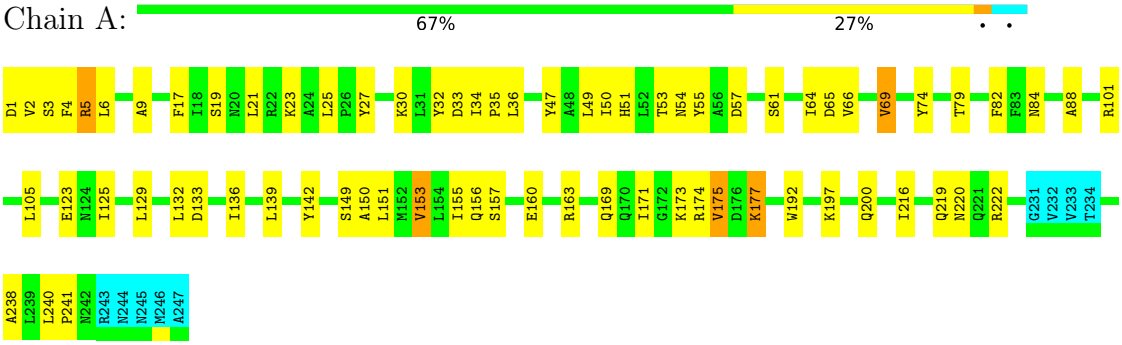
• Molecule 1: Trichobakin



4.2.18 Score per residue for model 18

• Molecule 1: Trichobakin

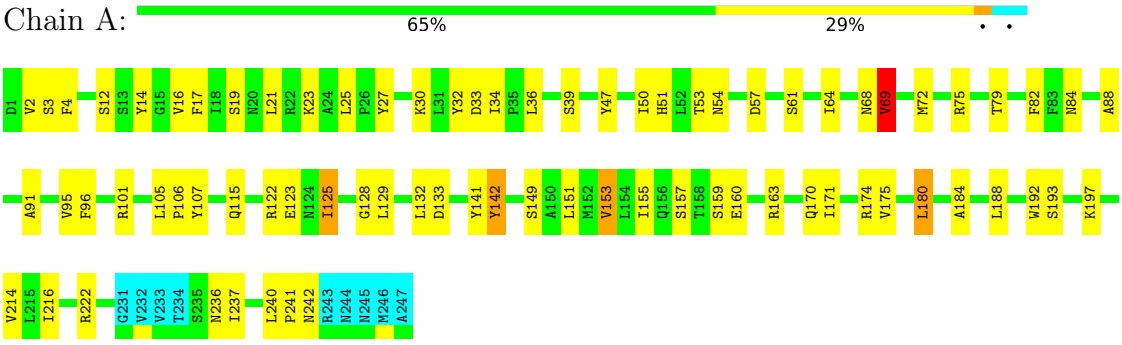
Chain A:



4.2.19 Score per residue for model 19

• Molecule 1: Trichobakin

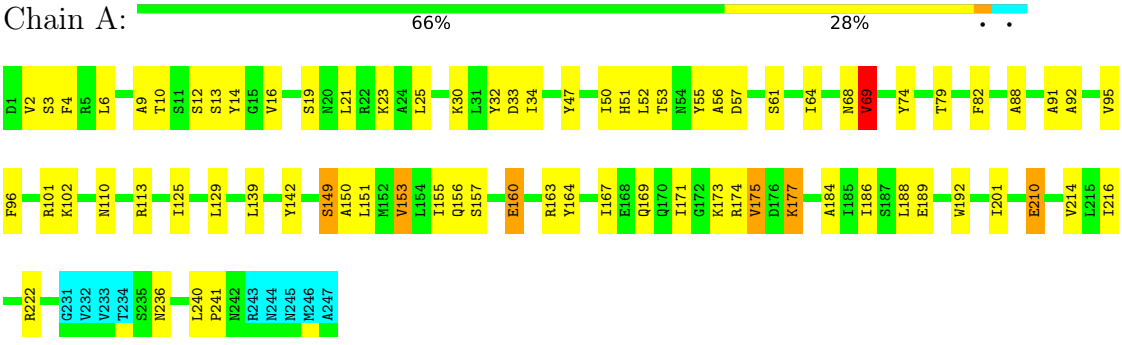
Chain A:



4.2.20 Score per residue for model 20

• Molecule 1: Trichobakin

Chain A:



5 Refinement protocol and experimental data overview

The models were refined using the following method: *torsion angle dynamics*.

Of the 200 calculated structures, 20 were deposited, based on the following criterion: *structures with the lowest energy*.

The following table shows the software used for structure solution, optimisation and refinement.

Software name	Classification	Version
ARIA	structure calculation	2.3
CNS	structure calculation	1.21
CNS	refinement	1.21

The following table shows chemical shift validation statistics as aggregates over all chemical shift files. Detailed validation can be found in section 7 of this report.

Chemical shift file(s)	working_cs.cif
Number of chemical shift lists	1
Total number of shifts	2820
Number of shifts mapped to atoms	2820
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Assignment completeness (well-defined parts)	84%

6 Model quality

6.1 Standard geometry

There are no covalent bond-length or bond-angle outliers.

There are no bond-length outliers.

There are no bond-angle outliers.

There are no chirality outliers.

There are no planarity outliers.

6.2 Too-close contacts

In the following table, the Non-H and H(model) columns list the number of non-hydrogen atoms and hydrogen atoms in each chain respectively. The H(added) column lists the number of hydrogen atoms added and optimized by MolProbity. The Clashes column lists the number of clashes averaged over the ensemble.

Mol	Chain	Non-H	H(model)	H(added)	Clashes
1	A	1854	1875	1874	39±5
All	All	37080	37500	37480	788

The all-atom clashscore is defined as the number of clashes found per 1000 atoms (including hydrogen atoms). The all-atom clashscore for this structure is 11.

All unique clashes are listed below, sorted by their clash magnitude.

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:157:SER:HA	1:A:171:ILE:HD13	0.73	1.58	17	20
1:A:129:LEU:HD12	1:A:175:VAL:HA	0.71	1.61	11	12
1:A:184:ALA:O	1:A:188:LEU:HG	0.69	1.87	15	14
1:A:47:TYR:HA	1:A:64:ILE:O	0.62	1.95	19	20
1:A:169:GLN:O	1:A:173:LYS:HG2	0.61	1.96	20	12
1:A:50:ILE:O	1:A:61:SER:HA	0.61	1.95	4	19
1:A:196:SER:CB	1:A:241:PRO:HD2	0.61	2.26	5	8
1:A:2:VAL:HG21	1:A:21:LEU:HA	0.59	1.74	20	18
1:A:132:LEU:O	1:A:136:ILE:HG12	0.58	1.98	18	1
1:A:149:SER:O	1:A:153:VAL:HG13	0.58	1.98	18	19
1:A:53:THR:CG2	1:A:57:ASP:HA	0.58	2.29	16	20
1:A:21:LEU:O	1:A:25:LEU:HG	0.57	1.99	3	14
1:A:25:LEU:HD12	1:A:66:VAL:HA	0.57	1.76	2	1
1:A:163:ARG:HD2	1:A:192:TRP:CD2	0.57	2.34	11	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:192:TRP:CH2	1:A:241:PRO:HB3	0.56	2.36	11	7
1:A:19:SER:O	1:A:23:LYS:HG3	0.56	2.01	12	20
1:A:156:GLN:HG2	1:A:160:GLU:OE2	0.56	2.01	18	1
1:A:163:ARG:HB2	1:A:192:TRP:NE1	0.56	2.15	15	7
1:A:9:ALA:HB1	1:A:129:LEU:HD13	0.56	1.77	10	9
1:A:84:ASN:HB2	1:A:105:LEU:O	0.56	2.01	13	13
1:A:110:ASN:OD1	1:A:113:ARG:HG2	0.55	2.02	16	15
1:A:54:ASN:HB2	1:A:133:ASP:OD2	0.55	2.02	2	9
1:A:170:GLN:O	1:A:174:ARG:HD3	0.55	2.02	15	9
1:A:39:SER:HB2	1:A:242:ASN:CG	0.54	2.27	5	3
1:A:159:SER:O	1:A:163:ARG:HG3	0.54	2.02	13	2
1:A:35:PRO:HD2	1:A:238:ALA:O	0.54	2.03	6	9
1:A:54:ASN:HB2	1:A:133:ASP:OD1	0.54	2.03	5	9
1:A:82:PHE:HB3	1:A:88:ALA:HB1	0.54	1.80	8	20
1:A:164:TYR:HA	1:A:236:ASN:O	0.54	2.02	7	6
1:A:123:GLU:O	1:A:180:LEU:HB3	0.53	2.02	4	6
1:A:72:MET:SD	1:A:91:ALA:HB1	0.53	2.44	5	1
1:A:174:ARG:HB3	1:A:177:LYS:O	0.53	2.04	18	13
1:A:34:ILE:CG2	1:A:240:LEU:HG	0.53	2.34	12	9
1:A:115:GLN:CG	1:A:121:ILE:HA	0.53	2.34	15	1
1:A:39:SER:HB2	1:A:242:ASN:ND2	0.52	2.19	10	1
1:A:216:ILE:CD1	1:A:222:ARG:HG2	0.52	2.34	5	15
1:A:82:PHE:CZ	1:A:92:ALA:HA	0.52	2.39	7	9
1:A:205:ASN:O	1:A:208:GLN:HG2	0.52	2.04	4	6
1:A:46:ARG:O	1:A:65:ASP:HA	0.52	2.04	5	3
1:A:5:ARG:HD2	1:A:5:ARG:O	0.52	2.04	8	3
1:A:186:ILE:O	1:A:189:GLU:HG3	0.52	2.04	10	3
1:A:31:LEU:HD22	1:A:200:GLN:HA	0.52	1.82	3	3
1:A:91:ALA:O	1:A:95:VAL:HG22	0.52	2.05	16	9
1:A:31:LEU:HB2	1:A:240:LEU:CD1	0.52	2.35	17	1
1:A:151:LEU:O	1:A:155:ILE:HG13	0.51	2.06	16	16
1:A:201:ILE:HG21	1:A:210:GLU:HG2	0.51	1.81	15	3
1:A:192:TRP:CH2	1:A:241:PRO:HG3	0.51	2.41	15	2
1:A:202:ALA:HB1	1:A:207:GLY:HA2	0.51	1.83	5	6
1:A:68:ASN:O	1:A:69:VAL:HG22	0.50	2.06	4	9
1:A:6:LEU:HB2	1:A:53:THR:O	0.50	2.06	3	1
1:A:10:THR:HA	1:A:175:VAL:HG11	0.50	1.83	3	2
1:A:25:LEU:HD22	1:A:66:VAL:HA	0.50	1.83	17	9
1:A:163:ARG:NH2	1:A:189:GLU:HA	0.50	2.21	11	1
1:A:32:TYR:O	1:A:33:ASP:HB3	0.49	2.07	9	11
1:A:164:TYR:CG	1:A:188:LEU:HD12	0.49	2.42	16	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:81:TYR:HB3	1:A:105:LEU:HD21	0.49	1.85	17	1
1:A:74:TYR:CE2	1:A:139:LEU:HB3	0.49	2.42	6	3
1:A:214:VAL:CG1	1:A:222:ARG:HB3	0.49	2.38	14	2
1:A:196:SER:HB3	1:A:241:PRO:HD2	0.49	1.85	9	3
1:A:123:GLU:O	1:A:180:LEU:HG	0.49	2.08	19	3
1:A:160:GLU:HG2	1:A:163:ARG:NH2	0.48	2.23	2	1
1:A:206:ASN:HB3	1:A:208:GLN:NE2	0.48	2.23	3	2
1:A:79:THR:HA	1:A:101:ARG:HG3	0.48	1.84	15	16
1:A:34:ILE:HG22	1:A:240:LEU:HB2	0.48	1.84	7	1
1:A:186:ILE:HA	1:A:189:GLU:OE1	0.48	2.07	9	1
1:A:6:LEU:HB3	1:A:55:TYR:CD1	0.48	2.42	2	6
1:A:159:SER:O	1:A:163:ARG:HG2	0.48	2.07	2	3
1:A:164:TYR:CE1	1:A:236:ASN:HB3	0.48	2.43	15	1
1:A:214:VAL:CG2	1:A:222:ARG:HB3	0.48	2.38	4	4
1:A:163:ARG:HB2	1:A:192:TRP:CD1	0.48	2.44	16	2
1:A:237:ILE:O	1:A:237:ILE:HG23	0.48	2.09	7	14
1:A:186:ILE:HA	1:A:189:GLU:OE2	0.48	2.09	20	2
1:A:174:ARG:HG2	1:A:179:PHE:CD2	0.47	2.43	2	1
1:A:149:SER:O	1:A:153:VAL:HG23	0.47	2.09	5	1
1:A:197:LYS:HA	1:A:200:GLN:OE1	0.47	2.09	18	4
1:A:183:LEU:H	1:A:183:LEU:HD22	0.47	1.70	11	5
1:A:185:ILE:HA	1:A:188:LEU:CD2	0.47	2.39	16	1
1:A:12:SER:O	1:A:16:VAL:HG23	0.47	2.09	15	12
1:A:132:LEU:O	1:A:136:ILE:HD13	0.47	2.09	8	1
1:A:79:THR:HA	1:A:101:ARG:CG	0.47	2.40	11	1
1:A:160:GLU:O	1:A:163:ARG:HG2	0.47	2.10	10	4
1:A:92:ALA:HB1	1:A:102:LYS:HG2	0.46	1.87	20	2
1:A:28:GLU:N	1:A:38:ARG:HG2	0.46	2.25	15	2
1:A:162:ALA:O	1:A:239:LEU:HG	0.46	2.10	12	4
1:A:195:LEU:O	1:A:199:ILE:HG13	0.46	2.11	4	1
1:A:74:TYR:CE1	1:A:139:LEU:HB3	0.46	2.46	17	7
1:A:163:ARG:HD3	1:A:192:TRP:CG	0.46	2.46	7	2
1:A:192:TRP:CZ2	1:A:241:PRO:HG3	0.46	2.46	15	1
1:A:215:LEU:O	1:A:223:VAL:HG22	0.46	2.11	2	6
1:A:193:SER:O	1:A:197:LYS:HB2	0.46	2.11	19	2
1:A:74:TYR:CZ	1:A:139:LEU:HD22	0.46	2.46	9	2
1:A:156:GLN:HA	1:A:160:GLU:CG	0.46	2.41	11	1
1:A:75:ARG:HD2	1:A:96:PHE:CD1	0.45	2.45	19	1
1:A:82:PHE:O	1:A:105:LEU:HG	0.45	2.11	18	2
1:A:240:LEU:HD12	1:A:240:LEU:O	0.45	2.10	15	1
1:A:56:ALA:O	1:A:57:ASP:HB3	0.45	2.11	20	4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:3:SER:HA	1:A:51:HIS:O	0.45	2.11	5	14
1:A:125:ILE:HG23	1:A:153:VAL:HG12	0.45	1.88	19	4
1:A:47:TYR:CD1	1:A:72:MET:HE1	0.45	2.45	4	1
1:A:156:GLN:HA	1:A:160:GLU:HB2	0.45	1.89	8	5
1:A:192:TRP:CE2	1:A:241:PRO:HG3	0.45	2.47	19	1
1:A:152:MET:O	1:A:156:GLN:HG3	0.45	2.12	1	2
1:A:25:LEU:HD12	1:A:66:VAL:CA	0.45	2.42	2	1
1:A:82:PHE:CZ	1:A:96:PHE:HD2	0.45	2.29	10	4
1:A:185:ILE:O	1:A:189:GLU:HG3	0.45	2.12	1	1
1:A:195:LEU:HA	1:A:213:VAL:HG21	0.45	1.88	13	2
1:A:34:ILE:HD12	1:A:237:ILE:O	0.45	2.12	16	1
1:A:14:TYR:HB2	1:A:129:LEU:HD21	0.44	1.88	20	3
1:A:168:GLU:HG3	1:A:169:GLN:N	0.44	2.27	14	1
1:A:106:PRO:HD2	1:A:107:TYR:CE1	0.44	2.47	5	7
1:A:125:ILE:O	1:A:181:PRO:HD2	0.44	2.12	14	3
1:A:82:PHE:CZ	1:A:96:PHE:CD2	0.44	3.05	12	6
1:A:128:GLY:O	1:A:132:LEU:HD12	0.44	2.11	5	7
1:A:82:PHE:CZ	1:A:96:PHE:CD1	0.44	3.05	6	6
1:A:148:ALA:O	1:A:152:MET:HG3	0.44	2.13	11	1
1:A:174:ARG:HG2	1:A:179:PHE:CD1	0.44	2.48	15	1
1:A:216:ILE:CG2	1:A:220:ASN:HA	0.44	2.42	2	1
1:A:82:PHE:CZ	1:A:96:PHE:HD1	0.44	2.31	7	3
1:A:129:LEU:HA	1:A:132:LEU:CD1	0.44	2.42	17	4
1:A:4:PHE:HB3	1:A:52:LEU:CD1	0.44	2.43	7	6
1:A:74:TYR:CE2	1:A:151:LEU:HD21	0.44	2.48	15	2
1:A:85:GLU:CD	1:A:108:SER:HB3	0.44	2.37	3	1
1:A:72:MET:HA	1:A:72:MET:HE2	0.44	1.89	16	3
1:A:4:PHE:CD1	1:A:17:PHE:HB2	0.44	2.47	19	1
1:A:32:TYR:O	1:A:32:TYR:CG	0.44	2.71	20	1
1:A:122:ARG:NH1	1:A:190:ASN:HD21	0.44	2.11	16	1
1:A:94:TYR:O	1:A:97:LYS:HD3	0.44	2.13	5	1
1:A:61:SER:O	1:A:74:TYR:HA	0.44	2.13	8	1
1:A:115:GLN:HG3	1:A:121:ILE:HA	0.44	1.88	15	1
1:A:163:ARG:HB2	1:A:192:TRP:CE2	0.44	2.48	15	1
1:A:137:THR:O	1:A:141:TYR:HD2	0.43	1.95	6	3
1:A:36:LEU:HD23	1:A:240:LEU:HD23	0.43	1.90	9	1
1:A:38:ARG:HG2	1:A:41:LEU:HD21	0.43	1.91	1	1
1:A:50:ILE:HG22	1:A:51:HIS:N	0.43	2.27	10	3
1:A:192:TRP:CZ3	1:A:241:PRO:HB3	0.43	2.49	3	1
1:A:155:ILE:HG22	1:A:160:GLU:OE2	0.43	2.13	20	3
1:A:86:ALA:HA	1:A:89:THR:OG1	0.43	2.14	9	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:106:PRO:HD2	1:A:107:TYR:CE2	0.43	2.49	12	1
1:A:110:ASN:O	1:A:114:LEU:HG	0.43	2.14	2	4
1:A:227:ASN:ND2	1:A:229:ASP:HB3	0.43	2.29	4	1
1:A:123:GLU:HG3	1:A:186:ILE:HD13	0.43	1.91	14	1
1:A:6:LEU:HB3	1:A:55:TYR:CD2	0.43	2.48	14	7
1:A:160:GLU:HB3	1:A:167:ILE:HD13	0.43	1.91	11	5
1:A:196:SER:HA	1:A:199:ILE:HD12	0.43	1.90	4	1
1:A:170:GLN:HA	1:A:170:GLN:OE1	0.43	2.14	11	2
1:A:27:TYR:HB2	1:A:36:LEU:O	0.42	2.14	1	3
1:A:39:SER:HB2	1:A:242:ASN:CB	0.42	2.44	11	1
1:A:183:LEU:HD23	1:A:220:ASN:HB3	0.42	1.91	11	1
1:A:4:PHE:CD2	1:A:17:PHE:HB2	0.42	2.49	18	2
1:A:84:ASN:HA	1:A:104:THR:CG2	0.42	2.45	8	1
1:A:34:ILE:HB	1:A:240:LEU:CD1	0.42	2.43	17	1
1:A:150:ALA:O	1:A:153:VAL:HG22	0.42	2.14	10	5
1:A:162:ALA:O	1:A:238:ALA:HB3	0.42	2.15	4	1
1:A:197:LYS:HD2	1:A:197:LYS:C	0.42	2.40	10	1
1:A:70:TYR:OH	1:A:110:ASN:HA	0.42	2.14	14	1
1:A:165:LYS:O	1:A:169:GLN:HG3	0.42	2.14	14	1
1:A:29:ARG:HG2	1:A:36:LEU:HD23	0.42	1.91	15	1
1:A:52:LEU:HB3	1:A:136:ILE:HD11	0.42	1.90	11	1
1:A:160:GLU:HA	1:A:163:ARG:HG2	0.42	1.92	18	1
1:A:54:ASN:HB3	1:A:136:ILE:CG2	0.42	2.45	11	1
1:A:30:LYS:HA	1:A:36:LEU:HD23	0.42	1.90	12	1
1:A:219:GLN:O	1:A:220:ASN:HB2	0.42	2.15	18	1
1:A:106:PRO:HD3	1:A:142:TYR:OH	0.41	2.15	14	1
1:A:5:ARG:HD3	1:A:7:SER:O	0.41	2.15	9	1
1:A:65:ASP:O	1:A:69:VAL:N	0.41	2.54	18	2
1:A:135:ALA:HA	1:A:150:ALA:HB1	0.41	1.92	3	1
1:A:26:PRO:O	1:A:37:LEU:HA	0.41	2.15	12	1
1:A:1:ASP:HB3	1:A:49:LEU:O	0.41	2.16	18	1
1:A:214:VAL:HG23	1:A:222:ARG:HB3	0.41	1.92	11	1
1:A:82:PHE:C	1:A:105:LEU:HG	0.41	2.41	18	1
1:A:46:ARG:O	1:A:46:ARG:HG2	0.41	2.16	15	1
1:A:21:LEU:O	1:A:25:LEU:HD22	0.41	2.16	2	1
1:A:160:GLU:N	1:A:160:GLU:OE1	0.41	2.53	13	2
1:A:115:GLN:OE1	1:A:122:ARG:HG2	0.41	2.15	19	1
1:A:30:LYS:HB2	1:A:33:ASP:C	0.41	2.40	8	2
1:A:31:LEU:O	1:A:32:TYR:HB2	0.41	2.16	12	1
1:A:39:SER:HB3	1:A:242:ASN:CG	0.40	2.42	13	2
1:A:237:ILE:HG23	1:A:237:ILE:O	0.40	2.15	2	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Atom-1	Atom-2	Clash(Å)	Distance(Å)	Models	
				Worst	Total
1:A:10:THR:CA	1:A:175:VAL:HG11	0.40	2.46	3	1
1:A:141:TYR:O	1:A:142:TYR:C	0.40	2.65	19	1
1:A:14:TYR:CG	1:A:129:LEU:HD21	0.40	2.52	5	1
1:A:83:PHE:CE1	1:A:114:LEU:HD21	0.40	2.52	15	1
1:A:49:LEU:HD21	1:A:95:VAL:CG1	0.40	2.46	5	1
1:A:25:LEU:HD13	1:A:69:VAL:HG12	0.40	1.94	6	1
1:A:155:ILE:HG22	1:A:160:GLU:OE1	0.40	2.16	7	1
1:A:31:LEU:CD2	1:A:200:GLN:HA	0.40	2.46	12	2
1:A:128:GLY:O	1:A:131:ALA:HB3	0.40	2.16	12	1
1:A:137:THR:O	1:A:141:TYR:HD1	0.40	2.00	14	1
1:A:161:ALA:HB1	1:A:168:GLU:HB3	0.40	1.93	14	1
1:A:27:TYR:N	1:A:38:ARG:HG3	0.40	2.31	16	1
1:A:201:ILE:HG21	1:A:210:GLU:CG	0.40	2.47	9	1
1:A:216:ILE:HD11	1:A:222:ARG:NH1	0.40	2.31	9	1
1:A:10:THR:H	1:A:13:SER:HB3	0.40	1.75	20	1

6.3 Torsion angles (i)

6.3.1 Protein backbone (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent Ramachandran outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the backbone conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Favoured	Allowed	Outliers	Percentiles	
1	A	237/247 (96%)	220±2 (93±1%)	14±2 (6±1%)	2±0 (1±0%)	16	66
All	All	4740/4940 (96%)	4407 (93%)	290 (6%)	43 (1%)	16	66

All 4 unique Ramachandran outliers are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	69	VAL	20
1	A	142	TYR	20
1	A	220	ASN	2
1	A	238	ALA	1

6.3.2 Protein sidechains (i)

In the following table, the Percentiles column shows the percent sidechain outliers of the chain as a percentile score with respect to all PDB entries followed by that with respect to all NMR entries. The Analysed column shows the number of residues for which the sidechain conformation was analysed and the total number of residues.

Mol	Chain	Analysed	Rotameric	Outliers	Percentiles
1	A	201/208 (97%)	183±42 (91±21%)	8±3 (4±1%)	28 79
All	All	3819/4160 (92%)	3654 (96%)	165 (4%)	27 78

All 31 unique residues with a non-rotameric sidechain are listed below. They are sorted by the frequency of occurrence in the ensemble.

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	30	LYS	19
1	A	125	ILE	19
1	A	153	VAL	18
1	A	177	LYS	13
1	A	127	LEU	10
1	A	69	VAL	10
1	A	89	THR	9
1	A	160	GLU	9
1	A	149	SER	8
1	A	93	LYS	5
1	A	189	GLU	5
1	A	175	VAL	5
1	A	210	GLU	4
1	A	72	MET	4
1	A	237	ILE	3
1	A	5	ARG	3
1	A	123	GLU	3
1	A	180	LEU	3
1	A	240	LEU	2
1	A	36	LEU	2
1	A	25	LEU	1
1	A	198	GLN	1
1	A	6	LEU	1
1	A	242	ASN	1
1	A	178	THR	1
1	A	29	ARG	1
1	A	52	LEU	1
1	A	134	SER	1
1	A	195	LEU	1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Mol	Chain	Res	Type	Models (Total)
1	A	188	LEU	1
1	A	190	ASN	1

6.3.3 RNA

There are no RNA molecules in this entry.

6.4 Non-standard residues in protein, DNA, RNA chains

There are no non-standard protein/DNA/RNA residues in this entry.

6.5 Carbohydrates

There are no oligosaccharides in this entry.

6.6 Ligand geometry

There are no ligands in this entry.

6.7 Other polymers

There are no such molecules in this entry.

6.8 Polymer linkage issues

There are no chain breaks in this entry.

7 Chemical shift validation

The completeness of assignment taking into account all chemical shift lists is 84% for the well-defined parts and 84% for the entire structure.

7.1 Chemical shift list 1

File name: working_cs.cif

Chemical shift list name: *assigned_chem_shift_list_1*

7.1.1 Bookkeeping

The following table shows the results of parsing the chemical shift list and reports the number of nuclei with statistically unusual chemical shifts.

Total number of shifts	2820
Number of shifts mapped to atoms	2820
Number of unparsed shifts	0
Number of shifts with mapping errors	0
Number of shifts with mapping warnings	0
Number of shift outliers (ShiftChecker)	9

7.1.2 Chemical shift referencing

The following table shows the suggested chemical shift referencing corrections.

Nucleus	# values	Correction ± precision, *ppm*	Suggested action
$^{13}C_{\alpha}$	244	-0.27 ± 0.09	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}C_{\beta}$	229	0.09 ± 0.13	None needed (< 0.5 ppm)
$^{13}C'$	240	-0.06 ± 0.09	None needed (< 0.5 ppm)
^{15}N	228	0.83 ± 0.22	Should be applied

7.1.3 Completeness of resonance assignments

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the well-defined regions of the structure. The overall completeness is 84%, i.e. 2730 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 3246. 0 out of 38 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Backbone	1154/1182 (98%)	464/477 (97%)	469/476 (99%)	221/229 (97%)
Sidechain	1461/1828 (80%)	987/1198 (82%)	458/557 (82%)	16/73 (22%)

Continued on next page...

Continued from previous page...

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Aromatic	115/236 (49%)	76/111 (68%)	38/122 (31%)	1/3 (33%)
Overall	2730/3246 (84%)	1527/1786 (85%)	965/1155 (84%)	238/305 (78%)

The following table shows the completeness of the chemical shift assignments for the full structure. The overall completeness is 84%, i.e. 2820 atoms were assigned a chemical shift out of a possible 3364. 0 out of 40 assigned methyl groups (LEU and VAL) were assigned stereospecifically.

	Total	^{1}H	^{13}C	^{15}N
Backbone	1191/1228 (97%)	479/496 (97%)	484/494 (98%)	228/238 (96%)
Sidechain	1514/1900 (80%)	1023/1245 (82%)	473/577 (82%)	18/78 (23%)
Aromatic	115/236 (49%)	76/111 (68%)	38/122 (31%)	1/3 (33%)
Overall	2820/3364 (84%)	1578/1852 (85%)	995/1193 (83%)	247/319 (77%)

7.1.4 Statistically unusual chemical shifts (i)

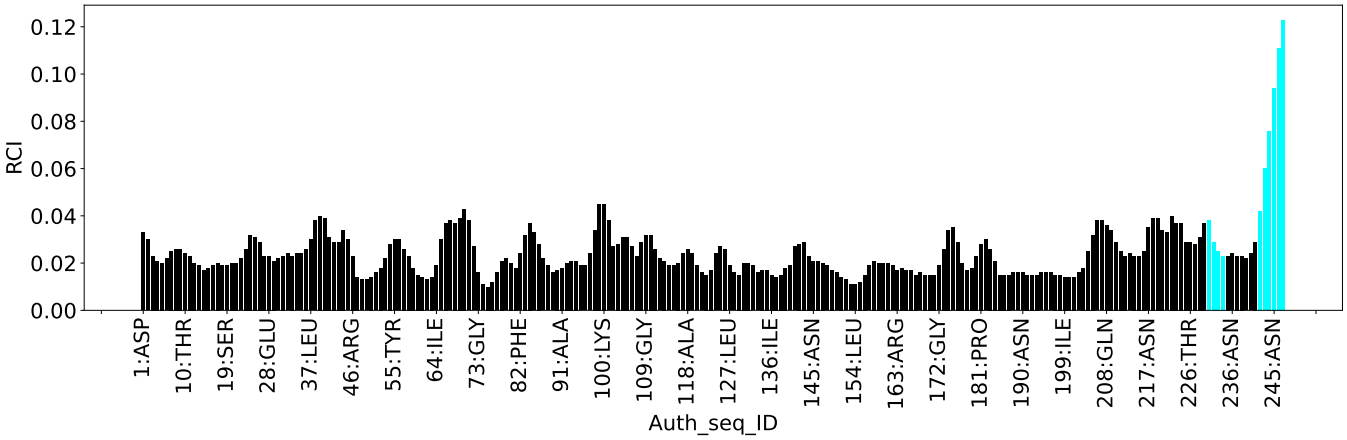
The following table lists the statistically unusual chemical shifts. These are statistical measures, and large deviations from the mean do not necessarily imply incorrect assignments. Molecules containing paramagnetic centres or hemes are expected to give rise to anomalous chemical shifts.

List Id	Chain	Res	Type	Atom	Shift, *ppm*	Expected range, *ppm*	Z-score
1	A	58	GLU	HB2	-0.12	1.00 – 3.05	-10.4
1	A	75	ARG	HB2	-0.33	0.52 – 3.08	-8.3
1	A	25	LEU	HD11	2.38	-0.61 – 2.12	5.9
1	A	25	LEU	HD12	2.38	-0.61 – 2.12	5.9
1	A	25	LEU	HD13	2.38	-0.61 – 2.12	5.9
1	A	209	PHE	CZ	120.62	121.82 – 136.66	-5.8
1	A	198	GLN	CG	27.69	28.36 – 39.21	-5.6
1	A	54	ASN	HB3	4.46	1.12 – 4.38	5.2
1	A	177	LYS	CD	23.37	23.50 – 34.42	-5.1

7.1.5 Random Coil Index (RCI) plots (i)

The image below reports *random coil index* values for the protein chains in the structure. The height of each bar gives a probability of a given residue to be disordered, as predicted from the available chemical shifts and the amino acid sequence. A value above 0.2 is an indication of significant predicted disorder. The colour of the bar shows whether the residue is in the well-defined core (black) or in the ill-defined residue ranges (cyan), as described in section 2 on ensemble composition.If well-defined core and ill-defined regions are not identified then it is shown as gray bars.

Random coil index (RCI) for chain A:


RCI
0.12
0.10
0.08
0.06
0.04
0.02
0.00
1:ASP
10:THR
19:SER
28:GLU
37:LEU
46:ARG
55:TYR
64:ILE
73:GLY
82:PHE
91:ALA
100:LYS
109:GLY
118:ALA
127:LEU
136:ILE
145:ASN
154:LEU
163:ARG
172:GLY
181:PRO
190:ASN
199:ILE
208:GLN
217:ASN
226:THR
236:ASN
245:ASN
Auth_seq_ID

8 NMR restraints analysis

8.1 Conformationally restricting restraints

The following table provides the summary of experimentally observed NMR restraints in different categories. Restraints are classified into different categories based on the sequence separation of the atoms involved.

Description	Value
Total distance restraints	3693
Intra-residue (|i-j|=0)	1391
Sequential (|i-j|=1)	823
Medium range (|i-j|>1 and |i-j|<5)	647
Long range (|i-j|≥5)	715
Inter-chain	0
Hydrogen bond restraints	117
Disulfide bond restraints	0
Total dihedral-angle restraints	363
Number of unmapped restraints	0
Number of restraints per residue	16.4
Number of long range restraints per residue[1]	3.0

[1]Long range hydrogen bonds and disulfide bonds are counted as long range restraints while calculating the number of long range restraints per residue

8.2 Residual restraint violations

This section provides the overview of the restraint violations analysis. The violations are binned as small, medium and large violations based on its absolute value. Average number of violations per model is calculated by dividing the total number of violations in each bin by the size of the ensemble.

8.2.1 Average number of distance violations per model

Distance violations less than 0.1 Å
are not included in the calculation.

Bins (Å)	Average number of violations per model	Max (Å)
0.1-0.2 (Small)	169.2	0.2
0.2-0.5 (Medium)	341.9	0.5
>0.5 (Large)	286.9	9.99

8.2.2 Average number of dihedral-angle violations per model (i)

Dihedral-angle violations less than 1° are not included in the calculation.

Bins (°)	Average number of violations per model	Max (°)
1.0-10.0 (Small)	14.6	9.63
10.0-20.0 (Medium)	0.9	19.9
>20.0 (Large)	0.8	23.98

9 Distance violation analysis (i)

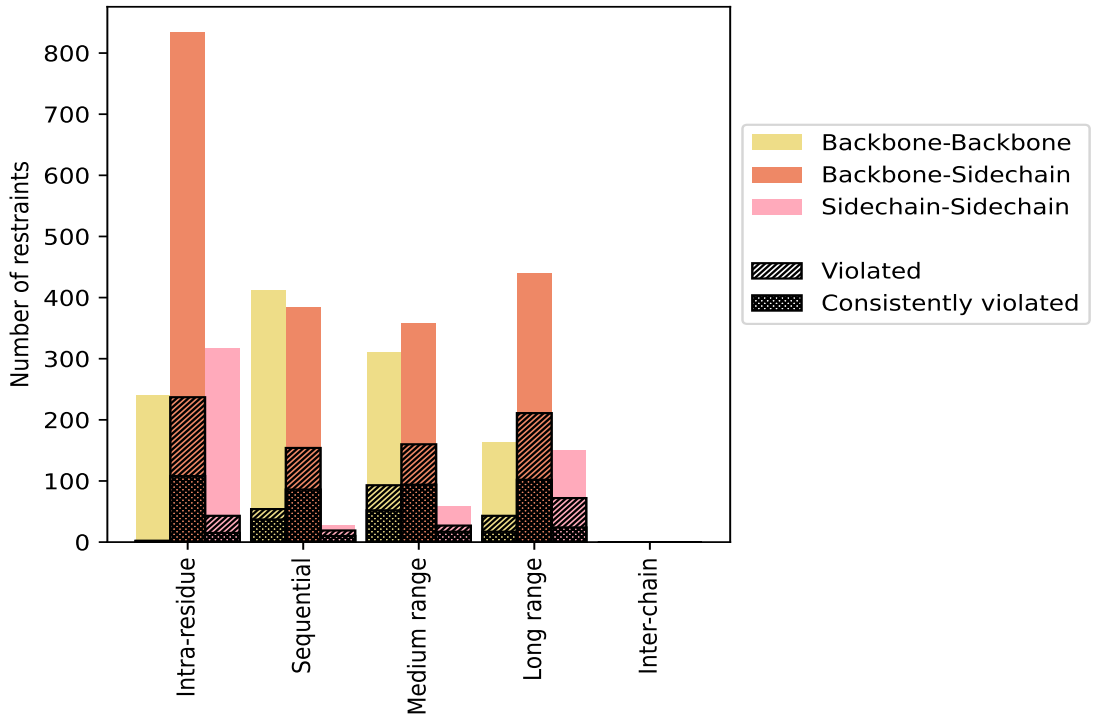
9.1 Summary of distance violations (i)

The following table shows the summary of distance violations in different restraint categories based on the sequence separation of the atoms involved. Each category is further sub-divided into three sub-categories based on the atoms involved. Violations less than 0.1 Å are not included in the statistics.

Restraints type	Count	%[1]	Violated[3]			Consistently Violated[4]		
			Count	%[2]	%[1]	Count	%[2]	%[1]
Intra-residue (|i-j|=0)	1391	37.7	282	20.3	7.6	125	9.0	3.4
Backbone-Backbone	240	6.5	2	0.8	0.1	2	0.8	0.1
Backbone-Sidechain	834	22.6	237	28.4	6.4	108	12.9	2.9
Sidechain-Sidechain	317	8.6	43	13.6	1.2	15	4.7	0.4
Sequential (|i-j|=1)	823	22.3	227	27.6	6.1	133	16.2	3.6
Backbone-Backbone	411	11.1	54	13.1	1.5	37	9.0	1.0
Backbone-Sidechain	384	10.4	154	40.1	4.2	86	22.4	2.3
Sidechain-Sidechain	28	0.8	19	67.9	0.5	10	35.7	0.3
Medium range (|i-j|>1 & |i-j|<5)	647	17.5	278	43.0	7.5	163	25.2	4.4
Backbone-Backbone	311	8.4	93	29.9	2.5	52	16.7	1.4
Backbone-Sidechain	278	7.5	158	56.8	4.3	94	33.8	2.5
Sidechain-Sidechain	58	1.6	27	46.6	0.7	17	29.3	0.5
Long range (|i-j|≥5)	715	19.4	326	45.6	8.8	143	20.0	3.9
Backbone-Backbone	163	4.4	43	26.4	1.2	17	10.4	0.5
Backbone-Sidechain	402	10.9	211	52.5	5.7	102	25.4	2.8
Sidechain-Sidechain	150	4.1	72	48.0	1.9	24	16.0	0.6
Inter-chain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Backbone	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Backbone-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Sidechain-Sidechain	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Hydrogen bond	117	3.2	2	1.7	0.1	0	0.0	0.0
Disulfide bond	0	0.0	0	0.0	0.0	0	0.0	0.0
Total	3693	100.0	1115	30.2	30.2	564	15.3	15.3
Backbone-Backbone	1125	30.5	192	17.1	5.2	108	9.6	2.9
Backbone-Sidechain	2015	54.6	762	37.8	20.6	390	19.4	10.6
Sidechain-Sidechain	553	15.0	161	29.1	4.4	66	11.9	1.8

[1] percentage calculated with respect to the total number of distance restraints, [2] percentage calculated with respect to the number of restraints in a particular restraint category, [3] violated in at least one model, [4] violated in all the models

9.1.1 Bar chart : Distribution of distance restraints and violations



Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories. The hydrogen bonds and disulfied bonds are counted in their appropriate category on the x-axis

9.2 Distance violation statistics for each model

The following table provides the distance violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 0.1 Å
are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
1	194	178	210	214	0	796	1.16	9.99	1.65	0.34
2	189	174	215	219	0	797	1.18	9.64	1.68	0.34
3	201	182	211	229	0	823	1.14	9.6	1.63	0.34
4	189	177	205	227	0	798	1.17	9.63	1.66	0.35
5	195	184	212	220	0	811	1.16	9.59	1.64	0.34
6	197	181	213	224	0	815	1.15	9.79	1.64	0.34
7	197	182	219	212	0	810	1.15	9.96	1.65	0.34
8	189	180	216	217	0	802	1.18	9.87	1.67	0.34
9	194	185	219	215	0	813	1.15	9.49	1.63	0.34
10	199	178	217	227	0	821	1.14	9.47	1.63	0.34

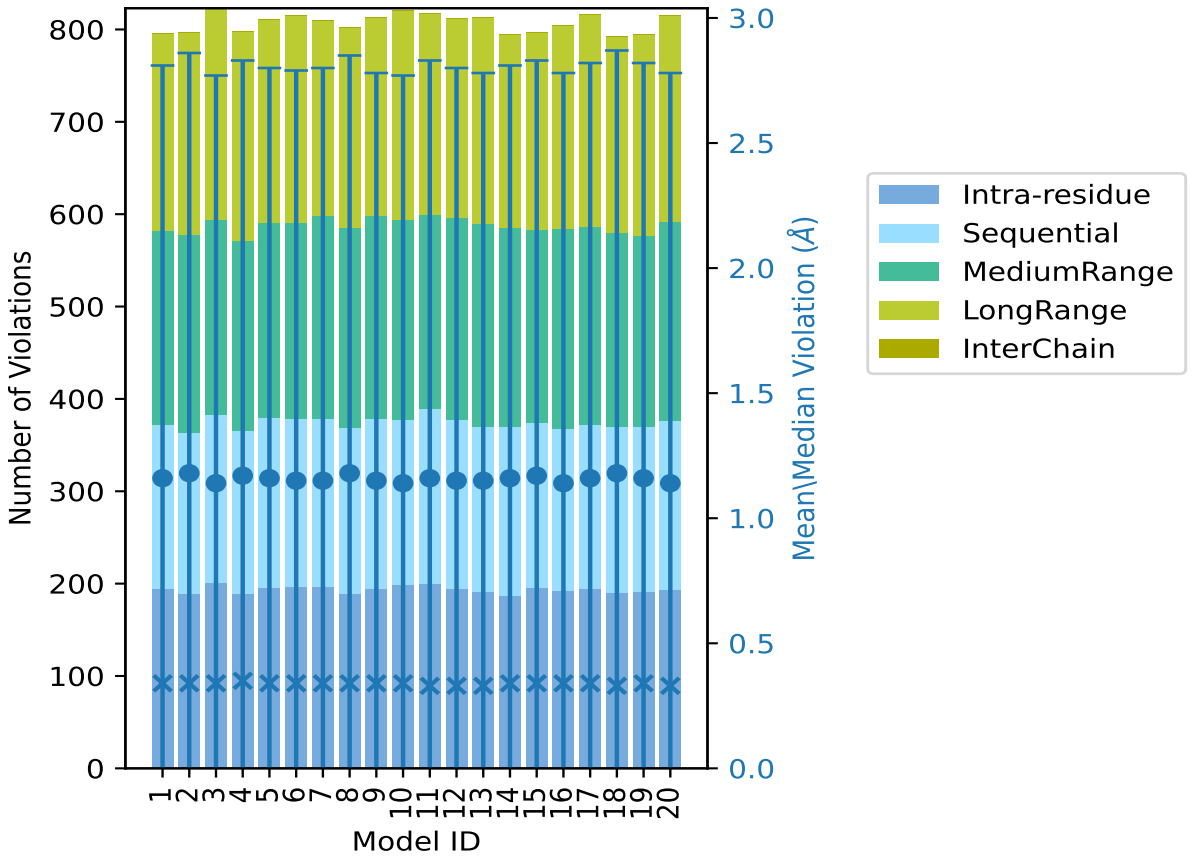
Continued on next page...

Continued from previous page...

Model ID	Number of violations						Mean (Å)	Max (Å)	SD[6] (Å)	Median (Å)
	IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total				
11	200	189	210	218	0	817	1.16	9.74	1.67	0.33
12	194	184	218	216	0	812	1.15	9.96	1.65	0.33
13	191	179	219	224	0	813	1.15	9.74	1.63	0.33
14	187	183	215	210	0	795	1.16	9.78	1.65	0.34
15	196	178	209	214	0	797	1.17	9.45	1.66	0.34
16	192	176	216	220	0	804	1.14	9.33	1.64	0.34
17	195	177	214	230	0	816	1.16	9.75	1.66	0.34
18	190	180	210	212	0	792	1.18	9.73	1.69	0.33
19	191	179	207	218	0	795	1.16	9.81	1.66	0.34
20	194	182	216	223	0	815	1.14	9.68	1.64	0.33

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6]Standard deviation

9.2.1 Bar graph : Distance Violation statistics for each model



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

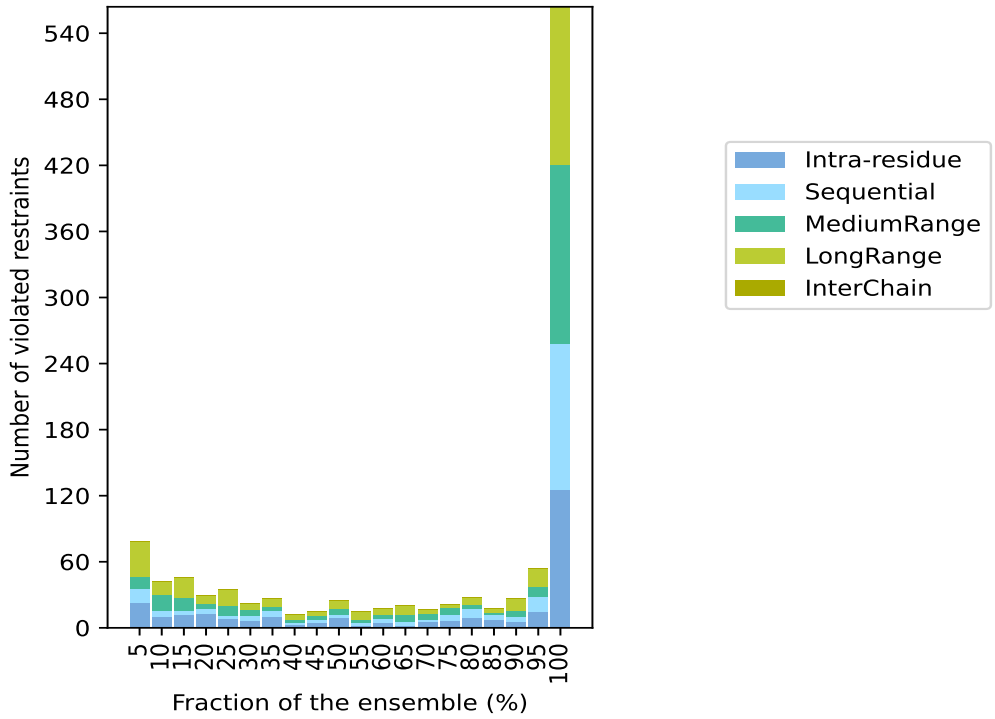
9.3 Distance violation statistics for the ensemble (i)

Violation analysis may find that some restraints are violated in few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of the ensemble. In total, 2463(IR:1109, SQ:596, MR:369, LR:389, IC:0) restraints are not violated in the ensemble.

Number of violated restraints						Fraction of the ensemble	
IR[1]	SQ[2]	MR[3]	LR[4]	IC[5]	Total	Count[6]	%
23	13	11	31	0	78	1	5.0
10	6	14	12	0	42	2	10.0
12	4	11	19	0	46	3	15.0
13	4	5	7	0	29	4	20.0
8	3	9	15	0	35	5	25.0
6	5	5	6	0	22	6	30.0
10	6	3	8	0	27	7	35.0
3	2	2	5	0	12	8	40.0
5	2	4	4	0	15	9	45.0
9	3	5	8	0	25	10	50.0
2	3	2	8	0	15	11	55.0
5	3	4	6	0	18	12	60.0
2	3	7	8	0	20	13	65.0
6	1	6	4	0	17	14	70.0
6	6	6	3	0	21	15	75.0
9	8	4	7	0	28	16	80.0
7	5	2	4	0	18	17	85.0
6	4	6	11	0	27	18	90.0
15	13	9	17	0	54	19	95.0
125	133	163	143	0	564	20	100.0

[1]Intra-residue restraints, [2]Sequential restraints, [3]Medium range restraints, [4]Long range restraints, [5]Inter-chain restraints, [6] Number of models with violations

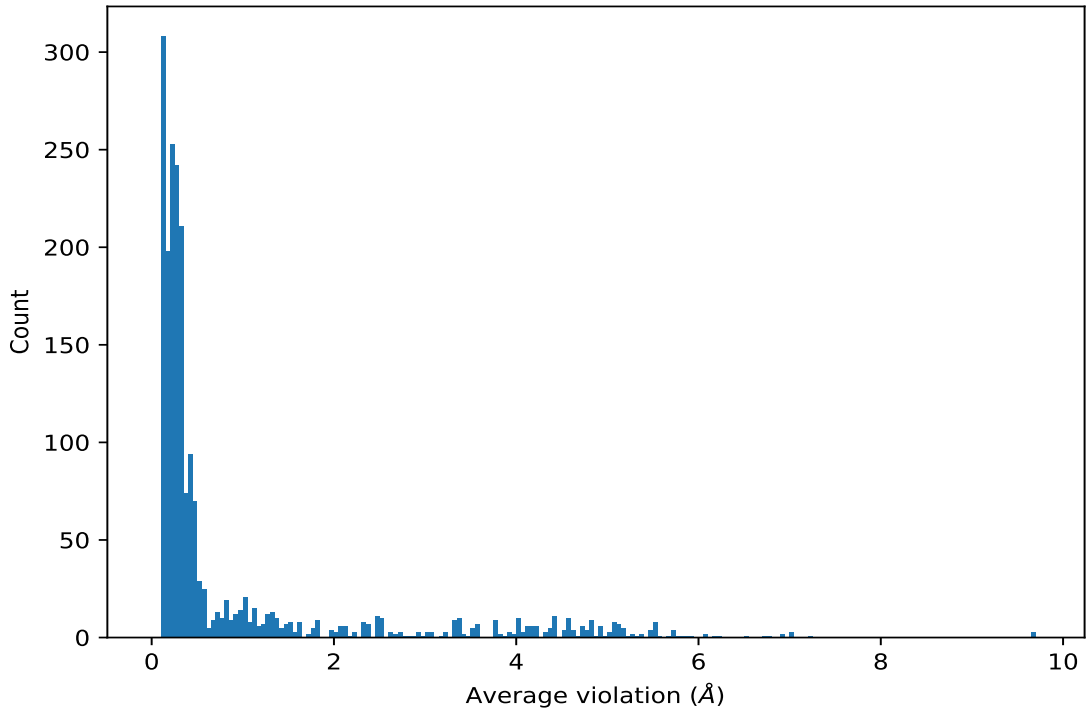
9.3.1 Bar graph : Distance violation statistics for the ensemble



9.4 Most violated distance restraints in the ensemble

9.4.1 Histogram : Distribution of mean distance violations

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models in the ensemble



9.4.2 Table: Most violated distance restraints (i)

The following table provides the mean and the standard deviation of theviolation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	20	9.7	0.17	9.74
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	20	9.7	0.17	9.74
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	20	9.7	0.17	9.74
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	20	7.22	1.23	7.77
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	20	7.04	1.04	7.51
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	20	7.04	1.04	7.51
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	20	7.04	1.04	7.51
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	20	6.94	0.1	6.94
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	20	6.94	0.1	6.94
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	20	6.79	0.06	6.8
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	20	6.7	0.65	6.54
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	20	6.52	0.12	6.53
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	20	6.22	0.1	6.24
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	20	6.17	0.18	6.16
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	20	6.08	0.07	6.07
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	20	6.06	0.2	6.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	20	5.94	0.1	5.96
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	20	5.86	0.04	5.84
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	20	5.85	0.12	5.86
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	20	5.79	0.11	5.78
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	20	5.74	0.24	5.68
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	20	5.73	0.1	5.73
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	20	5.73	0.34	5.76
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	20	5.73	0.34	5.76
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	20	5.66	0.2	5.61
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	20	5.6	0.09	5.6
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	20	5.54	0.05	5.54
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	20	5.54	0.05	5.54
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	20	5.54	0.05	5.54
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	20	5.5	1.02	4.96
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	20	5.5	1.02	4.96
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	20	5.5	1.02	4.96
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	20	5.5	0.07	5.5
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	20	5.5	0.06	5.5
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	20	5.49	0.08	5.5
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	20	5.49	0.04	5.48
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	20	5.49	0.04	5.48
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	20	5.49	0.15	5.54
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	20	5.38	0.13	5.38
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	20	5.38	0.13	5.38
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	20	5.34	0.11	5.3
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	20	5.27	0.09	5.28
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	20	5.26	0.47	5.1
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	20	5.23	0.31	5.18
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	20	5.19	0.17	5.16
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	20	5.18	0.06	5.16
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	20	5.15	0.54	4.98
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	20	5.15	0.54	4.98
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	20	5.15	0.54	4.98
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	20	5.14	0.2	5.11
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	20	5.14	0.2	5.11
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	20	5.14	0.2	5.11
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	20	5.12	0.05	5.13
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	20	5.11	0.42	4.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	20	5.11	0.42	4.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	20	5.11	0.42	4.92
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	20	5.09	0.11	5.13
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	20	5.08	0.15	5.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	20	5.08	0.15	5.05
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	20	5.08	0.15	5.05
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	20	5.08	0.22	5.07
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	20	5.08	0.22	5.07
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	20	5.08	0.22	5.07
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	20	5.07	0.02	5.08
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	20	5.03	0.28	5.08
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	20	5.03	0.28	5.08
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	20	5.01	0.03	5.01
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	20	4.97	0.48	4.8
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	20	4.93	0.06	4.92
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	20	4.93	0.06	4.92
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	20	4.93	0.06	4.92
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	20	4.92	0.1	4.96
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	20	4.92	0.1	4.96
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	20	4.92	0.1	4.96
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	20	4.88	0.08	4.86
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	20	4.84	0.06	4.84
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	20	4.84	0.06	4.84
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	20	4.84	0.06	4.84
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	20	4.84	0.16	4.89
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	20	4.84	0.16	4.89
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	20	4.83	0.09	4.84
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	20	4.83	0.17	4.76
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	20	4.82	0.25	4.91
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	20	4.81	0.54	4.72
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	20	4.8	0.35	4.76
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	20	4.78	0.59	5.08
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	20	4.78	0.59	5.08
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	20	4.78	0.59	5.08
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	20	4.74	0.1	4.77
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	20	4.72	0.37	4.66
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	20	4.72	0.03	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	20	4.72	0.03	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	20	4.72	0.03	4.71
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	20	4.71	0.02	4.71
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	20	4.67	0.11	4.64
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	20	4.64	0.04	4.62
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	20	4.62	0.1	4.62
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	20	4.61	0.2	4.57
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	20	4.61	0.2	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	20	4.6	0.07	4.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	20	4.6	0.07	4.58
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	20	4.6	0.07	4.58
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	20	4.6	0.53	4.65
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	20	4.6	0.56	4.5
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	20	4.6	0.56	4.5
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	20	4.6	0.56	4.5
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	20	4.57	0.04	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	20	4.57	0.04	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	20	4.57	0.04	4.58
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	20	4.53	0.15	4.54
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	20	4.51	0.04	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	20	4.51	0.04	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	20	4.51	0.04	4.52
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	20	4.44	0.03	4.44
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	20	4.44	0.32	4.36
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	20	4.44	0.32	4.36
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	20	4.44	0.32	4.36
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	20	4.43	0.18	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	20	4.41	0.02	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	20	4.41	0.02	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	20	4.41	0.02	4.42
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	20	4.41	0.07	4.42
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	20	4.41	0.07	4.42
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	20	4.41	0.07	4.42
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	20	4.39	0.15	4.42
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	20	4.38	0.31	4.47
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	20	4.36	0.02	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	20	4.36	0.02	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	20	4.36	0.02	4.36
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	20	4.32	0.1	4.34
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	20	4.3	0.14	4.28
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	20	4.3	0.14	4.28
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	20	4.21	0.12	4.22
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	20	4.21	0.12	4.22
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	20	4.21	0.12	4.22
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	20	4.2	0.06	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	20	4.2	0.06	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	20	4.2	0.06	4.2
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	20	4.18	0.51	3.98
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	20	4.18	0.51	3.98
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	20	4.18	0.51	3.98
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	20	4.18	0.51	3.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	20	4.18	0.51	3.98
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	20	4.18	0.51	3.98
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	20	4.12	0.07	4.12
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	20	4.12	0.07	4.12
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	20	4.12	0.07	4.12
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	20	4.11	0.18	4.1
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	20	4.11	0.18	4.1
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	20	4.11	0.18	4.1
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	20	4.08	0.1	4.08
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	20	4.08	0.1	4.08
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	20	4.08	0.1	4.08
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	20	4.04	0.07	4.06
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	20	4.03	0.04	4.02
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	20	4.03	0.09	4.0
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	20	4.01	0.09	4.01
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	20	4.01	0.09	4.01
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	20	4.01	0.09	4.01
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	20	4.0	0.11	4.0
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	20	4.0	0.11	4.0
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	20	4.0	0.11	4.0
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	20	4.0	0.76	3.87
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	20	3.95	0.17	3.92
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	20	3.95	0.17	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	20	3.93	0.09	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	20	3.93	0.09	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	20	3.93	0.09	3.92
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	20	3.89	0.12	3.88
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	20	3.81	0.18	3.8
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	20	3.81	0.18	3.8
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	20	3.79	0.09	3.78
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	20	3.78	0.06	3.76
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	20	3.77	0.16	3.78
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	20	3.76	0.18	3.83
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	20	3.76	0.18	3.71
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	20	3.76	0.0	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	20	3.76	0.0	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	20	3.76	0.0	3.76
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	20	3.75	0.02	3.75
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	20	3.58	0.11	3.61
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	20	3.57	0.04	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	20	3.57	0.04	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	20	3.57	0.04	3.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	20	3.57	0.04	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	20	3.57	0.04	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	20	3.57	0.04	3.56
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	20	3.55	0.1	3.58
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	20	3.54	0.01	3.54
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	20	3.53	0.02	3.53
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	20	3.53	0.01	3.53
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	20	3.5	0.03	3.51
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	20	3.49	0.01	3.5
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	20	3.44	0.03	3.44
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	20	3.43	0.08	3.42
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	20	3.4	0.26	3.46
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	20	3.38	0.05	3.39
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	20	3.38	0.05	3.39
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	20	3.38	0.05	3.39
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	20	3.38	0.05	3.39
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	20	3.38	0.05	3.39
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	20	3.38	0.05	3.39
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	20	3.37	0.05	3.36
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	20	3.37	0.05	3.36
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	20	3.37	0.05	3.36
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	20	3.34	0.08	3.34
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	20	3.34	0.08	3.34
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	20	3.34	0.08	3.34
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	20	3.34	0.08	3.34
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	20	3.34	0.08	3.34
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	20	3.34	0.08	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	20	3.32	0.08	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	20	3.32	0.08	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	20	3.32	0.08	3.34
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	20	3.21	0.09	3.2
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	20	3.21	0.09	3.2
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	20	3.21	0.09	3.2
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	20	3.17	0.6	3.66
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	20	3.07	0.13	3.06
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	20	3.07	0.13	3.06
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	20	3.07	0.16	3.06
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	20	3.04	0.51	2.92
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	20	3.04	0.51	2.92
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	20	3.04	0.51	2.92
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	20	2.97	0.17	3.01
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	20	2.94	0.72	2.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	20	2.94	0.72	2.68
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	20	2.94	0.72	2.68
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	20	2.86	0.31	2.82
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	20	2.82	0.07	2.84
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	20	2.78	0.02	2.77
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	20	2.74	0.47	2.66
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	20	2.74	0.47	2.66
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	20	2.74	0.47	2.66
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	20	2.66	0.39	2.45
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	20	2.66	0.39	2.45
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	20	2.64	0.5	2.42
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	20	2.63	0.02	2.62
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	20	2.6	0.01	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	20	2.54	0.33	2.57
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	20	2.54	0.33	2.57
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	20	2.54	0.33	2.57
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	20	2.54	0.33	2.57
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	20	2.54	0.33	2.57
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	20	2.54	0.33	2.57
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	20	2.52	0.5	2.6
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	20	2.51	0.04	2.5
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	20	2.5	0.11	2.52
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	20	2.5	0.26	2.38
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	20	2.48	0.08	2.48
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	20	2.48	0.08	2.48
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	20	2.48	0.08	2.48
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	20	2.48	0.99	2.84
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	20	2.48	0.06	2.45
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	20	2.46	0.15	2.44
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	20	2.46	0.15	2.44
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	20	2.46	0.15	2.44
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	20	2.4	0.02	2.41
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	20	2.38	0.72	2.06
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	20	2.38	0.72	2.06
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	20	2.38	0.72	2.06
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	20	2.36	0.01	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	20	2.36	0.01	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	20	2.36	0.01	2.36
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	20	2.34	0.01	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	20	2.34	0.01	2.34
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	20	2.33	0.08	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	20	2.33	0.08	2.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	20	2.33	0.08	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	20	2.33	0.08	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	20	2.33	0.08	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	20	2.33	0.08	2.37
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	20	2.23	0.07	2.24
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	20	2.23	0.07	2.24
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	20	2.23	0.07	2.24
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	20	2.19	0.08	2.16
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	20	2.12	0.0	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	20	2.12	0.0	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	20	2.12	0.0	2.12
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	20	2.11	0.53	2.1
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	20	2.11	0.53	2.1
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	20	2.11	0.53	2.1
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	20	2.07	0.03	2.07
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	20	2.07	0.03	2.07
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	20	2.07	0.03	2.07
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	20	2.06	0.92	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	20	2.06	0.92	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	20	2.06	0.92	2.52
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	20	2.05	0.04	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	20	2.05	0.04	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	20	2.05	0.04	2.05
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	20	1.98	0.42	2.16
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	20	1.96	0.06	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	20	1.96	0.06	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	20	1.96	0.06	1.96
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	20	1.82	0.15	1.84
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	20	1.82	0.15	1.84
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	20	1.82	0.15	1.84
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	20	1.81	0.09	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	20	1.81	0.09	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	20	1.81	0.09	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	20	1.81	0.09	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	20	1.81	0.09	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	20	1.81	0.09	1.78
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	20	1.78	0.1	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	20	1.76	0.04	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	20	1.76	0.04	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	20	1.76	0.04	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	20	1.75	0.0	1.75
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	20	1.74	0.04	1.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	20	1.72	0.11	1.76
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	20	1.63	0.15	1.65
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	20	1.63	0.13	1.63
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	20	1.61	0.09	1.6
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	20	1.61	0.12	1.6
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	20	1.6	0.06	1.59
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	20	1.6	0.08	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	20	1.6	0.08	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	20	1.6	0.08	1.62
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	20	1.59	0.32	1.64
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	20	1.59	0.49	1.81
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	20	1.55	0.15	1.57
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	20	1.53	0.02	1.53
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	20	1.53	0.12	1.52
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	20	1.53	0.12	1.52
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	20	1.53	0.12	1.52
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	20	1.52	0.11	1.5
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	20	1.5	0.02	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	20	1.5	0.02	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	20	1.5	0.02	1.51
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	20	1.49	0.05	1.48
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	20	1.49	0.05	1.48
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	20	1.49	0.05	1.48
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	20	1.46	0.74	1.13
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	20	1.46	0.74	1.13
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	20	1.46	0.74	1.13
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	20	1.46	0.23	1.4
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	20	1.44	0.37	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	20	1.44	0.37	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	20	1.44	0.37	1.61
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	20	1.43	0.42	1.62
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	20	1.42	0.06	1.43
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	20	1.37	0.15	1.4
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	20	1.37	0.15	1.4
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	20	1.37	0.15	1.4
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	20	1.36	0.02	1.37
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	20	1.36	0.02	1.37
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	20	1.36	0.02	1.37
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	20	1.36	0.24	1.32
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	20	1.36	0.24	1.32
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	20	1.36	0.24	1.32
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	20	1.36	0.17	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	20	1.34	0.59	1.64
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	20	1.34	0.59	1.64
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	20	1.34	0.59	1.64
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	20	1.32	0.07	1.34
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	20	1.3	0.09	1.31
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	20	1.3	0.09	1.31
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	20	1.3	0.09	1.31
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	20	1.29	0.03	1.3
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	20	1.26	0.12	1.27
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	20	1.22	0.01	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	20	1.22	0.01	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	20	1.22	0.01	1.22
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	20	1.22	0.02	1.22
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	20	1.2	0.02	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	20	1.2	0.02	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	20	1.2	0.02	1.2
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	20	1.19	0.22	1.24
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	20	1.18	0.16	1.13
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	20	1.18	0.16	1.13
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	20	1.14	0.08	1.13
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	20	1.14	0.16	1.09
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	20	1.14	0.16	1.09
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	20	1.14	0.16	1.09
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	20	1.13	0.26	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	20	1.13	0.26	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	20	1.13	0.26	1.16
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	20	1.13	0.01	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	20	1.13	0.01	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	20	1.13	0.01	1.13
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	20	1.12	0.42	1.28
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	20	1.09	0.06	1.1
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	20	1.08	0.03	1.07
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	20	1.08	0.2	1.12
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	20	1.08	0.2	1.12
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	20	1.08	0.2	1.12
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	20	1.05	0.06	1.06
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	20	1.05	0.06	1.06
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	20	1.05	0.06	1.06
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	20	1.04	0.08	1.06
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	20	1.04	0.08	1.06
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	20	1.04	0.08	1.06
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	20	1.03	0.67	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	20	1.03	0.67	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	20	1.03	0.67	1.6
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	20	1.03	0.1	1.05
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	20	1.03	0.04	1.02
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	20	1.03	0.09	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	20	1.02	0.07	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	20	1.02	0.07	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	20	1.02	0.07	1.03
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	20	1.02	0.15	1.0
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	20	1.02	0.15	1.0
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	20	1.02	0.15	1.0
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	20	1.02	0.02	1.02
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	20	1.01	0.21	1.08
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	20	1.01	0.04	1.0
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	20	0.98	0.06	0.98
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	20	0.98	0.06	0.98
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	20	0.98	0.06	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	20	0.97	0.1	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	20	0.97	0.1	0.98
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	20	0.97	0.08	1.0
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	20	0.95	0.36	1.09
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	20	0.95	0.36	1.09
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	20	0.95	0.36	1.09
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	20	0.95	0.19	0.99
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	20	0.94	0.07	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	20	0.92	0.05	0.92
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	20	0.92	0.05	0.92
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	20	0.92	0.05	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	20	0.92	0.0	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	20	0.92	0.0	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	20	0.92	0.0	0.92
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	20	0.89	0.04	0.88
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	20	0.89	0.04	0.88
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	20	0.89	0.04	0.88
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	20	0.88	0.01	0.88
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	20	0.87	0.02	0.87
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	20	0.86	0.06	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	20	0.86	0.06	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	20	0.86	0.06	0.88
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	20	0.85	0.13	0.82
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	20	0.85	0.13	0.82
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	20	0.85	0.13	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	20	0.85	0.09	0.86
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	20	0.82	0.27	0.86
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	20	0.81	0.05	0.8
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	20	0.79	0.07	0.8
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	20	0.75	0.03	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	20	0.75	0.03	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	20	0.75	0.03	0.74
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	20	0.75	0.73	0.26
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	20	0.74	0.34	0.68
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	20	0.74	0.34	0.68
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	20	0.74	0.34	0.68
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	20	0.74	0.16	0.71
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	20	0.74	0.16	0.71
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	20	0.74	0.16	0.71
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	20	0.74	0.01	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	20	0.74	0.01	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	20	0.74	0.01	0.74
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	20	0.73	0.21	0.68
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	20	0.7	0.22	0.66
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	20	0.68	0.06	0.69
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	20	0.66	0.03	0.66
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	20	0.65	0.02	0.65
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	20	0.65	0.04	0.65
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	20	0.63	0.03	0.64
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	20	0.6	0.03	0.6
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	20	0.59	0.14	0.6
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	20	0.59	0.12	0.51
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	20	0.59	0.03	0.6
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	20	0.57	0.1	0.56
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	20	0.57	0.1	0.56
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	20	0.57	0.1	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	20	0.57	0.04	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	20	0.57	0.04	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	20	0.57	0.04	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	20	0.57	0.04	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	20	0.57	0.04	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	20	0.57	0.04	0.56
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	20	0.56	0.13	0.52
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	20	0.56	0.0	0.56
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	20	0.56	0.05	0.56
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	20	0.56	0.05	0.56
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	20	0.56	0.05	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	20	0.55	0.03	0.55
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	20	0.55	0.03	0.55
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	20	0.55	0.25	0.57
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	20	0.55	0.09	0.55
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	20	0.53	0.06	0.5
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	20	0.52	0.84	0.24
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	20	0.52	0.84	0.24
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	20	0.52	0.84	0.24
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	20	0.52	0.18	0.46
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	20	0.52	0.18	0.46
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	20	0.52	0.18	0.46
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	20	0.52	0.04	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	20	0.52	0.04	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	20	0.52	0.04	0.53
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	20	0.5	0.46	0.22
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	20	0.5	0.46	0.22
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	20	0.5	0.46	0.22
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	20	0.5	0.01	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	20	0.49	0.04	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	20	0.49	0.04	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	20	0.49	0.04	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	20	0.49	0.04	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	20	0.49	0.04	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	20	0.49	0.04	0.5
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	20	0.49	0.21	0.44
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	20	0.49	0.21	0.44
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	20	0.49	0.21	0.44
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	20	0.49	0.1	0.46
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	20	0.49	0.13	0.49
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	20	0.49	0.13	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	20	0.48	0.1	0.48
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	20	0.48	0.1	0.48
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	20	0.48	0.1	0.48
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	20	0.48	0.04	0.48
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	20	0.48	0.06	0.49
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	20	0.47	0.04	0.47
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	20	0.47	0.1	0.48
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	20	0.47	0.13	0.52
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	20	0.46	0.13	0.42
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	20	0.46	0.07	0.46
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	20	0.46	0.07	0.46
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	20	0.46	0.15	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	20	0.46	0.15	0.42
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	20	0.46	0.15	0.42
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	20	0.46	0.15	0.42
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	20	0.46	0.15	0.42
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	20	0.46	0.15	0.42
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	20	0.46	0.01	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	20	0.46	0.01	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	20	0.46	0.01	0.46
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	20	0.46	0.02	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	20	0.46	0.02	0.45
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	20	0.45	0.02	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	20	0.45	0.02	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	20	0.45	0.02	0.46
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	20	0.45	0.12	0.42
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	20	0.45	0.12	0.42
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	20	0.45	0.12	0.42
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	20	0.45	0.07	0.46
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	20	0.45	0.07	0.46
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	20	0.45	0.07	0.46
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	20	0.45	0.06	0.45
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	20	0.45	0.33	0.36
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	20	0.44	0.01	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	20	0.44	0.01	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	20	0.44	0.01	0.45
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	20	0.44	0.04	0.44
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	20	0.44	0.05	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	20	0.43	0.0	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	20	0.43	0.0	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	20	0.43	0.0	0.43
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	20	0.43	0.07	0.41
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	20	0.43	0.19	0.37
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	20	0.43	0.05	0.42
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	20	0.42	0.44	0.32
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	20	0.42	0.44	0.32
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	20	0.42	0.44	0.32
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	20	0.42	0.06	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	20	0.42	0.06	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	20	0.42	0.06	0.41
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	20	0.42	0.04	0.41
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	20	0.41	0.09	0.42
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	20	0.41	0.09	0.42
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	20	0.41	0.07	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	20	0.41	0.09	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	20	0.41	0.02	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	20	0.41	0.02	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	20	0.41	0.02	0.4
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	20	0.41	0.03	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	20	0.41	0.03	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	20	0.41	0.03	0.41
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	20	0.41	0.03	0.4
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	20	0.4	0.03	0.4
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	20	0.4	0.18	0.38
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	20	0.4	0.18	0.38
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	20	0.4	0.18	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	20	0.4	0.16	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	20	0.4	0.16	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	20	0.4	0.16	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	20	0.4	0.16	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	20	0.4	0.16	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	20	0.4	0.16	0.36
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	20	0.39	0.14	0.4
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	20	0.39	0.03	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	20	0.39	0.03	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	20	0.39	0.03	0.39
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	20	0.39	0.54	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	20	0.39	0.54	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	20	0.39	0.54	0.26
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	20	0.39	0.05	0.39
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	20	0.39	0.05	0.39
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	20	0.39	0.05	0.39
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	20	0.39	0.04	0.39
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	20	0.38	0.04	0.38
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	20	0.38	0.04	0.38
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	20	0.38	0.04	0.38
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	20	0.38	0.06	0.4
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	20	0.38	0.04	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	20	0.38	0.04	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	20	0.38	0.04	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	20	0.38	0.02	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	20	0.38	0.02	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	20	0.38	0.02	0.38
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	20	0.38	0.07	0.43
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	20	0.38	0.06	0.37
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	20	0.37	0.09	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	20	0.37	0.01	0.37
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	20	0.37	0.05	0.38
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	20	0.37	0.44	0.29
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	20	0.37	0.44	0.29
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	20	0.37	0.44	0.29
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	20	0.36	0.04	0.36
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	20	0.36	0.04	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	20	0.36	0.02	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	20	0.36	0.02	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	20	0.36	0.02	0.36
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	20	0.36	0.03	0.37
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	20	0.36	0.02	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	20	0.36	0.02	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	20	0.36	0.02	0.36
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	20	0.36	0.05	0.36
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	20	0.36	0.09	0.36
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	20	0.36	0.02	0.36
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	20	0.36	0.07	0.35
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	20	0.35	0.01	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	20	0.35	0.01	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	20	0.35	0.01	0.36
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	20	0.35	0.06	0.36
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	20	0.35	0.06	0.36
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	20	0.35	0.06	0.36
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	20	0.35	0.02	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	20	0.35	0.01	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	20	0.35	0.01	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	20	0.35	0.01	0.35
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	20	0.35	0.17	0.29
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	20	0.35	0.17	0.29
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	20	0.35	0.02	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	20	0.35	0.02	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	20	0.35	0.02	0.35
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	20	0.35	0.17	0.3
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	20	0.35	0.17	0.3
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	20	0.35	0.17	0.3
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	20	0.35	0.07	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	20	0.35	0.05	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	20	0.35	0.05	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	20	0.35	0.05	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	20	0.35	0.05	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	20	0.35	0.05	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	20	0.35	0.05	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	20	0.35	0.05	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	20	0.35	0.05	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	20	0.35	0.05	0.36
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	20	0.35	0.11	0.32
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	20	0.35	0.2	0.3
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	20	0.35	0.03	0.36
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	20	0.35	0.01	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	20	0.35	0.01	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	20	0.35	0.01	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	20	0.35	0.01	0.35
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	20	0.35	0.06	0.35
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	20	0.35	0.03	0.36
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	20	0.35	0.04	0.34
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	20	0.35	0.04	0.34
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	20	0.35	0.04	0.34
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	20	0.35	0.02	0.34
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	20	0.34	0.05	0.35
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	20	0.34	0.05	0.35
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	20	0.34	0.05	0.34
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	20	0.34	0.05	0.34
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	20	0.34	0.05	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	20	0.34	0.01	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	20	0.34	0.01	0.34
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	20	0.34	0.36	0.26
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	20	0.34	0.36	0.26
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	20	0.34	0.36	0.26
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	20	0.34	0.08	0.34
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	20	0.34	0.08	0.34
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	20	0.34	0.08	0.34
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	20	0.34	0.03	0.34
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	20	0.34	0.01	0.34
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	20	0.34	0.04	0.34
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	20	0.34	0.04	0.34
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	20	0.34	0.04	0.34
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	20	0.34	0.04	0.34
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	20	0.34	0.02	0.34
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	20	0.34	0.06	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	20	0.34	0.06	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	20	0.34	0.06	0.36
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	20	0.34	0.03	0.33
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	20	0.33	0.06	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	20	0.33	0.01	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	20	0.33	0.01	0.33
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	20	0.33	0.04	0.34
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	20	0.33	0.05	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	20	0.33	0.05	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	20	0.33	0.05	0.35
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	20	0.33	0.11	0.29
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	20	0.33	0.11	0.29
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	20	0.33	0.11	0.29
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	20	0.33	0.03	0.34
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	20	0.33	0.02	0.34
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	20	0.33	0.05	0.34
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	20	0.33	0.04	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	20	0.33	0.04	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	20	0.33	0.04	0.33
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	20	0.33	0.06	0.32
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	20	0.33	0.08	0.32
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	20	0.33	0.06	0.33
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	20	0.33	0.06	0.33
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	20	0.33	0.06	0.33
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	20	0.33	0.04	0.33
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	20	0.33	0.04	0.33
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	20	0.33	0.04	0.33
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	20	0.33	0.2	0.22
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	20	0.33	0.03	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	20	0.33	0.03	0.33
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	20	0.33	0.04	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	20	0.33	0.02	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	20	0.33	0.02	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	20	0.33	0.02	0.32
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	20	0.33	0.01	0.33
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	20	0.32	0.03	0.33
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	20	0.32	0.02	0.33
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	20	0.32	0.04	0.32
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	20	0.32	0.4	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	20	0.32	0.4	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	20	0.32	0.4	0.23
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	20	0.32	0.04	0.32
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	20	0.32	0.04	0.32
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	20	0.32	0.02	0.32
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	20	0.32	0.02	0.32
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	20	0.32	0.02	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	20	0.32	0.03	0.32
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	20	0.32	0.03	0.32
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	20	0.32	0.03	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	20	0.32	0.03	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	20	0.32	0.03	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	20	0.32	0.03	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	20	0.32	0.05	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	20	0.32	0.05	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	20	0.32	0.05	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	20	0.32	0.05	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	20	0.32	0.05	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	20	0.32	0.05	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	20	0.32	0.05	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	20	0.32	0.05	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	20	0.32	0.05	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	20	0.32	0.0	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	20	0.32	0.0	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	20	0.32	0.0	0.32
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	20	0.31	0.05	0.32
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	20	0.31	0.17	0.28
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	20	0.31	0.17	0.28
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	20	0.31	0.17	0.28
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	20	0.31	0.02	0.32
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	20	0.31	0.31	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	20	0.31	0.31	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	20	0.31	0.31	0.25
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	20	0.31	0.02	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	20	0.31	0.02	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	20	0.31	0.02	0.31
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	20	0.31	0.01	0.31
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	20	0.31	0.05	0.3
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	20	0.31	0.04	0.31
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	20	0.31	0.04	0.31
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	20	0.31	0.03	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	20	0.31	0.03	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	20	0.31	0.03	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	20	0.31	0.03	0.31
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	20	0.31	0.04	0.3
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	20	0.3	0.05	0.28
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	20	0.3	0.01	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	20	0.3	0.02	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	20	0.3	0.02	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	20	0.3	0.02	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	20	0.3	0.04	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	20	0.3	0.04	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	20	0.3	0.04	0.3
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	20	0.3	0.03	0.3
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	20	0.3	0.03	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	20	0.3	0.01	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	20	0.3	0.01	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	20	0.3	0.01	0.3
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	20	0.3	0.04	0.3
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	20	0.3	0.04	0.3
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	20	0.3	0.04	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	20	0.3	0.02	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	20	0.3	0.02	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	20	0.3	0.02	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	20	0.3	0.01	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	20	0.3	0.01	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	20	0.3	0.01	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	20	0.3	0.05	0.29
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	20	0.3	0.05	0.29
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	20	0.3	0.05	0.29
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	20	0.3	0.02	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	20	0.3	0.02	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	20	0.3	0.02	0.3
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	20	0.29	0.06	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	20	0.29	0.06	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	20	0.29	0.06	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	20	0.29	0.06	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	20	0.29	0.06	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	20	0.29	0.06	0.31
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	20	0.29	0.03	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	20	0.29	0.03	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	20	0.29	0.03	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	20	0.29	0.04	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	20	0.29	0.04	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	20	0.29	0.04	0.3
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	20	0.29	0.01	0.29
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	20	0.29	0.07	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	20	0.29	0.07	0.28
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	20	0.29	0.03	0.28
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	20	0.29	0.04	0.28
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	20	0.29	0.04	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	20	0.29	0.04	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	20	0.29	0.04	0.29
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	20	0.29	0.12	0.21
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	20	0.29	0.03	0.3
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	20	0.29	0.02	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	20	0.29	0.02	0.29
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	20	0.29	0.04	0.28
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	20	0.28	0.04	0.29
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	20	0.28	0.04	0.29
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	20	0.28	0.04	0.28
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	20	0.28	0.06	0.29
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	20	0.28	0.1	0.3
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	20	0.28	0.1	0.3
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	20	0.28	0.1	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	20	0.28	0.04	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	20	0.28	0.04	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	20	0.28	0.04	0.3
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	20	0.28	0.06	0.29
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	20	0.28	0.02	0.28
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	20	0.28	0.03	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	20	0.28	0.04	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	20	0.28	0.04	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	20	0.28	0.04	0.29
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	20	0.28	0.02	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	20	0.28	0.08	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	20	0.28	0.08	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	20	0.28	0.08	0.29
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	20	0.28	0.03	0.29
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	20	0.28	0.0	0.28
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	20	0.28	0.03	0.28
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	20	0.28	0.11	0.24
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	20	0.28	0.11	0.24
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	20	0.28	0.11	0.24
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	20	0.28	0.05	0.27
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	20	0.28	0.05	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	20	0.28	0.05	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	20	0.28	0.05	0.25
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	20	0.28	0.06	0.29
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	20	0.28	0.04	0.27
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	20	0.28	0.04	0.27
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	20	0.28	0.04	0.27
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	20	0.28	0.03	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	20	0.28	0.03	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	20	0.28	0.01	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	20	0.28	0.01	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	20	0.28	0.01	0.28
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	20	0.28	0.09	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	20	0.28	0.06	0.28
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	20	0.28	0.06	0.28
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	20	0.28	0.06	0.28
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	20	0.28	0.02	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	20	0.27	0.03	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	20	0.27	0.03	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	20	0.27	0.03	0.26
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	20	0.27	0.03	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	20	0.27	0.06	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	20	0.27	0.06	0.27
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	20	0.27	0.02	0.27
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	20	0.27	0.06	0.26
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	20	0.27	0.07	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	20	0.27	0.02	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	20	0.27	0.02	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	20	0.27	0.02	0.27
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	20	0.26	0.04	0.26
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	20	0.26	0.04	0.26
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	20	0.26	0.04	0.26
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	20	0.26	0.04	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	20	0.26	0.04	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	20	0.26	0.04	0.25
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	20	0.26	0.05	0.26
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	20	0.26	0.02	0.26
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	20	0.26	0.05	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	20	0.26	0.05	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	20	0.26	0.05	0.25
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	20	0.26	0.03	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	20	0.26	0.01	0.25
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	20	0.26	0.03	0.26
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	20	0.26	0.04	0.26
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	20	0.26	0.04	0.26
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	20	0.26	0.04	0.26
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	20	0.26	0.06	0.25
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	20	0.26	0.06	0.25
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	20	0.26	0.05	0.26
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	20	0.25	0.02	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	20	0.25	0.04	0.26
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	20	0.25	0.14	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	20	0.25	0.14	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	20	0.25	0.14	0.24
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	20	0.25	0.05	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	20	0.25	0.03	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	20	0.25	0.03	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	20	0.25	0.03	0.25
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	20	0.25	0.04	0.26
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	20	0.25	0.02	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	20	0.25	0.02	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	20	0.25	0.02	0.25
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	20	0.25	0.06	0.26
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	20	0.25	0.06	0.26
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	20	0.25	0.06	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	20	0.25	0.01	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	20	0.25	0.01	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	20	0.25	0.01	0.25
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	20	0.25	0.05	0.24
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	20	0.25	0.05	0.24
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	20	0.25	0.05	0.24
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	20	0.25	0.03	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	20	0.25	0.03	0.26
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	20	0.25	0.05	0.26
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	20	0.25	0.04	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	20	0.25	0.04	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	20	0.25	0.04	0.24
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	20	0.24	0.07	0.24
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	20	0.24	0.07	0.24
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	20	0.24	0.07	0.24
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	20	0.24	0.03	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	20	0.24	0.01	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	20	0.24	0.01	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	20	0.24	0.01	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	20	0.24	0.0	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	20	0.24	0.0	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	20	0.24	0.0	0.24
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	20	0.24	0.03	0.24
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	20	0.24	0.03	0.24
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	20	0.24	0.03	0.24
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	20	0.24	0.08	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	20	0.24	0.01	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	20	0.24	0.01	0.24
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	20	0.24	0.03	0.24
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	20	0.24	0.03	0.24
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	20	0.24	0.03	0.24
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	20	0.24	0.03	0.24
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	20	0.24	0.03	0.24
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	20	0.24	0.03	0.24
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	20	0.24	0.05	0.24
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	20	0.24	0.05	0.24
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	20	0.24	0.05	0.24
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	20	0.23	0.06	0.22
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	20	0.23	0.03	0.24
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	20	0.23	0.03	0.23
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	20	0.23	0.01	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	20	0.23	0.03	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	20	0.23	0.03	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	20	0.23	0.03	0.22
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	20	0.23	0.04	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	20	0.23	0.04	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	20	0.23	0.04	0.24
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	20	0.23	0.03	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	20	0.23	0.0	0.23
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	20	0.23	0.01	0.23
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	20	0.23	0.07	0.22
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	20	0.23	0.07	0.22
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	20	0.23	0.06	0.24
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	20	0.23	0.06	0.24
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	20	0.23	0.06	0.24
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	20	0.23	0.02	0.22
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	20	0.22	0.02	0.23
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	20	0.22	0.02	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	20	0.22	0.03	0.22
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	20	0.22	0.03	0.22
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	20	0.22	0.03	0.22
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	20	0.22	0.05	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	20	0.22	0.05	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	20	0.22	0.05	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	20	0.22	0.05	0.2
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	20	0.22	0.0	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	20	0.22	0.0	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	20	0.22	0.0	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	20	0.22	0.01	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	20	0.22	0.01	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	20	0.22	0.01	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	20	0.21	0.01	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	20	0.21	0.01	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	20	0.21	0.01	0.22
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	20	0.21	0.02	0.21
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	20	0.21	0.04	0.2
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	20	0.21	0.04	0.22
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	20	0.21	0.03	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	20	0.21	0.03	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	20	0.21	0.03	0.2
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	20	0.21	0.02	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	20	0.21	0.02	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	20	0.21	0.02	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	20	0.21	0.0	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	20	0.21	0.03	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	20	0.21	0.03	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	20	0.21	0.03	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	20	0.21	0.05	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	20	0.21	0.05	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	20	0.21	0.05	0.21
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	20	0.21	0.04	0.22
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	20	0.21	0.04	0.22
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	20	0.21	0.01	0.2
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	20	0.2	0.02	0.2
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	20	0.2	0.03	0.2
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	20	0.2	0.06	0.19
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	20	0.2	0.0	0.2
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	20	0.2	0.04	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	20	0.2	0.04	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	20	0.2	0.04	0.21
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	20	0.2	0.03	0.21
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	20	0.2	0.04	0.21
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	20	0.2	0.04	0.21
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	20	0.2	0.04	0.21
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	20	0.2	0.04	0.2
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	20	0.2	0.04	0.2
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	20	0.2	0.04	0.2
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	20	0.2	0.04	0.2
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	20	0.2	0.05	0.2
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	20	0.2	0.05	0.2
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	20	0.2	0.05	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	20	0.2	0.01	0.19
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	20	0.19	0.03	0.2
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	20	0.19	0.03	0.18
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	20	0.19	0.02	0.2
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	20	0.19	0.02	0.2
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	20	0.19	0.02	0.19
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	20	0.19	0.05	0.18
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	20	0.19	0.02	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	20	0.19	0.02	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	20	0.19	0.02	0.19
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	20	0.19	0.06	0.17
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	20	0.19	0.01	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	20	0.19	0.01	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	20	0.19	0.01	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	20	0.18	0.01	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	20	0.18	0.01	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	20	0.18	0.01	0.18
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	20	0.18	0.03	0.18
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	20	0.18	0.03	0.18
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	20	0.18	0.03	0.18
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	20	0.18	0.03	0.18
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	20	0.18	0.03	0.18
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	20	0.17	0.01	0.17
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	20	0.17	0.03	0.18
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	20	0.17	0.03	0.18
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	20	0.16	0.02	0.17
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	20	0.16	0.03	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	20	0.16	0.03	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	20	0.16	0.03	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	20	0.16	0.02	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	20	0.16	0.02	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	20	0.16	0.02	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	20	0.16	0.01	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	20	0.16	0.01	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	20	0.16	0.01	0.16
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	20	0.16	0.02	0.16
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	20	0.15	0.03	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	20	0.15	0.03	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	20	0.15	0.03	0.15
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	20	0.15	0.03	0.14
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	20	0.15	0.01	0.15
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	20	0.15	0.03	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	20	0.15	0.02	0.15
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	20	0.15	0.02	0.16
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	20	0.15	0.0	0.15
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	20	0.15	0.01	0.16
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	20	0.15	0.03	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	20	0.15	0.03	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	20	0.15	0.03	0.14
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	20	0.14	0.02	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	20	0.13	0.01	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	20	0.13	0.01	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	20	0.13	0.01	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	20	0.12	0.01	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	20	0.12	0.01	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	20	0.12	0.01	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	20	0.12	0.01	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	20	0.12	0.01	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	20	0.12	0.01	0.12
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	20	0.12	0.01	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	20	0.12	0.0	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	20	0.12	0.01	0.12
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	20	0.11	0.0	0.11
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	19	1.23	0.12	1.27
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	19	1.23	0.12	1.27
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	19	1.23	0.12	1.27
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	19	1.13	0.13	1.2
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	19	0.79	0.4	0.85
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	19	0.79	0.4	0.85
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	19	0.79	0.4	0.85
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	19	0.76	0.24	0.69
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	19	0.76	0.24	0.69
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	19	0.67	0.39	0.62
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	19	0.58	0.1	0.6
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	19	0.52	0.25	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	19	0.52	0.25	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	19	0.52	0.25	0.71
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	19	0.52	0.48	0.4
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	19	0.52	0.48	0.4
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	19	0.52	0.48	0.4
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	19	0.46	0.17	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	19	0.43	0.05	0.42
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	19	0.43	0.05	0.42
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	19	0.43	0.05	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	19	0.43	0.07	0.4
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	19	0.4	0.05	0.41
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	19	0.39	0.03	0.4
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	19	0.37	0.18	0.25
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	19	0.35	0.03	0.35
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	19	0.35	0.31	0.29
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	19	0.35	0.37	0.22
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	19	0.34	0.1	0.32
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	19	0.34	0.1	0.32
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	19	0.34	0.1	0.32
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	19	0.33	0.05	0.31
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	19	0.33	0.05	0.31
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	19	0.33	0.05	0.31
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	19	0.31	0.05	0.31
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	19	0.31	0.08	0.32
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	19	0.3	0.02	0.3
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	19	0.29	0.05	0.29
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	19	0.27	0.06	0.27
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	19	0.27	0.06	0.27
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	19	0.27	0.06	0.27
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	19	0.27	0.06	0.28
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	19	0.27	0.06	0.28
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	19	0.27	0.08	0.27
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	19	0.26	0.09	0.26
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	19	0.26	0.09	0.26
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	19	0.26	0.09	0.26
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	19	0.25	0.07	0.24
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	19	0.25	0.07	0.24
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	19	0.24	0.02	0.24
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	19	0.23	0.06	0.22
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	19	0.23	0.06	0.22
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	19	0.23	0.06	0.22
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	19	0.22	0.04	0.22
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	19	0.22	0.06	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	19	0.22	0.06	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	19	0.22	0.06	0.24
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	19	0.22	0.06	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	19	0.22	0.06	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	19	0.22	0.06	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	19	0.22	0.06	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	19	0.22	0.06	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	19	0.22	0.06	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	19	0.22	0.05	0.21
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	19	0.22	0.05	0.21
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	19	0.21	0.05	0.23
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	19	0.21	0.05	0.23
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	19	0.21	0.07	0.21
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	19	0.21	0.07	0.21
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	19	0.21	0.07	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	19	0.21	0.05	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	19	0.21	0.05	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	19	0.21	0.05	0.21
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	19	0.2	0.01	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	19	0.19	0.05	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	19	0.19	0.05	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	19	0.19	0.05	0.18
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	19	0.19	0.04	0.19
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	19	0.18	0.04	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	19	0.18	0.04	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	19	0.18	0.04	0.18
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	19	0.18	0.01	0.18
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	19	0.17	0.03	0.17
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	19	0.17	0.03	0.17
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	19	0.17	0.02	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	19	0.17	0.04	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	19	0.17	0.04	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	19	0.17	0.04	0.17
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	19	0.17	0.03	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	19	0.16	0.01	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	19	0.16	0.01	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	19	0.16	0.01	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	19	0.16	0.03	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	19	0.16	0.03	0.16
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	19	0.15	0.03	0.15
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	19	0.15	0.02	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	19	0.15	0.01	0.15
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	19	0.14	0.03	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	19	0.14	0.03	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	19	0.14	0.03	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	19	0.14	0.01	0.14
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	19	0.13	0.01	0.13
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	18	2.45	0.82	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	18	2.45	0.82	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	18	2.45	0.82	2.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	18	0.96	0.09	0.98
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	18	0.84	0.49	0.78
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	18	0.84	0.49	0.78
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	18	0.84	0.49	0.78
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	18	0.39	0.05	0.39
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	18	0.39	0.05	0.39
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	18	0.37	0.3	0.26
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	18	0.32	0.19	0.2
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	18	0.32	0.19	0.2
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	18	0.32	0.19	0.2
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	18	0.29	0.09	0.3
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	18	0.29	0.09	0.3
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	18	0.29	0.1	0.32
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	18	0.29	0.1	0.32
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	18	0.29	0.1	0.32
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	18	0.28	0.04	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	18	0.28	0.04	0.27
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	18	0.27	0.07	0.26
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	18	0.27	0.05	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	18	0.25	0.04	0.26
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	18	0.25	0.04	0.26
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	18	0.25	0.04	0.26
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	18	0.24	0.04	0.24
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	18	0.23	0.07	0.23
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	18	0.23	0.07	0.23
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	18	0.23	0.07	0.23
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	18	0.23	0.03	0.23
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	18	0.21	0.07	0.2
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	18	0.2	0.05	0.22
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	18	0.2	0.05	0.22
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	18	0.2	0.05	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	18	0.2	0.02	0.21
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	18	0.2	0.02	0.21
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	18	0.2	0.06	0.2
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	18	0.2	0.04	0.2
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	18	0.2	0.04	0.2
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	18	0.2	0.04	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	18	0.18	0.03	0.17
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	18	0.18	0.03	0.17
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	18	0.18	0.03	0.17
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	18	0.17	0.02	0.17
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	18	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	18	0.16	0.03	0.15
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	18	0.16	0.03	0.15
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	18	0.16	0.03	0.15
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	18	0.15	0.03	0.14
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	18	0.15	0.03	0.14
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	18	0.15	0.03	0.15
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	18	0.14	0.02	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	18	0.14	0.02	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	18	0.14	0.02	0.14
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	17	1.28	0.3	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	17	1.28	0.3	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	17	1.28	0.3	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	17	1.28	0.3	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	17	1.28	0.3	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	17	1.28	0.3	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	17	1.28	0.3	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	17	1.28	0.3	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	17	1.28	0.3	1.34
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	17	0.69	0.31	0.5
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	17	0.5	0.14	0.46
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	17	0.5	0.14	0.46
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	17	0.45	0.24	0.57
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	17	0.45	0.01	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	17	0.45	0.01	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	17	0.45	0.01	0.44
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	17	0.43	0.1	0.47
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	17	0.41	0.01	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	17	0.41	0.01	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	17	0.41	0.01	0.41
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	17	0.35	0.46	0.15
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	17	0.35	0.46	0.15
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	17	0.35	0.46	0.15
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	17	0.34	0.2	0.24
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	17	0.32	0.07	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	17	0.32	0.07	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	17	0.32	0.07	0.34
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	17	0.26	0.08	0.23
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	17	0.26	0.08	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	17	0.26	0.06	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	17	0.26	0.06	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	17	0.26	0.06	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	17	0.26	0.06	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	17	0.26	0.06	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	17	0.26	0.06	0.26
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	17	0.24	0.02	0.24
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	17	0.24	0.09	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	17	0.24	0.09	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	17	0.24	0.09	0.22
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	17	0.21	0.04	0.2
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	17	0.2	0.08	0.17
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	17	0.2	0.08	0.17
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	17	0.2	0.08	0.17
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	17	0.16	0.04	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	17	0.16	0.04	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	17	0.16	0.04	0.16
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	17	0.16	0.04	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	17	0.16	0.04	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	17	0.16	0.04	0.15
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	16	0.97	0.16	0.98
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	16	0.97	0.16	0.98
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	16	0.97	0.16	0.98
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	16	0.59	0.21	0.61
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	16	0.45	0.02	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	16	0.45	0.02	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	16	0.45	0.02	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	16	0.44	0.03	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	16	0.44	0.03	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	16	0.44	0.03	0.44
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	16	0.42	0.01	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	16	0.42	0.01	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	16	0.42	0.01	0.42
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	16	0.4	0.06	0.4
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	16	0.4	0.31	0.24
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	16	0.4	0.31	0.24
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	16	0.34	0.03	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	16	0.34	0.03	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	16	0.34	0.03	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	16	0.34	0.03	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	16	0.34	0.03	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	16	0.34	0.03	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	16	0.34	0.03	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	16	0.34	0.03	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	16	0.34	0.03	0.34
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	16	0.32	0.05	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	16	0.32	0.05	0.33
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	16	0.32	0.05	0.33
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	16	0.32	0.08	0.34
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	16	0.29	0.05	0.3
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	16	0.28	0.08	0.26
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	16	0.28	0.08	0.26
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	16	0.26	0.06	0.27
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	16	0.26	0.06	0.27
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	16	0.26	0.06	0.27
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	16	0.26	0.06	0.27
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	16	0.26	0.06	0.27
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	16	0.26	0.06	0.27
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	16	0.26	0.12	0.24
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	16	0.21	0.08	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	16	0.21	0.05	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	16	0.21	0.05	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	16	0.21	0.05	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	16	0.21	0.05	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	16	0.21	0.05	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	16	0.21	0.05	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	16	0.21	0.05	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	16	0.21	0.05	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	16	0.21	0.05	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	16	0.2	0.01	0.2
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	16	0.18	0.05	0.18
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	16	0.17	0.05	0.16
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	16	0.16	0.03	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	16	0.16	0.03	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	16	0.16	0.03	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	16	0.16	0.03	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	16	0.16	0.03	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	16	0.16	0.03	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	16	0.15	0.02	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	16	0.15	0.02	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	16	0.15	0.02	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	16	0.15	0.02	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	16	0.15	0.02	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	16	0.15	0.02	0.15
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	16	0.14	0.03	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	16	0.14	0.03	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	16	0.14	0.03	0.14
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	16	0.14	0.04	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	16	0.14	0.04	0.13
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	16	0.14	0.04	0.13
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	16	0.14	0.02	0.14
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	16	0.14	0.03	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	16	0.14	0.03	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	16	0.14	0.03	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	16	0.13	0.01	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	16	0.13	0.01	0.12
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	16	0.12	0.02	0.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	15	1.14	0.01	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	15	1.14	0.01	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	15	1.14	0.01	1.14
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	15	0.46	0.17	0.54
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	15	0.46	0.31	0.22
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	15	0.42	0.01	0.42
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	15	0.34	0.09	0.35
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	15	0.27	0.02	0.27
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	15	0.23	0.08	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	15	0.23	0.08	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	15	0.23	0.08	0.2
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	15	0.22	0.02	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	15	0.22	0.02	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	15	0.22	0.02	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	15	0.22	0.02	0.22
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	15	0.2	0.06	0.19
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	15	0.2	0.06	0.19
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	15	0.2	0.06	0.2
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	15	0.2	0.06	0.2
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	15	0.2	0.06	0.2
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	15	0.2	0.08	0.17
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	15	0.2	0.05	0.18
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	15	0.19	0.04	0.2
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	15	0.18	0.04	0.18
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	15	0.18	0.06	0.17
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	15	0.18	0.06	0.17
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	15	0.18	0.06	0.17
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	15	0.18	0.03	0.19
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	15	0.18	0.04	0.19
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	15	0.17	0.04	0.17
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	15	0.17	0.03	0.17
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	15	0.15	0.05	0.12
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	15	0.11	0.01	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	14	0.48	0.21	0.44
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	14	0.48	0.21	0.44
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	14	0.48	0.21	0.44
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	14	0.38	0.26	0.2
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	14	0.36	0.11	0.35
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	14	0.35	0.12	0.39
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	14	0.31	0.0	0.31
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	14	0.3	0.35	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	14	0.3	0.35	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	14	0.3	0.35	0.23
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	14	0.29	0.11	0.29
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	14	0.24	0.07	0.24
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	14	0.24	0.01	0.24
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	14	0.23	0.06	0.23
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	14	0.23	0.06	0.23
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	14	0.23	0.06	0.23
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	14	0.23	0.04	0.24
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	14	0.23	0.04	0.24
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	14	0.23	0.04	0.24
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	14	0.22	0.05	0.24
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	14	0.22	0.05	0.24
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	14	0.22	0.05	0.24
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	14	0.18	0.05	0.18
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	14	0.18	0.05	0.18
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	14	0.18	0.05	0.18
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	14	0.16	0.04	0.15
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	14	0.16	0.04	0.15
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	14	0.16	0.04	0.15
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	14	0.13	0.01	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	14	0.13	0.01	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	14	0.13	0.01	0.12
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	14	0.12	0.02	0.12
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	14	0.12	0.02	0.12
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	13	1.33	0.01	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	13	1.33	0.01	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	13	1.33	0.01	1.33
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	13	0.37	0.04	0.38
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	13	0.36	0.06	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	13	0.36	0.06	0.34
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	13	0.34	0.12	0.39
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	13	0.24	0.07	0.26
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	13	0.23	0.04	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	13	0.23	0.06	0.21
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	13	0.23	0.06	0.21
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	13	0.23	0.06	0.21
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	13	0.22	0.07	0.21
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	13	0.21	0.06	0.21
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	13	0.21	0.06	0.21
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	13	0.21	0.06	0.21
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	13	0.21	0.08	0.2
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	13	0.19	0.06	0.2
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	13	0.19	0.05	0.2
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	13	0.19	0.05	0.2
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	13	0.17	0.05	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	13	0.17	0.05	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	13	0.17	0.05	0.17
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	13	0.16	0.01	0.16
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	13	0.16	0.01	0.16
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	13	0.15	0.03	0.15
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	13	0.15	0.03	0.14
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	13	0.15	0.03	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	13	0.15	0.02	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	13	0.15	0.02	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	13	0.15	0.02	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	13	0.15	0.02	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	13	0.15	0.02	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	13	0.15	0.02	0.14
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	13	0.14	0.03	0.13
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	13	0.13	0.03	0.13
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	13	0.13	0.03	0.13
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	13	0.13	0.03	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	13	0.13	0.02	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	13	0.13	0.02	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	13	0.13	0.02	0.13
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	12	0.97	0.36	1.13
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	12	0.97	0.1	0.97
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	12	0.97	0.1	0.97
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	12	0.97	0.1	0.97
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	12	0.8	0.03	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	12	0.8	0.03	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	12	0.8	0.03	0.82
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	12	0.72	0.38	0.79
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	12	0.61	0.35	0.62
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	12	0.44	0.74	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	12	0.44	0.74	0.2
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	12	0.44	0.74	0.2
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	12	0.32	0.13	0.32
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	12	0.32	0.13	0.32
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	12	0.32	0.13	0.32
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	12	0.3	0.03	0.31
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	12	0.26	0.01	0.27
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	12	0.21	0.1	0.18
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	12	0.21	0.1	0.18
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	12	0.2	0.05	0.2
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	12	0.17	0.05	0.17
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	12	0.16	0.04	0.15
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	12	0.15	0.04	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	12	0.15	0.04	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	12	0.15	0.04	0.14
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	12	0.14	0.03	0.14
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	12	0.12	0.01	0.12
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	12	0.12	0.01	0.12
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	12	0.11	0.01	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	12	0.11	0.01	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	12	0.11	0.01	0.11
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	11	0.48	0.35	0.32
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	11	0.48	0.35	0.32
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	11	0.48	0.35	0.32
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	11	0.45	0.37	0.31
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	11	0.45	0.37	0.31
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	11	0.45	0.37	0.31
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	11	0.31	0.37	0.2
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	11	0.31	0.37	0.2
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	11	0.31	0.37	0.2
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	11	0.28	0.44	0.15
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	11	0.24	0.06	0.23
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	11	0.24	0.06	0.23
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	11	0.24	0.06	0.23
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	11	0.2	0.08	0.21
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	11	0.18	0.04	0.17
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	11	0.18	0.04	0.17
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	11	0.18	0.04	0.17
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	11	0.15	0.03	0.15
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	11	0.15	0.03	0.14
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	11	0.14	0.03	0.13
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	11	0.14	0.03	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	11	0.14	0.03	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	11	0.14	0.03	0.12
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	11	0.13	0.02	0.13
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	11	0.13	0.02	0.12
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	11	0.13	0.02	0.12
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	11	0.13	0.02	0.12
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	11	0.12	0.02	0.12
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	11	0.12	0.02	0.12
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	11	0.12	0.02	0.12
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	11	0.12	0.01	0.12
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	10	0.7	0.11	0.7
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	10	0.61	0.39	0.79
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	10	0.61	0.39	0.79
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	10	0.52	0.46	0.24
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	10	0.52	0.46	0.24
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	10	0.52	0.46	0.24
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	10	0.52	0.46	0.24
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	10	0.52	0.46	0.24
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	10	0.52	0.46	0.24
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	10	0.42	0.11	0.42
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	10	0.39	0.09	0.4
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	10	0.39	0.09	0.4
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	10	0.39	0.09	0.4
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	10	0.39	0.08	0.4
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	10	0.37	0.02	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	10	0.37	0.02	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	10	0.37	0.02	0.37
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	10	0.34	0.01	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	10	0.34	0.01	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	10	0.34	0.01	0.34
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	10	0.32	0.01	0.32
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	10	0.31	0.09	0.34
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	10	0.28	0.07	0.29
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	10	0.28	0.07	0.29
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	10	0.27	0.04	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	10	0.27	0.04	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	10	0.27	0.04	0.27
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	10	0.27	0.1	0.32
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	10	0.27	0.1	0.32
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	10	0.27	0.1	0.32
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	10	0.25	0.02	0.24
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	10	0.22	0.1	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	10	0.22	0.1	0.2
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	10	0.22	0.1	0.2
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	10	0.22	0.1	0.2
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	10	0.22	0.1	0.2
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	10	0.22	0.1	0.2
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	10	0.22	0.1	0.2
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	10	0.22	0.1	0.2
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	10	0.22	0.1	0.2
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	10	0.22	0.02	0.21
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	10	0.22	0.02	0.21
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	10	0.21	0.06	0.2
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	10	0.21	0.06	0.2
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	10	0.21	0.06	0.2
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	10	0.18	0.07	0.17
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	10	0.18	0.04	0.18
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	10	0.17	0.06	0.16
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	10	0.17	0.06	0.16
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	10	0.17	0.06	0.16
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	10	0.15	0.03	0.15
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	10	0.15	0.03	0.15
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	10	0.15	0.03	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	10	0.15	0.04	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	10	0.15	0.04	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	10	0.15	0.04	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	10	0.15	0.04	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	10	0.15	0.04	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	10	0.15	0.04	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	10	0.15	0.04	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	10	0.15	0.04	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	10	0.15	0.04	0.14
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	10	0.13	0.03	0.12
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	10	0.11	0.01	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	10	0.11	0.01	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	10	0.11	0.01	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	10	0.11	0.01	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	10	0.11	0.01	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	10	0.11	0.01	0.11
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	10	0.11	0.0	0.11
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	9	0.47	0.02	0.48
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	9	0.3	0.14	0.28
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	9	0.3	0.14	0.28
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	9	0.26	0.08	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	9	0.24	0.08	0.25
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	9	0.24	0.08	0.25
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	9	0.22	0.01	0.22
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	9	0.2	0.08	0.19
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	9	0.19	0.05	0.19
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	9	0.19	0.05	0.19
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	9	0.16	0.03	0.16
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	9	0.16	0.03	0.16
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	9	0.16	0.03	0.16
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	9	0.15	0.05	0.12
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	9	0.15	0.04	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	9	0.15	0.01	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	9	0.15	0.01	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	9	0.15	0.01	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	9	0.15	0.01	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	9	0.15	0.01	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	9	0.15	0.01	0.14
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	9	0.13	0.02	0.13
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	9	0.13	0.03	0.12
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	9	0.12	0.01	0.11
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	9	0.11	0.01	0.11
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG11	1:175:A:VAL:H	8	0.84	0.01	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG12	1:175:A:VAL:H	8	0.84	0.01	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG13	1:175:A:VAL:H	8	0.84	0.01	0.84
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG11	8	0.37	0.11	0.4
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG12	8	0.37	0.11	0.4
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG13	8	0.37	0.11	0.4
(1,235)	1:210:A:GLU:H	1:210:A:GLU:HB2	8	0.35	0.01	0.36
(1,1664)	1:88:A:ALA:H	1:83:A:PHE:HB3	8	0.24	0.05	0.24
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG21	1:189:A:GLU:H	8	0.18	0.05	0.19
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG22	1:189:A:GLU:H	8	0.18	0.05	0.19
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG23	1:189:A:GLU:H	8	0.18	0.05	0.19
(1,2843)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD2	8	0.18	0.06	0.17
(1,116)	1:51:A:HIS:HD2	1:2:A:VAL:H	8	0.16	0.01	0.15
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HA	8	0.15	0.04	0.14
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HA	8	0.15	0.04	0.14
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HA	8	0.15	0.04	0.14
(1,2105)	1:234:A:THR:HG21	1:229:A:ASP:H	8	0.15	0.02	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG22	1:229:A:ASP:H	8	0.15	0.02	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG23	1:229:A:ASP:H	8	0.15	0.02	0.15
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD1	1:20:A:ASN:H	8	0.14	0.03	0.12
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD2	1:20:A:ASN:H	8	0.14	0.03	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2965)	1:68:A:ASN:H	1:69:A:VAL:HA	8	0.13	0.02	0.13
(3,97)	1:191:A:SER:H	1:188:A:LEU:O	8	0.13	0.02	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG2	1:26:A:PRO:HA	8	0.12	0.01	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG3	1:26:A:PRO:HA	8	0.12	0.01	0.12
(4,252)	1:36:A:LEU:HD21	1:29:A:ARG:HD3	7	1.03	0.74	1.33
(4,252)	1:36:A:LEU:HD22	1:29:A:ARG:HD3	7	1.03	0.74	1.33
(4,252)	1:36:A:LEU:HD23	1:29:A:ARG:HD3	7	1.03	0.74	1.33
(1,2876)	1:38:A:ARG:HD2	1:38:A:ARG:HA	7	0.52	0.07	0.55
(1,1109)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG2	7	0.42	0.11	0.42
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB1	7	0.36	0.07	0.37
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB2	7	0.36	0.07	0.37
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB3	7	0.36	0.07	0.37
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB2	7	0.3	0.08	0.34
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB3	7	0.3	0.08	0.34
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD11	7	0.29	0.0	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD12	7	0.29	0.0	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD13	7	0.29	0.0	0.29
(1,3208)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HB2	7	0.29	0.13	0.24
(1,263)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HG	7	0.22	0.03	0.21
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD2	7	0.22	0.06	0.2
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD3	7	0.22	0.06	0.2
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG3	1:115:A:GLN:H	7	0.22	0.01	0.22
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG2	1:115:A:GLN:H	7	0.22	0.01	0.22
(4,263)	1:185:A:ILE:H	1:182:A:SER:HB2	7	0.21	0.06	0.19
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB1	1:221:A:GLN:H	7	0.18	0.04	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB2	1:221:A:GLN:H	7	0.18	0.04	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB3	1:221:A:GLN:H	7	0.18	0.04	0.16
(1,159)	1:53:A:THR:HB	1:5:A:ARG:H	7	0.16	0.04	0.17
(1,1414)	1:5:A:ARG:H	1:52:A:LEU:HA	7	0.15	0.03	0.14
(1,1978)	1:164:A:TYR:H	1:166:A:PHE:H	7	0.15	0.03	0.14
(1,454)	1:9:A:ALA:HB1	1:14:A:TYR:H	7	0.14	0.03	0.13
(1,454)	1:9:A:ALA:HB2	1:14:A:TYR:H	7	0.14	0.03	0.13
(1,454)	1:9:A:ALA:HB3	1:14:A:TYR:H	7	0.14	0.03	0.13
(1,2847)	1:30:A:LYS:HA	1:30:A:LYS:HD2	7	0.13	0.02	0.12
(1,675)	1:92:A:ALA:HA	1:95:A:VAL:H	7	0.12	0.01	0.12
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD1	7	0.12	0.01	0.12
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD2	7	0.12	0.01	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE1	7	0.12	0.02	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE2	7	0.12	0.02	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE1	7	0.12	0.02	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE2	7	0.12	0.02	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE1	7	0.12	0.02	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE2	7	0.12	0.02	0.12
(1,2951)	1:64:A:ILE:HB	1:65:A:ASP:H	7	0.12	0.03	0.1
(1,1087)	1:62:A:VAL:HA	1:73:A:GLY:H	7	0.12	0.01	0.12
(1,729)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HA	7	0.12	0.01	0.11
(1,583)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HG2	7	0.11	0.01	0.11
(1,221)	1:30:A:LYS:HB2	1:30:A:LYS:H	7	0.11	0.01	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG21	1:117:A:ALA:H	7	0.11	0.01	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG22	1:117:A:ALA:H	7	0.11	0.01	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG23	1:117:A:ALA:H	7	0.11	0.01	0.11
(1,3051)	1:108:A:SER:HA	1:109:A:GLY:HA2	7	0.11	0.0	0.11
(1,2140)	1:219:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	6	0.88	0.23	0.9
(1,2544)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	6	0.59	0.02	0.59
(1,972)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HB2	6	0.43	0.01	0.43
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE1	6	0.42	0.2	0.42
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE2	6	0.42	0.2	0.42
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE1	6	0.42	0.2	0.42
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE2	6	0.42	0.2	0.42
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE1	6	0.42	0.2	0.42
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE2	6	0.42	0.2	0.42
(1,281)	1:147:A:ALA:HB1	1:146:A:SER:H	6	0.41	0.01	0.41
(1,281)	1:147:A:ALA:HB2	1:146:A:SER:H	6	0.41	0.01	0.41
(1,281)	1:147:A:ALA:HB3	1:146:A:SER:H	6	0.41	0.01	0.41
(4,238)	1:173:A:LYS:HE2	1:173:A:LYS:HG3	6	0.39	0.22	0.24
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG3	6	0.39	0.22	0.24
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG2	6	0.39	0.22	0.24
(1,473)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HG3	6	0.23	0.0	0.23
(1,973)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HE22	6	0.22	0.03	0.22
(1,973)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HE22	6	0.22	0.03	0.22
(1,973)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HE22	6	0.22	0.03	0.22
(4,217)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	6	0.2	0.02	0.2
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB2	6	0.17	0.05	0.16
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB3	6	0.17	0.05	0.16
(1,1300)	1:177:A:LYS:H	1:175:A:VAL:H	6	0.17	0.02	0.16
(1,638)	1:6:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	6	0.16	0.04	0.14
(1,638)	1:6:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	6	0.16	0.04	0.14
(1,638)	1:6:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	6	0.16	0.04	0.14
(1,638)	1:6:A:LEU:HD21	1:132:A:LEU:H	6	0.16	0.04	0.14
(1,638)	1:6:A:LEU:HD22	1:132:A:LEU:H	6	0.16	0.04	0.14
(1,638)	1:6:A:LEU:HD23	1:132:A:LEU:H	6	0.16	0.04	0.14
(1,733)	1:84:A:ASN:HB3	1:107:A:TYR:H	6	0.15	0.03	0.16
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:H	6	0.15	0.03	0.15
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:H	6	0.15	0.03	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:H	6	0.15	0.03	0.15
(4,120)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:H	6	0.15	0.03	0.14
(4,120)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:H	6	0.15	0.03	0.14
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG21	6	0.14	0.02	0.15
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG22	6	0.14	0.02	0.15
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG23	6	0.14	0.02	0.15
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE2	6	0.14	0.03	0.13
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE3	6	0.14	0.03	0.13
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD1	1:92:A:ALA:H	6	0.13	0.03	0.12
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD2	1:92:A:ALA:H	6	0.13	0.03	0.12
(1,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HA	6	0.13	0.04	0.12
(1,1901)	1:110:A:ASN:HD22	1:112:A:GLU:H	6	0.12	0.02	0.12
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB2	6	0.11	0.01	0.11
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB3	6	0.11	0.01	0.11
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG21	6	0.11	0.01	0.11
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG22	6	0.11	0.01	0.11
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG23	6	0.11	0.01	0.11
(4,18)	1:124:A:ASN:HD21	1:120:A:LYS:HD2	5	0.8	0.06	0.81
(1,2339)	1:247:A:ALA:H	1:246:A:MET:HA	5	0.71	0.29	0.85
(1,591)	1:209:A:PHE:HB2	1:211:A:THR:H	5	0.64	0.41	0.95
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	5	0.49	0.07	0.46
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	5	0.49	0.07	0.46
(1,1840)	1:225:A:ILE:H	1:213:A:VAL:HB	5	0.45	0.02	0.44
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE2	5	0.43	0.06	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE3	5	0.43	0.06	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE2	5	0.43	0.06	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE3	5	0.43	0.06	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE2	5	0.43	0.06	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE3	5	0.43	0.06	0.42
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE2	5	0.42	0.03	0.42
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE3	5	0.42	0.03	0.42
(1,1561)	1:28:A:GLU:H	1:36:A:LEU:HG	5	0.4	0.04	0.41
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE2	5	0.4	0.07	0.36
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE3	5	0.4	0.07	0.36
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE2	5	0.29	0.26	0.18
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE3	5	0.29	0.26	0.18
(1,2677)	1:19:A:SER:HB2	1:16:A:VAL:HA	5	0.26	0.1	0.24
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE2	5	0.25	0.09	0.3
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE3	5	0.25	0.09	0.3
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE2	5	0.25	0.09	0.3
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE3	5	0.25	0.09	0.3
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG21	1:157:A:SER:H	5	0.21	0.04	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG22	1:157:A:SER:H	5	0.21	0.04	0.21
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG23	1:157:A:SER:H	5	0.21	0.04	0.21
(1,2136)	1:39:A:SER:HA	1:242:A:ASN:H	5	0.17	0.05	0.15
(1,836)	1:243:A:ARG:H	1:246:A:MET:H	5	0.17	0.09	0.13
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD11	5	0.17	0.04	0.19
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD12	5	0.17	0.04	0.19
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD13	5	0.17	0.04	0.19
(1,2333)	1:129:A:LEU:HG	1:175:A:VAL:HA	5	0.16	0.04	0.16
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE1	1:133:A:ASP:H	5	0.15	0.04	0.15
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE2	1:133:A:ASP:H	5	0.15	0.04	0.15
(1,990)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HA	5	0.15	0.03	0.14
(1,2652)	1:30:A:LYS:HG2	1:30:A:LYS:HE3	5	0.15	0.03	0.17
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD1	5	0.15	0.03	0.13
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD2	5	0.15	0.03	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG21	1:84:A:ASN:H	5	0.14	0.02	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG22	1:84:A:ASN:H	5	0.14	0.02	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG23	1:84:A:ASN:H	5	0.14	0.02	0.13
(1,1057)	1:54:A:ASN:HB3	1:56:A:ALA:H	5	0.14	0.03	0.12
(1,908)	1:199:A:ILE:HD11	1:199:A:ILE:H	5	0.14	0.01	0.14
(1,908)	1:199:A:ILE:HD12	1:199:A:ILE:H	5	0.14	0.01	0.14
(1,908)	1:199:A:ILE:HD13	1:199:A:ILE:H	5	0.14	0.01	0.14
(1,707)	1:108:A:SER:HB2	1:109:A:GLY:H	5	0.14	0.03	0.12
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	5	0.13	0.02	0.15
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	5	0.13	0.02	0.15
(1,1620)	1:74:A:TYR:HA	1:61:A:SER:H	5	0.13	0.02	0.13
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG21	1:153:A:VAL:H	5	0.13	0.03	0.12
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG22	1:153:A:VAL:H	5	0.13	0.03	0.12
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG23	1:153:A:VAL:H	5	0.13	0.03	0.12
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB1	5	0.13	0.03	0.11
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB2	5	0.13	0.03	0.11
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB3	5	0.13	0.03	0.11
(1,1929)	1:199:A:ILE:H	1:199:A:ILE:HG12	5	0.13	0.01	0.13
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB1	1:196:A:SER:H	5	0.12	0.02	0.12
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB2	1:196:A:SER:H	5	0.12	0.02	0.12
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB3	1:196:A:SER:H	5	0.12	0.02	0.12
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD11	1:140:A:PHE:HA	5	0.12	0.02	0.12
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD12	1:140:A:PHE:HA	5	0.12	0.02	0.12
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD13	1:140:A:PHE:HA	5	0.12	0.02	0.12
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	5	0.12	0.02	0.12
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	5	0.12	0.02	0.12
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	5	0.12	0.02	0.12
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB1	1:114:A:LEU:HA	5	0.12	0.01	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB2	1:114:A:LEU:HA	5	0.12	0.01	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB3	1:114:A:LEU:HA	5	0.12	0.01	0.13
(1,2385)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HG3	5	0.12	0.01	0.12
(4,40)	1:91:A:ALA:H	1:90:A:GLU:HB2	4	0.74	0.05	0.74
(1,2247)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD3	4	0.49	0.03	0.5
(4,233)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:PHE:HZ	4	0.43	0.19	0.43
(4,54)	1:49:A:LEU:HD11	1:96:A:PHE:H	4	0.43	0.1	0.43
(4,54)	1:49:A:LEU:HD12	1:96:A:PHE:H	4	0.43	0.1	0.43
(4,54)	1:49:A:LEU:HD13	1:96:A:PHE:H	4	0.43	0.1	0.43
(1,2376)	1:90:A:GLU:HA	1:90:A:GLU:HG2	4	0.41	0.04	0.4
(1,1235)	1:177:A:LYS:HD3	1:178:A:THR:H	4	0.39	0.18	0.4
(1,987)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HB2	4	0.34	0.14	0.41
(1,2230)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD2	4	0.32	0.03	0.33
(1,3226)	1:243:A:ARG:HA	1:243:A:ARG:HG3	4	0.31	0.03	0.32
(1,1917)	1:93:A:LYS:H	1:93:A:LYS:HE3	4	0.26	0.1	0.29
(1,1894)	1:227:A:ASN:HD22	1:227:A:ASN:HA	4	0.22	0.01	0.22
(1,2651)	1:30:A:LYS:HD3	1:30:A:LYS:HE3	4	0.22	0.0	0.22
(1,3050)	1:108:A:SER:HA	1:83:A:PHE:HB2	4	0.2	0.1	0.15
(1,883)	1:137:A:THR:H	1:54:A:ASN:HD22	4	0.19	0.05	0.18
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD1	1:30:A:LYS:H	4	0.19	0.04	0.18
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD2	1:30:A:LYS:H	4	0.19	0.04	0.18
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	4	0.19	0.01	0.19
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	4	0.19	0.01	0.19
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	4	0.19	0.01	0.19
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD2	4	0.18	0.02	0.18
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD3	4	0.18	0.02	0.18
(1,1950)	1:30:A:LYS:H	1:33:A:ASP:HA	4	0.18	0.04	0.18
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG21	4	0.17	0.02	0.16
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG22	4	0.17	0.02	0.16
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG23	4	0.17	0.02	0.16
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD11	1:170:A:GLN:H	4	0.16	0.02	0.16
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD12	1:170:A:GLN:H	4	0.16	0.02	0.16
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD13	1:170:A:GLN:H	4	0.16	0.02	0.16
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	4	0.16	0.04	0.16
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	4	0.16	0.04	0.16
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	4	0.16	0.04	0.16
(1,104)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:HB2	4	0.14	0.03	0.15
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG21	4	0.14	0.03	0.13
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG22	4	0.14	0.03	0.13
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG23	4	0.14	0.03	0.13
(1,2103)	1:234:A:THR:H	1:235:A:SER:HB2	4	0.14	0.03	0.12
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD1	4	0.12	0.01	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD2	4	0.12	0.01	0.13
(4,52)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HA	4	0.12	0.01	0.12
(1,1198)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:H	4	0.11	0.02	0.11
(1,1332)	1:53:A:THR:H	1:54:A:ASN:H	4	0.11	0.01	0.12
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG11	1:2:A:VAL:HA	4	0.11	0.01	0.11
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG12	1:2:A:VAL:HA	4	0.11	0.01	0.11
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG13	1:2:A:VAL:HA	4	0.11	0.01	0.11
(4,320)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HG	3	1.28	0.02	1.28
(1,481)	1:6:A:LEU:HD21	1:54:A:ASN:H	3	0.8	0.99	0.1
(1,481)	1:6:A:LEU:HD22	1:54:A:ASN:H	3	0.8	0.99	0.1
(1,481)	1:6:A:LEU:HD23	1:54:A:ASN:H	3	0.8	0.99	0.1
(1,2122)	1:64:A:ILE:H	1:72:A:MET:HG2	3	0.65	0.74	0.14
(1,3225)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HB2	3	0.47	0.01	0.48
(4,311)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:H	3	0.43	0.1	0.41
(4,311)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:H	3	0.43	0.1	0.41
(4,207)	1:103:A:VAL:H	1:80:A:SER:HA	3	0.37	0.18	0.47
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD21	3	0.35	0.03	0.34
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD22	3	0.35	0.03	0.34
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD23	3	0.35	0.03	0.34
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD21	3	0.34	0.03	0.33
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD22	3	0.34	0.03	0.33
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD23	3	0.34	0.03	0.33
(1,1504)	1:123:A:GLU:H	1:123:A:GLU:HG3	3	0.33	0.04	0.36
(1,2752)	1:188:A:LEU:HA	1:188:A:LEU:HG	3	0.32	0.23	0.18
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD21	1:125:A:ILE:H	3	0.3	0.01	0.3
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD22	1:125:A:ILE:H	3	0.3	0.01	0.3
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD23	1:125:A:ILE:H	3	0.3	0.01	0.3
(1,2649)	1:243:A:ARG:HA	1:243:A:ARG:HG2	3	0.29	0.01	0.29
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG21	1:54:A:ASN:HD22	3	0.25	0.07	0.26
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG22	1:54:A:ASN:HD22	3	0.25	0.07	0.26
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG23	1:54:A:ASN:HD22	3	0.25	0.07	0.26
(1,1073)	1:221:A:GLN:HG2	1:220:A:ASN:H	3	0.24	0.05	0.21
(1,1825)	1:209:A:PHE:HA	1:211:A:THR:H	3	0.23	0.05	0.26
(4,128)	1:28:A:GLU:HG2	1:36:A:LEU:H	3	0.23	0.04	0.23
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD21	1:54:A:ASN:HB2	3	0.22	0.15	0.12
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD22	1:54:A:ASN:HB2	3	0.22	0.15	0.12
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD23	1:54:A:ASN:HB2	3	0.22	0.15	0.12
(4,163)	1:222:A:ARG:HB2	1:222:A:ARG:HD2	3	0.2	0.01	0.19
(4,163)	1:222:A:ARG:HB2	1:222:A:ARG:HD3	3	0.2	0.01	0.19
(1,1995)	1:36:A:LEU:HG	1:242:A:ASN:HD22	3	0.19	0.06	0.15
(1,284)	1:148:A:ALA:H	1:146:A:SER:H	3	0.19	0.01	0.19
(1,117)	1:51:A:HIS:H	1:2:A:VAL:H	3	0.19	0.02	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2131)	1:209:A:PHE:H	1:227:A:ASN:H	3	0.19	0.08	0.14
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG11	1:194:A:ALA:H	3	0.18	0.05	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG12	1:194:A:ALA:H	3	0.18	0.05	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG13	1:194:A:ALA:H	3	0.18	0.05	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG21	1:194:A:ALA:H	3	0.18	0.05	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG22	1:194:A:ALA:H	3	0.18	0.05	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG23	1:194:A:ALA:H	3	0.18	0.05	0.19
(1,904)	1:230:A:ALA:HB1	1:226:A:THR:H	3	0.18	0.02	0.17
(1,904)	1:230:A:ALA:HB2	1:226:A:THR:H	3	0.18	0.02	0.17
(1,904)	1:230:A:ALA:HB3	1:226:A:THR:H	3	0.18	0.02	0.17
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG21	1:220:A:ASN:H	3	0.18	0.02	0.16
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG22	1:220:A:ASN:H	3	0.18	0.02	0.16
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG23	1:220:A:ASN:H	3	0.18	0.02	0.16
(1,1941)	1:7:A:SER:H	1:5:A:ARG:HD2	3	0.17	0.05	0.18
(1,1941)	1:7:A:SER:H	1:5:A:ARG:HD3	3	0.17	0.05	0.18
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD11	1:216:A:ILE:H	3	0.17	0.03	0.19
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD12	1:216:A:ILE:H	3	0.17	0.03	0.19
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD13	1:216:A:ILE:H	3	0.17	0.03	0.19
(1,1058)	1:56:A:ALA:H	1:58:A:GLU:HG3	3	0.17	0.04	0.14
(1,2567)	1:123:A:GLU:HB3	1:123:A:GLU:HA	3	0.17	0.01	0.17
(1,306)	1:206:A:ASN:HB3	1:208:A:GLN:H	3	0.16	0.01	0.16
(1,1074)	1:220:A:ASN:H	1:219:A:GLN:HB2	3	0.15	0.02	0.15
(1,1657)	1:80:A:SER:H	1:100:A:LYS:H	3	0.15	0.01	0.16
(1,2554)	1:137:A:THR:HG21	1:141:A:TYR:HD1	3	0.15	0.02	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG21	1:141:A:TYR:HD2	3	0.15	0.02	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG22	1:141:A:TYR:HD1	3	0.15	0.02	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG22	1:141:A:TYR:HD2	3	0.15	0.02	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG23	1:141:A:TYR:HD1	3	0.15	0.02	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG23	1:141:A:TYR:HD2	3	0.15	0.02	0.15
(1,49)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:HB2	3	0.15	0.0	0.15
(1,1697)	1:110:A:ASN:HB3	1:112:A:GLU:H	3	0.14	0.03	0.14
(1,1745)	1:146:A:SER:HA	1:150:A:ALA:H	3	0.14	0.03	0.13
(1,1454)	1:27:A:TYR:H	1:38:A:ARG:H	3	0.14	0.04	0.12
(1,3)	1:192:A:TRP:H	1:191:A:SER:HB2	3	0.13	0.02	0.12
(1,576)	1:53:A:THR:HG21	1:58:A:GLU:H	3	0.13	0.01	0.12
(1,576)	1:53:A:THR:HG22	1:58:A:GLU:H	3	0.13	0.01	0.12
(1,576)	1:53:A:THR:HG23	1:58:A:GLU:H	3	0.13	0.01	0.12
(1,827)	1:78:A:ASP:HB2	1:100:A:LYS:H	3	0.13	0.02	0.11
(1,2004)	1:238:A:ALA:H	1:192:A:TRP:HE1	3	0.13	0.01	0.12
(1,2012)	1:169:A:GLN:HB2	1:166:A:PHE:H	3	0.12	0.01	0.12
(1,328)	1:3:A:SER:H	1:2:A:VAL:HB	3	0.12	0.02	0.12
(1,2067)	1:74:A:TYR:H	1:81:A:TYR:HB3	3	0.11	0.01	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,1478)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HD3	3	0.11	0.01	0.1
(1,1478)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HD2	3	0.11	0.01	0.1
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD11	1:71:A:VAL:HB	3	0.11	0.01	0.1
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD12	1:71:A:VAL:HB	3	0.11	0.01	0.1
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD13	1:71:A:VAL:HB	3	0.11	0.01	0.1
(1,2484)	1:203:A:SER:HB3	1:31:A:LEU:HD21	2	1.34	1.21	1.34
(1,2484)	1:203:A:SER:HB3	1:31:A:LEU:HD22	2	1.34	1.21	1.34
(1,2484)	1:203:A:SER:HB3	1:31:A:LEU:HD23	2	1.34	1.21	1.34
(1,2095)	1:242:A:ASN:HD22	1:36:A:LEU:HB3	2	0.94	0.31	0.94
(1,637)	1:132:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	2	0.42	0.01	0.42
(1,637)	1:132:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	2	0.42	0.01	0.42
(1,637)	1:132:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	2	0.42	0.01	0.42
(1,1981)	1:18:A:ILE:HG21	1:164:A:TYR:H	2	0.38	0.02	0.38
(1,1981)	1:18:A:ILE:HG22	1:164:A:TYR:H	2	0.38	0.02	0.38
(1,1981)	1:18:A:ILE:HG23	1:164:A:TYR:H	2	0.38	0.02	0.38
(1,96)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG12	2	0.36	0.01	0.36
(1,1123)	1:85:A:GLU:H	1:84:A:ASN:H	2	0.34	0.0	0.34
(1,1427)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HE2	2	0.34	0.13	0.34
(1,1427)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HE3	2	0.34	0.13	0.34
(1,2848)	1:33:A:ASP:HA	1:30:A:LYS:HE2	2	0.32	0.09	0.32
(1,693)	1:108:A:SER:HA	1:85:A:GLU:H	2	0.27	0.04	0.27
(1,448)	1:103:A:VAL:H	1:80:A:SER:H	2	0.24	0.03	0.24
(1,2608)	1:185:A:ILE:HA	1:188:A:LEU:HG	2	0.24	0.12	0.24
(1,2663)	1:100:A:LYS:HG3	1:100:A:LYS:HE2	2	0.2	0.06	0.2
(1,2663)	1:100:A:LYS:HG3	1:100:A:LYS:HE3	2	0.2	0.06	0.2
(1,620)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG3	2	0.2	0.08	0.2
(1,2742)	1:221:A:GLN:HG3	1:223:A:VAL:HG11	2	0.2	0.06	0.2
(1,2742)	1:221:A:GLN:HG3	1:223:A:VAL:HG12	2	0.2	0.06	0.2
(1,2742)	1:221:A:GLN:HG3	1:223:A:VAL:HG13	2	0.2	0.06	0.2
(1,3156)	1:170:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:HG2	2	0.19	0.01	0.19
(1,3156)	1:170:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:HG3	2	0.19	0.01	0.19
(1,419)	1:24:A:ALA:H	1:20:A:ASN:HA	2	0.18	0.06	0.18
(1,2495)	1:132:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:HD21	2	0.18	0.01	0.18
(1,2495)	1:132:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:HD22	2	0.18	0.01	0.18
(1,2495)	1:132:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:HD23	2	0.18	0.01	0.18
(4,322)	1:59:A:THR:H	1:140:A:PHE:HE1	2	0.18	0.05	0.18
(4,322)	1:59:A:THR:H	1:140:A:PHE:HE2	2	0.18	0.05	0.18
(1,2006)	1:168:A:GLU:H	1:164:A:TYR:H	2	0.18	0.0	0.18
(1,2100)	1:219:A:GLN:HE22	1:218:A:ALA:HA	2	0.18	0.03	0.18
(1,2878)	1:39:A:SER:HB3	1:242:A:ASN:HB3	2	0.17	0.02	0.17
(1,1339)	1:209:A:PHE:HD1	1:211:A:THR:H	2	0.16	0.04	0.16
(1,1339)	1:209:A:PHE:HD2	1:211:A:THR:H	2	0.16	0.04	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

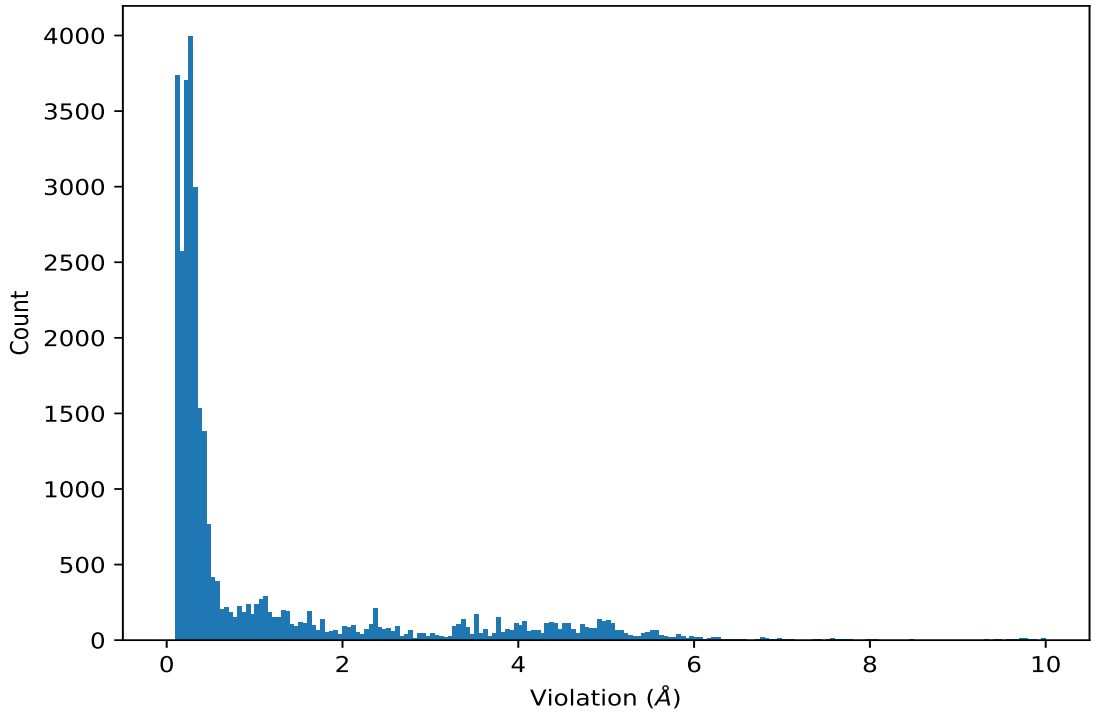
Key	Atom-1	Atom-2	Models[1]	Mean (Å)	SD[1] (Å)	Median (Å)
(1,2126)	1:233:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	2	0.16	0.04	0.16
(1,2739)	1:238:A:ALA:HB1	1:239:A:LEU:HG	2	0.16	0.05	0.16
(1,2739)	1:238:A:ALA:HB2	1:239:A:LEU:HG	2	0.16	0.05	0.16
(1,2739)	1:238:A:ALA:HB3	1:239:A:LEU:HG	2	0.16	0.05	0.16
(1,3006)	1:90:A:GLU:HA	1:90:A:GLU:HG3	2	0.15	0.0	0.15
(1,1022)	1:143:A:ASN:HA	1:143:A:ASN:HD22	2	0.14	0.0	0.14
(1,1987)	1:190:A:ASN:H	1:188:A:LEU:HB3	2	0.14	0.04	0.14
(1,2162)	1:50:A:ILE:HG21	1:2:A:VAL:HB	2	0.14	0.03	0.14
(1,2162)	1:50:A:ILE:HG22	1:2:A:VAL:HB	2	0.14	0.03	0.14
(1,2162)	1:50:A:ILE:HG23	1:2:A:VAL:HB	2	0.14	0.03	0.14
(1,2945)	1:60:A:ILE:HD11	1:136:A:ILE:H	2	0.14	0.03	0.14
(1,2945)	1:60:A:ILE:HD12	1:136:A:ILE:H	2	0.14	0.03	0.14
(1,2945)	1:60:A:ILE:HD13	1:136:A:ILE:H	2	0.14	0.03	0.14
(1,1035)	1:22:A:ARG:H	1:162:A:ALA:HB1	2	0.13	0.02	0.13
(1,1035)	1:22:A:ARG:H	1:162:A:ALA:HB2	2	0.13	0.02	0.13
(1,1035)	1:22:A:ARG:H	1:162:A:ALA:HB3	2	0.13	0.02	0.13
(1,1980)	1:167:A:ILE:HB	1:164:A:TYR:H	2	0.13	0.02	0.13
(1,26)	1:102:A:LYS:H	1:103:A:VAL:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,1351)	1:217:A:ASN:H	1:220:A:ASN:H	2	0.12	0.01	0.12
(1,961)	1:171:A:ILE:HG21	1:174:A:ARG:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,961)	1:171:A:ILE:HG22	1:174:A:ARG:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,961)	1:171:A:ILE:HG23	1:174:A:ARG:H	2	0.12	0.0	0.12
(1,1788)	1:179:A:PHE:H	1:128:A:GLY:HA2	2	0.12	0.0	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE1	1:144:A:ALA:HB1	2	0.12	0.0	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE1	1:144:A:ALA:HB2	2	0.12	0.0	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE1	1:144:A:ALA:HB3	2	0.12	0.0	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE2	1:144:A:ALA:HB1	2	0.12	0.0	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE2	1:144:A:ALA:HB2	2	0.12	0.0	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE2	1:144:A:ALA:HB3	2	0.12	0.0	0.12
(1,24)	1:102:A:LYS:H	1:101:A:ARG:H	2	0.11	0.0	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD1	1:202:A:ALA:HB1	2	0.11	0.0	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD1	1:202:A:ALA:HB2	2	0.11	0.0	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD1	1:202:A:ALA:HB3	2	0.11	0.0	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD2	1:202:A:ALA:HB1	2	0.11	0.0	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD2	1:202:A:ALA:HB2	2	0.11	0.0	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD2	1:202:A:ALA:HB3	2	0.11	0.0	0.11
(1,2362)	1:224:A:THR:HA	1:224:A:THR:HG21	2	0.11	0.01	0.11
(1,2362)	1:224:A:THR:HA	1:224:A:THR:HG22	2	0.11	0.01	0.11
(1,2362)	1:224:A:THR:HA	1:224:A:THR:HG23	2	0.11	0.01	0.11
(1,2778)	1:9:A:ALA:HA	1:6:A:LEU:HA	2	0.11	0.0	0.11
(4,130)	1:42:A:PRO:HB2	1:42:A:PRO:HD3	2	0.11	0.0	0.11
(1,3167)	1:174:A:ARG:HB3	1:175:A:VAL:H	2	0.1	0.0	0.1

[1]Number of violated models, [2]Standard deviation

9.5 All violated distance restraints (i)

9.5.1 Histogram : Distribution of distance violations (i)

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



9.5.2 Table : All distance violations (i)

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint. Rows with same key represent combinatorial or ambiguous restraints and are counted as a single restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	1	9.99
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	1	9.99
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	1	9.99
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	7	9.96
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	7	9.96
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	7	9.96
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	12	9.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	12	9.96
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	12	9.96
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	8	9.87
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	8	9.87
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	8	9.87
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	19	9.81
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	19	9.81
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	19	9.81
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	6	9.79
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	6	9.79
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	6	9.79
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	14	9.78
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	14	9.78
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	14	9.78
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	17	9.75
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	17	9.75
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	17	9.75
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	11	9.74
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	11	9.74
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	11	9.74
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	13	9.74
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	13	9.74
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	13	9.74
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	18	9.73
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	18	9.73
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	18	9.73
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	20	9.68
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	20	9.68
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	20	9.68
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	2	9.64
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	2	9.64
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	2	9.64
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	4	9.63
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	4	9.63
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	4	9.63
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	3	9.6
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	3	9.6
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	3	9.6
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	5	9.59
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	5	9.59
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	5	9.59
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	9	9.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	9	9.49
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	9	9.49
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	10	9.47
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	10	9.47
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	10	9.47
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	15	9.45
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	15	9.45
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	15	9.45
(4,140)	1:66:A:VAL:HG11	1:242:A:ASN:H	16	9.33
(4,140)	1:66:A:VAL:HG12	1:242:A:ASN:H	16	9.33
(4,140)	1:66:A:VAL:HG13	1:242:A:ASN:H	16	9.33
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	20	8.49
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	11	8.47
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	19	8.46
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	8	8.42
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	17	8.4
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	10	8.39
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	18	8.31
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	16	8.27
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	13	8.25
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	5	8.08
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	5	8.08
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	5	8.08
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	2	8.0
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	2	8.0
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	2	8.0
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	6	7.95
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	6	7.95
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	6	7.95
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	3	7.91
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	4	7.75
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	4	7.75
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	4	7.75
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	9	7.74
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	14	7.7
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	14	7.7
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	14	7.7
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	17	7.7
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	17	7.7
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	17	7.7
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	15	7.69
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	15	7.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	15	7.69
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	12	7.63
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	2	7.62
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	2	7.62
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	2	7.62
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	8	7.62
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	8	7.62
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	8	7.62
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	7	7.62
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	1	7.6
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	4	7.59
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	4	7.59
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	4	7.59
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	11	7.59
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	11	7.59
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	11	7.59
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	7	7.57
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	7	7.57
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	7	7.57
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	4	7.57
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	2	7.51
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	18	7.5
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	18	7.5
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	18	7.5
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	1	7.44
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	1	7.44
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	1	7.44
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	18	7.42
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	18	7.42
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	18	7.42
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	17	7.38
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	17	7.38
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	17	7.38
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	3	7.37
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	3	7.37
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	3	7.37
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	14	7.36
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	15	7.27
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	19	7.12
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	19	7.12
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	19	7.12
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	18	7.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	18	7.11
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	6	7.1
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	6	7.1
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	14	7.1
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	14	7.1
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	11	7.07
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	13	7.06
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	13	7.06
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	13	7.06
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	8	7.04
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	8	7.04
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	19	7.03
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	19	7.03
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	4	7.01
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	4	7.01
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	13	6.98
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	13	6.98
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	15	6.98
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	15	6.98
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	2	6.98
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	2	6.98
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	2	6.98
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	9	6.96
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	9	6.96
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	6	6.96
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	10	6.95
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	10	6.95
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	4	6.94
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	2	6.93
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	2	6.93
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	1	6.91
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	1	6.91
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	3	6.91
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	3	6.91
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	16	6.86
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	16	6.86
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	10	6.86
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	17	6.85
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	17	6.85
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	12	6.84
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	12	6.84
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	14	6.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	1	6.82
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	20	6.81
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	20	6.81
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	8	6.81
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	15	6.81
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	16	6.81
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	17	6.81
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	9	6.8
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	18	6.8
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	5	6.79
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	5	6.79
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	7	6.79
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	7	6.79
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE1	11	6.79
(4,242)	1:61:A:SER:H	1:140:A:PHE:HE2	11	6.79
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	2	6.79
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	10	6.78
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	11	6.78
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	18	6.78
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	18	6.78
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	18	6.78
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	6	6.77
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	19	6.77
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	5	6.77
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	3	6.76
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	7	6.76
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	12	6.74
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	12	6.74
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	12	6.74
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	12	6.74
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	20	6.73
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	13	6.71
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	8	6.67
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	19	6.67
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	5	6.62
(4,227)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:H	5	6.62
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	9	6.59
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	15	6.59
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	20	6.58
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	13	6.56
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	19	6.56
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	2	6.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	4	6.55
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	14	6.54
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	11	6.53
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	1	6.52
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	3	6.52
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	11	6.51
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	18	6.51
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	18	6.48
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	6	6.46
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	10	6.45
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	12	6.43
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	12	6.43
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	12	6.43
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	16	6.43
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	8	6.42
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	12	6.41
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	17	6.41
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	1	6.41
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	7	6.39
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	18	6.39
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	4	6.38
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	15	6.38
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	19	6.38
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	11	6.36
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	20	6.35
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	6	6.33
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	2	6.31
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	14	6.31
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	14	6.31
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	17	6.3
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	8	6.29
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	4	6.28
(4,249)	1:62:A:VAL:H	1:60:A:ILE:HG12	18	6.27
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	13	6.27
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	11	6.27
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	5	6.26
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	8	6.26
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	18	6.26
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	19	6.26
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	11	6.26
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	7	6.25
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	3	6.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	5	6.25
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	9	6.25
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	11	6.25
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	12	6.25
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	17	6.25
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	18	6.25
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	14	6.25
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	1	6.24
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	2	6.24
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	6	6.24
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	10	6.24
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	15	6.24
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	20	6.24
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	3	6.23
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	7	6.23
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	16	6.23
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	8	6.23
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	5	6.21
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	8	6.2
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	4	6.2
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	14	6.2
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	15	6.2
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	15	6.2
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	17	6.19
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	8	6.19
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	4	6.18
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	4	6.18
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	7	6.18
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	12	6.18
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	9	6.17
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	10	6.17
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	17	6.17
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	20	6.16
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	18	6.16
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	10	6.15
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	3	6.14
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	8	6.14
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	1	6.12
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	1	6.12
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	9	6.12
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	12	6.12
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	1	6.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	13	6.11
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	19	6.1
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	7	6.1
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	11	6.1
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	4	6.1
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	12	6.09
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	13	6.08
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	18	6.08
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	20	6.08
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	20	6.07
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	3	6.07
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	6	6.06
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	16	6.06
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	3	6.06
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	13	6.06
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	2	6.06
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	5	6.06
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	19	6.05
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	5	6.05
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	16	6.05
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	16	6.04
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	1	6.04
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	15	6.04
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	16	6.04
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	6	6.03
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	19	6.03
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	18	6.03
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	18	6.03
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	18	6.03
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	14	6.02
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	2	6.02
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	5	6.02
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	3	6.01
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	7	6.01
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	11	6.0
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	8	6.0
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	9	6.0
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	19	5.99
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	9	5.99
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	11	5.99
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	17	5.99
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	17	5.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	17	5.99
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	11	5.99
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	19	5.98
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	16	5.98
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	7	5.98
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	17	5.98
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	4	5.98
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	4	5.98
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	4	5.98
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	13	5.97
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	15	5.97
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	7	5.97
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	7	5.97
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	8	5.96
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	8	5.96
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	10	5.96
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	8	5.95
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	7	5.94
(4,91)	1:74:A:TYR:H	1:80:A:SER:HB3	14	5.94
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	10	5.94
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	13	5.94
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	1	5.93
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	14	5.93
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	11	5.92
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	15	5.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	2	5.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	2	5.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	2	5.92
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	4	5.91
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	18	5.91
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	18	5.9
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	9	5.9
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	10	5.89
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	6	5.89
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	14	5.89
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	20	5.89
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	1	5.88
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	13	5.88
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	18	5.88
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	9	5.88
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	9	5.88
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	15	5.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	15	5.88
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	19	5.88
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	19	5.88
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	1	5.88
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	4	5.88
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	8	5.88
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	17	5.87
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	20	5.87
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	2	5.87
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	6	5.87
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	7	5.87
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	5	5.86
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	16	5.86
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	12	5.86
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	11	5.86
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	2	5.85
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	4	5.85
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	12	5.85
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	11	5.85
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	11	5.85
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	9	5.85
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	15	5.85
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	20	5.85
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	6	5.84
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	9	5.84
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	11	5.84
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	12	5.84
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	16	5.84
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	19	5.84
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	6	5.84
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	7	5.83
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	2	5.83
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	6	5.83
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	18	5.82
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	18	5.82
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	18	5.82
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	2	5.82
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	2	5.82
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	4	5.82
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	14	5.82
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	17	5.82
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	11	5.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	17	5.82
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	17	5.82
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	17	5.82
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	15	5.81
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	2	5.81
(4,196)	1:109:A:GLY:HA3	1:108:A:SER:H	16	5.81
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	3	5.81
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	10	5.81
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	20	5.81
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	10	5.8
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	14	5.8
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	8	5.8
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	8	5.8
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	18	5.8
(4,236)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:H	3	5.79
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	9	5.79
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	6	5.78
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	16	5.78
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	9	5.77
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	13	5.77
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	9	5.77
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	15	5.76
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	9	5.76
(4,172)	1:94:A:TYR:HB2	1:92:A:ALA:H	5	5.76
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	11	5.76
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	2	5.76
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	17	5.75
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	1	5.74
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	14	5.74
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	5	5.74
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	12	5.74
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	13	5.74
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	13	5.73
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	3	5.73
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	4	5.73
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	14	5.72
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	8	5.72
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	20	5.72
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	20	5.72
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	15	5.71
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	20	5.71
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	10	5.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	10	5.71
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	17	5.71
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	4	5.7
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	16	5.7
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	19	5.7
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	16	5.69
(4,167)	1:183:A:LEU:HB2	1:217:A:ASN:H	13	5.69
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	15	5.69
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	3	5.69
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	14	5.69
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	1	5.68
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	20	5.68
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	3	5.68
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	9	5.67
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	12	5.67
(4,89)	1:109:A:GLY:H	1:113:A:ARG:HG2	1	5.67
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	2	5.67
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	18	5.67
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	10	5.66
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	17	5.66
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	13	5.66
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	13	5.66
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	16	5.66
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	16	5.66
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	14	5.66
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	15	5.66
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	19	5.66
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	8	5.65
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	10	5.65
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	18	5.64
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	1	5.64
(4,132)	1:45:A:GLN:HG2	1:42:A:PRO:HD3	5	5.64
(4,82)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HZ	1	5.64
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	15	5.64
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	15	5.64
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	15	5.64
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	6	5.63
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	6	5.63
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	2	5.63
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	6	5.63
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	17	5.63
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	18	5.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	7	5.63
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	17	5.62
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	1	5.62
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	4	5.62
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	15	5.62
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	18	5.62
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	9	5.62
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	19	5.61
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	2	5.61
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	5	5.61
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	6	5.61
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	11	5.61
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	13	5.61
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	7	5.61
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	11	5.61
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	2	5.61
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	4	5.6
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	20	5.6
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	3	5.6
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	3	5.6
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	9	5.6
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	9	5.6
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	9	5.6
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	8	5.59
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	13	5.59
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	2	5.59
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	17	5.59
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	3	5.59
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	3	5.59
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	3	5.59
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	3	5.59
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	17	5.59
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	17	5.59
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	17	5.59
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	15	5.58
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	20	5.58
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	20	5.58
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	20	5.58
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	12	5.58
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	6	5.58
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	6	5.58
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	6	5.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	11	5.57
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	18	5.57
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	1	5.57
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	3	5.57
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	12	5.57
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	5	5.57
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	4	5.57
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	9	5.57
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	10	5.57
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	11	5.57
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	2	5.57
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	2	5.57
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	2	5.57
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	10	5.57
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	10	5.57
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	10	5.57
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	1	5.56
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	18	5.56
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	8	5.56
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	6	5.56
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	9	5.56
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	12	5.56
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	15	5.56
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	18	5.56
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	19	5.56
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	5	5.56
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	5	5.56
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	11	5.56
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	11	5.56
(4,184)	1:10:A:THR:H	1:175:A:VAL:HA	10	5.56
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	4	5.56
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	14	5.56
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	16	5.56
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	13	5.56
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	13	5.56
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	13	5.56
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	20	5.56
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	20	5.56
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	20	5.56
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	6	5.55
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	9	5.55
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	19	5.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	4	5.55
(4,138)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HB2	12	5.55
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	15	5.55
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	14	5.55
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	14	5.55
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	14	5.55
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	15	5.54
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	7	5.54
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	10	5.54
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	20	5.54
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	11	5.54
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	17	5.53
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	19	5.53
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	14	5.53
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	14	5.53
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	12	5.53
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	12	5.53
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	7	5.53
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	14	5.53
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	11	5.53
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	11	5.53
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	11	5.53
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	15	5.52
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	4	5.52
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	4	5.52
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	20	5.52
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	10	5.52
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	2	5.51
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	6	5.51
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	12	5.51
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	10	5.51
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	7	5.51
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	7	5.51
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	1	5.51
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	1	5.51
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	8	5.51
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	8	5.51
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	9	5.51
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	9	5.51
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	16	5.51
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	16	5.51
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	8	5.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	11	5.51
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	18	5.51
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	18	5.51
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	18	5.51
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	5	5.5
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	10	5.5
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	3	5.5
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	5	5.5
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	12	5.5
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	17	5.5
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	5	5.5
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	5	5.5
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	5	5.5
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	7	5.5
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	7	5.5
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	7	5.5
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	8	5.5
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	8	5.5
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	8	5.5
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	16	5.49
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	11	5.49
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	18	5.49
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	18	5.49
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	18	5.49
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	7	5.49
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	5	5.49
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	17	5.49
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	19	5.49
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	16	5.49
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	16	5.49
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	16	5.49
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	19	5.49
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	19	5.49
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	19	5.49
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	14	5.48
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	14	5.48
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	20	5.48
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	3	5.48
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	3	5.48
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	3	5.48
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	2	5.48
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	2	5.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	13	5.48
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	13	5.48
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	17	5.48
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	17	5.48
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	5	5.48
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	16	5.48
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	12	5.48
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	1	5.48
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	1	5.48
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	1	5.48
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	4	5.48
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	4	5.48
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	4	5.48
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	1	5.47
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	6	5.47
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	13	5.47
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	4	5.47
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	16	5.47
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	3	5.47
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	3	5.47
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	6	5.47
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	6	5.47
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	3	5.46
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	3	5.46
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	12	5.46
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	5	5.46
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	16	5.45
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	11	5.45
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	5	5.45
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	13	5.45
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	10	5.45
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	10	5.45
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	13	5.44
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	1	5.44
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	7	5.44
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	4	5.44
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	20	5.44
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	7	5.43
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	14	5.43
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	17	5.43
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	7	5.43
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	7	5.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	15	5.43
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	15	5.43
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	19	5.43
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	19	5.43
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	4	5.43
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	6	5.43
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	16	5.42
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	16	5.42
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	16	5.42
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	18	5.42
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	18	5.42
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	18	5.42
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE1	12	5.42
(4,190)	1:93:A:LYS:H	1:82:A:PHE:HE2	12	5.42
(4,156)	1:50:A:ILE:HB	1:2:A:VAL:H	10	5.42
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	13	5.42
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	3	5.42
(4,15)	1:150:A:ALA:HB1	1:140:A:PHE:H	12	5.42
(4,15)	1:150:A:ALA:HB2	1:140:A:PHE:H	12	5.42
(4,15)	1:150:A:ALA:HB3	1:140:A:PHE:H	12	5.42
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	12	5.41
(4,208)	1:103:A:VAL:H	1:101:A:ARG:HA	14	5.41
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	4	5.41
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	9	5.4
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	2	5.4
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	19	5.4
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	7	5.4
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	7	5.4
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	7	5.4
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	18	5.4
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	18	5.4
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	18	5.4
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	7	5.4
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	20	5.39
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	16	5.39
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	16	5.39
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	16	5.39
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	3	5.39
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	12	5.39
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	8	5.39
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	15	5.39
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	11	5.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	11	5.38
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	11	5.38
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	8	5.38
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	20	5.38
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	20	5.38
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	20	5.38
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	20	5.38
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	16	5.37
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	16	5.37
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	16	5.37
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	10	5.37
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	10	5.37
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	10	5.37
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	6	5.37
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	7	5.37
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	7	5.36
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	2	5.36
(4,244)	1:163:A:ARG:H	1:192:A:TRP:HE1	3	5.35
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	8	5.35
(4,259)	1:187:A:SER:H	1:183:A:LEU:HB2	9	5.34
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	12	5.34
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	12	5.34
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	12	5.34
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	13	5.34
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	14	5.34
(4,231)	1:192:A:TRP:H	1:189:A:GLU:HB2	8	5.33
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	19	5.33
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	16	5.33
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	19	5.33
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	7	5.33
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	7	5.33
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	7	5.33
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	1	5.32
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	17	5.32
(4,304)	1:149:A:SER:HA	1:118:A:ALA:H	4	5.31
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	15	5.31
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	4	5.31
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	2	5.31
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	1	5.31
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	5	5.3
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	1	5.3
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	11	5.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	1	5.3
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	1	5.3
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	1	5.3
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	3	5.3
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	16	5.3
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	18	5.3
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	14	5.29
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	4	5.29
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	17	5.29
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	3	5.28
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	15	5.28
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	17	5.28
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	18	5.28
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	18	5.28
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	18	5.28
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	6	5.28
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	9	5.28
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	2	5.28
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	8	5.28
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	12	5.28
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	20	5.28
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	20	5.28
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	5	5.27
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	5	5.27
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	7	5.27
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	15	5.26
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	11	5.26
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	5	5.25
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	5	5.25
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	5	5.25
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	9	5.25
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	1	5.25
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	5	5.24
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	5	5.24
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	5	5.24
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	2	5.24
(4,139)	1:242:A:ASN:H	1:240:A:LEU:HG	5	5.24
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	1	5.24
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	10	5.24
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	18	5.24
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	11	5.24
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	11	5.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	11	5.24
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	10	5.24
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	13	5.24
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	14	5.24
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	9	5.24
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	13	5.24
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	4	5.23
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	6	5.23
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	17	5.22
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	12	5.22
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	20	5.21
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	20	5.21
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	20	5.21
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	12	5.21
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	12	5.21
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	12	5.21
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	14	5.21
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	3	5.21
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	12	5.21
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	8	5.21
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	20	5.21
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	16	5.21
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	20	5.21
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	9	5.21
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	14	5.21
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	18	5.2
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	9	5.2
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	9	5.2
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	9	5.2
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	9	5.2
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	9	5.2
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	9	5.2
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	7	5.2
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	1	5.2
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	18	5.2
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	1	5.2
(4,17)	1:120:A:LYS:H	1:116:A:ILE:H	19	5.2
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	6	5.19
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	19	5.19
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	1	5.19
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	5	5.19
(4,142)	1:147:A:ALA:HA	1:143:A:ASN:HB3	13	5.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	19	5.19
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	19	5.19
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	19	5.19
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	8	5.19
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	13	5.19
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	13	5.19
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	2	5.18
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	2	5.18
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	2	5.18
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	10	5.18
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	10	5.18
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	10	5.18
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	3	5.18
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	5	5.18
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	18	5.18
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	2	5.18
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	20	5.18
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	20	5.18
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	20	5.18
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	9	5.17
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	12	5.17
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	13	5.17
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	19	5.17
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	4	5.17
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	6	5.17
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	1	5.17
(4,27)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	18	5.17
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	2	5.17
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	2	5.17
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	19	5.16
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	19	5.16
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	19	5.16
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	7	5.16
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	12	5.16
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	13	5.16
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	16	5.16
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	14	5.16
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	14	5.16
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	14	5.16
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	17	5.16
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	17	5.16
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	17	5.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	4	5.16
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	18	5.16
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	7	5.16
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	1	5.16
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	8	5.16
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	11	5.16
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	12	5.16
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	14	5.16
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	14	5.16
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	14	5.16
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	16	5.15
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	13	5.15
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	13	5.15
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	13	5.15
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	11	5.15
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	5	5.15
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	13	5.15
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	20	5.15
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	18	5.15
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	8	5.15
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	8	5.15
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	10	5.14
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	10	5.14
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	10	5.14
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	5	5.14
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	8	5.14
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	10	5.14
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	17	5.14
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	20	5.14
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	7	5.14
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	16	5.14
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	6	5.14
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	17	5.14
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	5	5.14
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	6	5.14
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	11	5.14
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	11	5.14
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	11	5.14
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	4	5.14
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	19	5.14
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	15	5.14
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	15	5.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	11	5.13
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	17	5.13
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	5	5.13
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	2	5.13
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	19	5.13
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	19	5.13
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	19	5.13
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	2	5.13
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	16	5.13
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	15	5.13
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	18	5.12
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	18	5.12
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	15	5.12
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	15	5.12
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	15	5.12
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	16	5.12
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	16	5.12
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	16	5.12
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	1	5.12
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	3	5.12
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	8	5.12
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	10	5.12
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	8	5.12
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	20	5.12
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	16	5.12
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	19	5.12
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	7	5.12
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	8	5.12
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	18	5.12
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	20	5.12
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	20	5.11
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	20	5.11
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	20	5.11
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	3	5.11
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	7	5.11
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	10	5.11
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	14	5.11
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	14	5.11
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	14	5.11
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	2	5.11
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	2	5.11
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	2	5.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	17	5.11
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	17	5.11
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	7	5.1
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	7	5.1
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	7	5.1
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	12	5.1
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	12	5.1
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	12	5.1
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	13	5.1
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	13	5.1
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	13	5.1
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	6	5.1
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	9	5.1
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	8	5.1
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	8	5.1
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	8	5.1
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	17	5.1
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	17	5.1
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	17	5.1
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	17	5.1
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	17	5.1
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	17	5.1
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	14	5.1
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	13	5.1
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	13	5.1
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	13	5.1
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	6	5.1
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	11	5.1
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	13	5.1
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	2	5.1
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	2	5.1
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	2	5.1
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	13	5.1
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	1	5.1
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	1	5.1
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	1	5.1
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	17	5.1
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	17	5.1
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	17	5.1
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	7	5.1
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	7	5.09
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	12	5.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	16	5.09
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	17	5.09
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	12	5.09
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	14	5.09
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	16	5.09
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	1	5.09
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	1	5.09
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	1	5.09
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	6	5.09
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	6	5.09
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	6	5.09
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	17	5.09
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	10	5.09
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	5	5.09
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	5	5.09
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	5	5.09
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	8	5.09
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	8	5.09
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	8	5.09
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	9	5.09
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	9	5.09
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	9	5.09
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	12	5.09
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	1	5.09
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	1	5.09
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	4	5.09
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	4	5.09
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	1	5.08
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	2	5.08
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	5	5.08
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	15	5.08
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	18	5.08
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	19	5.08
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	19	5.08
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	19	5.08
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	19	5.08
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	19	5.08
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	19	5.08
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	19	5.08
(4,246)	1:129:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:H	18	5.08
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	7	5.08
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	7	5.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	7	5.08
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	12	5.08
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	12	5.08
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	12	5.08
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	3	5.08
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	16	5.08
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	16	5.08
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	8	5.07
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	13	5.07
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	14	5.07
(4,129)	1:29:A:ARG:HB2	1:36:A:LEU:H	9	5.07
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	3	5.07
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	3	5.07
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	3	5.07
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	3	5.07
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	7	5.07
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	7	5.07
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	6	5.06
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	6	5.06
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	6	5.06
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	2	5.06
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	10	5.06
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	2	5.06
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	19	5.06
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	5	5.06
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	10	5.06
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	10	5.06
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	18	5.06
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	18	5.06
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	7	5.05
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	7	5.05
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	3	5.05
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	4	5.05
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	10	5.05
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	14	5.05
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	14	5.05
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	14	5.05
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	10	5.05
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	15	5.05
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	19	5.05
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	16	5.05
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	20	5.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	2	5.05
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	2	5.05
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	18	5.05
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	18	5.05
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	18	5.05
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	3	5.05
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	3	5.05
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	3	5.05
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	12	5.05
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	12	5.05
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	12	5.05
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	14	5.05
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	6	5.05
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	12	5.05
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	12	5.05
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	19	5.05
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	19	5.05
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	14	5.04
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	14	5.04
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	11	5.04
(4,305)	1:119:A:GLY:HA3	1:118:A:ALA:H	20	5.04
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	7	5.04
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	7	5.04
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	7	5.04
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	5	5.04
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	5	5.04
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	5	5.04
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	9	5.04
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	9	5.04
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	9	5.04
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	15	5.04
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	15	5.04
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	15	5.04
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	14	5.04
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	15	5.04
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	15	5.04
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	15	5.04
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	8	5.04
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	11	5.04
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	16	5.04
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	19	5.04
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	19	5.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	19	5.04
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	2	5.04
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	9	5.03
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	9	5.03
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	9	5.03
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	3	5.03
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	3	5.03
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	3	5.03
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	9	5.03
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	9	5.03
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	9	5.03
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	15	5.03
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	20	5.03
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	11	5.03
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	11	5.03
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	11	5.03
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	13	5.03
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	3	5.03
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	16	5.03
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	6	5.03
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	6	5.03
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	2	5.02
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	3	5.02
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	3	5.02
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	6	5.02
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	6	5.02
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	9	5.02
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	10	5.02
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	1	5.02
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	1	5.02
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	1	5.02
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	3	5.02
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	3	5.02
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	3	5.02
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	7	5.02
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	7	5.02
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	7	5.02
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	6	5.01
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	6	5.01
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	6	5.01
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	11	5.01
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	11	5.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	11	5.01
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	11	5.01
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	9	5.01
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	9	5.01
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	9	5.01
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	4	5.01
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	4	5.01
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	4	5.01
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	13	5.01
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	13	5.01
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	13	5.01
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	4	5.01
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	5	5.01
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	6	5.01
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	12	5.01
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	15	5.01
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	20	5.01
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	8	5.01
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	8	5.01
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	8	5.01
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	9	5.01
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	9	5.01
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	1	5.0
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	1	5.0
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	6	5.0
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	6	5.0
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	6	5.0
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	3	5.0
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	17	5.0
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	18	5.0
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	5	5.0
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	5	5.0
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	5	5.0
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	10	5.0
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	10	5.0
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	10	5.0
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	17	5.0
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	3	4.99
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	3	4.99
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	3	4.99
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	5	4.99
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	5	4.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	5	4.99
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	13	4.99
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	13	4.99
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	13	4.99
(4,168)	1:216:A:ILE:HG12	1:217:A:ASN:H	9	4.99
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	18	4.99
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	11	4.99
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	14	4.98
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	14	4.98
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	14	4.98
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	19	4.98
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	19	4.98
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	19	4.98
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	20	4.98
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	20	4.98
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	20	4.98
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	11	4.98
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	11	4.98
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	11	4.98
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	19	4.98
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	19	4.98
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	19	4.98
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	7	4.98
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	7	4.98
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	7	4.98
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	8	4.98
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	8	4.98
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	8	4.98
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	13	4.98
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	13	4.98
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	13	4.98
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	9	4.98
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	8	4.98
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	1	4.98
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	19	4.98
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	11	4.98
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	11	4.98
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	11	4.98
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	20	4.98
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	20	4.98
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	20	4.98
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	2	4.97

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	2	4.97
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	2	4.97
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	4	4.97
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	4	4.97
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	4	4.97
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	10	4.97
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	10	4.97
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	10	4.97
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	20	4.97
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	20	4.97
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	20	4.97
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	12	4.97
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	9	4.97
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	9	4.97
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	9	4.97
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	15	4.97
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	1	4.96
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	1	4.96
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	1	4.96
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	11	4.96
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	11	4.96
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	11	4.96
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	6	4.96
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	6	4.96
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	6	4.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	4	4.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	4	4.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	4	4.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	4	4.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	4	4.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	4	4.96
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	15	4.96
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	17	4.96
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	17	4.96
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	17	4.96
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	10	4.96
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	10	4.96
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	10	4.96
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	12	4.96
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	12	4.96
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	12	4.96
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	6	4.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	6	4.96
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	6	4.96
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	15	4.96
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	15	4.96
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	15	4.96
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	10	4.96
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	10	4.96
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	3	4.96
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	3	4.96
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	8	4.95
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	8	4.95
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	8	4.95
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	9	4.95
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	9	4.95
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	9	4.95
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	15	4.95
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	15	4.95
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	15	4.95
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	7	4.95
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	7	4.95
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	7	4.95
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	12	4.95
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	12	4.95
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	12	4.95
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	14	4.95
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	14	4.95
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	14	4.95
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	15	4.95
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	13	4.95
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	13	4.95
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	13	4.95
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	16	4.95
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	16	4.95
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	16	4.95
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	5	4.95
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	5	4.95
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	15	4.94
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	15	4.94
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	15	4.94
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	19	4.94
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	19	4.94
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	19	4.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	20	4.94
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	20	4.94
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	20	4.94
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	6	4.94
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	6	4.94
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	6	4.94
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	17	4.94
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	7	4.94
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	4	4.94
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	10	4.94
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	10	4.94
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	10	4.94
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	16	4.94
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	16	4.94
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	16	4.94
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	2	4.94
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	3	4.94
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	3	4.94
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	3	4.94
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	14	4.94
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	14	4.94
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	14	4.94
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	10	4.93
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	10	4.93
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	3	4.93
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	3	4.93
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	3	4.93
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	10	4.93
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	10	4.93
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	10	4.93
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	19	4.93
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	19	4.93
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	19	4.93
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	9	4.93
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	13	4.93
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	13	4.93
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	13	4.93
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	17	4.93
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	17	4.93
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	17	4.93
(4,51)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	7	4.93
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	10	4.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	10	4.93
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	10	4.93
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	16	4.93
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	16	4.93
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	16	4.93
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	4	4.93
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	4	4.93
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	4	4.93
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	16	4.92
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	16	4.92
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	14	4.92
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	14	4.92
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	14	4.92
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	20	4.92
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	20	4.92
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	20	4.92
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	12	4.92
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	12	4.92
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	12	4.92
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	8	4.92
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	8	4.92
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	8	4.92
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	6	4.92
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	19	4.92
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	5	4.92
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	5	4.92
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	5	4.92
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	6	4.92
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	6	4.92
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	6	4.92
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	14	4.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	1	4.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	1	4.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	1	4.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	19	4.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	19	4.92
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	19	4.92
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	14	4.92
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	14	4.92
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	14	4.92
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	2	4.91
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	2	4.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	19	4.91
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	19	4.91
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	16	4.91
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	16	4.91
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	2	4.91
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	2	4.91
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	2	4.91
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	12	4.91
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	12	4.91
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	12	4.91
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	17	4.91
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	17	4.91
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	17	4.91
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	1	4.91
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	1	4.91
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	1	4.91
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	2	4.91
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	11	4.91
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	4	4.91
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	4	4.91
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	4	4.91
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	11	4.91
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	11	4.91
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	11	4.91
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	15	4.91
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	15	4.91
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	15	4.91
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	17	4.91
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	17	4.91
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	17	4.91
(4,28)	1:170:A:GLN:H	1:179:A:PHE:HZ	5	4.91
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	14	4.91
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	13	4.9
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	13	4.9
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	10	4.9
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	10	4.9
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	10	4.9
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	6	4.9
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	9	4.9
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	16	4.9
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	16	4.9
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	16	4.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	18	4.9
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	5	4.9
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	7	4.9
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	7	4.9
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	7	4.9
(4,32)	1:132:A:LEU:HD11	1:130:A:PRO:HA	2	4.9
(4,32)	1:132:A:LEU:HD12	1:130:A:PRO:HA	2	4.9
(4,32)	1:132:A:LEU:HD13	1:130:A:PRO:HA	2	4.9
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	4	4.89
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	4	4.89
(4,253)	1:36:A:LEU:HD21	1:241:A:PRO:HD3	9	4.89
(4,253)	1:36:A:LEU:HD22	1:241:A:PRO:HD3	9	4.89
(4,253)	1:36:A:LEU:HD23	1:241:A:PRO:HD3	9	4.89
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	16	4.89
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	16	4.89
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	16	4.89
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	1	4.89
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	1	4.89
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	1	4.89
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	2	4.89
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	2	4.89
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	2	4.89
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	17	4.89
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	18	4.89
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	6	4.89
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	6	4.89
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	6	4.89
(4,19)	1:124:A:ASN:HD21	1:123:A:GLU:HB2	13	4.89
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	19	4.88
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	15	4.88
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	15	4.88
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	2	4.88
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	4	4.88
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	4	4.88
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	4	4.88
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	13	4.88
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	13	4.88
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	13	4.88
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE1	18	4.88
(4,160)	1:129:A:LEU:H	1:179:A:PHE:HE2	18	4.88
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	19	4.88
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	19	4.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	19	4.88
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	9	4.88
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	9	4.88
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	9	4.88
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	13	4.88
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	13	4.88
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	13	4.88
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	20	4.88
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	20	4.88
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	20	4.88
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	15	4.87
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	15	4.87
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	18	4.87
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	18	4.87
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	18	4.87
(4,216)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HE22	3	4.87
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	5	4.87
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	18	4.87
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	15	4.87
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	15	4.87
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	15	4.87
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	18	4.87
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	16	4.87
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	17	4.87
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	9	4.87
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	9	4.87
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	9	4.87
(4,318)	1:105:A:LEU:HD21	1:109:A:GLY:HA2	5	4.86
(4,318)	1:105:A:LEU:HD22	1:109:A:GLY:HA2	5	4.86
(4,318)	1:105:A:LEU:HD23	1:109:A:GLY:HA2	5	4.86
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	12	4.86
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	12	4.86
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	12	4.86
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	16	4.86
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	1	4.86
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	8	4.86
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	3	4.86
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	3	4.86
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	3	4.86
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	14	4.86
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	2	4.86
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	9	4.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	20	4.86
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	5	4.86
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	5	4.86
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	5	4.86
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	6	4.85
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	15	4.85
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	15	4.85
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	15	4.85
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	15	4.85
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	15	4.85
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	15	4.85
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	3	4.85
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	4	4.85
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	5	4.85
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	11	4.85
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	9	4.84
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	16	4.84
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	16	4.84
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	16	4.84
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	2	4.84
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	2	4.84
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	2	4.84
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	2	4.84
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	2	4.84
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	2	4.84
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	10	4.84
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	10	4.84
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	10	4.84
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	20	4.84
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	20	4.84
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	20	4.84
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB1	6	4.84
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB2	6	4.84
(4,232)	1:192:A:TRP:H	1:194:A:ALA:HB3	6	4.84
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	17	4.84
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	15	4.84
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG21	5	4.84
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG22	5	4.84
(4,110)	1:34:A:ILE:H	1:237:A:ILE:HG23	5	4.84
(4,45)	1:105:A:LEU:HD11	1:81:A:TYR:H	8	4.84
(4,45)	1:105:A:LEU:HD12	1:81:A:TYR:H	8	4.84
(4,45)	1:105:A:LEU:HD13	1:81:A:TYR:H	8	4.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	13	4.83
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	8	4.83
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	8	4.83
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	8	4.83
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	9	4.83
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	9	4.83
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	9	4.83
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	14	4.83
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	14	4.83
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	14	4.83
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	14	4.83
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	16	4.83
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	20	4.83
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	5	4.83
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	3	4.83
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	4	4.83
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	16	4.83
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	10	4.83
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	4	4.82
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	4	4.82
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	4	4.82
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	11	4.82
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	11	4.82
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	11	4.82
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	12	4.82
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	2	4.82
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	14	4.82
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	17	4.81
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	17	4.81
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	13	4.81
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	19	4.81
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	16	4.81
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG21	8	4.81
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG22	8	4.81
(4,134)	1:138:A:THR:H	1:136:A:ILE:HG23	8	4.81
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	10	4.81
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	4	4.81
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	5	4.81
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	17	4.81
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	4	4.81
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	7	4.8
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	7	4.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	1	4.8
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	9	4.8
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	11	4.8
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	2	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	2	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	2	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	4	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	4	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	4	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	8	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	8	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	8	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	18	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	18	4.79
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	18	4.79
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	12	4.79
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	19	4.79
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	2	4.79
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	2	4.79
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	2	4.79
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	2	4.79
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	10	4.79
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	10	4.79
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	10	4.79
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	4	4.79
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	16	4.79
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	6	4.79
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	4	4.78
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	7	4.78
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	11	4.78
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	11	4.78
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	5	4.78
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	5	4.78
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	5	4.78
(4,149)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:HA	10	4.78
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	3	4.78
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	20	4.78
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	18	4.78
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	18	4.78
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	18	4.78
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	13	4.78
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	3	4.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	15	4.78
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	7	4.77
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	1	4.77
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	1	4.77
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	1	4.77
(4,278)	1:178:A:THR:HG21	1:129:A:LEU:HB2	7	4.77
(4,278)	1:178:A:THR:HG22	1:129:A:LEU:HB2	7	4.77
(4,278)	1:178:A:THR:HG23	1:129:A:LEU:HB2	7	4.77
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	3	4.77
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	3	4.77
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	3	4.77
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	20	4.77
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	20	4.77
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	20	4.77
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	2	4.77
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	9	4.77
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	16	4.77
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	9	4.77
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	16	4.77
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	11	4.77
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	19	4.77
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	1	4.77
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	13	4.77
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	9	4.76
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	6	4.76
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	8	4.76
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	14	4.76
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	7	4.76
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	8	4.76
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	20	4.76
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	7	4.76
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	8	4.76
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	11	4.75
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	11	4.75
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	6	4.75
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	12	4.75
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	14	4.75
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	15	4.75
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	15	4.75
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	15	4.75
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	19	4.75
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	9	4.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	6	4.74
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	12	4.74
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	12	4.74
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	12	4.74
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	3	4.74
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	5	4.74
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	5	4.74
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	5	4.74
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	12	4.74
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	12	4.74
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	12	4.74
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	15	4.74
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	5	4.73
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	4	4.73
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	4	4.73
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	12	4.73
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	15	4.73
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	16	4.73
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	11	4.73
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	14	4.73
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	14	4.73
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	14	4.73
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	7	4.73
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	2	4.73
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	2	4.73
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	2	4.73
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	14	4.73
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	14	4.73
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	14	4.73
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	20	4.73
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	12	4.72
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	14	4.72
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	2	4.72
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	7	4.72
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	17	4.72
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	19	4.72
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	5	4.72
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	4	4.72
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	4	4.72
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	4	4.72
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	11	4.72
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	11	4.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	11	4.72
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	1	4.72
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	1	4.71
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	5	4.71
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	8	4.71
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	10	4.71
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	18	4.71
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	20	4.71
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	7	4.71
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	7	4.71
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	7	4.71
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	17	4.71
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	1	4.71
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	8	4.71
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	6	4.71
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	13	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	3	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	3	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	3	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	6	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	6	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	6	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	7	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	7	4.71
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	7	4.71
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	1	4.71
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	17	4.71
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	10	4.71
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	15	4.71
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	18	4.71
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	17	4.7
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	13	4.7
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	14	4.7
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	1	4.7
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	1	4.7
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	1	4.7
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	8	4.7
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD11	17	4.7
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD12	17	4.7
(4,240)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD13	17	4.7
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	6	4.7
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	6	4.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	6	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	8	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	8	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	8	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	9	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	9	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	9	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	13	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	13	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	13	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	16	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	16	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	16	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	17	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	17	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	17	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	20	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	20	4.7
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	20	4.7
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	3	4.7
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	12	4.7
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	19	4.7
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	16	4.69
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	5	4.69
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	5	4.69
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	3	4.69
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	4	4.69
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	11	4.69
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	13	4.69
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	6	4.69
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	12	4.69
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	9	4.68
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	9	4.68
(4,300)	1:119:A:GLY:HA2	1:118:A:ALA:H	20	4.68
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD11	17	4.68
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD12	17	4.68
(4,289)	1:42:A:PRO:HD3	1:41:A:LEU:HD13	17	4.68
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	6	4.68
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	12	4.68
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	10	4.68
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	1	4.68
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	1	4.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	1	4.68
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	9	4.68
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	19	4.67
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB1	19	4.67
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB2	19	4.67
(4,75)	1:138:A:THR:H	1:135:A:ALA:HB3	19	4.67
(4,67)	1:16:A:VAL:H	1:19:A:SER:HB2	5	4.67
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	20	4.66
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	2	4.66
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	12	4.66
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	14	4.66
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	15	4.66
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	17	4.66
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	17	4.66
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	17	4.66
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	12	4.65
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	12	4.65
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	10	4.65
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	17	4.65
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	17	4.65
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	17	4.65
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	17	4.65
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	6	4.64
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	6	4.64
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	7	4.64
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	6	4.64
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	13	4.64
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	15	4.64
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	5	4.64
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	6	4.64
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	18	4.64
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	18	4.64
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	18	4.64
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	11	4.63
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	10	4.63
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	10	4.63
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	10	4.63
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	3	4.63
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	11	4.63
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	4	4.63
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	19	4.63
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	1	4.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	20	4.63
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	6	4.63
(4,57)	1:155:A:ILE:HB	1:154:A:LEU:H	7	4.63
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	15	4.62
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	8	4.62
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	8	4.62
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	20	4.62
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	20	4.62
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	4	4.62
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	15	4.62
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	15	4.62
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	15	4.62
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	19	4.62
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	19	4.62
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	19	4.62
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	8	4.62
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	8	4.62
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	11	4.62
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	11	4.62
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	11	4.62
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	1	4.62
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	2	4.62
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	7	4.62
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	8	4.62
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	10	4.62
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	15	4.62
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	16	4.62
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	18	4.62
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	20	4.62
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	5	4.62
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	6	4.62
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	7	4.62
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	10	4.62
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	20	4.62
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	4	4.62
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	11	4.62
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	15	4.62
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	3	4.62
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	13	4.61
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	17	4.61
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	17	4.61
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	17	4.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	8	4.61
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	8	4.61
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	8	4.61
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	4	4.61
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	8	4.61
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	8	4.61
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	8	4.61
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	5	4.61
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	5	4.61
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	5	4.61
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	4	4.61
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	9	4.61
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	1	4.6
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	1	4.6
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	1	4.6
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	13	4.6
(4,115)	1:74:A:TYR:H	1:62:A:VAL:HA	9	4.6
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	10	4.59
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	5	4.59
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	5	4.59
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	17	4.59
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	17	4.59
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	2	4.59
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	2	4.59
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	2	4.59
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	20	4.59
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	20	4.59
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	20	4.59
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	5	4.59
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	5	4.59
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	5	4.59
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	9	4.59
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	9	4.59
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	9	4.59
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	16	4.59
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	16	4.59
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	16	4.59
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	7	4.59
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	16	4.59
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	1	4.59
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	20	4.59
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	7	4.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	12	4.58
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	12	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	3	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	3	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	3	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	9	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	9	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	9	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	10	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	10	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	10	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	18	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	18	4.58
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	18	4.58
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	10	4.58
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	7	4.58
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	7	4.58
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	7	4.58
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	17	4.58
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	20	4.58
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	20	4.58
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	20	4.58
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	4	4.58
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	4	4.58
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	4	4.58
(4,323)	1:140:A:PHE:HD1	1:59:A:THR:H	9	4.57
(4,323)	1:140:A:PHE:HD2	1:59:A:THR:H	9	4.57
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	17	4.57
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	9	4.57
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	5	4.57
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	5	4.57
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	5	4.57
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	14	4.57
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	14	4.57
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	14	4.57
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	4	4.57
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	4	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	2	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	2	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	2	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	4	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	4	4.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	4	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	13	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	13	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	13	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	15	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	15	4.57
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	15	4.57
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	2	4.57
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	13	4.57
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	20	4.57
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	1	4.56
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	12	4.56
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	14	4.56
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	1	4.55
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	20	4.55
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	20	4.55
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	12	4.55
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	7	4.55
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	7	4.55
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	7	4.55
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	16	4.55
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	16	4.55
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	16	4.55
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	6	4.55
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	6	4.55
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	6	4.55
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	4	4.55
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	1	4.55
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	1	4.55
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	1	4.55
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	13	4.55
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	13	4.55
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	13	4.55
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	19	4.55
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	19	4.55
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	19	4.55
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	17	4.55
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	8	4.55
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	6	4.54
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	6	4.54
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	6	4.54
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	11	4.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	11	4.54
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	11	4.54
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	3	4.54
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	3	4.54
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	3	4.54
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	18	4.54
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	18	4.54
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	18	4.54
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	11	4.54
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	3	4.54
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	3	4.54
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	3	4.54
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	3	4.54
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	9	4.54
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	1	4.53
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	1	4.53
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	13	4.53
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	13	4.53
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	13	4.53
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	1	4.53
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	1	4.53
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	1	4.53
(4,102)	1:156:A:GLN:HA	1:159:A:SER:H	19	4.53
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	12	4.53
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	7	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	8	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	8	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	8	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	15	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	15	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	15	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	16	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	16	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	16	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	17	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	17	4.53
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	17	4.53
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	3	4.52
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	3	4.52
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	10	4.52
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	10	4.52
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	18	4.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	6	4.52
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	6	4.52
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	14	4.52
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	14	4.52
(4,146)	1:124:A:ASN:HD22	1:123:A:GLU:HB2	14	4.52
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	19	4.52
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	19	4.52
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	19	4.52
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	20	4.52
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	20	4.52
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	20	4.52
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	11	4.52
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	11	4.52
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	11	4.52
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	11	4.52
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	14	4.52
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	14	4.52
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	14	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	1	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	1	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	1	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	11	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	11	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	11	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	14	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	14	4.52
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	14	4.52
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	3	4.52
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	17	4.52
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	5	4.51
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	6	4.51
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	4	4.51
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	4	4.51
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	4	4.51
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	8	4.51
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	8	4.51
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	8	4.51
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	20	4.51
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG21	19	4.51
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG22	19	4.51
(4,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HG23	19	4.51
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	9	4.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	9	4.51
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	9	4.51
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	7	4.51
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	3	4.5
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB1	12	4.5
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB2	12	4.5
(4,266)	1:187:A:SER:H	1:184:A:ALA:HB3	12	4.5
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	16	4.5
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	19	4.5
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	18	4.5
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	12	4.5
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	12	4.5
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	12	4.5
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	10	4.5
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	10	4.5
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	10	4.5
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	18	4.5
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	18	4.5
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	18	4.5
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	1	4.5
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	2	4.49
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	2	4.49
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	13	4.49
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	1	4.49
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	1	4.49
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	1	4.49
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	15	4.49
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	9	4.49
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	9	4.49
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	9	4.49
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	6	4.49
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	7	4.49
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	13	4.49
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	3	4.48
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	12	4.48
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	10	4.48
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	20	4.48
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	3	4.48
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	3	4.48
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	3	4.48
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	13	4.48
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	5	4.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	16	4.48
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	15	4.48
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	16	4.48
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	20	4.48
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	8	4.47
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	8	4.47
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	17	4.47
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	2	4.47
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	4	4.47
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	13	4.47
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	8	4.47
(4,85)	1:91:A:ALA:H	1:88:A:ALA:H	19	4.47
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	2	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	2	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	2	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	2	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	7	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	7	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	7	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	12	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	12	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	12	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	20	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	20	4.47
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	20	4.47
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	18	4.47
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	19	4.47
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	2	4.46
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	13	4.46
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	11	4.46
(4,109)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HD3	17	4.46
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	7	4.46
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	7	4.46
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	7	4.46
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	8	4.46
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	8	4.46
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	8	4.46
(4,87)	1:10:A:THR:H	1:13:A:SER:HA	1	4.46
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	1	4.46
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	1	4.45
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	1	4.45
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	1	4.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	15	4.45
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	19	4.45
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	17	4.45
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	17	4.45
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	17	4.45
(4,72)	1:118:A:ALA:HB1	1:115:A:GLN:H	6	4.45
(4,72)	1:118:A:ALA:HB2	1:115:A:GLN:H	6	4.45
(4,72)	1:118:A:ALA:HB3	1:115:A:GLN:H	6	4.45
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	7	4.44
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	7	4.44
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	3	4.44
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	3	4.44
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	3	4.44
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	15	4.44
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	15	4.44
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	15	4.44
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	5	4.44
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	14	4.44
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	16	4.44
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	18	4.44
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	11	4.44
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	11	4.44
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	11	4.44
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	15	4.44
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	16	4.44
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	10	4.44
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	18	4.43
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	9	4.43
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	9	4.43
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	9	4.43
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	2	4.43
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	2	4.43
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	2	4.43
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	1	4.43
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	3	4.43
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	6	4.43
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	6	4.43
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	6	4.43
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	14	4.43
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	19	4.42
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	19	4.42
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	4	4.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	4	4.42
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	4	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	2	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	2	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	2	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	4	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	4	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	4	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	6	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	6	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	6	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	7	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	7	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	7	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	8	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	8	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	8	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	10	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	10	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	10	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	11	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	11	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	11	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	14	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	14	4.42
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	14	4.42
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	7	4.42
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	8	4.42
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	9	4.42
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	17	4.42
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	15	4.42
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	15	4.42
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	15	4.42
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	8	4.42
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	11	4.42
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	17	4.41
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	17	4.41
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	5	4.41
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	5	4.41
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	5	4.41
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	6	4.41
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	6	4.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	6	4.41
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	6	4.41
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	6	4.41
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	6	4.41
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	16	4.41
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	16	4.41
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	16	4.41
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	5	4.41
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	4	4.41
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	4	4.41
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	4	4.41
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	4	4.41
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	9	4.41
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	10	4.4
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	10	4.4
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	10	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	16	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	16	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	16	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	17	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	17	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	17	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	19	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	19	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	19	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	20	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	20	4.4
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	20	4.4
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	8	4.4
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	8	4.4
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	8	4.4
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	4	4.4
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	4	4.4
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	4	4.4
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	12	4.4
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	10	4.4
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	10	4.4
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	10	4.4
(4,331)	1:6:A:LEU:H	1:52:A:LEU:HG	8	4.39
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	10	4.39
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	1	4.39
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	9	4.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	18	4.39
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	12	4.39
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	12	4.39
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	12	4.39
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	10	4.39
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	12	4.39
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	12	4.39
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	12	4.39
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	11	4.39
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	19	4.39
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	13	4.39
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	13	4.39
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	13	4.39
(4,61)	1:75:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:HB3	14	4.39
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	5	4.39
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	10	4.39
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	14	4.39
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	13	4.38
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	13	4.38
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	13	4.38
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	13	4.38
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	12	4.38
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	13	4.38
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	13	4.38
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	13	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	6	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	6	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	6	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	11	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	11	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	11	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	14	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	14	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	14	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	17	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	17	4.38
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	17	4.38
(4,174)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:H	6	4.38
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	10	4.38
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	10	4.38
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	10	4.38
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	3	4.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	8	4.38
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	19	4.37
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	3	4.37
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	3	4.37
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	3	4.37
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	3	4.37
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	12	4.37
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	12	4.37
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	12	4.37
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	15	4.37
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	15	4.37
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	15	4.37
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	10	4.37
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	10	4.37
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	10	4.37
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	11	4.37
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	11	4.37
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	11	4.37
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	16	4.37
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	16	4.37
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	16	4.37
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	14	4.37
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	5	4.37
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	5	4.37
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	5	4.37
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	2	4.37
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	12	4.37
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	15	4.36
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	17	4.36
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	11	4.36
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	11	4.36
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	11	4.36
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	12	4.36
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	12	4.36
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	4	4.36
(4,213)	1:18:A:ILE:HD11	1:21:A:LEU:H	18	4.36
(4,213)	1:18:A:ILE:HD12	1:21:A:LEU:H	18	4.36
(4,213)	1:18:A:ILE:HD13	1:21:A:LEU:H	18	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	1	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	1	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	1	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	2	4.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	2	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	2	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	4	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	4	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	4	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	5	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	5	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	5	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	10	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	10	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	10	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	16	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	16	4.36
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	16	4.36
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	14	4.36
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	14	4.36
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	14	4.36
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	20	4.36
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	20	4.36
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	20	4.36
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	9	4.36
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	9	4.36
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	9	4.36
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	4	4.36
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	7	4.36
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	7	4.36
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	7	4.36
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	19	4.36
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	19	4.36
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	19	4.36
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	12	4.36
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	11	4.36
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	20	4.35
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	20	4.35
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	20	4.35
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	2	4.35
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	2	4.35
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	9	4.35
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	9	4.35
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	7	4.35
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	7	4.35
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	7	4.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	9	4.35
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	9	4.35
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	9	4.35
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	3	4.35
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	3	4.35
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	3	4.35
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	15	4.35
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	15	4.35
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	15	4.35
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	5	4.35
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	5	4.35
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	5	4.35
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	16	4.35
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	16	4.35
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	16	4.35
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	16	4.35
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	16	4.35
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	16	4.35
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	18	4.34
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	18	4.34
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	15	4.34
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	15	4.34
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	15	4.34
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	8	4.34
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	20	4.34
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	8	4.34
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	8	4.34
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	8	4.34
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	19	4.34
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	19	4.34
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	19	4.34
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	20	4.34
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	20	4.34
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	20	4.34
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	16	4.34
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	16	4.34
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	16	4.34
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	19	4.34
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	19	4.34
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	19	4.34
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	18	4.34
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	18	4.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	18	4.34
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	5	4.34
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	5	4.34
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	5	4.34
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	4	4.33
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	5	4.33
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	13	4.33
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	13	4.33
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	13	4.33
(4,203)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	18	4.33
(4,203)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	18	4.33
(4,203)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	18	4.33
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	7	4.33
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	7	4.33
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	7	4.33
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	13	4.33
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	13	4.33
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	13	4.33
(4,316)	1:94:A:TYR:HE1	1:91:A:ALA:H	14	4.32
(4,316)	1:94:A:TYR:HE2	1:91:A:ALA:H	14	4.32
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	13	4.32
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	9	4.32
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	9	4.32
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	9	4.32
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	13	4.32
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	13	4.32
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	13	4.32
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	15	4.32
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	15	4.32
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	15	4.32
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	19	4.32
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	11	4.31
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	11	4.31
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	11	4.31
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	1	4.31
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	3	4.31
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	3	4.31
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	2	4.31
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	14	4.31
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	14	4.31
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	14	4.31
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	18	4.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	18	4.31
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	18	4.31
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	3	4.31
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	14	4.31
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	14	4.31
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	14	4.31
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	13	4.3
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	13	4.3
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	13	4.3
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	11	4.3
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	19	4.3
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	5	4.3
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	5	4.3
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	5	4.3
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	18	4.3
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	5	4.3
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	18	4.3
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	8	4.3
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	6	4.29
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	4	4.29
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	4	4.29
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	4	4.29
(4,205)	1:222:A:ARG:HG3	1:223:A:VAL:H	10	4.28
(4,95)	1:10:A:THR:HG21	1:9:A:ALA:H	2	4.28
(4,95)	1:10:A:THR:HG22	1:9:A:ALA:H	2	4.28
(4,95)	1:10:A:THR:HG23	1:9:A:ALA:H	2	4.28
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	15	4.28
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	15	4.28
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	15	4.28
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	14	4.27
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	14	4.27
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	14	4.27
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	7	4.27
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	4	4.26
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	4	4.26
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	4	4.26
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	1	4.26
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	1	4.26
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	20	4.26
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	20	4.26
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	5	4.26
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	5	4.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	5	4.26
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	12	4.26
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	12	4.26
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	12	4.26
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	1	4.26
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	9	4.26
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	6	4.26
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	6	4.26
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	6	4.26
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	2	4.26
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	7	4.25
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	7	4.25
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	7	4.25
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	16	4.25
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	1	4.25
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	1	4.25
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	1	4.25
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD21	3	4.25
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD22	3	4.25
(4,77)	1:48:A:ALA:H	1:25:A:LEU:HD23	3	4.25
(4,291)	1:182:A:SER:H	1:179:A:PHE:HZ	14	4.24
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	15	4.24
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	3	4.23
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	3	4.23
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	3	4.23
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	14	4.23
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	14	4.23
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	14	4.23
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	19	4.23
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	19	4.23
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	19	4.23
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	2	4.23
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	2	4.23
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	2	4.23
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	9	4.23
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	8	4.22
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	8	4.22
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	16	4.22
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	16	4.22
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	10	4.22
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	4	4.22
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	4	4.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	4	4.22
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	6	4.22
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	6	4.22
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	6	4.22
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	16	4.22
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	16	4.22
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	16	4.22
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	8	4.22
(4,267)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG13	20	4.21
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	12	4.21
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	18	4.21
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	18	4.21
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	8	4.21
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	8	4.21
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	8	4.21
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	6	4.2
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	6	4.2
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	6	4.2
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	18	4.2
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	18	4.2
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	18	4.2
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	11	4.2
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	11	4.2
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	11	4.2
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	14	4.2
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	14	4.2
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	14	4.2
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	13	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	1	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	1	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	1	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	7	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	7	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	7	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	9	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	9	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	9	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	13	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	13	4.2
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	13	4.2
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	5	4.19
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	5	4.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	5	4.19
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	7	4.19
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	7	4.19
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	7	4.19
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	17	4.19
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	17	4.19
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	17	4.19
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	14	4.19
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	14	4.19
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	14	4.19
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	9	4.18
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	9	4.18
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	9	4.18
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	11	4.18
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	11	4.18
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	11	4.18
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	13	4.18
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	7	4.18
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	7	4.18
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	7	4.18
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	6	4.17
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	6	4.17
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	6	4.17
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	15	4.17
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	15	4.17
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	15	4.17
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	3	4.17
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	3	4.17
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	3	4.17
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	15	4.17
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	15	4.17
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	15	4.17
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	19	4.17
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	19	4.17
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	19	4.17
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	10	4.16
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	10	4.16
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	10	4.16
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	16	4.16
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	16	4.16
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	16	4.16
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	8	4.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	8	4.16
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	8	4.16
(4,180)	1:132:A:LEU:HD21	1:158:A:THR:H	17	4.16
(4,180)	1:132:A:LEU:HD22	1:158:A:THR:H	17	4.16
(4,180)	1:132:A:LEU:HD23	1:158:A:THR:H	17	4.16
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	2	4.16
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	8	4.16
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	8	4.16
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	2	4.16
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	2	4.16
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	2	4.16
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	4	4.15
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	15	4.15
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	18	4.15
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	18	4.15
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	18	4.15
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	20	4.15
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	20	4.15
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	20	4.15
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	10	4.15
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	10	4.15
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	10	4.15
(4,65)	1:43:A:GLY:HA2	1:46:A:ARG:HG2	6	4.15
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	5	4.14
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	5	4.14
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	19	4.14
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	19	4.14
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	20	4.14
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	5	4.14
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	5	4.14
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	5	4.14
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	5	4.13
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	5	4.13
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	5	4.13
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	17	4.13
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	17	4.13
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	17	4.13
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	9	4.13
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	9	4.13
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	9	4.13
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	15	4.13
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	15	4.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	15	4.13
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	12	4.13
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	12	4.13
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	12	4.13
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	6	4.13
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	20	4.13
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	20	4.13
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	20	4.13
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	12	4.13
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	2	4.13
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	2	4.13
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	2	4.13
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	7	4.13
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	7	4.13
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	7	4.13
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	11	4.12
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	11	4.12
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	11	4.12
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	18	4.12
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	15	4.12
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	16	4.12
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	16	4.12
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	16	4.12
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	6	4.11
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	8	4.11
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	8	4.11
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	8	4.11
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	10	4.11
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	10	4.11
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	8	4.11
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	8	4.11
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	8	4.11
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	5	4.11
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	20	4.11
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	20	4.11
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	20	4.11
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	8	4.11
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	18	4.11
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	12	4.1
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	12	4.1
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	12	4.1
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	2	4.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	2	4.1
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	2	4.1
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	13	4.1
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	13	4.1
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	13	4.1
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	3	4.1
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	3	4.1
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	3	4.1
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	19	4.1
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	18	4.1
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	18	4.1
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	18	4.1
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	20	4.1
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	20	4.1
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	20	4.1
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	16	4.09
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	16	4.09
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	16	4.09
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	16	4.09
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	16	4.09
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	16	4.09
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	15	4.09
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	15	4.09
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	1	4.09
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	1	4.09
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	1	4.09
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	12	4.09
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	12	4.09
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	12	4.09
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	10	4.09
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	10	4.09
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	10	4.09
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	3	4.09
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	7	4.09
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	18	4.09
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	18	4.09
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	18	4.09
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	11	4.09
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	11	4.09
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	15	4.09
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	15	4.09
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	15	4.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	20	4.09
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	20	4.09
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	20	4.09
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	19	4.08
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	2	4.08
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	2	4.08
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	2	4.08
(4,234)	1:179:A:PHE:HE1	1:171:A:ILE:H	11	4.08
(4,234)	1:179:A:PHE:HE2	1:171:A:ILE:H	11	4.08
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	4	4.08
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	4	4.08
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	4	4.08
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	12	4.08
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	6	4.08
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	6	4.08
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	6	4.08
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	13	4.08
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	13	4.08
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	13	4.08
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	5	4.08
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	16	4.08
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	17	4.08
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	3	4.08
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	3	4.08
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	3	4.08
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	13	4.08
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	13	4.08
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	13	4.08
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	8	4.08
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	8	4.08
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	8	4.08
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	13	4.07
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	18	4.07
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	18	4.07
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	18	4.07
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	12	4.07
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	6	4.07
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	11	4.07
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	11	4.07
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	11	4.07
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	14	4.07
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	14	4.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	14	4.07
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	19	4.06
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	9	4.06
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	9	4.06
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	11	4.06
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	4	4.06
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	4	4.06
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	4	4.06
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	14	4.06
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	14	4.06
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	17	4.05
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	17	4.05
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	17	4.05
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	6	4.05
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	7	4.05
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	10	4.05
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	2	4.05
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	1	4.05
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	14	4.05
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	15	4.05
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	2	4.05
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	1	4.05
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	1	4.05
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	1	4.05
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	15	4.05
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	15	4.05
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	15	4.05
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	10	4.05
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	10	4.05
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	10	4.05
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	19	4.05
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	19	4.05
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	19	4.05
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	15	4.05
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	15	4.05
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	15	4.05
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	18	4.04
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	18	4.04
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	18	4.04
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	18	4.04
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	18	4.04
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	18	4.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	9	4.04
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	16	4.04
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	16	4.04
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	16	4.04
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	14	4.04
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	13	4.04
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	13	4.04
(4,78)	1:64:A:ILE:HG21	1:48:A:ALA:H	5	4.04
(4,78)	1:64:A:ILE:HG22	1:48:A:ALA:H	5	4.04
(4,78)	1:64:A:ILE:HG23	1:48:A:ALA:H	5	4.04
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	10	4.04
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	17	4.04
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	17	4.04
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	17	4.04
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	12	4.03
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	12	4.03
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	12	4.03
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	12	4.03
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	12	4.03
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	12	4.03
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	20	4.03
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	11	4.03
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	3	4.03
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	3	4.03
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	12	4.03
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	12	4.03
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	9	4.03
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	9	4.03
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	9	4.03
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	11	4.03
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	11	4.03
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	11	4.03
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	10	4.03
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	10	4.03
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	10	4.03
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	13	4.03
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	13	4.03
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	13	4.03
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	19	4.03
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	19	4.03
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	19	4.03
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	4	4.02

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	15	4.02
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	1	4.02
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	1	4.02
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	1	4.02
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	13	4.02
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	13	4.02
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	13	4.02
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	18	4.02
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	18	4.02
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	6	4.02
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	6	4.02
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	6	4.02
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	10	4.01
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	10	4.01
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	10	4.01
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	10	4.01
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	10	4.01
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	10	4.01
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	1	4.01
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	19	4.01
(4,84)	1:88:A:ALA:H	1:85:A:GLU:H	17	4.01
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	14	4.01
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	10	4.01
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	10	4.01
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	10	4.01
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	8	4.01
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	8	4.01
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	8	4.01
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	11	4.01
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	11	4.01
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	11	4.01
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	3	4.0
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	3	4.0
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	3	4.0
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	3	4.0
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	3	4.0
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	3	4.0
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	2	4.0
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	8	4.0
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	2	4.0
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	8	4.0
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	16	4.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	17	4.0
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	16	4.0
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	11	4.0
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	3	4.0
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	3	4.0
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	3	4.0
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	12	4.0
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	12	4.0
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	12	4.0
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	18	3.99
(4,251)	1:118:A:ALA:HB1	1:148:A:ALA:H	1	3.99
(4,251)	1:118:A:ALA:HB2	1:148:A:ALA:H	1	3.99
(4,251)	1:118:A:ALA:HB3	1:148:A:ALA:H	1	3.99
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	15	3.99
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	15	3.99
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	19	3.99
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	19	3.99
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	10	3.99
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	20	3.99
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	15	3.99
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	17	3.99
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	17	3.99
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	17	3.99
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	17	3.99
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	1	3.99
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	1	3.99
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	1	3.99
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	2	3.99
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	2	3.99
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	2	3.99
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	17	3.99
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	17	3.99
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	17	3.99
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	17	3.98
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	3	3.98
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	3	3.98
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	3	3.98
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	3	3.98
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	13	3.98
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	3	3.98
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	7	3.98
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	7	3.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	7	3.98
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	7	3.98
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	12	3.98
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	12	3.98
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	12	3.98
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	4	3.98
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	4	3.98
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	4	3.98
(4,220)	1:133:A:ASP:H	1:135:A:ALA:H	20	3.97
(4,215)	1:167:A:ILE:H	1:169:A:GLN:H	14	3.97
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	14	3.97
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	14	3.97
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	17	3.97
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	17	3.97
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	17	3.97
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	8	3.97
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	1	3.97
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	4	3.97
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	8	3.97
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	8	3.97
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	8	3.97
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	19	3.97
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	19	3.97
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	3	3.97
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	3	3.97
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	3	3.97
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	15	3.96
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	15	3.96
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	15	3.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	8	3.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	8	3.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	8	3.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	8	3.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	8	3.96
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	8	3.96
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	18	3.96
(4,260)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG12	2	3.96
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	15	3.96
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	7	3.96
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	7	3.96
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	20	3.96
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	5	3.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	9	3.96
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	9	3.96
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	9	3.96
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	12	3.96
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	12	3.96
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	12	3.96
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	3	3.95
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	3	3.95
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	3	3.95
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	20	3.95
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	20	3.95
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	20	3.95
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	7	3.95
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	7	3.95
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	7	3.95
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	7	3.95
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	7	3.95
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	7	3.95
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	9	3.95
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	14	3.95
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	2	3.95
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	2	3.95
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	2	3.95
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	10	3.95
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	10	3.95
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	18	3.95
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	18	3.95
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	14	3.95
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	20	3.95
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	20	3.95
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	20	3.95
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	10	3.95
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	10	3.95
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	1	3.94
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	1	3.94
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	1	3.94
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	6	3.94
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	6	3.94
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	6	3.94
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	16	3.94
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	16	3.94
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	16	3.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	4	3.94
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB1	19	3.94
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB2	19	3.94
(4,223)	1:102:A:LYS:HA	1:99:A:ALA:HB3	19	3.94
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	17	3.94
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	17	3.94
(4,34)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:H	1	3.94
(4,34)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:H	1	3.94
(4,34)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:H	1	3.94
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	12	3.93
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	12	3.93
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	12	3.93
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	13	3.93
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	13	3.93
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	13	3.93
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	14	3.93
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	14	3.93
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	14	3.93
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	12	3.93
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	2	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	7	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	7	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	7	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	9	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	9	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	9	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	18	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	18	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	18	3.92
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	14	3.92
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	9	3.92
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	9	3.92
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	9	3.92
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	19	3.92
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	19	3.92
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	19	3.92
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	4	3.92
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	16	3.92
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	19	3.92
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	2	3.91
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	2	3.91
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	2	3.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	4	3.91
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	4	3.91
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	4	3.91
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	19	3.91
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	19	3.91
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	19	3.91
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	10	3.91
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	11	3.91
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	19	3.91
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	7	3.91
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	17	3.91
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	8	3.91
(4,49)	1:147:A:ALA:H	1:143:A:ASN:HB2	18	3.91
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	6	3.91
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	6	3.91
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	6	3.91
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	17	3.9
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	17	3.9
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	17	3.9
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	17	3.9
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	17	3.9
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	17	3.9
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	3	3.9
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	4	3.9
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	18	3.9
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	18	3.9
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	18	3.9
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	9	3.89
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	13	3.89
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	1	3.89
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	1	3.89
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	5	3.89
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	5	3.89
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	16	3.89
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	16	3.89
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	19	3.89
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	4	3.89
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	4	3.89
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	4	3.89
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	9	3.89
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	9	3.89
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	9	3.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	1	3.88
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	12	3.88
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	13	3.88
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	13	3.88
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	11	3.88
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	14	3.88
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	15	3.88
(4,198)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	4	3.87
(4,198)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	4	3.87
(4,198)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	4	3.87
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	5	3.87
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	10	3.87
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	13	3.87
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	1	3.87
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	18	3.87
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	14	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	5	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	5	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	5	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	5	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	5	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	5	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	15	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	15	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	15	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	15	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	15	3.86
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	15	3.86
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	4	3.86
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	18	3.86
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	9	3.86
(4,106)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	2	3.86
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	6	3.86
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	19	3.86
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	19	3.86
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	19	3.86
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	5	3.85
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	5	3.85
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	5	3.85
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	5	3.85
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	9	3.85
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	13	3.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	13	3.85
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	2	3.84
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	2	3.84
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	9	3.84
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	9	3.84
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	11	3.84
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	11	3.84
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	6	3.84
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	12	3.84
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	16	3.84
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	16	3.84
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	16	3.84
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	10	3.83
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	10	3.83
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	10	3.83
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	18	3.83
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	8	3.83
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	8	3.83
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	8	3.83
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	11	3.83
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	1	3.83
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	20	3.83
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	4	3.83
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	4	3.83
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	20	3.83
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	20	3.83
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	9	3.83
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	6	3.83
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	10	3.83
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	6	3.83
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	6	3.83
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE1	11	3.83
(4,7)	1:52:A:LEU:HG	1:17:A:PHE:HE2	11	3.83
(4,293)	1:52:A:LEU:HD11	1:52:A:LEU:H	10	3.82
(4,293)	1:52:A:LEU:HD12	1:52:A:LEU:H	10	3.82
(4,293)	1:52:A:LEU:HD13	1:52:A:LEU:H	10	3.82
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	1	3.82
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	1	3.82
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	1	3.82
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	1	3.82
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	1	3.82
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	1	3.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	18	3.82
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	6	3.82
(4,192)	1:81:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	6	3.82
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	2	3.82
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	12	3.82
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	12	3.82
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	3	3.81
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	19	3.81
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	10	3.81
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	20	3.81
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	9	3.81
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	9	3.81
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	8	3.8
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	8	3.8
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	8	3.8
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	20	3.8
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	20	3.8
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	20	3.8
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	13	3.8
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	15	3.8
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	13	3.8
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	13	3.8
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	13	3.8
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	13	3.8
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	13	3.8
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	13	3.8
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	8	3.8
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	1	3.8
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	5	3.79
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	5	3.79
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	5	3.79
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	11	3.79
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	12	3.79
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	17	3.79
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	18	3.79
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	9	3.78
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	16	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	11	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	11	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	11	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	11	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	11	3.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	11	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	20	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	20	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	20	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	20	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	20	3.78
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	20	3.78
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	6	3.78
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	9	3.78
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	7	3.78
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	4	3.78
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	4	3.78
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	5	3.78
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	5	3.78
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG11	14	3.78
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG12	14	3.78
(4,5)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG13	14	3.78
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	17	3.77
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	15	3.77
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	15	3.77
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	15	3.77
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	19	3.77
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	13	3.77
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	19	3.77
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	5	3.77
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	19	3.77
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	20	3.77
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	20	3.77
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	3	3.76
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	3	3.76
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	3	3.76
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	6	3.76
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	6	3.76
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	6	3.76
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	6	3.76
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	6	3.76
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	6	3.76
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	6	3.76
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	1	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	1	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	1	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	1	3.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	2	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	2	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	2	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	3	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	3	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	3	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	4	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	4	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	4	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	5	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	5	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	5	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	6	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	6	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	6	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	8	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	8	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	8	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	9	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	9	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	9	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	10	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	10	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	10	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	11	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	11	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	11	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	12	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	12	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	12	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	13	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	13	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	13	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	14	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	14	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	14	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	17	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	17	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	17	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	18	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	18	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	18	3.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	19	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	19	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	19	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	20	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	20	3.76
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	20	3.76
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	15	3.76
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	17	3.76
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	8	3.76
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	15	3.76
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	20	3.76
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	17	3.76
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	20	3.76
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	13	3.76
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	10	3.75
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	12	3.75
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	7	3.75
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	7	3.75
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	7	3.75
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	16	3.75
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	16	3.75
(4,182)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	16	3.75
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	5	3.75
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	3	3.75
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	5	3.75
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	11	3.75
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	16	3.75
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	17	3.75
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	18	3.75
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	4	3.75
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	11	3.75
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	13	3.75
(4,38)	1:64:A:ILE:HG21	1:66:A:VAL:H	5	3.75
(4,38)	1:64:A:ILE:HG22	1:66:A:VAL:H	5	3.75
(4,38)	1:64:A:ILE:HG23	1:66:A:VAL:H	5	3.75
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	4	3.75
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	12	3.75
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	20	3.74
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	16	3.74
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	2	3.74
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	4	3.74
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	6	3.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	7	3.74
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	12	3.74
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	8	3.74
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	12	3.74
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	6	3.73
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	19	3.73
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	10	3.73
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	1	3.73
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	16	3.73
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	1	3.73
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	7	3.72
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	18	3.72
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	2	3.72
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	3	3.72
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	5	3.72
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	8	3.72
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	10	3.72
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	8	3.72
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	3	3.72
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	14	3.72
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	12	3.72
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	7	3.72
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	16	3.72
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	5	3.71
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	11	3.71
(4,100)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:H	10	3.71
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	3	3.71
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	15	3.71
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	15	3.71
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	11	3.71
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	18	3.71
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	19	3.71
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	20	3.71
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	4	3.7
(4,131)	1:42:A:PRO:HD3	1:45:A:GLN:HB2	16	3.7
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	9	3.7
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	15	3.7
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	12	3.69
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	18	3.69
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	5	3.69
(4,53)	1:216:A:ILE:HG12	1:215:A:LEU:HA	14	3.69
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	10	3.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	13	3.68
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	2	3.68
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	2	3.68
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	3	3.68
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	17	3.68
(4,269)	1:213:A:VAL:HG11	1:198:A:GLN:H	14	3.67
(4,269)	1:213:A:VAL:HG12	1:198:A:GLN:H	14	3.67
(4,269)	1:213:A:VAL:HG13	1:198:A:GLN:H	14	3.67
(4,269)	1:213:A:VAL:HG21	1:198:A:GLN:H	14	3.67
(4,269)	1:213:A:VAL:HG22	1:198:A:GLN:H	14	3.67
(4,269)	1:213:A:VAL:HG23	1:198:A:GLN:H	14	3.67
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	1	3.67
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	1	3.67
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	3	3.67
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	3	3.67
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	18	3.67
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	13	3.66
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	8	3.66
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	10	3.66
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	6	3.66
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	14	3.66
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	12	3.65
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	11	3.65
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	13	3.64
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	13	3.64
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	13	3.64
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	13	3.64
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	13	3.64
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	13	3.64
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	16	3.64
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	9	3.64
(4,295)	1:155:A:ILE:H	1:151:A:LEU:HA	7	3.64
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	16	3.64
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	16	3.64
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	16	3.64
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	3	3.64
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	9	3.64
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	13	3.64
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	14	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	14	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	14	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	14	3.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	14	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	14	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	16	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	16	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	16	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	16	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	16	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	16	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	19	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	19	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	19	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	19	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	19	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	19	3.63
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	7	3.63
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	10	3.63
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	20	3.63
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	19	3.63
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	9	3.63
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	15	3.63
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	18	3.63
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	18	3.63
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	18	3.63
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	6	3.63
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	15	3.62
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	15	3.62
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	15	3.62
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	15	3.62
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	15	3.62
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	15	3.62
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	5	3.62
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	10	3.62
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	8	3.62
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	6	3.61
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	6	3.61
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	6	3.61
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	6	3.61
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	6	3.61
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	6	3.61
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	2	3.61
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	14	3.61
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	17	3.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	17	3.61
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	4	3.6
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	7	3.6
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	4	3.6
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	4	3.6
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	4	3.6
(4,21)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HB2	5	3.6
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	1	3.59
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	1	3.59
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	1	3.59
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	1	3.59
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	1	3.59
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	1	3.59
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	1	3.59
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	11	3.59
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	3	3.59
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	19	3.59
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	15	3.59
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	7	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	7	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	7	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	7	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	7	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	7	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	9	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	9	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	9	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	9	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	9	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	9	3.58
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	9	3.58
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	15	3.58
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	20	3.57
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	20	3.57
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	20	3.57
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	20	3.57
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	20	3.57
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	20	3.57
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	8	3.57
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	18	3.57
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	10	3.57
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	13	3.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	18	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	18	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	18	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	18	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	18	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	18	3.56
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	6	3.56
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	18	3.56
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	19	3.56
(4,55)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	14	3.56
(4,55)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	14	3.56
(4,55)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	14	3.56
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	15	3.56
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	2	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	2	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	2	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	2	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	2	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	2	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	17	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	17	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	17	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	17	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	17	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	17	3.55
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	2	3.55
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	5	3.55
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	12	3.55
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	14	3.55
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	11	3.55
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	14	3.55
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	16	3.55
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	20	3.55
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	8	3.55
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	16	3.55
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	3	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	3	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	3	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	3	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	3	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	3	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	5	3.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	5	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	5	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	5	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	5	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	5	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	11	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	11	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	11	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	11	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	11	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	11	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	12	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	12	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	12	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	12	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	12	3.54
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	12	3.54
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	4	3.54
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	15	3.54
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	20	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	1	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	2	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	3	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	4	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	5	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	6	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	7	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	8	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	10	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	12	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	13	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	17	3.54
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	18	3.54
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	2	3.54
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	5	3.54
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	10	3.54
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	16	3.54
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	3	3.54
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	4	3.54
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	11	3.54
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	12	3.54
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	3	3.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	4	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	4	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	4	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	4	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	4	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	4	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	8	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	8	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	8	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	8	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	8	3.53
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	8	3.53
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	9	3.53
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	15	3.53
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	19	3.53
(4,264)	1:184:A:ALA:HA	1:185:A:ILE:H	20	3.53
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	8	3.53
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	1	3.53
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	2	3.53
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	3	3.53
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	4	3.53
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	7	3.53
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	13	3.53
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	15	3.53
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	20	3.53
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	2	3.53
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	7	3.53
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	13	3.53
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	17	3.53
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	20	3.53
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	4	3.53
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	4	3.53
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	4	3.53
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	4	3.53
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	4	3.53
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	4	3.53
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	7	3.53
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	7	3.53
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE1	16	3.53
(4,36)	1:77:A:GLY:H	1:140:A:PHE:HE2	16	3.53
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	19	3.53
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	2	3.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	7	3.52
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	13	3.52
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	16	3.52
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	17	3.52
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	20	3.52
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	13	3.52
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	6	3.52
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	8	3.52
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	9	3.52
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	11	3.52
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	14	3.52
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	17	3.52
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	19	3.52
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	1	3.52
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	5	3.52
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	6	3.52
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	10	3.52
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE1	10	3.51
(4,328)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HE2	10	3.51
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE1	10	3.51
(4,328)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HE2	10	3.51
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE1	10	3.51
(4,328)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HE2	10	3.51
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	1	3.51
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	3	3.51
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	4	3.51
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	5	3.51
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	6	3.51
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	15	3.51
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	18	3.51
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	6	3.51
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	12	3.51
(4,225)	1:115:A:GLN:HA	1:116:A:ILE:H	18	3.51
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	11	3.51
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	11	3.51
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	11	3.51
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	11	3.51
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	9	3.51
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	15	3.51
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	1	3.51
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	8	3.5
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	11	3.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	12	3.5
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	14	3.5
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	17	3.5
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	3	3.5
(4,229)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	4	3.5
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	5	3.5
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	9	3.5
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	12	3.5
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	13	3.5
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	15	3.5
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	16	3.5
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	17	3.5
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	19	3.5
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	20	3.5
(4,152)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	14	3.5
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	1	3.5
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	11	3.5
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	7	3.49
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	3	3.49
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	4	3.49
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	6	3.49
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	7	3.49
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	8	3.49
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	10	3.49
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	14	3.49
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	18	3.49
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	14	3.49
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	20	3.49
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	1	3.48
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	1	3.48
(4,158)	1:20:A:ASN:HA	1:21:A:LEU:H	2	3.48
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	16	3.48
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	10	3.47
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	10	3.47
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	1	3.47
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	15	3.47
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	17	3.47
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	2	3.47
(4,262)	1:46:A:ARG:H	1:41:A:LEU:HB3	16	3.46
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	10	3.46
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	10	3.46
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	10	3.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	10	3.46
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	10	3.46
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	10	3.46
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	2	3.46
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	9	3.46
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	3	3.45
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	3	3.45
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	3	3.45
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	3	3.45
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	3	3.45
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	3	3.45
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	19	3.45
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	4	3.45
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	2	3.44
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	2	3.44
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	2	3.44
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	2	3.44
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	2	3.44
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	2	3.44
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	8	3.44
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	8	3.44
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	8	3.44
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	8	3.44
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	8	3.44
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	8	3.44
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	7	3.44
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	8	3.44
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	11	3.44
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	18	3.44
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	19	3.43
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	13	3.43
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	13	3.43
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	13	3.43
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	9	3.43
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	9	3.43
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	9	3.43
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	9	3.43
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	9	3.43
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	9	3.43
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	3	3.43
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	16	3.43
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	20	3.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	10	3.42
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	2	3.42
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	2	3.42
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	2	3.42
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	3	3.42
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	3	3.42
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	3	3.42
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	12	3.42
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	12	3.42
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	12	3.42
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	12	3.42
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	12	3.42
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	12	3.42
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	4	3.42
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	5	3.42
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	12	3.42
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	13	3.42
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	5	3.42
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	6	3.42
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	8	3.42
(4,321)	1:180:A:LEU:HB3	1:180:A:LEU:H	9	3.41
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	20	3.41
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	20	3.41
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	20	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	5	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	5	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	5	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	5	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	5	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	5	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	11	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	11	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	11	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	11	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	11	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	11	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	17	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	17	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	17	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	17	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	17	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	17	3.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	20	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	20	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	20	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	20	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	20	3.41
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	20	3.41
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	14	3.41
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	14	3.41
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	14	3.41
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	14	3.41
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	14	3.41
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	14	3.41
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	9	3.41
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	5	3.41
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	14	3.41
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	18	3.41
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	10	3.4
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	10	3.4
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	10	3.4
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	19	3.4
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	19	3.4
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	19	3.4
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	14	3.4
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	14	3.4
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	14	3.4
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	14	3.4
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	14	3.4
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	14	3.4
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	16	3.4
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	16	3.4
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	16	3.4
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	16	3.4
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	16	3.4
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	16	3.4
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	10	3.4
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	3	3.4
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	6	3.39
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	16	3.39
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	16	3.39
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	16	3.39
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	11	3.38
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	11	3.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	17	3.38
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	8	3.38
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	8	3.38
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	8	3.38
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	15	3.38
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	15	3.38
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	15	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	13	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	13	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	13	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	13	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	13	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	13	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	18	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	18	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	18	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	18	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	18	3.38
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	18	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	3	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	3	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	3	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	3	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	3	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	3	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	5	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	5	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	5	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	5	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	5	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	5	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	10	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	10	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	10	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	10	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	10	3.38
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	10	3.38
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	10	3.38
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	13	3.38
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	3	3.37
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	16	3.37
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	16	3.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	16	3.37
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	16	3.37
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	18	3.37
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	18	3.37
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	18	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	15	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	15	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	15	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	15	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	15	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	15	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	18	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	18	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	18	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	18	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	18	3.37
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	18	3.37
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	7	3.37
(4,302)	1:110:A:ASN:HD21	1:113:A:ARG:HG2	11	3.36
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	17	3.36
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	17	3.36
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	17	3.36
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	19	3.36
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	19	3.36
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	19	3.36
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	2	3.36
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	2	3.36
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	2	3.36
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	12	3.36
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	12	3.36
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	12	3.36
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	16	3.36
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	16	3.36
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	16	3.36
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	16	3.36
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	16	3.36
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	16	3.36
(4,80)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HA	6	3.36
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	4	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	4	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	4	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	7	3.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	7	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	7	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	10	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	10	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	10	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	14	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	14	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	14	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	16	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	16	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	16	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	18	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	18	3.35
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	18	3.35
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	7	3.35
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	7	3.35
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	7	3.35
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	6	3.35
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	6	3.35
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	6	3.35
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	6	3.35
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	6	3.35
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	6	3.35
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	19	3.35
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	19	3.35
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	19	3.35
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	19	3.35
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	19	3.35
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	19	3.35
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	19	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	6	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	6	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	6	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	9	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	9	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	9	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	12	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	12	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	12	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	20	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	20	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	20	3.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	1	3.34
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	1	3.34
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	1	3.34
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	11	3.34
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	11	3.34
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	11	3.34
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	8	3.34
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	8	3.34
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	4	3.34
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	4	3.34
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	4	3.34
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	9	3.34
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	9	3.34
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	9	3.34
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	19	3.34
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	19	3.34
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	19	3.34
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	19	3.34
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	19	3.34
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	19	3.34
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	2	3.33
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	2	3.33
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	2	3.33
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	8	3.33
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	8	3.33
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	8	3.33
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	13	3.33
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	13	3.33
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	13	3.33
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	2	3.33
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	2	3.33
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	2	3.33
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	2	3.33
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	2	3.33
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	2	3.33
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	7	3.33
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	20	3.33
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	1	3.32
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	1	3.32
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	1	3.32
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	3	3.32
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	3	3.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	3	3.32
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	15	3.32
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	15	3.32
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	15	3.32
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	1	3.32
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	1	3.32
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	1	3.32
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	17	3.32
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	17	3.32
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	17	3.32
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	7	3.32
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	7	3.32
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	7	3.32
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	7	3.32
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	7	3.32
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	7	3.32
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	20	3.32
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	20	3.32
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	20	3.32
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	20	3.32
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	20	3.32
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	20	3.32
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	5	3.31
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	5	3.31
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	5	3.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	14	3.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	14	3.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	14	3.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	14	3.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	14	3.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	14	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	4	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	4	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	4	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	4	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	4	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	4	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	8	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	8	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	8	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	8	3.31
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	8	3.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	8	3.31
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	3	3.31
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	3	3.31
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	16	3.31
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	16	3.31
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	9	3.31
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	14	3.31
(4,312)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HB3	17	3.3
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	11	3.3
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	11	3.3
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	11	3.3
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	6	3.3
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	6	3.3
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	6	3.3
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	14	3.3
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	14	3.3
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	14	3.3
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	9	3.3
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	9	3.3
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	12	3.3
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	12	3.3
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	12	3.3
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	12	3.3
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	12	3.3
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	12	3.3
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	12	3.3
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	12	3.3
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	20	3.29
(4,176)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HZ	5	3.29
(4,176)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HZ	5	3.29
(4,176)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HZ	5	3.29
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	15	3.29
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	15	3.29
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	15	3.29
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	15	3.29
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	15	3.29
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	15	3.29
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	17	3.29
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	8	3.28
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	8	3.28
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	8	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	6	3.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	6	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	6	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	6	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	6	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	6	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	7	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	7	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	7	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	7	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	7	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	7	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	9	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	9	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	9	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	9	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	9	3.28
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	9	3.28
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	17	3.28
(4,123)	1:71:A:VAL:HG11	1:64:A:ILE:HA	1	3.27
(4,123)	1:71:A:VAL:HG12	1:64:A:ILE:HA	1	3.27
(4,123)	1:71:A:VAL:HG13	1:64:A:ILE:HA	1	3.27
(4,123)	1:71:A:VAL:HG21	1:64:A:ILE:HA	1	3.27
(4,123)	1:71:A:VAL:HG22	1:64:A:ILE:HA	1	3.27
(4,123)	1:71:A:VAL:HG23	1:64:A:ILE:HA	1	3.27
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	1	3.27
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	1	3.27
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	1	3.27
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	1	3.27
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	1	3.27
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	1	3.27
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	3	3.26
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	3	3.26
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	3	3.26
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	17	3.26
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	17	3.26
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	17	3.26
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	17	3.26
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	17	3.26
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	17	3.26
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	7	3.25
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	7	3.25
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	7	3.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	4	3.25
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	4	3.25
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	4	3.25
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	4	3.25
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	4	3.25
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	4	3.25
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	11	3.25
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	11	3.25
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	11	3.25
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	11	3.25
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	11	3.25
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	11	3.25
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	15	3.24
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	12	3.24
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	12	3.24
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	12	3.24
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	3	3.24
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	3	3.24
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	3	3.24
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	12	3.23
(4,3)	1:133:A:ASP:H	1:130:A:PRO:HA	12	3.22
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	10	3.21
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	10	3.21
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	10	3.21
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	15	3.21
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	15	3.21
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	15	3.21
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	1	3.21
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	1	3.21
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	20	3.21
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	20	3.21
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG21	13	3.2
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG22	13	3.2
(4,98)	1:96:A:PHE:HE1	1:95:A:VAL:HG23	13	3.2
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG21	13	3.2
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG22	13	3.2
(4,98)	1:96:A:PHE:HE2	1:95:A:VAL:HG23	13	3.2
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	17	3.19
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	17	3.18
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	17	3.18
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	17	3.18
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	18	3.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	18	3.18
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	18	3.18
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	16	3.18
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	16	3.18
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	2	3.18
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	16	3.17
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	19	3.17
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	19	3.17
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	19	3.17
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	19	3.17
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	6	3.17
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	16	3.17
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	13	3.16
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	13	3.15
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	13	3.15
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	13	3.15
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	14	3.15
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	14	3.15
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	6	3.14
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	6	3.14
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	6	3.14
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	14	3.14
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	14	3.14
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	14	3.14
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	15	3.13
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	16	3.13
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	13	3.12
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	18	3.12
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	4	3.1
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	4	3.1
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	4	3.1
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	9	3.1
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	9	3.1
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	9	3.1
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	19	3.1
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	10	3.1
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	10	3.1
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	10	3.1
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	8	3.09
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	12	3.09
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	12	3.09
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	12	3.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	14	3.09
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	17	3.09
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	13	3.09
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	13	3.09
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	2	3.08
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	2	3.08
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	2	3.08
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	2	3.08
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	5	3.08
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	18	3.08
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	18	3.08
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	4	3.08
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	19	3.08
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	11	3.07
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	16	3.07
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	20	3.07
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	4	3.06
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD11	20	3.06
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD12	20	3.06
(4,275)	1:181:A:PRO:HB2	1:185:A:ILE:HD13	20	3.06
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	7	3.06
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	18	3.06
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	3	3.06
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	3	3.06
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	4	3.06
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	4	3.06
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	5	3.06
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	5	3.06
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	18	3.05
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	1	3.05
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	9	3.05
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	9	3.05
(4,13)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	2	3.05
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	2	3.04
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	2	3.04
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	11	3.04
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	8	3.04
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	8	3.04
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	8	3.04
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	3	3.03
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	6	3.03
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	6	3.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	15	3.03
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	6	3.02
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	12	3.02
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	13	3.02
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	15	3.02
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	6	3.02
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	14	3.02
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	14	3.02
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	14	3.02
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	16	3.02
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	20	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	3	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	4	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	5	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	7	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	8	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	9	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	10	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	11	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	15	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	17	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	19	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	20	3.01
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	1	3.0
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	12	3.0
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	13	3.0
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	14	3.0
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	16	3.0
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	18	3.0
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	6	2.99
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	6	2.99
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	6	2.99
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	4	2.99
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	1	2.99
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	1	2.99
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	1	2.99
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	12	2.99
(4,284)	1:63:A:ALA:HB1	1:64:A:ILE:H	5	2.98
(4,284)	1:63:A:ALA:HB2	1:64:A:ILE:H	5	2.98
(4,284)	1:63:A:ALA:HB3	1:64:A:ILE:H	5	2.98
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	18	2.98
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	18	2.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	18	2.98
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	5	2.97
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	5	2.97
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	5	2.97
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	6	2.96
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	6	2.96
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	6	2.96
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	15	2.96
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	15	2.96
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	15	2.96
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	20	2.96
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	20	2.96
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	20	2.96
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	12	2.95
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	12	2.95
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	8	2.94
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	7	2.94
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	7	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	9	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	9	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	9	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	14	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	14	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	14	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	16	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	16	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	16	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	19	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	19	2.94
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	19	2.94
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	15	2.93
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	15	2.93
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	17	2.93
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	17	2.93
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	3	2.93
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	3	2.93
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	3	2.93
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	10	2.93
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	10	2.93
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	10	2.93
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	7	2.93
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	11	2.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	10	2.92
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	10	2.92
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	11	2.92
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	11	2.92
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	11	2.92
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	17	2.92
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	17	2.92
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	17	2.92
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	1	2.92
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	20	2.91
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	20	2.91
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	20	2.91
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	15	2.91
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	15	2.91
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	15	2.91
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	7	2.91
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	7	2.91
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	7	2.91
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	20	2.91
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	20	2.91
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	20	2.91
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	7	2.9
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	7	2.9
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	7	2.9
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	2	2.9
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	2	2.9
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	2	2.9
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	10	2.9
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	14	2.9
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	8	2.89
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	8	2.89
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	8	2.89
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	12	2.89
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	12	2.89
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	12	2.89
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	13	2.89
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	13	2.89
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	13	2.89
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	9	2.89
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	4	2.89
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	4	2.89
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	4	2.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	2	2.88
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE1	19	2.87
(4,255)	1:74:A:TYR:H	1:96:A:PHE:HE2	19	2.87
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	4	2.87
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	4	2.87
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	4	2.87
(4,218)	1:153:A:VAL:HG21	1:154:A:LEU:HA	18	2.87
(4,218)	1:153:A:VAL:HG22	1:154:A:LEU:HA	18	2.87
(4,218)	1:153:A:VAL:HG23	1:154:A:LEU:HA	18	2.87
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	15	2.87
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	5	2.86
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	6	2.86
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	7	2.86
(4,257)	1:195:A:LEU:HA	1:195:A:LEU:HG	9	2.85
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	8	2.85
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	9	2.85
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	9	2.85
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	9	2.85
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	9	2.85
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	9	2.85
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	9	2.85
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	3	2.84
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	4	2.84
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	14	2.83
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	20	2.83
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	12	2.82
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	12	2.82
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	12	2.82
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	1	2.82
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	9	2.81
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	11	2.81
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	11	2.81
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	11	2.81
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	16	2.81
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	17	2.8
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	17	2.8
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	17	2.8
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	15	2.8
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	17	2.8
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	7	2.8
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	7	2.8
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	7	2.8

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	20	2.8
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	20	2.8
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	20	2.8
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	10	2.79
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	10	2.79
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	10	2.79
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	5	2.79
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	13	2.79
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	16	2.79
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	18	2.79
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	5	2.79
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	8	2.79
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	12	2.79
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	2	2.78
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	6	2.78
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	7	2.78
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	9	2.78
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	9	2.78
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	9	2.78
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	19	2.77
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	19	2.77
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	19	2.77
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	3	2.77
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	4	2.77
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	7	2.77
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	10	2.77
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	11	2.77
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	20	2.77
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	17	2.77
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	11	2.77
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	11	2.77
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	11	2.77
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	1	2.76
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	8	2.76
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	12	2.76
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	14	2.76
(4,210)	1:147:A:ALA:HA	1:147:A:ALA:H	19	2.76
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	12	2.76
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	12	2.76
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	12	2.76
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	15	2.76
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	17	2.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	17	2.75
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	17	2.75
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	17	2.75
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	17	2.75
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	17	2.75
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	16	2.75
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	1	2.75
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	1	2.75
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	1	2.75
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	8	2.75
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	8	2.75
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	8	2.75
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	19	2.75
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	19	2.75
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	19	2.75
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	11	2.74
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	18	2.74
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	2	2.74
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	2	2.74
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	2	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	2	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	2	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	2	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	5	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	5	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	5	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	15	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	15	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	15	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	17	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	17	2.74
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	17	2.74
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	10	2.74
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	15	2.72
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	15	2.72
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	15	2.72
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	13	2.72
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	13	2.72
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	13	2.72
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	13	2.72
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	3	2.71
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	12	2.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	12	2.71
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	12	2.71
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	12	2.71
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	12	2.71
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	12	2.71
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	1	2.7
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	1	2.7
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	1	2.7
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	6	2.7
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	6	2.7
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	6	2.7
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	5	2.7
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	12	2.7
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	13	2.69
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	3	2.69
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	3	2.69
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	3	2.69
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	7	2.69
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	2	2.68
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	15	2.67
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	17	2.67
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	6	2.67
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	6	2.67
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	6	2.67
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	6	2.67
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	6	2.67
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	6	2.67
(4,43)	1:21:A:LEU:H	1:20:A:ASN:HB2	19	2.67
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	3	2.66
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	3	2.66
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	3	2.66
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	14	2.66
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	8	2.66
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	8	2.66
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	8	2.66
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	20	2.66
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	4	2.65
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	7	2.65
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	10	2.65
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	19	2.65
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	13	2.65
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	13	2.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	13	2.65
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	14	2.65
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	20	2.65
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	20	2.65
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	20	2.65
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	20	2.65
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	20	2.65
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	20	2.65
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	13	2.65
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	13	2.65
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	13	2.65
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	19	2.65
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	19	2.65
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	19	2.65
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	9	2.64
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	11	2.64
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	15	2.64
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	17	2.64
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	4	2.64
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	10	2.64
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	10	2.64
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	10	2.64
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	1	2.63
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	20	2.63
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	3	2.63
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	3	2.62
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	8	2.62
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	12	2.62
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	13	2.62
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	16	2.62
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	17	2.62
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	19	2.62
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	16	2.62
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	16	2.62
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	16	2.62
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	1	2.62
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	1	2.62
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	1	2.62
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	5	2.61
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	6	2.61
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	16	2.61
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	16	2.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	16	2.61
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	2	2.61
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	7	2.61
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	11	2.61
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	14	2.61
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	2	2.61
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	1	2.61
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	1	2.61
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	1	2.61
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	1	2.61
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	1	2.61
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	1	2.61
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	14	2.6
(4,325)	1:174:A:ARG:HA	1:174:A:ARG:HB3	18	2.6
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	2	2.6
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	8	2.6
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	9	2.6
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	10	2.6
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	12	2.6
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	13	2.6
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	17	2.6
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	18	2.6
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	10	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	7	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	7	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	7	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	7	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	7	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	7	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	13	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	13	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	13	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	13	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	13	2.6
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	13	2.6
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	9	2.6
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	9	2.6
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	9	2.6
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	15	2.6
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	15	2.6
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	15	2.6
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	18	2.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	20	2.59
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	20	2.59
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	1	2.59
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	3	2.59
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	4	2.59
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	5	2.59
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	6	2.59
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	8	2.58
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	1	2.58
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	9	2.58
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	11	2.58
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	3	2.58
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	16	2.58
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	15	2.58
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	16	2.58
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	19	2.58
(4,273)	1:102:A:LYS:HB3	1:102:A:LYS:HA	20	2.58
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	9	2.58
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	9	2.58
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	9	2.58
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	1	2.58
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	1	2.58
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	1	2.58
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	8	2.58
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	13	2.58
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	13	2.58
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	13	2.58
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	3	2.57
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	10	2.57
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	12	2.57
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	7	2.57
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	7	2.57
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	7	2.57
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	6	2.57
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	6	2.57
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	6	2.57
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	7	2.57
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	7	2.57
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	7	2.57
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	18	2.57
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	14	2.56
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	2	2.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	2	2.56
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	2	2.56
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	13	2.56
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	13	2.56
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	13	2.56
(1,2484)	1:203:A:SER:HB3	1:31:A:LEU:HD21	17	2.56
(1,2484)	1:203:A:SER:HB3	1:31:A:LEU:HD22	17	2.56
(1,2484)	1:203:A:SER:HB3	1:31:A:LEU:HD23	17	2.56
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	2	2.56
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	13	2.56
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	12	2.56
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	12	2.56
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	12	2.56
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	7	2.55
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	16	2.55
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	6	2.55
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	7	2.55
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	9	2.55
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	6	2.55
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	6	2.55
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	6	2.55
(4,24)	1:150:A:ALA:H	1:149:A:SER:HB2	4	2.55
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	6	2.54
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	6	2.54
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	6	2.54
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	4	2.54
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	9	2.54
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	12	2.54
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	18	2.54
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	18	2.54
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	18	2.54
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	11	2.54
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	11	2.54
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	11	2.54
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	11	2.54
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	11	2.54
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	11	2.54
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	10	2.54
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	10	2.54
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	10	2.54
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	19	2.53
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	10	2.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	11	2.53
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	11	2.53
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	11	2.53
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	8	2.53
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	8	2.53
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	8	2.53
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	2	2.52
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	17	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	2	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	2	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	2	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	12	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	12	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	12	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	17	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	17	2.52
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	17	2.52
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	4	2.52
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	10	2.52
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	10	2.52
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	10	2.52
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	16	2.52
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	16	2.52
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	16	2.52
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	9	2.51
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	9	2.51
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	9	2.51
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	3	2.51
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	15	2.51
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	4	2.51
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	4	2.51
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	4	2.51
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	15	2.51
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	19	2.51
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	19	2.51
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	19	2.51
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	20	2.51
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	20	2.51
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	20	2.51
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	9	2.51
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	7	2.5
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	10	2.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	12	2.5
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	11	2.5
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	1	2.5
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	12	2.5
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	12	2.5
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	12	2.5
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	12	2.5
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	12	2.5
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	12	2.5
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	13	2.49
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	14	2.49
(4,282)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HB3	5	2.49
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	5	2.49
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	7	2.49
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	7	2.49
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	7	2.49
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	3	2.49
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	3	2.49
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	3	2.49
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	19	2.49
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	19	2.49
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	19	2.49
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	11	2.49
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	11	2.49
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	11	2.49
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	1	2.48
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	5	2.48
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	6	2.48
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	16	2.48
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	15	2.48
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	7	2.48
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	7	2.48
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	9	2.48
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	3	2.48
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	3	2.48
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	3	2.48
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	20	2.48
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	20	2.48
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	20	2.48
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	4	2.47
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	11	2.47
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	9	2.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	9	2.47
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	9	2.47
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	4	2.47
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	4	2.47
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	1	2.47
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	14	2.47
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	14	2.47
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	14	2.47
(4,307)	1:183:A:LEU:HB3	1:183:A:LEU:HA	9	2.46
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	2	2.46
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	20	2.46
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	19	2.46
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	19	2.46
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	19	2.46
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	18	2.46
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	18	2.46
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	1	2.45
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	6	2.45
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	8	2.45
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	13	2.45
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	17	2.45
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	19	2.45
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	17	2.45
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	17	2.45
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	17	2.45
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	11	2.45
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	11	2.45
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	14	2.45
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	14	2.45
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	17	2.45
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	17	2.45
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	20	2.45
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	20	2.45
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	4	2.45
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	4	2.45
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	4	2.45
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	18	2.45
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	18	2.45
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	18	2.45
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	14	2.44
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	14	2.44
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	14	2.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	4	2.44
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	7	2.44
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	15	2.44
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	18	2.44
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	2	2.44
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	2	2.44
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	2	2.44
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	2	2.44
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	2	2.44
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	2	2.44
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	17	2.44
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	17	2.44
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	17	2.44
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	5	2.44
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	5	2.44
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	13	2.44
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	13	2.44
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	19	2.44
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	19	2.44
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	7	2.44
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	18	2.44
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	17	2.44
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	19	2.44
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	9	2.44
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	9	2.44
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	9	2.44
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	10	2.43
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	1	2.43
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	1	2.43
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	1	2.43
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	2	2.43
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	2	2.43
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	8	2.43
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	8	2.43
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	18	2.43
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	12	2.43
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	14	2.43
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	20	2.43
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	11	2.43
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	19	2.43
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	2	2.43
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	2	2.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	2	2.43
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	6	2.42
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	14	2.42
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	7	2.42
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	7	2.42
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	7	2.42
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	15	2.42
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	15	2.42
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	15	2.42
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	2	2.42
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	9	2.42
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	15	2.42
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	19	2.42
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	10	2.42
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	12	2.42
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	16	2.42
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	3	2.42
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	3	2.42
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	3	2.42
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	3	2.42
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	3	2.42
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	3	2.42
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	7	2.42
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	7	2.42
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	7	2.42
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	18	2.41
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	18	2.41
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	18	2.41
(4,280)	1:120:A:LYS:HG3	1:120:A:LYS:HA	11	2.41
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	11	2.41
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	11	2.41
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	11	2.41
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	8	2.41
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	8	2.41
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	8	2.41
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	3	2.41
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	17	2.41
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	15	2.41
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	17	2.41
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	6	2.4
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	8	2.4
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	8	2.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	8	2.4
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	8	2.4
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	8	2.4
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	8	2.4
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	6	2.4
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	6	2.4
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	8	2.4
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	13	2.4
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	4	2.4
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	4	2.4
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	4	2.4
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	4	2.4
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	4	2.4
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	4	2.4
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	3	2.39
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	3	2.39
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	3	2.39
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	3	2.39
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	3	2.39
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	3	2.39
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	15	2.39
(4,104)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	15	2.39
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	4	2.39
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	5	2.39
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	14	2.39
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	4	2.39
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	10	2.39
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	18	2.39
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	2	2.39
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	8	2.39
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	14	2.39
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	3	2.39
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	3	2.39
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	3	2.39
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	15	2.39
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	15	2.39
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	15	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	2	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	2	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	2	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	2	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	2	2.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	2	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	7	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	7	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	7	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	7	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	7	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	7	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	17	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	17	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	17	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	17	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	17	2.39
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	17	2.39
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	6	2.39
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	6	2.39
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	6	2.39
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	6	2.39
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	15	2.39
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	15	2.39
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	15	2.39
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	2	2.38
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	2	2.38
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	2	2.38
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	5	2.38
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	13	2.38
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	18	2.38
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	16	2.38
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	16	2.38
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	16	2.38
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	12	2.38
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	1	2.38
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	6	2.38
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	16	2.38
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	16	2.38
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	16	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	15	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	15	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	15	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	15	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	15	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	15	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	20	2.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	20	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	20	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	20	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	20	2.38
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	20	2.38
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	1	2.37
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	1	2.37
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	1	2.37
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	11	2.37
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	16	2.37
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	1	2.37
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	1	2.37
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	1	2.37
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	1	2.37
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	7	2.37
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	7	2.37
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	7	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	5	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	5	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	5	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	5	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	5	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	5	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	12	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	12	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	12	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	12	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	12	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	12	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	16	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	16	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	16	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	16	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	16	2.37
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	16	2.37
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	5	2.37
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	5	2.37
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	5	2.37
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	1	2.36
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	1	2.36
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	1	2.36
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	7	2.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	7	2.36
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	17	2.36
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	17	2.36
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	14	2.36
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	14	2.36
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	14	2.36
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	4	2.36
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	4	2.36
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	4	2.36
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	6	2.36
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	19	2.36
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	11	2.36
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	4	2.36
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	5	2.36
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	7	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	4	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	4	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	4	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	10	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	10	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	10	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	13	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	13	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	13	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	14	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	14	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	14	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	19	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	19	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	19	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	20	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	20	2.36
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	20	2.36
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	6	2.36
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	6	2.36
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	6	2.36
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	6	2.36
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	6	2.36
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	6	2.36
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	8	2.35
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	1	2.35
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	1	2.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	6	2.35
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	6	2.35
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	8	2.35
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	8	2.35
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	10	2.35
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	10	2.35
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	18	2.35
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	18	2.35
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	3	2.35
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	3	2.35
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	3	2.35
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	10	2.35
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	13	2.35
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	17	2.35
(4,47)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HG2	5	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	5	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	5	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	5	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	8	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	8	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	8	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	9	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	9	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	9	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	11	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	11	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	11	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	12	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	12	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	12	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	17	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	17	2.35
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	17	2.35
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	14	2.35
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	14	2.35
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	14	2.35
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	14	2.35
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	14	2.35
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	14	2.35
(4,301)	1:110:A:ASN:HD21	1:112:A:GLU:HB2	2	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	5	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	5	2.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	9	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	9	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	12	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	12	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	14	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	14	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	16	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	16	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	20	2.34
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	20	2.34
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	5	2.34
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	5	2.34
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	5	2.34
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	3	2.34
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	2	2.34
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	2	2.34
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	2	2.34
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	6	2.34
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	6	2.34
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	6	2.34
(4,30)	1:66:A:VAL:HG11	1:66:A:VAL:HA	18	2.34
(4,30)	1:66:A:VAL:HG12	1:66:A:VAL:HA	18	2.34
(4,30)	1:66:A:VAL:HG13	1:66:A:VAL:HA	18	2.34
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	16	2.34
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	16	2.34
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	16	2.34
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	7	2.33
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	4	2.33
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	4	2.33
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	11	2.33
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	11	2.33
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	13	2.33
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	13	2.33
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	15	2.33
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	15	2.33
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	13	2.33
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	13	2.33
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	13	2.33
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	9	2.33
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	9	2.33
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	9	2.33
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	8	2.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	8	2.33
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	8	2.33
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	8	2.33
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	8	2.33
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	8	2.33
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	1	2.33
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	1	2.33
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	1	2.33
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	2	2.32
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	2	2.32
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	3	2.32
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	3	2.32
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD1	19	2.32
(4,286)	1:4:A:PHE:HB3	1:4:A:PHE:HD2	19	2.32
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	10	2.32
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	10	2.32
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	10	2.32
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	18	2.32
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	18	2.32
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	18	2.32
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	18	2.32
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	18	2.32
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	18	2.32
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	11	2.32
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	11	2.32
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	11	2.32
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	8	2.32
(4,41)	1:90:A:GLU:H	1:90:A:GLU:HB2	20	2.32
(4,37)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	2	2.32
(4,37)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	2	2.32
(4,37)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	2	2.32
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	5	2.32
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	5	2.32
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	5	2.32
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	10	2.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	10	2.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	10	2.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	10	2.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	10	2.31
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	10	2.31
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	18	2.31
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	18	2.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	18	2.31
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	18	2.31
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	18	2.31
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	18	2.31
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	3	2.31
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	3	2.31
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	3	2.31
(1,759)	1:139:A:LEU:HD11	1:147:A:ALA:H	17	2.31
(1,759)	1:139:A:LEU:HD12	1:147:A:ALA:H	17	2.31
(1,759)	1:139:A:LEU:HD13	1:147:A:ALA:H	17	2.31
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	9	2.31
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	9	2.31
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	9	2.31
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	12	2.31
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	12	2.31
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	12	2.31
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	1	2.3
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	1	2.3
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	1	2.3
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	1	2.3
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	1	2.3
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	1	2.3
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	20	2.29
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	16	2.29
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	16	2.29
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	16	2.29
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	4	2.29
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	4	2.29
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	4	2.29
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	8	2.28
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	8	2.28
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	8	2.28
(4,314)	1:91:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HG3	11	2.28
(4,314)	1:91:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HG3	11	2.28
(4,314)	1:91:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HG3	11	2.28
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	20	2.28
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	16	2.28
(4,63)	1:46:A:ARG:HA	1:46:A:ARG:HG2	2	2.28
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	11	2.28
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	11	2.28
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	11	2.28
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	18	2.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	18	2.28
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	18	2.28
(4,297)	1:46:A:ARG:HD2	1:46:A:ARG:HB2	16	2.27
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	9	2.27
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	9	2.27
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	9	2.27
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	9	2.27
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	9	2.27
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	9	2.27
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	3	2.26
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	11	2.26
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	11	2.26
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	11	2.26
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	11	2.26
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	11	2.26
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	11	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	2	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	2	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	2	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	4	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	4	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	4	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	12	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	12	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	12	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	14	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	14	2.26
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	14	2.26
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	20	2.25
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	10	2.25
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	11	2.25
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	1	2.25
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	1	2.25
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	1	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	10	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	10	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	10	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	10	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	10	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	10	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	13	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	13	2.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	13	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	13	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	13	2.25
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	13	2.25
(4,201)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HZ	20	2.24
(4,201)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HZ	20	2.24
(4,201)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HZ	20	2.24
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	7	2.24
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	8	2.24
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	14	2.24
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	11	2.24
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	11	2.24
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	11	2.24
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	5	2.23
(4,188)	1:25:A:LEU:HB3	1:25:A:LEU:HG	2	2.23
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	18	2.23
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	18	2.23
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	18	2.23
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	15	2.23
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	15	2.23
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	15	2.23
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	17	2.23
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	17	2.23
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	17	2.23
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	7	2.22
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	7	2.22
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	7	2.22
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	10	2.22
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	10	2.22
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	10	2.22
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	1	2.21
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	8	2.21
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	2	2.21
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	2	2.21
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	2	2.21
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	9	2.2
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	2	2.2
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	2	2.2
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	2	2.2
(1,481)	1:6:A:LEU:HD21	1:54:A:ASN:H	3	2.2
(1,481)	1:6:A:LEU:HD22	1:54:A:ASN:H	3	2.2
(1,481)	1:6:A:LEU:HD23	1:54:A:ASN:H	3	2.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	6	2.19
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	16	2.19
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	15	2.19
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	15	2.19
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	15	2.19
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	15	2.19
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	15	2.19
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	15	2.19
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	10	2.19
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	10	2.19
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	10	2.19
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	17	2.18
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	17	2.18
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	17	2.18
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	12	2.18
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	19	2.18
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	19	2.18
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	19	2.18
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	19	2.18
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	19	2.18
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	19	2.18
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	4	2.18
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	4	2.18
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	4	2.18
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	20	2.18
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	20	2.18
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	20	2.18
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	5	2.17
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	5	2.17
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	5	2.17
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	2	2.17
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	14	2.17
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	17	2.17
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	8	2.17
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	8	2.17
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	8	2.17
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	8	2.17
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	19	2.17
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	19	2.17
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	19	2.17
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	3	2.16
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	4	2.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	18	2.16
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	9	2.16
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	9	2.16
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	9	2.16
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	7	2.15
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	17	2.15
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	13	2.15
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	13	2.15
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	13	2.15
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	19	2.14
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	6	2.14
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	9	2.14
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	8	2.13
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	11	2.13
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	14	2.13
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	14	2.13
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	14	2.13
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	10	2.12
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	12	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	1	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	1	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	1	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	2	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	2	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	2	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	3	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	3	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	3	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	4	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	4	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	4	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	5	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	5	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	5	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	6	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	6	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	6	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	7	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	7	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	7	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	8	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	8	2.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	8	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	9	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	9	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	9	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	10	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	10	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	10	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	11	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	11	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	11	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	12	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	12	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	12	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	13	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	13	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	13	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	14	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	14	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	14	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	15	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	15	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	15	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	16	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	16	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	16	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	17	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	17	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	17	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	18	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	18	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	18	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	19	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	19	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	19	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG21	1:116:A:ILE:HB	20	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG22	1:116:A:ILE:HB	20	2.12
(4,9)	1:116:A:ILE:HG23	1:116:A:ILE:HB	20	2.12
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	5	2.12
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	5	2.12
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	5	2.12
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	18	2.11
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	18	2.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	18	2.11
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	20	2.11
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	20	2.11
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	20	2.11
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	3	2.11
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	3	2.11
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	3	2.11
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	7	2.1
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	7	2.1
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	7	2.1
(4,194)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HB2	13	2.1
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	4	2.1
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	5	2.1
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	2	2.1
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	17	2.1
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	17	2.1
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	17	2.1
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	2	2.1
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	2	2.1
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	2	2.1
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	19	2.09
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	19	2.09
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	19	2.09
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	5	2.09
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	5	2.09
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	5	2.09
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	8	2.09
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	8	2.09
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	8	2.09
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	12	2.09
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	12	2.09
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	12	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	12	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	12	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	12	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	13	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	13	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	13	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	16	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	16	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	16	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	20	2.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	20	2.09
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	20	2.09
(1,725)	1:139:A:LEU:HD11	1:143:A:ASN:H	6	2.09
(1,725)	1:139:A:LEU:HD12	1:143:A:ASN:H	6	2.09
(1,725)	1:139:A:LEU:HD13	1:143:A:ASN:H	6	2.09
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	1	2.08
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	1	2.08
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	1	2.08
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	20	2.08
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	20	2.08
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	20	2.08
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	13	2.08
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	13	2.08
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	13	2.08
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	7	2.08
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	15	2.08
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	15	2.08
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	15	2.08
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	17	2.08
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	17	2.08
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	17	2.08
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	4	2.07
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	4	2.07
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	4	2.07
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	6	2.07
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	6	2.07
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	6	2.07
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD11	19	2.07
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD12	19	2.07
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE1	1:139:A:LEU:HD13	19	2.07
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD11	19	2.07
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD12	19	2.07
(1,3120)	1:142:A:TYR:HE2	1:139:A:LEU:HD13	19	2.07
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	11	2.07
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	11	2.07
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	11	2.07
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	18	2.07
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	18	2.07
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	18	2.07
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	18	2.06
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	18	2.06
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	18	2.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	1	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	1	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	1	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	3	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	3	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	3	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	4	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	4	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	4	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	6	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	6	2.06
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	6	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	1	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	1	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	1	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	4	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	4	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	4	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	7	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	7	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	7	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	10	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	10	2.06
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	10	2.06
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	19	2.05
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	19	2.05
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	19	2.05
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	5	2.05
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	5	2.05
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	5	2.05
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	18	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	10	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	10	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	10	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	14	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	14	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	14	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	16	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	16	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	16	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	19	2.05
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	19	2.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	19	2.05
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	11	2.05
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	11	2.05
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	11	2.05
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	12	2.04
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	12	2.04
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	12	2.04
(4,112)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD3	5	2.04
(4,112)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD3	5	2.04
(4,112)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD3	5	2.04
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	11	2.04
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	11	2.04
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	11	2.04
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	18	2.04
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	18	2.04
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	18	2.04
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	17	2.04
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	3	2.04
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	3	2.04
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	3	2.04
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	6	2.04
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	6	2.04
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	6	2.04
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	15	2.03
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	15	2.03
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	15	2.03
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	16	2.03
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	16	2.03
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	16	2.03
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	16	2.03
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	16	2.03
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	16	2.03
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	20	2.03
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	20	2.03
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	20	2.03
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	14	2.03
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	12	2.03
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	12	2.03
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	12	2.03
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	8	2.03
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	8	2.03
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	8	2.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	14	2.03
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	14	2.03
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	14	2.03
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	9	2.02
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	9	2.02
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	9	2.02
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	1	2.02
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD11	5	2.02
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD12	5	2.02
(4,162)	1:179:A:PHE:HE1	1:185:A:ILE:HD13	5	2.02
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD11	5	2.02
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD12	5	2.02
(4,162)	1:179:A:PHE:HE2	1:185:A:ILE:HD13	5	2.02
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	7	2.02
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	7	2.02
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	7	2.02
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	11	2.01
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:H	19	2.01
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:H	19	2.01
(1,1169)	1:139:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:H	19	2.01
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	9	2.01
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	9	2.01
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	9	2.01
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	11	2.0
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	11	2.0
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	11	2.0
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	14	2.0
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	14	2.0
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	14	2.0
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	6	2.0
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	12	2.0
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	12	2.0
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	12	2.0
(4,252)	1:36:A:LEU:HD21	1:29:A:ARG:HD3	9	1.99
(4,252)	1:36:A:LEU:HD22	1:29:A:ARG:HD3	9	1.99
(4,252)	1:36:A:LEU:HD23	1:29:A:ARG:HD3	9	1.99
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	15	1.99
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	15	1.99
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	15	1.99
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	8	1.98
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	8	1.98
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	8	1.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	6	1.97
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	6	1.97
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	6	1.97
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	12	1.97
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	12	1.97
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	12	1.97
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	2	1.97
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	2	1.97
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	2	1.97
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	1	1.97
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	17	1.97
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	17	1.97
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	17	1.97
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	2	1.96
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	2	1.96
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	2	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	9	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	9	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	9	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	10	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	10	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	10	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	18	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	18	1.96
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	18	1.96
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	3	1.96
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	3	1.96
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	3	1.96
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD11	9	1.96
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD12	9	1.96
(4,11)	1:216:A:ILE:HA	1:216:A:ILE:HD13	9	1.96
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	13	1.95
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	13	1.95
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	13	1.95
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	16	1.95
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	16	1.95
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	16	1.95
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	17	1.95
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	17	1.95
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	17	1.95
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	2	1.94
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	2	1.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	2	1.94
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	4	1.94
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	4	1.94
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	4	1.94
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	19	1.94
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	19	1.94
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	19	1.94
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	16	1.94
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	16	1.94
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	16	1.94
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	16	1.94
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	16	1.94
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	16	1.94
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	7	1.93
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	7	1.93
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	7	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	4	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	4	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	4	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	4	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	4	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	4	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	14	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	14	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	14	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	14	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	14	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	14	1.93
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	19	1.93
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	19	1.93
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	19	1.93
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	12	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	12	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	12	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	12	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	12	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	12	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	19	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	19	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	19	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	19	1.92
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	19	1.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	19	1.92
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	2	1.92
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	2	1.92
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	2	1.92
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	15	1.92
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	15	1.92
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	15	1.92
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	1	1.91
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	8	1.91
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	8	1.91
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	8	1.91
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	13	1.91
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	13	1.91
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	13	1.91
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	15	1.9
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	15	1.9
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	15	1.9
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	12	1.9
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	12	1.9
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	12	1.9
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	18	1.9
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	18	1.9
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	18	1.9
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	11	1.89
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	11	1.89
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	11	1.89
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD11	14	1.89
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD12	14	1.89
(4,309)	1:127:A:LEU:HA	1:127:A:LEU:HD13	14	1.89
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	13	1.89
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	5	1.89
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	5	1.89
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	5	1.89
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	13	1.88
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	13	1.88
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	13	1.88
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	6	1.88
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	6	1.88
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	6	1.88
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	10	1.87
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	16	1.87
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	16	1.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	16	1.87
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	16	1.87
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	1	1.87
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	1	1.87
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	1	1.87
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	1	1.87
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	1	1.87
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	1	1.87
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	15	1.86
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	12	1.86
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	1	1.86
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	1	1.86
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	1	1.86
(4,186)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	3	1.86
(4,186)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	3	1.86
(4,186)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	3	1.86
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	5	1.86
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	5	1.86
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	5	1.86
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	20	1.86
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	20	1.86
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	20	1.86
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	20	1.86
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	20	1.86
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	20	1.86
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	3	1.85
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	3	1.85
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	3	1.85
(4,252)	1:36:A:LEU:HD21	1:29:A:ARG:HD3	20	1.84
(4,252)	1:36:A:LEU:HD22	1:29:A:ARG:HD3	20	1.84
(4,252)	1:36:A:LEU:HD23	1:29:A:ARG:HD3	20	1.84
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	20	1.84
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	5	1.84
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	5	1.84
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	5	1.84
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	12	1.84
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	18	1.84
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	10	1.84
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	3	1.84
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	3	1.84
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	3	1.84
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	3	1.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	3	1.84
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	3	1.84
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	17	1.84
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	1	1.84
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	1	1.84
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	1	1.84
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	8	1.84
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	8	1.84
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	8	1.84
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	1	1.84
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	11	1.82
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	7	1.82
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	7	1.82
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	7	1.82
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	7	1.82
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	7	1.82
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	7	1.82
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	11	1.82
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	11	1.82
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	11	1.82
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	3	1.82
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	13	1.82
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	13	1.82
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	13	1.82
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	3	1.82
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	18	1.81
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	16	1.81
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	13	1.81
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	14	1.81
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	14	1.81
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	14	1.81
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	4	1.8
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	3	1.8
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	13	1.8
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	13	1.8
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	2	1.8
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	5	1.8
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	4	1.79
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	13	1.79
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	2	1.79
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	8	1.79
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	8	1.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	8	1.79
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	8	1.79
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	8	1.79
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	8	1.79
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	17	1.79
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	4	1.79
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	4	1.79
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	4	1.79
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	20	1.79
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	20	1.79
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	20	1.79
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	12	1.79
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	9	1.79
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	9	1.79
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	9	1.79
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	2	1.78
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	15	1.78
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	14	1.78
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	9	1.78
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	1	1.78
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	3	1.78
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	4	1.78
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	13	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	9	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	9	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	9	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	9	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	9	1.78
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	9	1.78
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	16	1.78
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	17	1.78
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	20	1.78
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	12	1.78
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	12	1.78
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	12	1.78
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	1	1.77
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	10	1.77
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	13	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	11	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	11	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	11	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	11	1.77

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	11	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	11	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	17	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	17	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	17	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	17	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	17	1.77
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	17	1.77
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	16	1.77
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	14	1.77
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	18	1.77
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	11	1.77
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	11	1.77
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	11	1.77
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	16	1.77
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	16	1.77
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	16	1.77
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	16	1.77
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	16	1.77
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	16	1.77
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	6	1.76
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	3	1.76
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	20	1.76
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	16	1.76
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	4	1.76
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	19	1.76
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	4	1.76
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	19	1.76
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	19	1.76
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	19	1.76
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	19	1.76
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	8	1.76
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	11	1.76
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	3	1.76
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	3	1.76
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	3	1.76
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	6	1.76
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	6	1.76
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	6	1.76
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	18	1.76
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	18	1.76
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	18	1.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	7	1.75
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	12	1.75
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	16	1.75
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	1	1.75
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	16	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	1	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	2	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	3	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	5	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	6	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	7	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	8	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	9	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	10	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	11	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	12	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	13	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	14	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	15	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	16	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	17	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	18	1.75
(4,70)	1:183:A:LEU:HB2	1:183:A:LEU:HB3	20	1.75
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	8	1.75
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	8	1.75
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	8	1.75
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	19	1.75
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	18	1.75
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	18	1.75
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	18	1.75
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	18	1.75
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	18	1.75
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	18	1.75
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	13	1.75
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	9	1.75
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	18	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	7	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	7	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	7	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	10	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	10	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	10	1.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	11	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	11	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	11	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	13	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	13	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	13	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	15	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	15	1.75
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	15	1.75
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	3	1.74
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	6	1.74
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	7	1.74
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	19	1.74
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	20	1.74
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	20	1.74
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	20	1.74
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	15	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	1	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	1	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	1	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	2	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	2	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	2	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	4	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	4	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	4	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	8	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	8	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	8	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	17	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	17	1.74
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	17	1.74
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	9	1.73
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	13	1.73
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	20	1.73
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	9	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	6	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	6	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	6	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	6	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	6	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	6	1.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	15	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	15	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	15	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	15	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	15	1.73
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	15	1.73
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	20	1.73
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	20	1.73
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	20	1.73
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	8	1.72
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	11	1.72
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	18	1.72
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	19	1.72
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	3	1.72
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	15	1.72
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	9	1.72
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	6	1.72
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	2	1.72
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	2	1.72
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	2	1.72
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	2	1.72
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	2	1.72
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	2	1.72
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	1	1.72
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	4	1.72
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	18	1.71
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	18	1.71
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	18	1.71
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	6	1.71
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	4	1.71
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	5	1.71
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	7	1.71
(1,320)	1:62:A:VAL:HG21	1:63:A:ALA:H	5	1.71
(1,320)	1:62:A:VAL:HG22	1:63:A:ALA:H	5	1.71
(1,320)	1:62:A:VAL:HG23	1:63:A:ALA:H	5	1.71
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	5	1.7
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	5	1.7
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	5	1.7
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	5	1.7
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	14	1.7
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	8	1.7
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	3	1.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	14	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	5	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	5	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	5	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	5	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	5	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	5	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	13	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	13	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	13	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	13	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	13	1.7
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	13	1.7
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	11	1.7
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	11	1.7
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	11	1.7
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	9	1.7
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	15	1.7
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	15	1.7
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	15	1.7
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	5	1.69
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	17	1.69
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	18	1.69
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	4	1.69
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	12	1.69
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	19	1.69
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	17	1.69
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD1	10	1.69
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD11	1:107:A:TYR:HD2	10	1.69
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD1	10	1.69
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD12	1:107:A:TYR:HD2	10	1.69
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD1	10	1.69
(1,2541)	1:114:A:LEU:HD13	1:107:A:TYR:HD2	10	1.69
(1,2122)	1:64:A:ILE:H	1:72:A:MET:HG2	4	1.69
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	4	1.69
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	19	1.69
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	19	1.69
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	19	1.69
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	5	1.68
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	5	1.68
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	1	1.68
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	1	1.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	1	1.68
(4,165)	1:238:A:ALA:H	1:237:A:ILE:HG13	3	1.68
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	8	1.68
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	8	1.68
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	18	1.68
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	16	1.68
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	16	1.68
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	16	1.68
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	2	1.68
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	11	1.67
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	11	1.67
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	11	1.67
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	2	1.67
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	7	1.67
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	11	1.67
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	4	1.67
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	13	1.67
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	17	1.67
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	2	1.67
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	2	1.67
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	2	1.67
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	14	1.67
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	14	1.67
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	14	1.67
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	6	1.66
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	6	1.66
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	6	1.66
(4,235)	1:81:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	17	1.66
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	6	1.66
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	7	1.66
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	17	1.66
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	6	1.66
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	6	1.66
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	6	1.66
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	18	1.66
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	7	1.66
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	7	1.66
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	1	1.66
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	1	1.66
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	1	1.66
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	17	1.66
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	17	1.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	17	1.66
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	1	1.66
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	8	1.66
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	2	1.66
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	5	1.66
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	3	1.65
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	9	1.65
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	9	1.65
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	9	1.65
(4,243)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HE1	14	1.65
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	5	1.65
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	9	1.65
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	4	1.65
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	5	1.65
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	2	1.65
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	6	1.65
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	20	1.65
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	5	1.65
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	5	1.65
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	5	1.65
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	5	1.65
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	5	1.65
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	5	1.65
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	8	1.65
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	8	1.65
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	8	1.65
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	9	1.65
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	9	1.65
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	9	1.65
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	7	1.65
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	18	1.65
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	6	1.65
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	10	1.65
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	7	1.65
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	7	1.65
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	7	1.65
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	17	1.65
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	17	1.65
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	17	1.65
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	3	1.64
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	3	1.64
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	3	1.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	20	1.64
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	20	1.64
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	20	1.64
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	8	1.64
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	8	1.64
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	8	1.64
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	10	1.64
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	19	1.64
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	5	1.64
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	3	1.64
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	3	1.64
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	3	1.64
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	9	1.64
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	7	1.64
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	7	1.64
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	7	1.64
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	12	1.64
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	12	1.64
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	12	1.64
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	9	1.64
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	1	1.64
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	17	1.64
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	12	1.63
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	12	1.63
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	12	1.63
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	10	1.63
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	10	1.63
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	10	1.63
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	14	1.63
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	14	1.63
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	14	1.63
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	15	1.63
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	15	1.63
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	15	1.63
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	8	1.63
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	4	1.63
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	1	1.63
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	3	1.63
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	17	1.63
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	15	1.63
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	3	1.63
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	3	1.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	3	1.63
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	6	1.63
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	4	1.63
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	4	1.63
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	4	1.63
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	4	1.63
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	5	1.63
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	5	1.63
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	5	1.63
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	1	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	1	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	1	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	2	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	2	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	2	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	10	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	10	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	10	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	11	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	11	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	11	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	14	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	14	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	14	1.62
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	3	1.62
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	4	1.62
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	4	1.62
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	4	1.62
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	14	1.62
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	14	1.62
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	14	1.62
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	16	1.62
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	9	1.62
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	5	1.62
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	5	1.62
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	5	1.62
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	8	1.62
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	15	1.62
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	18	1.62
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	3	1.62
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	6	1.62
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	10	1.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	11	1.62
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	12	1.62
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	14	1.62
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	19	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	2	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	2	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	2	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	3	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	3	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	3	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	9	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	9	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	9	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	13	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	13	1.62
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	13	1.62
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	6	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	6	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	6	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	13	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	13	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	13	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	15	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	15	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	15	1.61
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	3	1.61
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	3	1.61
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	3	1.61
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	10	1.61
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	3	1.61
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	1	1.61
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	10	1.61
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	12	1.61
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	11	1.61
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	1	1.61
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	1	1.61
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	1	1.61
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	11	1.61
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	11	1.61
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	11	1.61
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	8	1.6
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	8	1.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	8	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	4	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	4	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	4	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	8	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	8	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	8	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	9	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	9	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	9	1.6
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	6	1.6
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	6	1.6
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	6	1.6
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	6	1.6
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	11	1.6
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	14	1.6
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	15	1.6
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	2	1.6
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	7	1.6
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	16	1.6
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	16	1.6
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	15	1.6
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	15	1.6
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	15	1.6
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	3	1.6
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	14	1.6
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	10	1.6
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	10	1.6
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	10	1.6
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	19	1.6
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	2	1.59
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	2	1.59
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	2	1.59
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	11	1.59
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	13	1.59
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	14	1.59
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	7	1.59
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	12	1.59
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	16	1.59
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	7	1.59
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	7	1.59
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	7	1.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	17	1.58
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	2	1.58
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	2	1.58
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	2	1.58
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	9	1.58
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	9	1.58
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	9	1.58
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	15	1.58
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	15	1.58
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	15	1.58
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	6	1.58
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	19	1.58
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	7	1.58
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	7	1.58
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	7	1.58
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	7	1.58
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	12	1.58
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	16	1.58
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	18	1.58
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	19	1.58
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	20	1.58
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	12	1.58
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	14	1.58
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	14	1.58
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	14	1.58
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	15	1.58
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	15	1.58
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	15	1.58
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	13	1.58
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	12	1.58
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	5	1.58
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	5	1.58
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	20	1.58
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	20	1.58
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	20	1.58
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	20	1.57
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	20	1.57
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	20	1.57
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	11	1.57
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	11	1.57
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	11	1.57
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	17	1.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	17	1.57
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	17	1.57
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	4	1.57
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	15	1.57
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	8	1.57
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	10	1.57
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	20	1.57
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	19	1.57
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	2	1.57
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	10	1.57
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	1	1.57
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	1	1.57
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	1	1.57
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	7	1.57
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	13	1.57
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	13	1.57
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	13	1.57
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	10	1.57
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	20	1.57
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	5	1.57
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	5	1.57
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	5	1.57
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	13	1.57
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	12	1.57
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	12	1.57
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	12	1.57
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	17	1.57
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	17	1.57
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	17	1.57
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	8	1.56
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	8	1.56
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	8	1.56
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	2	1.56
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	10	1.56
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	16	1.56
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	4	1.56
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	4	1.56
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	4	1.56
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	19	1.56
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	6	1.56
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	6	1.56
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	6	1.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	12	1.55
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	12	1.55
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	12	1.55
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	7	1.55
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	12	1.55
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	13	1.55
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	5	1.55
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	2	1.55
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	6	1.55
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	6	1.55
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	6	1.55
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	4	1.55
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	8	1.55
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	8	1.55
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	8	1.55
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	2	1.54
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	2	1.54
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	2	1.54
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	5	1.54
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	15	1.54
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	5	1.54
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	6	1.54
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	9	1.54
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	10	1.54
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	11	1.54
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	1	1.54
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	8	1.54
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	8	1.54
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	8	1.54
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	5	1.54
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	5	1.54
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	5	1.54
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	5	1.54
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	5	1.54
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	5	1.54
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	5	1.54
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	5	1.54
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	5	1.54
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	10	1.54
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	10	1.54
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	10	1.54
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	6	1.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	6	1.53
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	6	1.53
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	2	1.53
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	3	1.53
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	17	1.53
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	19	1.53
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	20	1.53
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	16	1.53
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	16	1.53
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	16	1.53
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	3	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	3	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	3	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	7	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	7	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	7	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	8	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	8	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	8	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	10	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	10	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	10	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	15	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	15	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	15	1.52
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	8	1.52
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	14	1.52
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	15	1.52
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	18	1.52
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	14	1.52
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	14	1.52
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	14	1.52
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	13	1.52
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	5	1.52
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	9	1.52
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	9	1.52
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	9	1.52
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	10	1.52
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	10	1.52
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	10	1.52
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	6	1.52
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	10	1.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	10	1.52
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	10	1.52
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	11	1.52
(1,994)	1:66:A:VAL:HG11	1:38:A:ARG:H	16	1.52
(1,994)	1:66:A:VAL:HG12	1:38:A:ARG:H	16	1.52
(1,994)	1:66:A:VAL:HG13	1:38:A:ARG:H	16	1.52
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	19	1.52
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	19	1.52
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	19	1.52
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	1	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	1	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	1	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	4	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	4	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	4	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	5	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	5	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	5	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	9	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	9	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	9	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	20	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	20	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	20	1.51
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	9	1.51
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	16	1.51
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	11	1.51
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	11	1.51
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	11	1.51
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	19	1.51
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	12	1.5
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	12	1.5
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	12	1.5
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	7	1.5
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	11	1.5
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	14	1.5
(4,133)	1:139:A:LEU:HB3	1:138:A:THR:H	1	1.5
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	4	1.5
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	8	1.5
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	10	1.5
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	10	1.5
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	10	1.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	17	1.5
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	17	1.5
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	17	1.5
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	2	1.5
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	11	1.5
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	18	1.5
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	18	1.5
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	18	1.5
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	11	1.49
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	11	1.49
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	11	1.49
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	14	1.49
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	14	1.49
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	14	1.49
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	16	1.49
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	16	1.49
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	16	1.49
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	6	1.49
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	6	1.49
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	6	1.49
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	7	1.49
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	7	1.49
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	7	1.49
(4,94)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HB2	9	1.49
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	2	1.49
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	2	1.49
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	2	1.49
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	4	1.49
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	17	1.49
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	20	1.49
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	18	1.48
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	18	1.48
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	18	1.48
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	13	1.48
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	13	1.48
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	13	1.48
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	17	1.48
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	17	1.48
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	17	1.48
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	19	1.48
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	19	1.48
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	19	1.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	1	1.48
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	1	1.48
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	1	1.48
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	14	1.48
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	14	1.48
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	14	1.48
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	9	1.48
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	9	1.48
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	9	1.48
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	7	1.48
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	7	1.48
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	7	1.48
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	18	1.48
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	18	1.48
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	18	1.48
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	12	1.48
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	17	1.48
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	20	1.48
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	18	1.48
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	18	1.48
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	18	1.48
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	14	1.47
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	14	1.47
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	14	1.47
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	13	1.47
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	13	1.47
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	13	1.47
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	19	1.47
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	19	1.47
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	19	1.47
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	15	1.47
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	6	1.47
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	17	1.47
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	17	1.47
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	17	1.47
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	20	1.46
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	20	1.46
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	20	1.46
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	18	1.46
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	18	1.46
(4,212)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	18	1.46
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	14	1.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	3	1.46
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	3	1.46
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	3	1.46
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	5	1.46
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	5	1.46
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	5	1.46
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	14	1.46
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	14	1.46
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	14	1.46
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	12	1.46
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	12	1.46
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	12	1.46
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	1	1.46
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	15	1.46
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	19	1.46
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	15	1.46
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	5	1.45
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	5	1.45
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	5	1.45
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	2	1.45
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	12	1.45
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	18	1.45
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	12	1.45
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	11	1.45
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	7	1.45
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	7	1.45
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	7	1.45
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	17	1.45
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	17	1.45
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	17	1.45
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	1	1.45
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	1	1.45
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	1	1.45
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	4	1.45
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	4	1.45
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	4	1.45
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	20	1.45
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	20	1.45
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	20	1.45
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	14	1.45
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	14	1.45
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	14	1.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	9	1.45
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	9	1.44
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	13	1.44
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	11	1.44
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	11	1.44
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	11	1.44
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	17	1.44
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	7	1.44
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	6	1.44
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	6	1.44
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	6	1.44
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	6	1.44
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	6	1.44
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	6	1.44
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	6	1.44
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	6	1.44
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	6	1.44
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	11	1.44
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	8	1.44
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	8	1.44
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	8	1.44
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	12	1.44
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	12	1.44
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	12	1.44
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	20	1.44
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	20	1.44
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	20	1.44
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	14	1.44
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	3	1.43
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	3	1.43
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	3	1.43
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	16	1.43
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	16	1.43
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	16	1.43
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	13	1.43
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	15	1.43
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	15	1.43
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	15	1.43
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	16	1.43
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	18	1.43
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	3	1.43
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	10	1.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	11	1.43
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	16	1.42
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	16	1.42
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	16	1.42
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	11	1.42
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	20	1.42
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	20	1.42
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	20	1.42
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	15	1.42
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	4	1.41
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	4	1.41
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	17	1.41
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	17	1.41
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	17	1.41
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	19	1.41
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	19	1.41
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	19	1.41
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	19	1.41
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	19	1.41
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	19	1.41
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	18	1.41
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	6	1.41
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	6	1.41
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	6	1.41
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	6	1.41
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	6	1.41
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	6	1.41
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	11	1.41
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	11	1.41
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	11	1.41
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	10	1.41
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	14	1.41
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	6	1.41
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	7	1.41
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	1	1.41
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	1	1.41
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	1	1.41
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	17	1.4
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	9	1.4
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	9	1.4
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	9	1.4
(4,252)	1:36:A:LEU:HD21	1:29:A:ARG:HD3	10	1.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,252)	1:36:A:LEU:HD22	1:29:A:ARG:HD3	10	1.4
(4,252)	1:36:A:LEU:HD23	1:29:A:ARG:HD3	10	1.4
(4,108)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:HB3	20	1.4
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	1	1.4
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	9	1.4
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	15	1.4
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	16	1.4
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	18	1.4
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	6	1.4
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	6	1.4
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	6	1.4
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	7	1.39
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	7	1.39
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	7	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	2	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	2	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	2	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	11	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	11	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	11	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	13	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	13	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	13	1.39
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	4	1.39
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	16	1.39
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	4	1.39
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	4	1.39
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	4	1.39
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	15	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	2	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	2	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	2	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	2	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	2	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	2	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	2	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	2	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	2	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	17	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	17	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	17	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	17	1.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	17	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	17	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	17	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	17	1.39
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	17	1.39
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD11	1:118:A:ALA:H	3	1.39
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD12	1:118:A:ALA:H	3	1.39
(1,2091)	1:114:A:LEU:HD13	1:118:A:ALA:H	3	1.39
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	2	1.39
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	10	1.39
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	3	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	3	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	3	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	6	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	6	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	6	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	8	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	8	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	8	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	19	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	19	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	19	1.38
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	8	1.38
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	12	1.38
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	16	1.38
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	16	1.38
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	16	1.38
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	9	1.38
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	9	1.38
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	9	1.38
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	9	1.38
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	9	1.38
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	9	1.38
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	9	1.38
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	9	1.38
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	9	1.38
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	12	1.38
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG21	6	1.38
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG22	6	1.38
(1,779)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HG23	6	1.38
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	14	1.37
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	14	1.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	14	1.37
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	20	1.37
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	20	1.37
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	20	1.37
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	4	1.37
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	13	1.37
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	13	1.37
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	13	1.37
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	13	1.37
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	13	1.37
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	13	1.37
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	19	1.37
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	11	1.37
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	2	1.37
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	14	1.37
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	14	1.37
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	14	1.37
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	8	1.37
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	8	1.37
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	8	1.37
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	3	1.37
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	3	1.37
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	3	1.37
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	3	1.37
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	3	1.37
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	3	1.37
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	3	1.37
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	3	1.37
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	3	1.37
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	5	1.37
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	5	1.37
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	8	1.37
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	19	1.36
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	19	1.36
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	19	1.36
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	4	1.36
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	4	1.36
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	4	1.36
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	7	1.36
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	7	1.36
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	7	1.36
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	20	1.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	19	1.36
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	20	1.36
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	20	1.36
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	20	1.36
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	3	1.36
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	20	1.36
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	5	1.36
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	18	1.36
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	17	1.36
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	5	1.36
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	5	1.36
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	5	1.36
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	1	1.36
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	2	1.36
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	4	1.36
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	13	1.36
(1,1437)	1:19:A:SER:H	1:22:A:ARG:HD3	10	1.36
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	11	1.36
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	11	1.36
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	11	1.36
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	5	1.35
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	5	1.35
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	5	1.35
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	16	1.35
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	16	1.35
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	16	1.35
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	18	1.35
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	18	1.35
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	18	1.35
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	10	1.35
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	10	1.35
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	10	1.35
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	17	1.35
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	12	1.35
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	11	1.35
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	11	1.35
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	11	1.35
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	15	1.35
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	15	1.35
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	15	1.35
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	7	1.35
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	11	1.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	11	1.35
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	11	1.35
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	11	1.35
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	11	1.35
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	11	1.35
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	11	1.35
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	11	1.35
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	11	1.35
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	18	1.35
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	19	1.35
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	19	1.35
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	19	1.35
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	10	1.35
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	10	1.35
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	10	1.35
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	19	1.35
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	19	1.35
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	19	1.35
(1,790)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:H	14	1.35
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	3	1.34
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	3	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	10	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	10	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	10	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	12	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	12	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	12	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	15	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	15	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	15	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	17	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	17	1.34
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	17	1.34
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	12	1.34
(4,183)	1:10:A:THR:H	1:12:A:SER:HA	1	1.34
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	10	1.34
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	8	1.34
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	8	1.34
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	8	1.34
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	9	1.34
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	9	1.34
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	9	1.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	20	1.34
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	20	1.34
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	20	1.34
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	3	1.34
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	3	1.34
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	3	1.34
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	14	1.34
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	14	1.34
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	14	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	8	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	8	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	8	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	8	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	8	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	8	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	8	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	8	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	8	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	19	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	19	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	19	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	19	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	19	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	19	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	19	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	19	1.34
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	19	1.34
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	7	1.34
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	8	1.34
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	9	1.34
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	12	1.34
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	8	1.34
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	13	1.34
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	14	1.34
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	7	1.34
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	13	1.34
(4,252)	1:36:A:LEU:HD21	1:29:A:ARG:HD3	16	1.33
(4,252)	1:36:A:LEU:HD22	1:29:A:ARG:HD3	16	1.33
(4,252)	1:36:A:LEU:HD23	1:29:A:ARG:HD3	16	1.33
(4,179)	1:71:A:VAL:HG21	1:158:A:THR:H	10	1.33
(4,179)	1:71:A:VAL:HG22	1:158:A:THR:H	10	1.33
(4,179)	1:71:A:VAL:HG23	1:158:A:THR:H	10	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	2	1.33
(4,141)	1:143:A:ASN:HB3	1:138:A:THR:HA	20	1.33
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	16	1.33
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	16	1.33
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	16	1.33
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	14	1.33
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	15	1.33
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	17	1.33
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	2	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	5	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	5	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	5	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	10	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	10	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	10	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	13	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	13	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	13	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	14	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	14	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	14	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	19	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	19	1.33
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	19	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	7	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	7	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	7	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	7	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	7	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	7	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	7	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	7	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	7	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	20	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	20	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	20	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	20	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	20	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	20	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	20	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	20	1.33
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	20	1.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	20	1.33
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	1	1.33
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	3	1.33
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	3	1.33
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	3	1.33
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	5	1.33
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	5	1.33
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	5	1.33
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	14	1.33
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD11	1	1.32
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD12	1	1.32
(4,308)	1:41:A:LEU:HA	1:41:A:LEU:HD13	1	1.32
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	3	1.32
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	12	1.32
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	12	1.32
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	12	1.32
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	2	1.32
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	2	1.32
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	2	1.32
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	2	1.32
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	2	1.32
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	2	1.32
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	15	1.32
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	15	1.32
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	15	1.32
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	15	1.32
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	15	1.32
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	15	1.32
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	15	1.32
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	15	1.32
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	15	1.32
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	15	1.32
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	15	1.32
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	15	1.32
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	18	1.32
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	12	1.32
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	17	1.32
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	10	1.31
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	10	1.31
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	10	1.31
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	6	1.31
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	19	1.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	18	1.31
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	18	1.31
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	18	1.31
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	2	1.31
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	2	1.31
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	2	1.31
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	13	1.31
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	13	1.31
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	13	1.31
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	13	1.31
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	13	1.31
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	13	1.31
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	13	1.31
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	13	1.31
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	13	1.31
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	2	1.31
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	2	1.31
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	2	1.31
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	6	1.31
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	8	1.31
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	8	1.31
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	8	1.31
(4,320)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HG	9	1.3
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	18	1.3
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	18	1.3
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	13	1.3
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	5	1.3
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	5	1.3
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	5	1.3
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	19	1.3
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD11	16	1.3
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD12	16	1.3
(1,2572)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HD13	16	1.3
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	19	1.3
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	9	1.3
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	11	1.3
(1,1666)	1:89:A:THR:H	1:83:A:PHE:HB3	16	1.3
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	4	1.3
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	4	1.3
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	4	1.3
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	2	1.3
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	3	1.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	8	1.3
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	10	1.3
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	15	1.3
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	11	1.29
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	11	1.29
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	11	1.29
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	5	1.29
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	10	1.29
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	5	1.29
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	5	1.29
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	5	1.29
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	10	1.29
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	5	1.29
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	14	1.29
(1,2955)	1:64:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	5	1.29
(1,2955)	1:64:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	5	1.29
(1,2955)	1:64:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	5	1.29
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	9	1.29
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	9	1.29
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	9	1.29
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	13	1.29
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	13	1.29
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	13	1.29
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	10	1.29
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	10	1.29
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	10	1.29
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	10	1.29
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	10	1.29
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	10	1.29
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	10	1.29
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	10	1.29
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	10	1.29
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	17	1.29
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	11	1.29
(4,320)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HG	10	1.28
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	16	1.28
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	6	1.28
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	19	1.28
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	19	1.28
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	19	1.28
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	3	1.28
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	3	1.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	3	1.28
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	2	1.28
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	13	1.28
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	15	1.28
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	15	1.28
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	15	1.28
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	4	1.28
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	5	1.28
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	9	1.28
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	18	1.27
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	2	1.27
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	2	1.27
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	2	1.27
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	18	1.27
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	18	1.27
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	18	1.27
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	9	1.27
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	3	1.27
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	4	1.27
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	4	1.27
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	4	1.27
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	1	1.27
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	1	1.27
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	1	1.27
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	1	1.27
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	1	1.27
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	1	1.27
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	1	1.27
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	1	1.27
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	1	1.27
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	3	1.27
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	7	1.27
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	7	1.27
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	7	1.27
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	8	1.27
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	8	1.27
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	8	1.27
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	16	1.27
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	16	1.27
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	16	1.27
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	13	1.27
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	8	1.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	1	1.27
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	20	1.27
(4,320)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HG	19	1.26
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	8	1.26
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	8	1.26
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	14	1.26
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	14	1.26
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	4	1.26
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	5	1.26
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	7	1.26
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	9	1.26
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	17	1.26
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	1	1.26
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	17	1.26
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	19	1.26
(4,48)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HB2	9	1.26
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	8	1.26
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	4	1.26
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	7	1.26
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	8	1.26
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	20	1.26
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	13	1.26
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	7	1.26
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	8	1.26
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	8	1.26
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	8	1.26
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	6	1.26
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	6	1.26
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	6	1.26
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	19	1.26
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	20	1.26
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	20	1.26
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	20	1.26
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	19	1.26
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	2	1.25
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	12	1.25
(4,101)	1:157:A:SER:HB2	1:159:A:SER:H	5	1.25
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	13	1.25
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	13	1.25
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	13	1.25
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	4	1.25
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	6	1.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	10	1.25
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	10	1.25
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	10	1.25
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	18	1.25
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	18	1.25
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	18	1.25
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	10	1.25
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	10	1.25
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	10	1.25
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	12	1.25
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	12	1.25
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	12	1.25
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	12	1.25
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	12	1.25
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	12	1.25
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	12	1.25
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	12	1.25
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	12	1.25
(1,2095)	1:242:A:ASN:HD22	1:36:A:LEU:HB3	3	1.25
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	3	1.25
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	3	1.25
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	3	1.25
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	4	1.25
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	4	1.25
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	4	1.25
(1,1105)	1:81:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HG2	8	1.25
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	18	1.25
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	1	1.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	3	1.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	6	1.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	10	1.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	13	1.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	14	1.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	16	1.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	19	1.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	20	1.24
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	1	1.24
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	1	1.24
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	1	1.24
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	11	1.24
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	11	1.24
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	11	1.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	2	1.24
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	5	1.24
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	12	1.24
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	13	1.24
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	18	1.24
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	19	1.24
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	19	1.24
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	19	1.24
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	19	1.24
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	17	1.24
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	4	1.24
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	6	1.24
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	6	1.24
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	6	1.24
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	6	1.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	8	1.23
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	15	1.23
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	18	1.23
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	6	1.23
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	6	1.23
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	6	1.23
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	7	1.23
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	7	1.23
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	7	1.23
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	1	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	2	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	2	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	2	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	3	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	3	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	3	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	9	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	9	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	9	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	10	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	10	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	10	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	15	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	15	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	15	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	16	1.23
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	16	1.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	16	1.23
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	20	1.23
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	20	1.23
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	20	1.23
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	4	1.23
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	5	1.23
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	16	1.23
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	20	1.22
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	20	1.22
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	13	1.22
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	13	1.22
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	13	1.22
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	9	1.22
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	9	1.22
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	9	1.22
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	1	1.22
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	16	1.22
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	2	1.22
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	9	1.22
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	14	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	1	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	1	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	1	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	5	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	5	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	5	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	6	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	6	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	6	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	7	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	7	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	7	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	11	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	11	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	11	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	12	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	12	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	12	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	13	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	13	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	13	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	14	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	14	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	14	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	17	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	17	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	17	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	18	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	18	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	18	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	19	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	19	1.22
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	19	1.22
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	2	1.22
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	2	1.22
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	2	1.22
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	11	1.22
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	11	1.22
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	11	1.22
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	19	1.22
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	18	1.22
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	5	1.21
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	5	1.21
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	5	1.21
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	10	1.21
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	10	1.21
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	10	1.21
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	20	1.21
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	20	1.21
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	20	1.21
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	20	1.21
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	20	1.21
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	20	1.21
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	18	1.21
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	10	1.21
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	16	1.21
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	17	1.21
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	4	1.21
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	4	1.21
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	4	1.21
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	8	1.21
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	8	1.21
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	8	1.21
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD11	1:139:A:LEU:HA	20	1.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD12	1:139:A:LEU:HA	20	1.21
(1,2637)	1:139:A:LEU:HD13	1:139:A:LEU:HA	20	1.21
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	8	1.21
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	8	1.21
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	8	1.21
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	12	1.21
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	12	1.21
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	12	1.21
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	1	1.21
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	3	1.21
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	7	1.21
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	16	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	2	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	2	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	2	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	3	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	3	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	3	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	4	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	4	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	4	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	9	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	9	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	9	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	11	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	11	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	11	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	12	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	12	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	12	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	15	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	15	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	15	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	16	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	16	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	16	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	17	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	17	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	17	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	18	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	18	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	18	1.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	19	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	19	1.2
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	19	1.2
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	20	1.2
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	4	1.2
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	4	1.2
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	4	1.2
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	12	1.2
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	12	1.2
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	12	1.2
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	16	1.2
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	16	1.2
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	16	1.2
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	6	1.2
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	6	1.2
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	6	1.2
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	6	1.2
(1,2112)	1:169:A:GLN:H	1:170:A:GLN:HB3	14	1.2
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	12	1.2
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	12	1.2
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	12	1.2
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	8	1.2
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	11	1.2
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	18	1.2
(1,770)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HE22	16	1.2
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	17	1.19
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	17	1.19
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	7	1.19
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	7	1.19
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	7	1.19
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	20	1.19
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	20	1.19
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	20	1.19
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	13	1.19
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	13	1.19
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	8	1.19
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	9	1.19
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	3	1.19
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	15	1.19
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	15	1.19
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	15	1.19
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	15	1.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	10	1.19
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	10	1.19
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	10	1.19
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	7	1.19
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	7	1.19
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	7	1.19
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	11	1.19
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	11	1.19
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	11	1.19
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	5	1.19
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	14	1.19
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	14	1.19
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	14	1.19
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	14	1.18
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	14	1.18
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	14	1.18
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	6	1.18
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	8	1.18
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	8	1.18
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	8	1.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	3	1.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	3	1.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	3	1.18
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	18	1.18
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	11	1.18
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	12	1.18
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	12	1.18
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	12	1.18
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	18	1.18
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	18	1.18
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	18	1.18
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	4	1.18
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	4	1.18
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	4	1.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	10	1.17
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	10	1.17
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	10	1.17
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	11	1.17
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	17	1.17
(1,2763)	1:3:A:SER:HB2	1:2:A:VAL:HA	8	1.17
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	5	1.17
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	8	1.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	6	1.16
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	6	1.16
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	16	1.16
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	16	1.16
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	16	1.16
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	6	1.16
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG21	8	1.16
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG22	8	1.16
(4,202)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HG23	8	1.16
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	11	1.16
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	12	1.16
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	12	1.16
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	12	1.16
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	17	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	1	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	1	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	1	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	3	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	3	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	3	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	5	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	5	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	5	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	11	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	11	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	11	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	15	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	15	1.16
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	15	1.16
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	2	1.16
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	2	1.16
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	2	1.16
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	15	1.16
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	15	1.16
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	15	1.16
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	13	1.16
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	13	1.16
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	13	1.16
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	14	1.16
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	14	1.16
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	14	1.16
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	2	1.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	2	1.16
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	2	1.16
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	6	1.16
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	6	1.16
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	6	1.16
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	9	1.16
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	9	1.16
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	9	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	6	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	6	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	6	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	15	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	15	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	15	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	17	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	17	1.16
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	17	1.16
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	9	1.16
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	9	1.16
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	9	1.16
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	13	1.16
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	13	1.16
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	13	1.16
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	5	1.16
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	19	1.16
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	17	1.16
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	15	1.15
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	15	1.15
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	15	1.15
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	7	1.15
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	16	1.15
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	2	1.15
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	16	1.15
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	16	1.15
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	6	1.15
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	11	1.15
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	5	1.15
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	5	1.15
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	5	1.15
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	5	1.15
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	5	1.15
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	5	1.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	13	1.15
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	13	1.15
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	13	1.15
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	6	1.15
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	6	1.15
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	6	1.15
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	19	1.15
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	19	1.15
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	19	1.15
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	4	1.15
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	4	1.15
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	4	1.15
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	8	1.15
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	8	1.15
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	8	1.15
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	14	1.15
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	14	1.15
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	14	1.15
(1,2140)	1:219:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	7	1.15
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	20	1.15
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	14	1.15
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	2	1.14
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	2	1.14
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	1	1.14
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	1	1.14
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	1	1.14
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	16	1.14
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	16	1.14
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	19	1.14
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	18	1.14
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	18	1.14
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	18	1.14
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	7	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	1	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	1	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	1	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	2	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	2	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	2	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	6	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	6	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	6	1.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	7	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	7	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	7	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	8	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	8	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	8	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	18	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	18	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	18	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	20	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	20	1.14
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	20	1.14
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	12	1.14
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	12	1.14
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	12	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	5	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	5	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	5	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	13	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	13	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	13	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	15	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	15	1.14
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	15	1.14
(1,2140)	1:219:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	10	1.14
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	14	1.14
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	5	1.14
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	5	1.14
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	5	1.14
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	8	1.14
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	8	1.14
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	8	1.14
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	14	1.14
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	14	1.14
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	14	1.14
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	11	1.13
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	11	1.13
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	11	1.13
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	13	1.13
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	13	1.13
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	10	1.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	9	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	9	1.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	9	1.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	9	1.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	9	1.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	9	1.13
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	16	1.13
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	10	1.13
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	10	1.13
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	10	1.13
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	13	1.13
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	1	1.13
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	12	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	4	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	4	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	4	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	9	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	9	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	9	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	10	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	10	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	10	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	11	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	11	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	11	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	14	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	14	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	14	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	15	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	15	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	15	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	16	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	16	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	16	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	17	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	17	1.13
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	17	1.13
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	11	1.13
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	11	1.13
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	11	1.13
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	3	1.13
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	3	1.13
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	3	1.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	1	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	1	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	1	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	3	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	3	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	3	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	17	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	17	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	17	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	18	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	18	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	18	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	19	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	19	1.13
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	19	1.13
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	17	1.13
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	17	1.13
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	17	1.13
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	2	1.13
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	9	1.13
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	9	1.13
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	9	1.13
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	2	1.13
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	2	1.13
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	2	1.13
(1,986)	1:239:A:LEU:HD11	1:240:A:LEU:H	17	1.13
(1,986)	1:239:A:LEU:HD12	1:240:A:LEU:H	17	1.13
(1,986)	1:239:A:LEU:HD13	1:240:A:LEU:H	17	1.13
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	11	1.13
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	16	1.12
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	16	1.12
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	16	1.12
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	20	1.12
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	3	1.12
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	17	1.12
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	3	1.12
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	3	1.12
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	4	1.12
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	4	1.12
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	15	1.12
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	15	1.12
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	15	1.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	4	1.12
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	15	1.12
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	18	1.12
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	20	1.12
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	12	1.12
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	12	1.12
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	12	1.12
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	13	1.12
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	13	1.12
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	13	1.12
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	18	1.12
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	18	1.12
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	18	1.12
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	11	1.12
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	11	1.12
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	11	1.12
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	4	1.12
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	10	1.12
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	2	1.12
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	20	1.12
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	9	1.11
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	9	1.11
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	19	1.11
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	19	1.11
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	19	1.11
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	7	1.11
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	13	1.11
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	1	1.11
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	1	1.11
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	1	1.11
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	15	1.11
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	15	1.11
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	1	1.11
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	7	1.11
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	10	1.11
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	16	1.11
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	3	1.11
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	3	1.11
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	3	1.11
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:HA	19	1.11
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:HA	19	1.11
(1,2539)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:HA	19	1.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	5	1.11
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	5	1.11
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	5	1.11
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	18	1.11
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	18	1.11
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	18	1.11
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD21	1:36:A:LEU:HA	7	1.11
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD22	1:36:A:LEU:HA	7	1.11
(1,2236)	1:36:A:LEU:HD23	1:36:A:LEU:HA	7	1.11
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	11	1.11
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	1	1.11
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	1	1.11
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	1	1.11
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	17	1.11
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	1	1.11
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	4	1.11
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	9	1.11
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	10	1.11
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	19	1.1
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	19	1.1
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	19	1.1
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	19	1.1
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	19	1.1
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	9	1.1
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	9	1.1
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	9	1.1
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	2	1.1
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	18	1.1
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	19	1.1
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	15	1.1
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	20	1.1
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	6	1.1
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	6	1.1
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	6	1.1
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	11	1.1
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	14	1.1
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	20	1.1
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	4	1.1
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	9	1.1
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	9	1.1
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	9	1.1
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	20	1.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	20	1.1
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	20	1.1
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	8	1.1
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	8	1.1
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	8	1.1
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	8	1.1
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	8	1.1
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	8	1.1
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	5	1.1
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	8	1.1
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	9	1.1
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	15	1.1
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	15	1.1
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	15	1.1
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	14	1.1
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	15	1.1
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	3	1.1
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	15	1.1
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	20	1.1
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	9	1.09
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	9	1.09
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	9	1.09
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	17	1.09
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	17	1.09
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	17	1.09
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	10	1.09
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	10	1.09
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	1	1.09
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	12	1.09
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	12	1.09
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	12	1.09
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	8	1.09
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	17	1.09
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	9	1.09
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	9	1.09
(4,6)	1:52:A:LEU:HG	1:4:A:PHE:HD1	11	1.09
(4,6)	1:52:A:LEU:HG	1:4:A:PHE:HD2	11	1.09
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	7	1.09
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	7	1.09
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	7	1.09
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	11	1.09
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	18	1.09

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	18	1.09
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	18	1.09
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	18	1.09
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	19	1.09
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	19	1.09
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	19	1.09
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	20	1.09
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	20	1.09
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	20	1.09
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	9	1.09
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	9	1.09
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	9	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	1	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	1	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	1	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	2	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	2	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	2	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	4	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	4	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	4	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	15	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	15	1.09
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	15	1.09
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	5	1.09
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	5	1.09
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	5	1.09
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	5	1.09
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	5	1.09
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	5	1.09
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	15	1.09
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	7	1.09
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	7	1.09
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	7	1.09
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	8	1.08
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	8	1.08
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	8	1.08
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	16	1.08
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	16	1.08
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	16	1.08
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	17	1.08
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	1	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	7	1.08
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	12	1.08
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	12	1.08
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	12	1.08
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	4	1.08
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	4	1.08
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	4	1.08
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	16	1.08
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	16	1.08
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	16	1.08
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	5	1.08
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	10	1.08
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	5	1.08
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	14	1.08
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	13	1.08
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	13	1.08
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	13	1.08
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	16	1.08
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	16	1.08
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	16	1.08
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	4	1.08
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	4	1.08
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	4	1.08
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	20	1.08
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	20	1.08
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	20	1.08
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	17	1.08
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	17	1.08
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	17	1.08
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	20	1.08
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	20	1.08
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	20	1.08
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	5	1.08
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	5	1.08
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	5	1.08
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	13	1.08
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	13	1.08
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	13	1.08
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	13	1.08
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	2	1.08
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	10	1.08
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	13	1.08

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	2	1.08
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	4	1.08
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	4	1.08
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	4	1.08
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	1	1.07
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	1	1.07
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	1	1.07
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	14	1.07
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	14	1.07
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	14	1.07
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	1	1.07
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	1	1.07
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	12	1.07
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	16	1.07
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	12	1.07
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	7	1.07
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	7	1.07
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	7	1.07
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	17	1.07
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	17	1.07
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	17	1.07
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	13	1.07
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	7	1.07
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	7	1.07
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	13	1.07
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	9	1.07
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	9	1.07
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	9	1.07
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	13	1.07
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	13	1.07
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	13	1.07
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	6	1.07
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	1	1.07
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	8	1.07
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	13	1.07
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD11	1:181:A:PRO:HB3	13	1.07
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD12	1:181:A:PRO:HB3	13	1.07
(1,2489)	1:186:A:ILE:HD13	1:181:A:PRO:HB3	13	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	1	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	1	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	1	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	9	1.07

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	9	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	9	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	13	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	13	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	13	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	16	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	16	1.07
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	16	1.07
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	6	1.07
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	6	1.07
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	6	1.07
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	5	1.07
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	5	1.07
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	5	1.07
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	18	1.07
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	18	1.07
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	18	1.07
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	19	1.07
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	20	1.07
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	8	1.07
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	3	1.07
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	12	1.07
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	5	1.07
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	5	1.07
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	5	1.07
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	17	1.07
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	17	1.07
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	17	1.07
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	15	1.07
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	15	1.07
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	15	1.07
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	7	1.06
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	7	1.06
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	7	1.06
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	15	1.06
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	15	1.06
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	15	1.06
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	16	1.06
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	12	1.06
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	12	1.06
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	9	1.06
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	10	1.06

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	15	1.06
(4,137)	1:31:A:LEU:HD11	1:242:A:ASN:H	15	1.06
(4,137)	1:31:A:LEU:HD12	1:242:A:ASN:H	15	1.06
(4,137)	1:31:A:LEU:HD13	1:242:A:ASN:H	15	1.06
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	17	1.06
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	6	1.06
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	13	1.06
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	15	1.06
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	4	1.06
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	8	1.06
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	19	1.06
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	1	1.06
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	1	1.06
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	1	1.06
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	1	1.06
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	5	1.06
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	12	1.06
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	6	1.06
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	12	1.06
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	17	1.06
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	17	1.06
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	17	1.06
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	2	1.06
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	2	1.06
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	2	1.06
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	10	1.06
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	10	1.06
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	10	1.06
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	7	1.06
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	7	1.06
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	7	1.06
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	14	1.06
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	14	1.06
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	14	1.06
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	1	1.06
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	6	1.06
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	12	1.06
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	17	1.06
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	17	1.06
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	17	1.06
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	6	1.06
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	12	1.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	12	1.05
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	12	1.05
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	2	1.05
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	4	1.05
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	1	1.05
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	20	1.05
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	15	1.05
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	18	1.05
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	9	1.05
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	12	1.05
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	2	1.05
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	20	1.05
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	7	1.05
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	2	1.05
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	2	1.05
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	2	1.05
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	16	1.05
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	2	1.05
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	8	1.05
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	3	1.05
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	17	1.05
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	4	1.05
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	4	1.05
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	4	1.05
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	7	1.05
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	7	1.05
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	7	1.05
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	10	1.05
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	10	1.05
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	10	1.05
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	18	1.05
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	18	1.05
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	18	1.05
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	12	1.05
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	7	1.05
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	11	1.05
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	1	1.05
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	1	1.05
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	1	1.05
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	6	1.04
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	8	1.04
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	12	1.04

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	10	1.04
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	10	1.04
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	5	1.04
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	10	1.04
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	10	1.04
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	20	1.04
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	20	1.04
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	11	1.04
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	18	1.04
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	11	1.04
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	9	1.04
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	19	1.04
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	1	1.04
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	1	1.04
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	1	1.04
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	10	1.04
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	10	1.04
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	10	1.04
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	11	1.04
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	11	1.04
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	11	1.04
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	18	1.04
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	2	1.04
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	2	1.04
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	2	1.04
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	4	1.04
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	4	1.04
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	4	1.04
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	2	1.04
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	4	1.04
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	12	1.04
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	12	1.04
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	12	1.04
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	4	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	4	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	4	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	13	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	13	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	13	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	18	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	18	1.03
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	18	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	15	1.03
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	15	1.03
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	3	1.03
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	2	1.03
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	2	1.03
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	2	1.03
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	4	1.03
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	4	1.03
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	4	1.03
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	4	1.03
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	4	1.03
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	6	1.03
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	14	1.03
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	20	1.03
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	3	1.03
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	7	1.03
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	10	1.03
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	3	1.03
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	4	1.03
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	5	1.03
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	2	1.03
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	15	1.03
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	16	1.03
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	16	1.03
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	16	1.03
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	17	1.03
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	17	1.03
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	17	1.03
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	19	1.03
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	19	1.03
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	19	1.03
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	17	1.03
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	8	1.03
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	8	1.03
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	8	1.03
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	14	1.03
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	17	1.03
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	9	1.03
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	10	1.03
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	14	1.03
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	5	1.03
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	5	1.03

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	5	1.03
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	10	1.03
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	10	1.03
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	10	1.03
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	1	1.03
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	7	1.02
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	7	1.02
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	16	1.02
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	16	1.02
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	10	1.02
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	13	1.02
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	13	1.02
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	13	1.02
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	5	1.02
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	14	1.02
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	7	1.02
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	11	1.02
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	19	1.02
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD11	17	1.02
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD12	17	1.02
(4,111)	1:42:A:PRO:HD2	1:41:A:LEU:HD13	17	1.02
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	11	1.02
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	13	1.02
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	2	1.02
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	10	1.02
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	14	1.02
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	16	1.02
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	20	1.02
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	17	1.02
(1,2807)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HG13	9	1.02
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	3	1.02
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	3	1.02
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	3	1.02
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	17	1.02
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	17	1.02
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	17	1.02
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	15	1.02
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	15	1.02
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	15	1.02
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	18	1.02
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	13	1.01
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	19	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	7	1.01
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	7	1.01
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	7	1.01
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	17	1.01
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	17	1.01
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	17	1.01
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	12	1.01
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	12	1.01
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	12	1.01
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	14	1.01
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	15	1.01
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	17	1.01
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	18	1.01
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	14	1.01
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	15	1.01
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	9	1.01
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	9	1.01
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	17	1.01
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	3	1.01
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	3	1.01
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	3	1.01
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	17	1.01
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	17	1.01
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	17	1.01
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	19	1.01
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	19	1.01
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	19	1.01
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	2	1.01
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	2	1.01
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	2	1.01
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	9	1.01
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	9	1.01
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	6	1.01
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	6	1.01
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	6	1.01
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	11	1.01
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	11	1.01
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	11	1.01
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	4	1.01
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	4	1.01
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	4	1.01
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	15	1.01

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	15	1.01
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	15	1.01
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	16	1.01
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	16	1.01
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	16	1.01
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	4	1.01
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	3	1.0
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	3	1.0
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	3	1.0
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	15	1.0
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	15	1.0
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	15	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	6	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	6	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	6	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	10	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	10	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	10	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	16	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	16	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	16	1.0
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	5	1.0
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	14	1.0
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	19	1.0
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	19	1.0
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	19	1.0
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	15	1.0
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	15	1.0
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	15	1.0
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	15	1.0
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	6	1.0
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	19	1.0
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	1	1.0
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	3	1.0
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	8	1.0
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	4	1.0
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	5	1.0
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	16	1.0
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	9	1.0
(4,44)	1:63:A:ALA:HB1	1:81:A:TYR:H	14	1.0
(4,44)	1:63:A:ALA:HB2	1:81:A:TYR:H	14	1.0
(4,44)	1:63:A:ALA:HB3	1:81:A:TYR:H	14	1.0

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	18	1.0
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	5	1.0
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	5	1.0
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	5	1.0
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	20	1.0
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	20	1.0
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	20	1.0
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	16	1.0
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	16	1.0
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	16	1.0
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	7	1.0
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	20	1.0
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	15	1.0
(1,591)	1:209:A:PHE:HB2	1:211:A:THR:H	3	1.0
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	18	1.0
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	18	1.0
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	18	1.0
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	7	1.0
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	7	1.0
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	7	1.0
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	20	1.0
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	3	0.99
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	3	0.99
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	3	0.99
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	4	0.99
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	15	0.99
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	17	0.99
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	20	0.99
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	9	0.99
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	9	0.99
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	9	0.99
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	6	0.99
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	6	0.99
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	6	0.99
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	13	0.99
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	13	0.99
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	13	0.99
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	16	0.99
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	2	0.99
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	13	0.99
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	18	0.99
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	4	0.99

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	5	0.99
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	12	0.99
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	8	0.99
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	8	0.99
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	8	0.99
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	8	0.99
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	8	0.99
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	8	0.99
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	18	0.99
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	2	0.99
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	2	0.99
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	2	0.99
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	3	0.99
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	3	0.99
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	3	0.99
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	3	0.99
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	7	0.99
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	7	0.99
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	7	0.99
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	3	0.99
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	3	0.99
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	12	0.99
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	12	0.99
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	12	0.99
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	18	0.99
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	18	0.99
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	18	0.99
(1,2140)	1:219:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	5	0.99
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	3	0.99
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	3	0.99
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	3	0.99
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	13	0.99
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	14	0.99
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	14	0.99
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	14	0.99
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	13	0.99
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	13	0.99
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	13	0.99
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	7	0.98
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	6	0.98
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	18	0.98
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	18	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	18	0.98
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	3	0.98
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	12	0.98
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	2	0.98
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	5	0.98
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	12	0.98
(4,143)	1:139:A:LEU:HB2	1:141:A:TYR:H	16	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	1	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	1	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	8	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	8	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	11	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	11	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	12	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	12	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	14	0.98
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	14	0.98
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	12	0.98
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	8	0.98
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	8	0.98
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	19	0.98
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	19	0.98
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	19	0.98
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	6	0.98
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	6	0.98
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	6	0.98
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	1	0.98
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	1	0.98
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	1	0.98
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	12	0.98
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	12	0.98
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	12	0.98
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	10	0.98
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	10	0.98
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	10	0.98
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	16	0.98
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	12	0.98
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	6	0.98
(1,591)	1:209:A:PHE:HB2	1:211:A:THR:H	1	0.98
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	20	0.98
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	20	0.98
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	20	0.98

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	5	0.97
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	5	0.97
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	5	0.97
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	8	0.97
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	8	0.97
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	8	0.97
(4,166)	1:217:A:ASN:H	1:215:A:LEU:HB2	15	0.97
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	5	0.97
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	14	0.97
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	1	0.97
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	1	0.97
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	1	0.97
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	5	0.97
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	5	0.97
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	5	0.97
(1,774)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HE22	7	0.97
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	19	0.97
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	3	0.97
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	3	0.97
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	3	0.97
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	8	0.97
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	18	0.96
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	5	0.96
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	5	0.96
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	5	0.96
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	1	0.96
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	14	0.96
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	18	0.96
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	19	0.96
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	2	0.96
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	2	0.96
(4,56)	1:151:A:LEU:HB2	1:154:A:LEU:H	8	0.96
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	20	0.96
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	4	0.96
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	4	0.96
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	4	0.96
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	4	0.96
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	4	0.96
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	6	0.96
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	6	0.96
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	6	0.96
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	9	0.96

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	18	0.96
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	18	0.96
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	18	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	2	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	2	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	2	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	8	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	8	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	8	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	11	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	11	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	11	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	19	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	19	0.96
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	19	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	8	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	8	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	8	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	16	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	16	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	16	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	17	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	17	0.96
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	17	0.96
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	20	0.95
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	20	0.95
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	20	0.95
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	20	0.95
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	20	0.95
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	20	0.95
(4,315)	1:82:A:PHE:HE1	1:91:A:ALA:H	11	0.95
(4,315)	1:82:A:PHE:HE2	1:91:A:ALA:H	11	0.95
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	9	0.95
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	4	0.95
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	4	0.95
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	4	0.95
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	10	0.95
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	13	0.95
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	1	0.95
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	12	0.95
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	16	0.95
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	1	0.95

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	10	0.95
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	13	0.95
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	5	0.95
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	5	0.95
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	5	0.95
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	14	0.95
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	14	0.95
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	14	0.95
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	9	0.95
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	9	0.95
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	9	0.95
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	5	0.95
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	5	0.95
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	5	0.95
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	8	0.95
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	8	0.95
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	8	0.95
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	3	0.95
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	3	0.95
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	3	0.95
(1,591)	1:209:A:PHE:HB2	1:211:A:THR:H	13	0.95
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	17	0.95
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	17	0.95
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	17	0.95
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	2	0.94
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	2	0.94
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	2	0.94
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	20	0.94
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	20	0.94
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	20	0.94
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	9	0.94
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	9	0.94
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	9	0.94
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	11	0.94
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	11	0.94
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	11	0.94
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	18	0.94
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	18	0.94
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	18	0.94
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	20	0.94
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	6	0.94
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	6	0.94

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	19	0.94
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	15	0.94
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	6	0.94
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	6	0.94
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	12	0.94
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	6	0.94
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	6	0.94
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	6	0.94
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	19	0.94
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	19	0.94
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	19	0.94
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	1	0.94
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	6	0.94
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	10	0.94
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	15	0.94
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	7	0.94
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	7	0.94
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	7	0.94
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	13	0.94
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	13	0.94
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	13	0.94
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	13	0.94
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	13	0.94
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	13	0.94
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	11	0.94
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	11	0.94
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	11	0.94
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	14	0.94
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	14	0.94
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	14	0.94
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	1	0.93
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	1	0.93
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	1	0.93
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	13	0.93
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	14	0.93
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	14	0.93
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	14	0.93
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	2	0.93
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	2	0.93
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	2	0.93
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	17	0.93
(1,3028)	1:78:A:ASP:HA	1:100:A:LYS:HG3	3	0.93

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2988)	1:75:A:ARG:HG2	1:78:A:ASP:HA	8	0.93
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	15	0.93
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	15	0.93
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	15	0.93
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	18	0.93
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	18	0.93
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	18	0.93
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG21	1	0.93
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG22	1	0.93
(1,2219)	1:217:A:ASN:HB3	1:223:A:VAL:HG23	1	0.93
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	19	0.93
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	19	0.93
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	19	0.93
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	3	0.93
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	3	0.93
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	3	0.93
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	6	0.93
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	6	0.93
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	6	0.93
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	2	0.92
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	13	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	1	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	1	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	1	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	2	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	2	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	2	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	3	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	3	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	3	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	4	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	4	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	4	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	5	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	5	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	5	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	7	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	7	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	7	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	8	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	8	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	8	0.92

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	9	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	9	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	9	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	11	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	11	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	11	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	12	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	12	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	12	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	13	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	13	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	13	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	14	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	14	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	14	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	16	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	16	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	16	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	17	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	17	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	17	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	18	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	18	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	18	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	19	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	19	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	19	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	20	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	20	0.92
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	20	0.92
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB1	13	0.92
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB2	13	0.92
(1,2231)	1:205:A:ASN:HB2	1:202:A:ALA:HB3	13	0.92
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	16	0.92
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	15	0.92
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	15	0.92
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	15	0.92
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	19	0.92
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	19	0.92
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	19	0.92
(4,303)	1:118:A:ALA:H	1:148:A:ALA:HA	11	0.91
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	13	0.91

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	13	0.91
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	13	0.91
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	11	0.91
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	11	0.91
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	11	0.91
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	13	0.91
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	13	0.91
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	13	0.91
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	14	0.91
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	14	0.91
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	14	0.91
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	7	0.91
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	8	0.91
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	8	0.91
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	8	0.91
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	6	0.91
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	6	0.91
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	6	0.91
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG11	10	0.91
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG12	10	0.91
(1,2460)	1:16:A:VAL:H	1:16:A:VAL:HG13	10	0.91
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	12	0.91
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	12	0.91
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	12	0.91
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	20	0.91
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	20	0.91
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	20	0.91
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	9	0.9
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	4	0.9
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	10	0.9
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	11	0.9
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	2	0.9
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	5	0.9
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	5	0.9
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	9	0.9
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	7	0.9
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	7	0.9
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	7	0.9
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	2	0.9
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	13	0.9
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	6	0.9
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	13	0.9

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	13	0.9
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	13	0.9
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	18	0.9
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	4	0.9
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	4	0.9
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	4	0.9
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	12	0.9
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	12	0.9
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	12	0.9
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	19	0.89
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	4	0.89
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	11	0.89
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	12	0.89
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	12	0.89
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	12	0.89
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	8	0.89
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	9	0.89
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	16	0.89
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	9	0.89
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	9	0.89
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	9	0.89
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	16	0.89
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	16	0.89
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	16	0.89
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	1	0.89
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	3	0.89
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	9	0.89
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	16	0.89
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	19	0.89
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB1	15	0.89
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB2	15	0.89
(1,2450)	1:140:A:PHE:HB3	1:76:A:ALA:HB3	15	0.89
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	7	0.89
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	7	0.89
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	7	0.89
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	5	0.89
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	7	0.89
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	19	0.89
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	17	0.89
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	16	0.89
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	16	0.89
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	16	0.89

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	16	0.89
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	1	0.89
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	1	0.89
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	1	0.89
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	2	0.89
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	2	0.89
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	2	0.89
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	2	0.88
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	2	0.88
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	2	0.88
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	11	0.88
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	11	0.88
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	11	0.88
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	7	0.88
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	7	0.88
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	7	0.88
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	19	0.88
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	19	0.88
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	19	0.88
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	13	0.88
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	13	0.88
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	15	0.88
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	15	0.88
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	15	0.88
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	2	0.88
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	4	0.88
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	6	0.88
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	7	0.88
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	8	0.88
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	10	0.88
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	17	0.88
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	20	0.88
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	14	0.88
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	14	0.88
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	17	0.88
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	12	0.88
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	17	0.88
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	2	0.88
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	2	0.88
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	2	0.88
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	14	0.88
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	11	0.88

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	11	0.88
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	11	0.88
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	18	0.88
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	18	0.88
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	18	0.88
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	9	0.88
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	9	0.88
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	9	0.88
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	6	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	8	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	8	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	8	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	10	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	10	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	10	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	19	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	19	0.88
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	19	0.88
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	10	0.88
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	10	0.88
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	10	0.88
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	19	0.87
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	19	0.87
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	19	0.87
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	4	0.87
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	4	0.87
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	4	0.87
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	3	0.87
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	3	0.87
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	3	0.87
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	6	0.87
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	6	0.87
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	6	0.87
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	10	0.87
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	10	0.87
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	10	0.87
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	15	0.87
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	8	0.87
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	8	0.87
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	9	0.87
(4,18)	1:124:A:ASN:HD21	1:120:A:LYS:HD2	3	0.87
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	5	0.87

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	11	0.87
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	12	0.87
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	14	0.87
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	1	0.87
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	1	0.87
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	1	0.87
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	9	0.87
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	11	0.87
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	13	0.87
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	14	0.87
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	18	0.87
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	4	0.87
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	14	0.87
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	14	0.87
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	14	0.87
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	4	0.87
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	4	0.87
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	4	0.87
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	18	0.87
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	18	0.87
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	18	0.87
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	9	0.87
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	7	0.86
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	2	0.86
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	2	0.86
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	2	0.86
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	1	0.86
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	1	0.86
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	1	0.86
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	7	0.86
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	7	0.86
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	7	0.86
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	5	0.86
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	5	0.86
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	5	0.86
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	5	0.86
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	5	0.86
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	5	0.86
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	9	0.86
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	9	0.86
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	9	0.86
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	18	0.86

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	7	0.86
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	4	0.86
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	15	0.86
(1,2662)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HG3	18	0.86
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	11	0.86
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	11	0.86
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	11	0.86
(1,2339)	1:247:A:ALA:H	1:246:A:MET:HA	15	0.86
(1,2339)	1:247:A:ALA:H	1:246:A:MET:HA	18	0.86
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG11	1:175:A:VAL:H	19	0.86
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG12	1:175:A:VAL:H	19	0.86
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG13	1:175:A:VAL:H	19	0.86
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	1	0.86
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	4	0.86
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	10	0.86
(1,1693)	1:109:A:GLY:H	1:84:A:ASN:HB2	3	0.86
(1,773)	1:41:A:LEU:HG	1:45:A:GLN:HE22	5	0.86
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	18	0.86
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	5	0.86
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	5	0.86
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	5	0.86
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	9	0.86
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	9	0.86
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	9	0.86
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	9	0.86
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	20	0.85
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	20	0.85
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	20	0.85
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	20	0.85
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	9	0.85
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	1	0.85
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	1	0.85
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	1	0.85
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	16	0.85
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	16	0.85
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	16	0.85
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	20	0.85
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	20	0.85
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	20	0.85
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	3	0.85
(4,18)	1:124:A:ASN:HD21	1:120:A:LYS:HD2	9	0.85
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	15	0.85

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	8	0.85
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	2	0.85
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	2	0.85
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	2	0.85
(1,2339)	1:247:A:ALA:H	1:246:A:MET:HA	9	0.85
(1,2339)	1:247:A:ALA:H	1:246:A:MET:HA	17	0.85
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	9	0.85
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG11	1:175:A:VAL:H	8	0.85
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG12	1:175:A:VAL:H	8	0.85
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG13	1:175:A:VAL:H	8	0.85
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG11	1:175:A:VAL:H	9	0.85
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG12	1:175:A:VAL:H	9	0.85
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG13	1:175:A:VAL:H	9	0.85
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG11	1:175:A:VAL:H	15	0.85
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG12	1:175:A:VAL:H	15	0.85
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG13	1:175:A:VAL:H	15	0.85
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	2	0.85
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	3	0.85
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	15	0.85
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	20	0.85
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	20	0.85
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	20	0.85
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	2	0.85
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	2	0.85
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	2	0.85
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	19	0.85
(1,247)	1:66:A:VAL:HG11	1:68:A:ASN:H	3	0.85
(1,247)	1:66:A:VAL:HG12	1:68:A:ASN:H	3	0.85
(1,247)	1:66:A:VAL:HG13	1:68:A:ASN:H	3	0.85
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB1	3	0.84
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB2	3	0.84
(4,250)	1:148:A:ALA:H	1:117:A:ALA:HB3	3	0.84
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	17	0.84
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	17	0.84
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	17	0.84
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	5	0.84
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	17	0.84
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	5	0.84
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	10	0.84
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	19	0.84
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	18	0.84
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	5	0.84

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	5	0.84
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	5	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG11	1:175:A:VAL:H	1	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG12	1:175:A:VAL:H	1	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG13	1:175:A:VAL:H	1	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG11	1:175:A:VAL:H	2	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG12	1:175:A:VAL:H	2	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG13	1:175:A:VAL:H	2	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG11	1:175:A:VAL:H	11	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG12	1:175:A:VAL:H	11	0.84
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG13	1:175:A:VAL:H	11	0.84
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	8	0.84
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	16	0.84
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	3	0.84
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	7	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	5	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	5	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	5	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	9	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	9	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	9	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	11	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	11	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	11	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	18	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	18	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	18	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	20	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	20	0.84
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	20	0.84
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	18	0.83
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	18	0.83
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	18	0.83
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	4	0.83
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	4	0.83
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	4	0.83
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	8	0.83
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	8	0.83
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	8	0.83
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	20	0.83
(4,86)	1:10:A:THR:H	1:11:A:SER:HA	6	0.83
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	17	0.83

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	17	0.83
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	19	0.83
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	19	0.83
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	15	0.83
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	3	0.83
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	3	0.83
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	3	0.83
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	6	0.83
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	6	0.83
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	6	0.83
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	3	0.83
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	14	0.83
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG11	1:175:A:VAL:H	16	0.83
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG12	1:175:A:VAL:H	16	0.83
(1,1924)	1:175:A:VAL:HG13	1:175:A:VAL:H	16	0.83
(1,1908)	1:3:A:SER:HB2	1:3:A:SER:H	20	0.83
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	5	0.83
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	16	0.83
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	17	0.83
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	14	0.82
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	14	0.82
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	14	0.82
(4,327)	1:21:A:LEU:HD11	1:17:A:PHE:HZ	8	0.82
(4,327)	1:21:A:LEU:HD12	1:17:A:PHE:HZ	8	0.82
(4,327)	1:21:A:LEU:HD13	1:17:A:PHE:HZ	8	0.82
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	14	0.82
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	14	0.82
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	14	0.82
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	9	0.82
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	3	0.82
(4,181)	1:60:A:ILE:HG21	1:59:A:THR:H	15	0.82
(4,181)	1:60:A:ILE:HG22	1:59:A:THR:H	15	0.82
(4,181)	1:60:A:ILE:HG23	1:59:A:THR:H	15	0.82
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	3	0.82
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	3	0.82
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	20	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	4	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	4	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	4	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	5	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	5	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	5	0.82

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	10	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	10	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	10	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	14	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	14	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	14	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	17	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	17	0.82
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	17	0.82
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	19	0.82
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	19	0.82
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	19	0.82
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	6	0.82
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	6	0.82
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	6	0.82
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	1	0.82
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	5	0.82
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	7	0.82
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	9	0.82
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	5	0.82
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	5	0.82
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	5	0.82
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD11	6	0.82
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD12	6	0.82
(1,534)	1:41:A:LEU:H	1:41:A:LEU:HD13	6	0.82
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	12	0.82
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	13	0.81
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	3	0.81
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	3	0.81
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	3	0.81
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	10	0.81
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	10	0.81
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	10	0.81
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	12	0.81
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	12	0.81
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	12	0.81
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	19	0.81
(4,18)	1:124:A:ASN:HD21	1:120:A:LYS:HD2	16	0.81
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	11	0.81
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	11	0.81
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	11	0.81
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	3	0.81

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	6	0.81
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	7	0.81
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	17	0.81
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	15	0.81
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	16	0.81
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	12	0.81
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	9	0.81
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	2	0.81
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	2	0.81
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	2	0.81
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	4	0.8
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	4	0.8
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	4	0.8
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	13	0.8
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	1	0.8
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	14	0.8
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	14	0.8
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE2	5	0.8
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE3	5	0.8
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	20	0.8
(1,2990)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	11	0.8
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	15	0.8
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	15	0.8
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	15	0.8
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	17	0.8
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	17	0.8
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	17	0.8
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	7	0.8
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	7	0.8
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	7	0.8
(1,2140)	1:219:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	13	0.8
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	11	0.8
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	11	0.8
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	11	0.8
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	11	0.8
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	19	0.8
(1,801)	1:29:A:ARG:H	1:36:A:LEU:HB2	10	0.8
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	1	0.8
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	14	0.8
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	15	0.8
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	5	0.79
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	5	0.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	5	0.79
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	8	0.79
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	8	0.79
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	8	0.79
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	8	0.79
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	8	0.79
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	8	0.79
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	14	0.79
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	4	0.79
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE1	18	0.79
(4,81)	1:152:A:MET:H	1:83:A:PHE:HE2	18	0.79
(4,40)	1:91:A:ALA:H	1:90:A:GLU:HB2	3	0.79
(4,40)	1:91:A:ALA:H	1:90:A:GLU:HB2	9	0.79
(4,18)	1:124:A:ASN:HD21	1:120:A:LYS:HD2	12	0.79
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	7	0.79
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	7	0.79
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	7	0.79
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	9	0.79
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	9	0.79
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	9	0.79
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	20	0.79
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	20	0.79
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	20	0.79
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	18	0.79
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	18	0.79
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	18	0.79
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	4	0.79
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	4	0.79
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	14	0.79
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	20	0.79
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	8	0.79
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	1	0.79
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	1	0.79
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	1	0.79
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	13	0.79
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	1	0.79
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	1	0.79
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	1	0.79
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	5	0.78
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	19	0.78
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	2	0.78
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	2	0.78

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	14	0.78
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	1	0.78
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	1	0.78
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	1	0.78
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	14	0.78
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	14	0.78
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	14	0.78
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	13	0.78
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	13	0.78
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	13	0.78
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	6	0.78
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	10	0.78
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	12	0.78
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	19	0.78
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	14	0.78
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	14	0.78
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	14	0.78
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	12	0.78
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	12	0.77
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	12	0.77
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	12	0.77
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	18	0.77
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	16	0.77
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	9	0.77
(4,238)	1:173:A:LYS:HE2	1:173:A:LYS:HG3	16	0.77
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG3	16	0.77
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG2	16	0.77
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	15	0.77
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	1	0.77
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	8	0.77
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	7	0.77
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	14	0.77
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	14	0.77
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	14	0.77
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	7	0.77
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	7	0.77
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	7	0.77
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	19	0.76
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	19	0.76
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	19	0.76
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	16	0.76
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE1	17	0.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE2	17	0.76
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE1	17	0.76
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE2	17	0.76
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE1	17	0.76
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE2	17	0.76
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	1	0.76
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	1	0.76
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	1	0.76
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	3	0.76
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	3	0.76
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	3	0.76
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	6	0.76
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	6	0.76
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	6	0.76
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	1	0.76
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	1	0.76
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	1	0.76
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	14	0.76
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	14	0.76
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	12	0.76
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	7	0.76
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	17	0.75
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	17	0.75
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	17	0.75
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	15	0.75
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	16	0.75
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	16	0.75
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	16	0.75
(4,155)	1:49:A:LEU:HB3	1:2:A:VAL:H	10	0.75
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	2	0.75
(4,90)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HB2	11	0.75
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	10	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	1	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	1	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	1	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	4	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	4	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	4	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	5	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	5	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	5	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	8	0.75

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	8	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	8	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	12	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	12	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	12	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	14	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	14	0.75
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	14	0.75
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	11	0.75
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	11	0.75
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	11	0.75
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	12	0.75
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	12	0.75
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	12	0.75
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	5	0.75
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	4	0.75
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	9	0.75
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	2	0.75
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	3	0.75
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	4	0.75
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	6	0.75
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	8	0.75
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	13	0.75
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	11	0.75
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	8	0.74
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	18	0.74
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	13	0.74
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	13	0.74
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	13	0.74
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	3	0.74
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD11	1:210:A:GLU:HG2	17	0.74
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD12	1:210:A:GLU:HG2	17	0.74
(1,2694)	1:201:A:ILE:HD13	1:210:A:GLU:HG2	17	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	7	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	7	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	7	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	11	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	11	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	11	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	17	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	17	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	17	0.74

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	18	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	18	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	18	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	19	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	19	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	19	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	20	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	20	0.74
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	20	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	5	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	5	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	5	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	8	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	8	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	8	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	10	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	10	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	10	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	12	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	12	0.74
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	12	0.74
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG21	1:175:A:VAL:HA	20	0.74
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG22	1:175:A:VAL:HA	20	0.74
(1,2565)	1:175:A:VAL:HG23	1:175:A:VAL:HA	20	0.74
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	14	0.74
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	14	0.74
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	14	0.74
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	17	0.74
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	6	0.74
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	8	0.74
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	8	0.74
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	8	0.74
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	2	0.74
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	10	0.74
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	20	0.74
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	19	0.74
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	13	0.73
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	13	0.73
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	13	0.73
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	14	0.73
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	16	0.73
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	14	0.73

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	12	0.73
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	12	0.73
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	12	0.73
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	19	0.73
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	19	0.73
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	19	0.73
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	9	0.73
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	4	0.73
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	4	0.73
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	9	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	2	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	2	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	2	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	3	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	3	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	3	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	6	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	6	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	6	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	13	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	13	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	13	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	15	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	15	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	15	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	16	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	16	0.73
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	16	0.73
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	4	0.73
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	4	0.73
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	4	0.73
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	9	0.73
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	15	0.73
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	13	0.73
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	11	0.73
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	11	0.73
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	11	0.73
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD11	6	0.73
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD12	6	0.73
(1,488)	1:239:A:LEU:H	1:239:A:LEU:HD13	6	0.73
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	20	0.72
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	1	0.72

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	6	0.72
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	1	0.72
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	9	0.72
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	9	0.72
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	9	0.72
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD11	10	0.72
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD12	10	0.72
(1,2639)	1:139:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HD13	10	0.72
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	19	0.72
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	19	0.72
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	19	0.72
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	13	0.72
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	2	0.72
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	2	0.72
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	2	0.72
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	8	0.72
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	19	0.72
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	2	0.72
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	2	0.72
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	2	0.72
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	19	0.72
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	8	0.72
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	4	0.71
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	7	0.71
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	1	0.71
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	1	0.71
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	1	0.71
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	8	0.71
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	8	0.71
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	8	0.71
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	13	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	1	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	1	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	1	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	8	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	8	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	8	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	9	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	9	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	9	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	11	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	11	0.71

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	11	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	12	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	12	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	12	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	14	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	14	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	14	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	15	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	15	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	15	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	17	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	17	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	17	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	18	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	18	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	18	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	20	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	20	0.71
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	20	0.71
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	18	0.71
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	14	0.71
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	13	0.71
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	13	0.71
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	13	0.71
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	16	0.71
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	16	0.71
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	16	0.71
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	18	0.71
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	18	0.71
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	18	0.71
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	12	0.71
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	12	0.71
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	12	0.71
(1,2068)	1:75:A:ARG:HG2	1:79:A:THR:H	18	0.71
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	16	0.71
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	17	0.71
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	16	0.71
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	7	0.71
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	7	0.71
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	7	0.71
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	7	0.71
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	12	0.7

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	18	0.7
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	18	0.7
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	18	0.7
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	7	0.7
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	12	0.7
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	9	0.7
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	9	0.7
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	9	0.7
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	20	0.7
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	7	0.7
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	7	0.7
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	5	0.7
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	5	0.7
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	5	0.7
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	2	0.7
(4,40)	1:91:A:ALA:H	1:90:A:GLU:HB2	13	0.7
(4,18)	1:124:A:ASN:HD21	1:120:A:LYS:HD2	10	0.7
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	7	0.7
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	8	0.7
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	8	0.7
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	8	0.7
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	2	0.7
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	2	0.7
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	2	0.7
(1,2591)	1:53:A:THR:HG21	1:57:A:ASP:HB3	7	0.7
(1,2591)	1:53:A:THR:HG22	1:57:A:ASP:HB3	7	0.7
(1,2591)	1:53:A:THR:HG23	1:57:A:ASP:HB3	7	0.7
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	13	0.7
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	13	0.7
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	3	0.7
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	3	0.7
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	3	0.7
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	6	0.7
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	6	0.7
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	6	0.7
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	14	0.7
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	18	0.7
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	5	0.69
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	5	0.69
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	5	0.69
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	6	0.69
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	6	0.69

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	6	0.69
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	2	0.69
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	19	0.69
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	15	0.69
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	11	0.69
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	11	0.69
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	11	0.69
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	3	0.69
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	3	0.69
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	3	0.69
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	18	0.69
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	18	0.69
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	18	0.69
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	4	0.69
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	4	0.69
(4,148)	1:217:A:ASN:HA	1:221:A:GLN:H	13	0.69
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	18	0.69
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	18	0.69
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	20	0.69
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	20	0.69
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	7	0.69
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	7	0.69
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	7	0.69
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	15	0.69
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	7	0.69
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	20	0.69
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	20	0.69
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	20	0.69
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	7	0.69
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	7	0.69
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	7	0.69
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	13	0.69
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	5	0.69
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	10	0.69
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	11	0.69
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	18	0.68
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	17	0.68
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	18	0.68
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	11	0.68
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	4	0.68
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	4	0.68
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	4	0.68

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	1	0.68
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	1	0.68
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	3	0.68
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	13	0.68
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	11	0.68
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	11	0.68
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	10	0.68
(1,3153)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HB3	16	0.68
(1,3153)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HB3	16	0.68
(1,3153)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HB3	16	0.68
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	2	0.68
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	8	0.68
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	8	0.68
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	8	0.68
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	14	0.68
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	17	0.68
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	13	0.68
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	18	0.68
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	17	0.68
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	15	0.68
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	5	0.68
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	14	0.68
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	10	0.67
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	10	0.67
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	10	0.67
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	9	0.67
(4,288)	1:127:A:LEU:HD11	1:181:A:PRO:HD2	5	0.67
(4,288)	1:127:A:LEU:HD12	1:181:A:PRO:HD2	5	0.67
(4,288)	1:127:A:LEU:HD13	1:181:A:PRO:HD2	5	0.67
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	4	0.67
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	18	0.67
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	7	0.67
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	7	0.67
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	7	0.67
(4,40)	1:91:A:ALA:H	1:90:A:GLU:HB2	6	0.67
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	8	0.67
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	3	0.67
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	12	0.67
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	9	0.67
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	15	0.67
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	12	0.67
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	12	0.67

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	12	0.67
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	12	0.67
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	3	0.67
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	3	0.67
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	8	0.67
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	10	0.67
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	16	0.67
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	3	0.67
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	3	0.67
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	3	0.67
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	4	0.67
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	13	0.67
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	20	0.67
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	17	0.66
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	17	0.66
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	17	0.66
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG21	6	0.66
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG22	6	0.66
(4,261)	1:46:A:ARG:H	1:67:A:THR:HG23	6	0.66
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	2	0.66
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	2	0.66
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	2	0.66
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	2	0.66
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	2	0.66
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	2	0.66
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	10	0.66
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	10	0.66
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	10	0.66
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	10	0.66
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	14	0.66
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	14	0.66
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	14	0.66
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	2	0.66
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	2	0.66
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	14	0.66
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	14	0.66
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	10	0.66
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	14	0.66
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	6	0.66
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	10	0.66
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	19	0.66
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	5	0.66

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	5	0.66
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	5	0.66
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	7	0.66
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	7	0.66
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	3	0.66
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	11	0.66
(1,2140)	1:219:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	20	0.66
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	4	0.66
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	7	0.66
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	8	0.66
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	4	0.66
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	15	0.66
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	18	0.66
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	4	0.66
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	9	0.66
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	15	0.66
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	11	0.65
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	11	0.65
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	11	0.65
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	17	0.65
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	7	0.65
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	16	0.65
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	20	0.65
(1,2752)	1:188:A:LEU:HA	1:188:A:LEU:HG	16	0.65
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	16	0.65
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	9	0.65
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	9	0.65
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	9	0.65
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	19	0.65
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	19	0.65
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	19	0.65
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	16	0.65
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	10	0.65
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	1	0.65
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	4	0.65
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	9	0.65
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	12	0.65
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	2	0.65
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	5	0.65
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	7	0.65
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	11	0.65
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	20	0.65

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	15	0.65
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	15	0.65
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	6	0.65
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	12	0.65
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	18	0.65
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	5	0.64
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	20	0.64
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	11	0.64
(4,233)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:PHE:HZ	4	0.64
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	5	0.64
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	9	0.64
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	12	0.64
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	9	0.64
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	14	0.64
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	8	0.64
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	8	0.64
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	8	0.64
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	17	0.64
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	17	0.64
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	17	0.64
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	20	0.64
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	20	0.64
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	20	0.64
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	6	0.64
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	6	0.64
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	18	0.64
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	19	0.64
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	2	0.64
(1,2667)	1:127:A:LEU:HB2	1:171:A:ILE:HA	3	0.64
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	3	0.64
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	1	0.64
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	1	0.64
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	1	0.64
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	2	0.64
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	7	0.64
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	9	0.64
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	13	0.64
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	19	0.64
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	20	0.64
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	5	0.64
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	2	0.64
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	7	0.64

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	5	0.64
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	5	0.64
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	5	0.64
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	14	0.64
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	11	0.64
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	16	0.64
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	1	0.64
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	9	0.64
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	12	0.64
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	14	0.64
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	19	0.64
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	1	0.64
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	2	0.64
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	7	0.64
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	16	0.64
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	17	0.64
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	11	0.63
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	15	0.63
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	11	0.63
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	11	0.63
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	11	0.63
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	13	0.63
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	13	0.63
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	13	0.63
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	13	0.63
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	13	0.63
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	13	0.63
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	20	0.63
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	5	0.63
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	6	0.63
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	5	0.63
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	5	0.63
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	5	0.63
(1,2544)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	12	0.63
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	10	0.63
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	9	0.63
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	11	0.63
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	15	0.63
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	6	0.63
(1,2095)	1:242:A:ASN:HD22	1:36:A:LEU:HB3	15	0.63
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	15	0.63
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	7	0.63

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	4	0.63
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	15	0.63
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	3	0.63
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	4	0.62
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	3	0.62
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	6	0.62
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	10	0.62
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	8	0.62
(4,238)	1:173:A:LYS:HE2	1:173:A:LYS:HG3	5	0.62
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG3	5	0.62
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG2	5	0.62
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	6	0.62
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	6	0.62
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	6	0.62
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	7	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	3	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	3	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	3	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	3	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	3	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	3	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	11	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	11	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	11	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	11	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	11	0.62
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	11	0.62
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	10	0.62
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	10	0.62
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	9	0.62
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	17	0.62
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	20	0.62
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	10	0.62
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	10	0.62
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	10	0.62
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	20	0.62
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	4	0.62
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	13	0.62
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	13	0.62
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	13	0.62
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	4	0.62
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	12	0.62

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	11	0.62
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	17	0.62
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	17	0.62
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	17	0.62
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	19	0.62
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	17	0.62
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	8	0.62
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	14	0.62
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	16	0.62
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	2	0.62
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	6	0.62
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	19	0.62
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	4	0.62
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	4	0.62
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	4	0.62
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	17	0.62
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	7	0.61
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	7	0.61
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	7	0.61
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	16	0.61
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	16	0.61
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	16	0.61
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	8	0.61
(4,233)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:PHE:HZ	14	0.61
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	20	0.61
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	20	0.61
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	20	0.61
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	4	0.61
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	11	0.61
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	19	0.61
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	15	0.61
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	15	0.61
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	15	0.61
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	17	0.61
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	17	0.61
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	5	0.61
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	5	0.61
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	13	0.61
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	13	0.61
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	17	0.61
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	17	0.61
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	17	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	17	0.61
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	17	0.61
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	17	0.61
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	9	0.61
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	1	0.61
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	11	0.61
(1,2544)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	7	0.61
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	10	0.61
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	18	0.61
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	18	0.61
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	18	0.61
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	13	0.61
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	13	0.61
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	13	0.61
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	2	0.61
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	2	0.61
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	2	0.61
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	1	0.61
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	10	0.61
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	4	0.61
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	10	0.61
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	10	0.61
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	10	0.61
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	18	0.61
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	15	0.61
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	1	0.61
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	3	0.61
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	5	0.61
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	9	0.61
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	10	0.61
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	18	0.61
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	15	0.61
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	13	0.61
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	13	0.61
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	13	0.61
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	20	0.61
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	9	0.61
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	15	0.61
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	13	0.61
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	2	0.61
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	2	0.61
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	2	0.61

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,512)	1:3:A:SER:HB3	1:4:A:PHE:H	2	0.61
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	5	0.6
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	13	0.6
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	1	0.6
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	6	0.6
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	10	0.6
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	19	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	19	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	19	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	19	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	19	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	19	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	19	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	20	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	20	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	20	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	20	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	20	0.6
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	20	0.6
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	5	0.6
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	17	0.6
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	19	0.6
(1,3208)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HB2	1	0.6
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	20	0.6
(1,2876)	1:38:A:ARG:HD2	1:38:A:ARG:HA	11	0.6
(1,2544)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	14	0.6
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	3	0.6
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	13	0.6
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	17	0.6
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	20	0.6
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	8	0.6
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	8	0.6
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	8	0.6
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	16	0.6
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	16	0.6
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	16	0.6
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	8	0.6
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	19	0.6
(1,1907)	1:227:A:ASN:HD22	1:227:A:ASN:H	9	0.6
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	12	0.6
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	5	0.6
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	5	0.6

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	10	0.6
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	11	0.6
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	13	0.6
(1,1109)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG2	14	0.6
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	16	0.6
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	13	0.6
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	13	0.6
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	13	0.6
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	15	0.6
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	7	0.59
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	13	0.59
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	6	0.59
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	18	0.59
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	18	0.59
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	18	0.59
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	13	0.59
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	1	0.59
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	5	0.59
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	5	0.59
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	5	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	10	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	10	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	10	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	10	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	10	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	10	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	15	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	15	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	15	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	15	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	15	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	15	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	16	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	16	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	16	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	16	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	16	0.59
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	16	0.59
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	7	0.59
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	7	0.59
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	1	0.59
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	1	0.59

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	16	0.59
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	18	0.59
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	18	0.59
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	18	0.59
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	15	0.59
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	18	0.59
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	6	0.59
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	6	0.59
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	6	0.59
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	1	0.59
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	1	0.59
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	1	0.59
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	2	0.59
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	8	0.59
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	7	0.59
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	6	0.59
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	17	0.59
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	20	0.59
(1,722)	1:143:A:ASN:H	1:143:A:ASN:HB3	6	0.59
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	3	0.59
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	11	0.59
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	17	0.59
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	1	0.58
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	10	0.58
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	1	0.58
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	5	0.58
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	7	0.58
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	14	0.58
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	14	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	1	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	1	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	1	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	5	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	5	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	5	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	16	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	16	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	16	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	19	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	19	0.58
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	19	0.58
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	3	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	14	0.58
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	16	0.58
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	17	0.58
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	6	0.58
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	6	0.58
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	6	0.58
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	6	0.58
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	6	0.58
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	6	0.58
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	8	0.58
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	8	0.58
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	8	0.58
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	8	0.58
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	8	0.58
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	8	0.58
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	6	0.58
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	6	0.58
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	6	0.58
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	6	0.58
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	6	0.58
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	6	0.58
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	10	0.58
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	17	0.58
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	6	0.58
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	15	0.58
(1,2544)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	9	0.58
(1,2544)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	10	0.58
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	8	0.58
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	18	0.58
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	8	0.58
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	8	0.58
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	8	0.58
(1,2289)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HB2	5	0.58
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	1	0.58
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	1	0.58
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	1	0.58
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	6	0.58
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	16	0.58
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	16	0.58
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	16	0.58
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	2	0.58
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	2	0.58

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	2	0.58
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	17	0.58
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	17	0.58
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	17	0.58
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	20	0.58
(1,1235)	1:177:A:LYS:HD3	1:178:A:THR:H	3	0.58
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	10	0.58
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	15	0.58
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	6	0.58
(4,311)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:H	17	0.57
(4,311)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:H	17	0.57
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	12	0.57
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	14	0.57
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	17	0.57
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	10	0.57
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	17	0.57
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	11	0.57
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	6	0.57
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	6	0.57
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	4	0.57
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	4	0.57
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	4	0.57
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	12	0.57
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	12	0.57
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	12	0.57
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	2	0.57
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	8	0.57
(4,219)	1:132:A:LEU:H	1:135:A:ALA:H	20	0.57
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	18	0.57
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	18	0.57
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	18	0.57
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	18	0.57
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	18	0.57
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	18	0.57
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	1	0.57
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	1	0.57
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	12	0.57
(4,54)	1:49:A:LEU:HD11	1:96:A:PHE:H	18	0.57
(4,54)	1:49:A:LEU:HD12	1:96:A:PHE:H	18	0.57
(4,54)	1:49:A:LEU:HD13	1:96:A:PHE:H	18	0.57
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	3	0.57
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	13	0.57

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2876)	1:38:A:ARG:HD2	1:38:A:ARG:HA	16	0.57
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	1	0.57
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	2	0.57
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	6	0.57
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	15	0.57
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	15	0.57
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	15	0.57
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	1	0.57
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	2	0.57
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	3	0.57
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	9	0.57
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	15	0.57
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	16	0.57
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	17	0.57
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	18	0.57
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	20	0.57
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	4	0.57
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	4	0.57
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	4	0.57
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	9	0.57
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	20	0.57
(1,1747)	1:151:A:LEU:H	1:152:A:MET:HG3	10	0.57
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	16	0.57
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	13	0.57
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	11	0.57
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	11	0.57
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	11	0.57
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	7	0.57
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	11	0.57
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	5	0.57
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	7	0.57
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	3	0.57
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	2	0.57
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	5	0.57
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	20	0.57
(1,166)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HG3	8	0.57
(4,299)	1:118:A:ALA:H	1:116:A:ILE:HA	15	0.56
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	4	0.56
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	1	0.56
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	9	0.56
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	9	0.56
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	9	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	15	0.56
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	15	0.56
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	15	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	7	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	7	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	7	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	7	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	7	0.56
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	7	0.56
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	3	0.56
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	6	0.56
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	10	0.56
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	16	0.56
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	4	0.56
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	10	0.56
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	10	0.56
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	10	0.56
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	16	0.56
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	16	0.56
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	16	0.56
(1,2544)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	3	0.56
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	12	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	4	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	5	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	6	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	7	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	8	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	10	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	11	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	12	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	13	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	14	0.56
(1,2337)	1:246:A:MET:HB2	1:246:A:MET:HA	19	0.56
(1,2140)	1:219:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	3	0.56
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	13	0.56
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	13	0.56
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	13	0.56
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	14	0.56
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	14	0.56
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	14	0.56
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	11	0.56
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	7	0.56

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	6	0.56
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	14	0.56
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	7	0.56
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	7	0.56
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	9	0.56
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	9	0.56
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	9	0.56
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	16	0.56
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	18	0.56
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	11	0.55
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	3	0.55
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	15	0.55
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	18	0.55
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	19	0.55
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	20	0.55
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	4	0.55
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	4	0.55
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	7	0.55
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	7	0.55
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	7	0.55
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	3	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	2	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	2	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	2	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	2	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	2	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	2	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	9	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	9	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	9	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	9	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	9	0.55
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	9	0.55
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	17	0.55
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	17	0.55
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	4	0.55
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	4	0.55
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	4	0.55
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	4	0.55
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	4	0.55
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	4	0.55
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	13	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	4	0.55
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	14	0.55
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	14	0.55
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	1	0.55
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	11	0.55
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	9	0.55
(1,2876)	1:38:A:ARG:HD2	1:38:A:ARG:HA	3	0.55
(1,2876)	1:38:A:ARG:HD2	1:38:A:ARG:HA	15	0.55
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	11	0.55
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	11	0.55
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	11	0.55
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	5	0.55
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	8	0.55
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	8	0.55
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	8	0.55
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	8	0.55
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	7	0.55
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	13	0.55
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	4	0.55
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	4	0.55
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	4	0.55
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	15	0.55
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	15	0.55
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	15	0.55
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	17	0.55
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	17	0.55
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	17	0.55
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	6	0.55
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	14	0.55
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	2	0.55
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	15	0.55
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	19	0.55
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	4	0.55
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	4	0.55
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	4	0.55
(1,1438)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HD3	10	0.55
(1,1235)	1:177:A:LYS:HD3	1:178:A:THR:H	19	0.55
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	16	0.55
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	8	0.55
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	8	0.55
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	4	0.55
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	5	0.55

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	8	0.55
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	12	0.55
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	18	0.55
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	15	0.55
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	9	0.55
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	11	0.55
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	5	0.55
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	5	0.55
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	5	0.55
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	13	0.55
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	20	0.55
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	11	0.55
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	14	0.55
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	9	0.54
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	16	0.54
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	8	0.54
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	11	0.54
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	19	0.54
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	19	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	12	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	12	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	12	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	12	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	12	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	12	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	14	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	14	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	14	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	14	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	14	0.54
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	14	0.54
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	9	0.54
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	9	0.54
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	9	0.54
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	9	0.54
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	9	0.54
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	9	0.54
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	14	0.54
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	8	0.54
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	17	0.54
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	2	0.54
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	3	0.54

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	19	0.54
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	1	0.54
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	15	0.54
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE2	11	0.54
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE3	11	0.54
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	15	0.54
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	15	0.54
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	15	0.54
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	18	0.54
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	18	0.54
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	16	0.54
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	16	0.54
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	16	0.54
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	1	0.54
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	1	0.54
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	1	0.54
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	5	0.54
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	4	0.54
(1,1498)	1:140:A:PHE:HB2	1:141:A:TYR:H	12	0.54
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	1	0.54
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	13	0.54
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	11	0.54
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	11	0.54
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	11	0.54
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	20	0.54
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	10	0.54
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	17	0.54
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	16	0.54
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	1	0.54
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	12	0.54
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	9	0.53
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	2	0.53
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	10	0.53
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	11	0.53
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	1	0.53
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	1	0.53
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	18	0.53
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	18	0.53
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	8	0.53
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	8	0.53
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	8	0.53
(4,207)	1:103:A:VAL:H	1:80:A:SER:HA	8	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	4	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	4	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	4	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	4	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	4	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	4	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	6	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	6	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	6	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	6	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	6	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	6	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	17	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	17	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	17	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	17	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	17	0.53
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	17	0.53
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	7	0.53
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	7	0.53
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	7	0.53
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	17	0.53
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	17	0.53
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	17	0.53
(1,2247)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD3	3	0.53
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	4	0.53
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	20	0.53
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	9	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	2	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	2	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	2	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	7	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	7	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	7	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	12	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	12	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	12	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	18	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	18	0.53
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	18	0.53
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	4	0.53
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	15	0.53

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	1	0.53
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	17	0.53
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	19	0.53
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	18	0.53
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	18	0.53
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	18	0.53
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	12	0.53
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	16	0.53
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	10	0.53
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	10	0.53
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	10	0.53
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	6	0.53
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	1	0.53
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	3	0.53
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	7	0.53
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	10	0.53
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	11	0.53
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	17	0.53
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	20	0.53
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	20	0.53
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	20	0.53
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	10	0.53
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	18	0.52
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	18	0.52
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	18	0.52
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	1	0.52
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	10	0.52
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	17	0.52
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	4	0.52
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	4	0.52
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	8	0.52
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	8	0.52
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	10	0.52
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	10	0.52
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	10	0.52
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	1	0.52
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	1	0.52
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	1	0.52
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	1	0.52
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	1	0.52
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	1	0.52
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	9	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	9	0.52
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	15	0.52
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	15	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	2	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	2	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	2	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	2	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	2	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	2	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	19	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	19	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	19	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	19	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	19	0.52
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	19	0.52
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	8	0.52
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	2	0.52
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	17	0.52
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	8	0.52
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	8	0.52
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	8	0.52
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	17	0.52
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	17	0.52
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	17	0.52
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE1	4	0.52
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE2	4	0.52
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE1	4	0.52
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE2	4	0.52
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE1	4	0.52
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE2	4	0.52
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	19	0.52
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	19	0.52
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	19	0.52
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	1	0.52
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	1	0.52
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	1	0.52
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	11	0.52
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	11	0.52
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	11	0.52
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	3	0.52
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	3	0.52
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	3	0.52

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	17	0.52
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	17	0.52
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	17	0.52
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	16	0.52
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	16	0.52
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	16	0.52
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	8	0.52
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	12	0.52
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	8	0.52
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	8	0.52
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	8	0.52
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	9	0.52
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	9	0.52
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	9	0.52
(1,1109)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG2	8	0.52
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	3	0.52
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	20	0.52
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	7	0.52
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	9	0.52
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	2	0.52
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	4	0.52
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	5	0.52
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	6	0.52
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	12	0.52
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	13	0.52
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	14	0.52
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	15	0.52
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	19	0.52
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	5	0.52
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	5	0.52
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	5	0.52
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	13	0.52
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	13	0.52
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	13	0.52
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	9	0.51
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	9	0.51
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	9	0.51
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	1	0.51
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	1	0.51
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	1	0.51
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	19	0.51
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	19	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	19	0.51
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	18	0.51
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	2	0.51
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	2	0.51
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	2	0.51
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	14	0.51
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	14	0.51
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	14	0.51
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	17	0.51
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	17	0.51
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	17	0.51
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE1	5	0.51
(4,175)	1:21:A:LEU:HD21	1:17:A:PHE:HE2	5	0.51
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE1	5	0.51
(4,175)	1:21:A:LEU:HD22	1:17:A:PHE:HE2	5	0.51
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE1	5	0.51
(4,175)	1:21:A:LEU:HD23	1:17:A:PHE:HE2	5	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	16	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	16	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	16	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	16	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	16	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	16	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	17	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	17	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	17	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	17	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	17	0.51
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	17	0.51
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	12	0.51
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	3	0.51
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	9	0.51
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	20	0.51
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	4	0.51
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE2	3	0.51
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE3	3	0.51
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE2	3	0.51
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE3	3	0.51
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE2	3	0.51
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE3	3	0.51
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	4	0.51
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	5	0.51

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	9	0.51
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	17	0.51
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	3	0.51
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	11	0.51
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	5	0.51
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	5	0.51
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	5	0.51
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	13	0.51
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	16	0.51
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	19	0.51
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	18	0.51
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	9	0.51
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	11	0.51
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	14	0.51
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	15	0.51
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	9	0.51
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	12	0.51
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	20	0.51
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	7	0.51
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	1	0.51
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	15	0.51
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	20	0.51
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	12	0.51
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	12	0.51
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	12	0.51
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	17	0.51
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	17	0.51
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	17	0.51
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	4	0.51
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	13	0.51
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	6	0.5
(4,294)	1:155:A:ILE:H	1:156:A:GLN:HA	8	0.5
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	3	0.5
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	3	0.5
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	19	0.5
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	19	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	1	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	1	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	1	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	1	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	1	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	1	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	3	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	3	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	3	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	3	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	3	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	3	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	20	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	20	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	20	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	20	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	20	0.5
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	20	0.5
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	18	0.5
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	5	0.5
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	8	0.5
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	15	0.5
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	9	0.5
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	18	0.5
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	18	0.5
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG11	2	0.5
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG12	2	0.5
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG13	2	0.5
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	6	0.5
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	4	0.5
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	7	0.5
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	10	0.5
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	19	0.5
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	19	0.5
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	1	0.5
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE1	2	0.5
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE2	2	0.5
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE1	2	0.5
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE2	2	0.5
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE1	2	0.5
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE2	2	0.5
(1,2647)	1:177:A:LYS:HB2	1:178:A:THR:H	5	0.5
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	17	0.5
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	17	0.5
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	17	0.5
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	20	0.5
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	20	0.5
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	20	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	8	0.5
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	8	0.5
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	4	0.5
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	16	0.5
(1,2247)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD3	19	0.5
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	3	0.5
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	16	0.5
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	1	0.5
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	2	0.5
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	7	0.5
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	8	0.5
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	11	0.5
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	15	0.5
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	16	0.5
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	18	0.5
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	1	0.5
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	11	0.5
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	11	0.5
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	11	0.5
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	16	0.5
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	9	0.5
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	3	0.5
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	4	0.5
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	5	0.5
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	9	0.5
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	14	0.5
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	1	0.5
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	10	0.5
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	12	0.5
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	17	0.5
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	18	0.5
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	19	0.5
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	20	0.5
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	13	0.5
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	9	0.5
(1,664)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HA	7	0.5
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	8	0.5
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	8	0.5
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	1	0.5
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	2	0.5
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	2	0.5
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	10	0.5

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	10	0.5
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	10	0.5
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	6	0.5
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	14	0.5
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	7	0.5
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	7	0.5
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	7	0.5
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG21	8	0.49
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG22	8	0.49
(4,330)	1:6:A:LEU:H	1:136:A:ILE:HG23	8	0.49
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	20	0.49
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	15	0.49
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	15	0.49
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	2	0.49
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	6	0.49
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	15	0.49
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	15	0.49
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	15	0.49
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	15	0.49
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	15	0.49
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	15	0.49
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	19	0.49
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	3	0.49
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	10	0.49
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	10	0.49
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	5	0.49
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	5	0.49
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	5	0.49
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	5	0.49
(1,2876)	1:38:A:ARG:HD2	1:38:A:ARG:HA	4	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	6	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	6	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	6	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	13	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	13	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	13	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	20	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	20	0.49
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	20	0.49
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	12	0.49
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	12	0.49
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	12	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	3	0.49
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	5	0.49
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	15	0.49
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	5	0.49
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	3	0.49
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	3	0.49
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	3	0.49
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	10	0.49
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	10	0.49
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	10	0.49
(1,2247)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD3	17	0.49
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	11	0.49
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	3	0.49
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	4	0.49
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	10	0.49
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	12	0.49
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	14	0.49
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	20	0.49
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	6	0.49
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	20	0.49
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	11	0.49
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	11	0.49
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	11	0.49
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	6	0.49
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	10	0.49
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	19	0.49
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	19	0.49
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	19	0.49
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	10	0.49
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	6	0.49
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	10	0.49
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	10	0.49
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	10	0.49
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	2	0.49
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	7	0.49
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	1	0.49
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	8	0.49
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	19	0.49
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	4	0.49
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	8	0.49
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	9	0.49
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	5	0.49

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,771)	1:45:A:GLN:HE22	1:45:A:GLN:HG2	16	0.49
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	14	0.49
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	14	0.49
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	16	0.49
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	16	0.49
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	16	0.49
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	19	0.49
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	7	0.49
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	19	0.49
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	19	0.49
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	7	0.49
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	18	0.49
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	5	0.49
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	20	0.49
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	16	0.48
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	13	0.48
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	13	0.48
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	13	0.48
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	4	0.48
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	4	0.48
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	4	0.48
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	4	0.48
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	4	0.48
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	4	0.48
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	5	0.48
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	5	0.48
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	5	0.48
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	5	0.48
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	5	0.48
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	5	0.48
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	7	0.48
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	6	0.48
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	7	0.48
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	1	0.48
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	1	0.48
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	13	0.48
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	2	0.48
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	13	0.48
(1,3225)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HB2	6	0.48
(1,3225)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HB2	9	0.48
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	2	0.48
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	14	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	13	0.48
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	18	0.48
(1,2876)	1:38:A:ARG:HD2	1:38:A:ARG:HA	12	0.48
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	4	0.48
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	4	0.48
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	4	0.48
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	15	0.48
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	15	0.48
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	15	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	2	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	2	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	2	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	3	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	3	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	3	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	6	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	6	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	6	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	19	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	19	0.48
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	19	0.48
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	11	0.48
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	12	0.48
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	19	0.48
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	9	0.48
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	9	0.48
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	9	0.48
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	14	0.48
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	14	0.48
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	14	0.48
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	4	0.48
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	4	0.48
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	4	0.48
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	17	0.48
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	17	0.48
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	17	0.48
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	15	0.48
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	15	0.48
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	15	0.48
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	11	0.48
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	8	0.48
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	8	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	8	0.48
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	9	0.48
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	9	0.48
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	9	0.48
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	1	0.48
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	7	0.48
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	13	0.48
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	19	0.48
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	2	0.48
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	10	0.48
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	18	0.48
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	17	0.48
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	3	0.48
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	4	0.48
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	4	0.48
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	4	0.48
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	4	0.48
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	13	0.48
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	1	0.48
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	16	0.48
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	2	0.48
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	3	0.48
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	3	0.48
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	19	0.48
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	4	0.48
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	5	0.48
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	7	0.48
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	16	0.48
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	16	0.48
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	16	0.48
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	13	0.48
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	11	0.48
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	11	0.48
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	5	0.48
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	3	0.48
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	15	0.48
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	15	0.48
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	15	0.48
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	11	0.48
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	11	0.48
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	11	0.48
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	14	0.48

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	14	0.48
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	14	0.48
(4,265)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG13	14	0.47
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	12	0.47
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	13	0.47
(4,207)	1:103:A:VAL:H	1:80:A:SER:HA	3	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	10	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	10	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	10	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	10	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	10	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	10	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	13	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	13	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	13	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	13	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	13	0.47
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	13	0.47
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	4	0.47
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	2	0.47
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	14	0.47
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG11	19	0.47
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG12	19	0.47
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG13	19	0.47
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	8	0.47
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	10	0.47
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	19	0.47
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	19	0.47
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	19	0.47
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	3	0.47
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	6	0.47
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	17	0.47
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	19	0.47
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	12	0.47
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	14	0.47
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE2	12	0.47
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE3	12	0.47
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE2	12	0.47
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE3	12	0.47
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE2	12	0.47
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE3	12	0.47
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	5	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	5	0.47
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	5	0.47
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	13	0.47
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	13	0.47
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	13	0.47
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	2	0.47
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	2	0.47
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	2	0.47
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	13	0.47
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	13	0.47
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	13	0.47
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	16	0.47
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	16	0.47
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	19	0.47
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	19	0.47
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	1	0.47
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	1	0.47
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	1	0.47
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	1	0.47
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	1	0.47
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	1	0.47
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	16	0.47
(1,2002)	1:192:A:TRP:HE1	1:163:A:ARG:HB2	1	0.47
(1,1840)	1:225:A:ILE:H	1:213:A:VAL:HB	4	0.47
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	5	0.47
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	8	0.47
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	14	0.47
(1,1738)	1:142:A:TYR:HB2	1:143:A:ASN:H	6	0.47
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	7	0.47
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	17	0.47
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	9	0.47
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	18	0.47
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	4	0.47
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	3	0.47
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	3	0.47
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	3	0.47
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	5	0.47
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	5	0.47
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	5	0.47
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	20	0.47
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	20	0.47
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	20	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	12	0.47
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	19	0.47
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	5	0.47
(1,1427)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HE2	9	0.47
(1,1427)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HE3	9	0.47
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	12	0.47
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	12	0.47
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	12	0.47
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	3	0.47
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	10	0.47
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	14	0.47
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	18	0.47
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	4	0.47
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	12	0.47
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	12	0.47
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	12	0.47
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	17	0.47
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	17	0.47
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	17	0.47
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	19	0.47
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	19	0.47
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	19	0.47
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	9	0.47
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	9	0.47
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	8	0.47
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	20	0.47
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	13	0.47
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	13	0.47
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	13	0.47
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	6	0.47
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	4	0.47
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	4	0.47
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	9	0.47
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	9	0.47
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	13	0.47
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	13	0.47
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	15	0.47
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	15	0.47
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	15	0.47
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	3	0.47
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	3	0.47
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	3	0.47

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	6	0.46
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	12	0.46
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	12	0.46
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	12	0.46
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	6	0.46
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	3	0.46
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	3	0.46
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	9	0.46
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	9	0.46
(4,222)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:HA	3	0.46
(4,222)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:HA	3	0.46
(4,222)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:HA	3	0.46
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	18	0.46
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	18	0.46
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	18	0.46
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	18	0.46
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	18	0.46
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	18	0.46
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	6	0.46
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	6	0.46
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	3	0.46
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	3	0.46
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	16	0.46
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	16	0.46
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	14	0.46
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	14	0.46
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	14	0.46
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	14	0.46
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	14	0.46
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	14	0.46
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	12	0.46
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	7	0.46
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	6	0.46
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	8	0.46
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	16	0.46
(1,3225)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HB2	10	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	3	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	3	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	3	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	7	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	7	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	7	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	11	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	11	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	11	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	20	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	20	0.46
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	20	0.46
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	7	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	1	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	1	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	1	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	2	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	2	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	2	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	14	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	14	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	14	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	18	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	18	0.46
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	18	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	4	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	4	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	4	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	8	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	8	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	8	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	17	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	17	0.46
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	17	0.46
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	1	0.46
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	19	0.46
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	6	0.46
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	14	0.46
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	14	0.46
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	14	0.46
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	9	0.46
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	9	0.46
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	9	0.46
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	4	0.46
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	4	0.46
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	4	0.46
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	4	0.46
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	4	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	4	0.46
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	4	0.46
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	4	0.46
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	4	0.46
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	7	0.46
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	7	0.46
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	7	0.46
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	2	0.46
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	2	0.46
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	2	0.46
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	9	0.46
(1,2376)	1:90:A:GLU:HA	1:90:A:GLU:HG2	9	0.46
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	16	0.46
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	16	0.46
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	16	0.46
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	11	0.46
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	1	0.46
(1,1840)	1:225:A:ILE:H	1:213:A:VAL:HB	19	0.46
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	18	0.46
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	10	0.46
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	4	0.46
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	14	0.46
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	18	0.46
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	18	0.46
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	18	0.46
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	4	0.46
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	6	0.46
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	7	0.46
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	16	0.46
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	15	0.46
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	17	0.46
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	17	0.46
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	17	0.46
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	13	0.46
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	13	0.46
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	15	0.46
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	15	0.46
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	15	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	5	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	5	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	5	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	6	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	6	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	6	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	8	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	8	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	8	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	18	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	18	0.46
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	18	0.46
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	8	0.46
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	6	0.46
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	8	0.46
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	8	0.46
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	13	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	1	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	1	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	1	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	2	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	2	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	2	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	4	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	4	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	4	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	5	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	5	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	5	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	7	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	7	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	7	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	10	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	10	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	10	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	11	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	11	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	11	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	13	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	13	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	13	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	14	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	14	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	14	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	15	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	15	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	15	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	16	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	16	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	16	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	18	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	18	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	18	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	20	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	20	0.46
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	20	0.46
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	13	0.46
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	16	0.46
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	9	0.46
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	14	0.46
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	1	0.46
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	10	0.46
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	19	0.46
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	8	0.46
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	8	0.46
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	14	0.46
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	14	0.46
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	15	0.46
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	15	0.46
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	5	0.46
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	5	0.46
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	5	0.46
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	7	0.46
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	7	0.46
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	7	0.46
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	9	0.46
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	9	0.46
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	9	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	2	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	2	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	2	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	13	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	13	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	13	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	16	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	16	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	16	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	18	0.46

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	18	0.46
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	18	0.46
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	8	0.46
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	8	0.46
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	8	0.46
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	19	0.46
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	19	0.46
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	19	0.46
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	7	0.45
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	7	0.45
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	7	0.45
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	14	0.45
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	14	0.45
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	14	0.45
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	20	0.45
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	20	0.45
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	20	0.45
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	5	0.45
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	2	0.45
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	2	0.45
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	13	0.45
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	13	0.45
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	15	0.45
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	15	0.45
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	15	0.45
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	15	0.45
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	15	0.45
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	15	0.45
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	5	0.45
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB1	6	0.45
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB2	6	0.45
(4,187)	1:25:A:LEU:HG	1:24:A:ALA:HB3	6	0.45
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	14	0.45
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	14	0.45
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	9	0.45
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	9	0.45
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE2	12	0.45
(4,118)	1:120:A:LYS:HG2	1:120:A:LYS:HE3	12	0.45
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE2	3	0.45
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE3	3	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	7	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	7	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	7	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	7	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	7	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	7	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	8	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	8	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	8	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	8	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	8	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	8	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	12	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	12	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	12	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	12	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	12	0.45
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	12	0.45
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	11	0.45
(4,54)	1:49:A:LEU:HD11	1:96:A:PHE:H	4	0.45
(4,54)	1:49:A:LEU:HD12	1:96:A:PHE:H	4	0.45
(4,54)	1:49:A:LEU:HD13	1:96:A:PHE:H	4	0.45
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	7	0.45
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	7	0.45
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	14	0.45
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	17	0.45
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	5	0.45
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	5	0.45
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	5	0.45
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	12	0.45
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	12	0.45
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	12	0.45
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	17	0.45
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	17	0.45
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	17	0.45
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	19	0.45
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	19	0.45
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	19	0.45
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	8	0.45
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	6	0.45
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	16	0.45
(1,2857)	1:31:A:LEU:HB2	1:32:A:TYR:HD1	20	0.45
(1,2857)	1:31:A:LEU:HB2	1:32:A:TYR:HD2	20	0.45
(1,2815)	1:22:A:ARG:HA	1:25:A:LEU:HD11	2	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2815)	1:22:A:ARG:HA	1:25:A:LEU:HD12	2	0.45
(1,2815)	1:22:A:ARG:HA	1:25:A:LEU:HD13	2	0.45
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	8	0.45
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	11	0.45
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	12	0.45
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	12	0.45
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	12	0.45
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	16	0.45
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	16	0.45
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	16	0.45
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	18	0.45
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	18	0.45
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	18	0.45
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	7	0.45
(1,2650)	1:29:A:ARG:HD3	1:29:A:ARG:HB2	13	0.45
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	17	0.45
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	17	0.45
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	17	0.45
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	6	0.45
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	6	0.45
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	6	0.45
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	11	0.45
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	5	0.45
(1,2247)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD3	5	0.45
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	3	0.45
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	18	0.45
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	19	0.45
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	15	0.45
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	15	0.45
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	15	0.45
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	3	0.45
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	10	0.45
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	10	0.45
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	10	0.45
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	14	0.45
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	17	0.45
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	1	0.45
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	12	0.45
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	12	0.45
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	10	0.45
(1,1404)	1:238:A:ALA:H	1:164:A:TYR:H	3	0.45
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	1	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	14	0.45
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	5	0.45
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	5	0.45
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	5	0.45
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	5	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	2	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	2	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	2	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	4	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	4	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	4	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	12	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	12	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	12	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	13	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	13	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	13	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	14	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	14	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	14	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	17	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	17	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	17	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	19	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	19	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	19	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	20	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	20	0.45
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	20	0.45
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	16	0.45
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	16	0.45
(1,972)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HB2	5	0.45
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	1	0.45
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	4	0.45
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	14	0.45
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	2	0.45
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	12	0.45
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	7	0.45
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	7	0.45
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	7	0.45
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	3	0.45
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	3	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	3	0.45
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	9	0.45
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	9	0.45
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	9	0.45
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	10	0.45
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	11	0.45
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	18	0.45
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	10	0.45
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	10	0.45
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	13	0.45
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	13	0.45
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	10	0.45
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	15	0.45
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	17	0.45
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	17	0.45
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	17	0.45
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	4	0.45
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	10	0.45
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	10	0.45
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	11	0.45
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	14	0.45
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	17	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	3	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	3	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	5	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	5	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	6	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	6	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	10	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	10	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	12	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	12	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	16	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	16	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	20	0.45
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	20	0.45
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	6	0.45
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	6	0.45
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	6	0.45
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	13	0.45
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	13	0.45
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	13	0.45

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	19	0.45
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	19	0.45
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	19	0.45
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	11	0.45
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	15	0.45
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	19	0.45
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	3	0.45
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	3	0.45
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	3	0.45
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	11	0.45
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	11	0.45
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	11	0.45
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	12	0.45
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	12	0.45
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	12	0.45
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	16	0.45
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	3	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	3	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	3	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	5	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	5	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	5	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	6	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	6	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	6	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	9	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	9	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	9	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	11	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	11	0.44
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	11	0.44
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	13	0.44
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	13	0.44
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	13	0.44
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	5	0.44
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	4	0.44
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	5	0.44
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	5	0.44
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	5	0.44
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	16	0.44
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	16	0.44
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	20	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	20	0.44
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE2	12	0.44
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE3	12	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	11	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	11	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	11	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	11	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	11	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	11	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD1	18	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG21	1:96:A:PHE:HD2	18	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD1	18	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG22	1:96:A:PHE:HD2	18	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD1	18	0.44
(4,97)	1:95:A:VAL:HG23	1:96:A:PHE:HD2	18	0.44
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	15	0.44
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	15	0.44
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	15	0.44
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	13	0.44
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	4	0.44
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	4	0.44
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	4	0.44
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	10	0.44
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	10	0.44
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	10	0.44
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	15	0.44
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	15	0.44
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	15	0.44
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	3	0.44
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	17	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	1	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	1	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	1	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	9	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	9	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	9	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	11	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	11	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	11	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	20	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	20	0.44
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	20	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	4	0.44
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB1	9	0.44
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB2	9	0.44
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB3	9	0.44
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB1	17	0.44
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB2	17	0.44
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB3	17	0.44
(1,2478)	1:102:A:LYS:H	1:101:A:ARG:HB2	7	0.44
(1,2478)	1:102:A:LYS:H	1:101:A:ARG:HB3	7	0.44
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	7	0.44
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	7	0.44
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	7	0.44
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	11	0.44
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	11	0.44
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	11	0.44
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	2	0.44
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	2	0.44
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	2	0.44
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	4	0.44
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	4	0.44
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	4	0.44
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB1	1:22:A:ARG:HD2	7	0.44
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB2	1:22:A:ARG:HD2	7	0.44
(1,2414)	1:238:A:ALA:HB3	1:22:A:ARG:HD2	7	0.44
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	3	0.44
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	3	0.44
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	3	0.44
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	14	0.44
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	14	0.44
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	14	0.44
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	10	0.44
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	10	0.44
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	11	0.44
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	12	0.44
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	18	0.44
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	1	0.44
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	5	0.44
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	5	0.44
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	5	0.44
(1,1991)	1:203:A:SER:H	1:228:A:VAL:HG11	16	0.44
(1,1991)	1:203:A:SER:H	1:228:A:VAL:HG12	16	0.44
(1,1991)	1:203:A:SER:H	1:228:A:VAL:HG13	16	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	1	0.44
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	8	0.44
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	8	0.44
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	8	0.44
(1,1840)	1:225:A:ILE:H	1:213:A:VAL:HB	9	0.44
(1,1840)	1:225:A:ILE:H	1:213:A:VAL:HB	17	0.44
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	12	0.44
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	12	0.44
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	12	0.44
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	1	0.44
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	2	0.44
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	6	0.44
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	5	0.44
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	15	0.44
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	12	0.44
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	19	0.44
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	8	0.44
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	11	0.44
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG11	1:69:A:VAL:H	6	0.44
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG12	1:69:A:VAL:H	6	0.44
(1,1644)	1:66:A:VAL:HG13	1:69:A:VAL:H	6	0.44
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	4	0.44
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	13	0.44
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	9	0.44
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	11	0.44
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	15	0.44
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	20	0.44
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	5	0.44
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	16	0.44
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	2	0.44
(1,1561)	1:28:A:GLU:H	1:36:A:LEU:HG	10	0.44
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	6	0.44
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	6	0.44
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	6	0.44
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	19	0.44
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	19	0.44
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	19	0.44
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	3	0.44
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	5	0.44
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	20	0.44
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	1	0.44
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	1	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	2	0.44
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	3	0.44
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	3	0.44
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	3	0.44
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	10	0.44
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	10	0.44
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	10	0.44
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	16	0.44
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	16	0.44
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	16	0.44
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	12	0.44
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	20	0.44
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	16	0.44
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	16	0.44
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	16	0.44
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	3	0.44
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	5	0.44
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	6	0.44
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	16	0.44
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	18	0.44
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	20	0.44
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	6	0.44
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	6	0.44
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	6	0.44
(1,839)	1:104:A:THR:HG21	1:104:A:THR:H	8	0.44
(1,839)	1:104:A:THR:HG22	1:104:A:THR:H	8	0.44
(1,839)	1:104:A:THR:HG23	1:104:A:THR:H	8	0.44
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	5	0.44
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	12	0.44
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	18	0.44
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	12	0.44
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	12	0.44
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	20	0.44
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	11	0.44
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	7	0.44
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	7	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	1	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	1	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	1	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	2	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	2	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	2	0.44

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	3	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	3	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	3	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	17	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	17	0.44
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	17	0.44
(1,281)	1:147:A:ALA:HB1	1:146:A:SER:H	18	0.44
(1,281)	1:147:A:ALA:HB2	1:146:A:SER:H	18	0.44
(1,281)	1:147:A:ALA:HB3	1:146:A:SER:H	18	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	1	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	1	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	1	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	6	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	6	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	6	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	17	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	17	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	17	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	20	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	20	0.44
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	20	0.44
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	3	0.44
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	8	0.44
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	1	0.44
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	1	0.44
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	1	0.44
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	6	0.44
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	6	0.44
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	6	0.44
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	17	0.43
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	19	0.43
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	10	0.43
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	10	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	1	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	1	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	1	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	1	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	1	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	1	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	12	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	12	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	12	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	12	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	12	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	12	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	14	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	14	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	14	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	14	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	14	0.43
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	14	0.43
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	19	0.43
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG11	3	0.43
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG12	3	0.43
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG13	3	0.43
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG11	9	0.43
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG12	9	0.43
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG13	9	0.43
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	18	0.43
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	19	0.43
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	17	0.43
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	17	0.43
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	17	0.43
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	9	0.43
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	9	0.43
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	9	0.43
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	9	0.43
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	2	0.43
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	2	0.43
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	2	0.43
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	3	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	1	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	1	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	1	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	2	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	2	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	2	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	3	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	3	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	3	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	4	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	4	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	4	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	5	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	5	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	5	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	6	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	6	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	6	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	8	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	8	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	8	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	9	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	9	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	9	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	10	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	10	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	10	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	11	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	11	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	11	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	12	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	12	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	12	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	13	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	13	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	13	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	14	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	14	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	14	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	17	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	17	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	17	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	18	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	18	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	18	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	19	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	19	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	19	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	20	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	20	0.43
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	20	0.43
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD21	1:54:A:ASN:HB2	3	0.43
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD22	1:54:A:ASN:HB2	3	0.43
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD23	1:54:A:ASN:HB2	3	0.43
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	10	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	13	0.43
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	14	0.43
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	19	0.43
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	19	0.43
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	19	0.43
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	10	0.43
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	10	0.43
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	10	0.43
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	10	0.43
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	10	0.43
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	10	0.43
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	15	0.43
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	15	0.43
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	15	0.43
(1,2677)	1:19:A:SER:HB2	1:16:A:VAL:HA	18	0.43
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	20	0.43
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB1	18	0.43
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB2	18	0.43
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB3	18	0.43
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	3	0.43
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	3	0.43
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	3	0.43
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	8	0.43
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	8	0.43
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	8	0.43
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	14	0.43
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	14	0.43
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	14	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	16	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	16	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	16	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	17	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	17	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	17	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	18	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	18	0.43
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	18	0.43
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	3	0.43
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	3	0.43
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	3	0.43
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	14	0.43
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	8	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	8	0.43
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	8	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	1	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	1	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	1	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	14	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	14	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	14	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	18	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	18	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	18	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	20	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	20	0.43
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	20	0.43
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	13	0.43
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	14	0.43
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	6	0.43
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	12	0.43
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	17	0.43
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	18	0.43
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	2	0.43
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	6	0.43
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	6	0.43
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	6	0.43
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	9	0.43
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	9	0.43
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	9	0.43
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	6	0.43
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	18	0.43
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	18	0.43
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	18	0.43
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	2	0.43
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	18	0.43
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	18	0.43
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	18	0.43
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	19	0.43
(1,1791)	1:184:A:ALA:H	1:185:A:ILE:HG12	17	0.43
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	13	0.43
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	13	0.43
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	13	0.43
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	16	0.43
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	12	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	13	0.43
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	18	0.43
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	9	0.43
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	18	0.43
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	20	0.43
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD21	1:37:A:LEU:H	12	0.43
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD22	1:37:A:LEU:H	12	0.43
(1,1576)	1:36:A:LEU:HD23	1:37:A:LEU:H	12	0.43
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	18	0.43
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	8	0.43
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	12	0.43
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	19	0.43
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	4	0.43
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	4	0.43
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	4	0.43
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	19	0.43
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	19	0.43
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	19	0.43
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	15	0.43
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	16	0.43
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	16	0.43
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	11	0.43
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	10	0.43
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	10	0.43
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	10	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	7	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	7	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	7	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	9	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	9	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	9	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	11	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	11	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	11	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	15	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	15	0.43
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	15	0.43
(1,1109)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG2	2	0.43
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	7	0.43
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	7	0.43
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	7	0.43
(1,972)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HB2	3	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,972)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HB2	7	0.43
(1,972)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HB2	10	0.43
(1,972)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HB2	13	0.43
(1,972)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HB2	20	0.43
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	11	0.43
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	8	0.43
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	10	0.43
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	12	0.43
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	17	0.43
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	19	0.43
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	8	0.43
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	14	0.43
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	1	0.43
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	2	0.43
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	6	0.43
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	7	0.43
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	15	0.43
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	18	0.43
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	3	0.43
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	5	0.43
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	13	0.43
(1,637)	1:132:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	18	0.43
(1,637)	1:132:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	18	0.43
(1,637)	1:132:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	18	0.43
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	3	0.43
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	3	0.43
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	4	0.43
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	4	0.43
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	3	0.43
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	3	0.43
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	19	0.43
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	19	0.43
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	9	0.43
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	9	0.43
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	9	0.43
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	12	0.43
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	12	0.43
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	12	0.43
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	19	0.43
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	19	0.43
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	19	0.43
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	8	0.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	5	0.43
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	1	0.43
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	1	0.43
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	17	0.43
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	17	0.43
(1,515)	1:4:A:PHE:HD1	1:4:A:PHE:H	18	0.43
(1,515)	1:4:A:PHE:HD2	1:4:A:PHE:H	18	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	8	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	8	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	8	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	11	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	11	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	11	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	12	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	12	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	12	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD11	20	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD12	20	0.43
(1,392)	1:49:A:LEU:H	1:49:A:LEU:HD13	20	0.43
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	16	0.43
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	16	0.43
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	16	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	4	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	4	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	4	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	5	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	5	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	5	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	7	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	7	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	7	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	14	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	14	0.43
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	14	0.43
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	16	0.42
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	16	0.42
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	16	0.42
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	19	0.42
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	7	0.42
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	7	0.42
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	16	0.42
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	16	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	16	0.42
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	16	0.42
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	16	0.42
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	16	0.42
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	15	0.42
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	15	0.42
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD2	19	0.42
(4,145)	1:124:A:ASN:HD22	1:120:A:LYS:HD3	19	0.42
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE2	10	0.42
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE3	10	0.42
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	13	0.42
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	13	0.42
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	13	0.42
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	11	0.42
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	6	0.42
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	9	0.42
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	1	0.42
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	5	0.42
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	9	0.42
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	14	0.42
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	14	0.42
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	14	0.42
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	14	0.42
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	18	0.42
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	18	0.42
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	18	0.42
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	14	0.42
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	6	0.42
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	6	0.42
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	6	0.42
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	10	0.42
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	10	0.42
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	10	0.42
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	15	0.42
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	15	0.42
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	15	0.42
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	18	0.42
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	18	0.42
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	18	0.42
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	11	0.42
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	7	0.42
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	7	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	7	0.42
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG21	16	0.42
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG22	16	0.42
(1,2942)	1:59:A:THR:H	1:59:A:THR:HG23	16	0.42
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	9	0.42
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	9	0.42
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	9	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE2	9	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE3	9	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE2	9	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE3	9	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE2	9	0.42
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE3	9	0.42
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	14	0.42
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	14	0.42
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	14	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	1	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	3	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	4	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	5	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	6	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	7	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	8	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	11	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	13	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	15	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	18	0.42
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	19	0.42
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	17	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	1	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	1	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	1	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	10	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	10	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	10	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	11	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	11	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	11	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	12	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	12	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	12	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	16	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	16	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	16	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	19	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	19	0.42
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	19	0.42
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	5	0.42
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	5	0.42
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	5	0.42
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	7	0.42
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	7	0.42
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	7	0.42
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	9	0.42
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	9	0.42
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	9	0.42
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	12	0.42
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	12	0.42
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	12	0.42
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	13	0.42
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	13	0.42
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	13	0.42
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	11	0.42
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	11	0.42
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	11	0.42
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	20	0.42
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	20	0.42
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	20	0.42
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	12	0.42
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	12	0.42
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	12	0.42
(1,2376)	1:90:A:GLU:HA	1:90:A:GLU:HG2	3	0.42
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	2	0.42
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	2	0.42
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	2	0.42
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	12	0.42
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	12	0.42
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	12	0.42
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	20	0.42
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	20	0.42
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	20	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	4	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	4	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	4	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	6	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	6	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	6	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	7	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	7	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	7	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	17	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	17	0.42
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	17	0.42
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	1	0.42
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	5	0.42
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	12	0.42
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	12	0.42
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	12	0.42
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	15	0.42
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	15	0.42
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	15	0.42
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	2	0.42
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	9	0.42
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	8	0.42
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	8	0.42
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	8	0.42
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	20	0.42
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	20	0.42
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	20	0.42
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	2	0.42
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	6	0.42
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	10	0.42
(1,1840)	1:225:A:ILE:H	1:213:A:VAL:HB	2	0.42
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	8	0.42
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	14	0.42
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	19	0.42
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	11	0.42
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	20	0.42
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	15	0.42
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	4	0.42
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	18	0.42
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	3	0.42
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	9	0.42
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	19	0.42
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	20	0.42
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	10	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	13	0.42
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	18	0.42
(1,1561)	1:28:A:GLU:H	1:36:A:LEU:HG	9	0.42
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	15	0.42
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	15	0.42
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	15	0.42
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	8	0.42
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	8	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	1	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	1	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	1	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	13	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	13	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	13	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	17	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	17	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	17	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	18	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	18	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	18	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	20	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	20	0.42
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	20	0.42
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	17	0.42
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB1	1:134:A:SER:H	1	0.42
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB2	1:134:A:SER:H	1	0.42
(1,1227)	1:135:A:ALA:HB3	1:134:A:SER:H	1	0.42
(1,1109)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG2	18	0.42
(1,987)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HB2	6	0.42
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	17	0.42
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	5	0.42
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	17	0.42
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	12	0.42
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	1	0.42
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	5	0.42
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	5	0.42
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	5	0.42
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	7	0.42
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	15	0.42
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	19	0.42
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	15	0.42
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	17	0.42

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	19	0.42
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	1	0.42
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	18	0.42
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	4	0.42
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	4	0.42
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	12	0.42
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	15	0.42
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	1	0.42
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	1	0.42
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	1	0.42
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	8	0.42
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	8	0.42
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	8	0.42
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	14	0.42
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	14	0.42
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	14	0.42
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	18	0.42
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	2	0.42
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	20	0.42
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	20	0.42
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	20	0.42
(1,281)	1:147:A:ALA:HB1	1:146:A:SER:H	5	0.42
(1,281)	1:147:A:ALA:HB2	1:146:A:SER:H	5	0.42
(1,281)	1:147:A:ALA:HB3	1:146:A:SER:H	5	0.42
(1,281)	1:147:A:ALA:HB1	1:146:A:SER:H	17	0.42
(1,281)	1:147:A:ALA:HB2	1:146:A:SER:H	17	0.42
(1,281)	1:147:A:ALA:HB3	1:146:A:SER:H	17	0.42
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	4	0.42
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	4	0.42
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD11	8	0.42
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD12	8	0.42
(1,258)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD13	8	0.42
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	1	0.42
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	20	0.42
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	4	0.42
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	13	0.41
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	13	0.41
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	13	0.41
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	15	0.41
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	15	0.41
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	15	0.41
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	20	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	20	0.41
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	20	0.41
(4,311)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:H	19	0.41
(4,311)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:H	19	0.41
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	11	0.41
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	11	0.41
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	3	0.41
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	3	0.41
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	3	0.41
(4,54)	1:49:A:LEU:HD11	1:96:A:PHE:H	14	0.41
(4,54)	1:49:A:LEU:HD12	1:96:A:PHE:H	14	0.41
(4,54)	1:49:A:LEU:HD13	1:96:A:PHE:H	14	0.41
(4,46)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:HB3	7	0.41
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	7	0.41
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	10	0.41
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	20	0.41
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	15	0.41
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	2	0.41
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	5	0.41
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	18	0.41
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	3	0.41
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	3	0.41
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	3	0.41
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	18	0.41
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	18	0.41
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	18	0.41
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	1	0.41
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	1	0.41
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	1	0.41
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	1	0.41
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	2	0.41
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	14	0.41
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	14	0.41
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	14	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	8	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	8	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	8	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	10	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	10	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	10	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	12	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	12	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	12	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	18	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	18	0.41
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	18	0.41
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	16	0.41
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	16	0.41
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	16	0.41
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	6	0.41
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	13	0.41
(1,2848)	1:33:A:ASP:HA	1:30:A:LYS:HE2	9	0.41
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	9	0.41
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	19	0.41
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	3	0.41
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	3	0.41
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	3	0.41
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	18	0.41
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	18	0.41
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	18	0.41
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG21	1:81:A:TYR:HA	7	0.41
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG22	1:81:A:TYR:HA	7	0.41
(1,2681)	1:103:A:VAL:HG23	1:81:A:TYR:HA	7	0.41
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	2	0.41
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	14	0.41
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	18	0.41
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	18	0.41
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	18	0.41
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	20	0.41
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	20	0.41
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	20	0.41
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	6	0.41
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	6	0.41
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	6	0.41
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	6	0.41
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	6	0.41
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	6	0.41
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	6	0.41
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	6	0.41
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	6	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	5	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	5	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	5	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	6	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	6	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	6	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	7	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	7	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	7	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	13	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	13	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	13	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	15	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	15	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	15	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	20	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	20	0.41
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	20	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	1	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	1	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	1	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	6	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	6	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	6	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	10	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	10	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	10	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	15	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	15	0.41
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	15	0.41
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	18	0.41
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	18	0.41
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	18	0.41
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	18	0.41
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	18	0.41
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	18	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	4	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	4	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	4	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	5	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	5	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	5	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	10	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	10	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	10	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	14	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	14	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	14	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	19	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	19	0.41
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	19	0.41
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	9	0.41
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	9	0.41
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	9	0.41
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	10	0.41
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	10	0.41
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	10	0.41
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	13	0.41
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	13	0.41
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	13	0.41
(1,2403)	1:169:A:GLN:HG2	1:168:A:GLU:HG3	14	0.41
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	8	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	3	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	3	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	3	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	12	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	12	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	12	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	19	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	19	0.41
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	19	0.41
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	2	0.41
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	3	0.41
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	8	0.41
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	17	0.41
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	8	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	4	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	4	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	4	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	4	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	4	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	4	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	8	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	8	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	8	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	8	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	8	0.41
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	8	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	16	0.41
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	16	0.41
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	16	0.41
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	5	0.41
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	8	0.41
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	14	0.41
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	13	0.41
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	19	0.41
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	3	0.41
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	3	0.41
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	3	0.41
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	3	0.41
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	6	0.41
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	17	0.41
(1,1706)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB2	13	0.41
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	4	0.41
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	4	0.41
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	4	0.41
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	20	0.41
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	20	0.41
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	20	0.41
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	11	0.41
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	17	0.41
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	10	0.41
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	14	0.41
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	10	0.41
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	14	0.41
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	7	0.41
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	5	0.41
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	14	0.41
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	11	0.41
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	18	0.41
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	18	0.41
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	8	0.41
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	9	0.41
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	13	0.41
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	1	0.41
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	3	0.41
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	7	0.41
(1,1561)	1:28:A:GLU:H	1:36:A:LEU:HG	12	0.41
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	9	0.41
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	9	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	9	0.41
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	16	0.41
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	16	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	5	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	5	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	5	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	6	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	6	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	6	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	7	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	7	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	7	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	10	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	10	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	10	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	12	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	12	0.41
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	12	0.41
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	9	0.41
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	13	0.41
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	13	0.41
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	1	0.41
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	11	0.41
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	11	0.41
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	11	0.41
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	2	0.41
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	2	0.41
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	2	0.41
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	14	0.41
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	14	0.41
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	14	0.41
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	2	0.41
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	2	0.41
(1,987)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HB2	5	0.41
(1,987)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HB2	15	0.41
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	5	0.41
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	6	0.41
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	6	0.41
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	15	0.41
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	4	0.41
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	10	0.41
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	10	0.41

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	10	0.41
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	4	0.41
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	17	0.41
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	5	0.41
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	17	0.41
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	20	0.41
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	20	0.41
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	14	0.41
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	14	0.41
(1,637)	1:132:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	12	0.41
(1,637)	1:132:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	12	0.41
(1,637)	1:132:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	12	0.41
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	9	0.41
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	9	0.41
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	15	0.41
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	15	0.41
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	11	0.41
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	11	0.41
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	11	0.41
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	18	0.41
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	18	0.41
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	18	0.41
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	4	0.41
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	15	0.41
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	15	0.41
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	15	0.41
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	20	0.41
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	20	0.41
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	20	0.41
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	9	0.41
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	12	0.41
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	1	0.41
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	1	0.41
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	4	0.41
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	4	0.41
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	4	0.41
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	8	0.4
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	8	0.4
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	8	0.4
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	12	0.4
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	12	0.4
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	17	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	17	0.4
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	14	0.4
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	13	0.4
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	13	0.4
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	15	0.4
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	15	0.4
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	3	0.4
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	3	0.4
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	3	0.4
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	3	0.4
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	3	0.4
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	3	0.4
(4,193)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG2	8	0.4
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	3	0.4
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	3	0.4
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	11	0.4
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	11	0.4
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	6	0.4
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	6	0.4
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	1	0.4
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	15	0.4
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	4	0.4
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	4	0.4
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	4	0.4
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	17	0.4
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	14	0.4
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	14	0.4
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	14	0.4
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	12	0.4
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	12	0.4
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	12	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	2	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	2	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	2	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	2	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	2	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	2	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	2	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	2	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	2	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	9	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	9	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	9	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	9	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	9	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	9	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	9	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	9	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	9	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	13	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	13	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	13	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	13	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	13	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	13	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	13	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	13	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	13	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	20	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	20	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	20	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	20	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	20	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	20	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	20	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	20	0.4
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	20	0.4
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	1	0.4
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	1	0.4
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	1	0.4
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	9	0.4
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	9	0.4
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	9	0.4
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	13	0.4
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	13	0.4
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	13	0.4
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	14	0.4
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	14	0.4
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	14	0.4
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	19	0.4
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	11	0.4
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	17	0.4
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	2	0.4
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	15	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	20	0.4
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	20	0.4
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	20	0.4
(1,2635)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:HB2	17	0.4
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	7	0.4
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	7	0.4
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	7	0.4
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	15	0.4
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	15	0.4
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	15	0.4
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	6	0.4
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	6	0.4
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	6	0.4
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:HA	9	0.4
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:HA	9	0.4
(1,2518)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:HA	9	0.4
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	3	0.4
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	3	0.4
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	3	0.4
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	12	0.4
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	12	0.4
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	12	0.4
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	16	0.4
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	16	0.4
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	16	0.4
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	20	0.4
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	20	0.4
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	20	0.4
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	15	0.4
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	15	0.4
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	15	0.4
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	5	0.4
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	9	0.4
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	9	0.4
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	9	0.4
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	14	0.4
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	14	0.4
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	14	0.4
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	9	0.4
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	9	0.4
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	9	0.4
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	6	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	10	0.4
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	15	0.4
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	3	0.4
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	4	0.4
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	13	0.4
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	19	0.4
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	19	0.4
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	19	0.4
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	19	0.4
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	19	0.4
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	19	0.4
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	18	0.4
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	18	0.4
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	18	0.4
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	19	0.4
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	19	0.4
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	19	0.4
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	9	0.4
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	10	0.4
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	3	0.4
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	3	0.4
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	3	0.4
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	7	0.4
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	7	0.4
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	7	0.4
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	7	0.4
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	7	0.4
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	7	0.4
(1,1981)	1:18:A:ILE:HG21	1:164:A:TYR:H	1	0.4
(1,1981)	1:18:A:ILE:HG22	1:164:A:TYR:H	1	0.4
(1,1981)	1:18:A:ILE:HG23	1:164:A:TYR:H	1	0.4
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	4	0.4
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	4	0.4
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	4	0.4
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	19	0.4
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	19	0.4
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	19	0.4
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	18	0.4
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	19	0.4
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	9	0.4
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	9	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	2	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	2	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	2	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	5	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	5	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	5	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	14	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	14	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	14	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	19	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	19	0.4
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	19	0.4
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	4	0.4
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	7	0.4
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	8	0.4
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	19	0.4
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	2	0.4
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	17	0.4
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	15	0.4
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	1	0.4
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	11	0.4
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	12	0.4
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	19	0.4
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	20	0.4
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	19	0.4
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	14	0.4
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	12	0.4
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	14	0.4
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	10	0.4
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	14	0.4
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	11	0.4
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	8	0.4
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	8	0.4
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	8	0.4
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	16	0.4
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	16	0.4
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	16	0.4
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	18	0.4
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	18	0.4
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	18	0.4
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	18	0.4
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	18	0.4
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	20	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	1	0.4
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	1	0.4
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	1	0.4
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	16	0.4
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	3	0.4
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	3	0.4
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	3	0.4
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	18	0.4
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	10	0.4
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	9	0.4
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	18	0.4
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	13	0.4
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	17	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	7	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	7	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	7	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	8	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	8	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	8	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	9	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	9	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	9	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	20	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	20	0.4
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	20	0.4
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	20	0.4
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	1	0.4
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	3	0.4
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	7	0.4
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	10	0.4
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	12	0.4
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	13	0.4
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	14	0.4
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	4	0.4
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	9	0.4
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	19	0.4
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	20	0.4
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	11	0.4
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	11	0.4
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	3	0.4
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	6	0.4
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	8	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	8	0.4
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	4	0.4
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	4	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	2	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	2	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	2	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	4	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	4	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	4	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	6	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	6	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	6	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	7	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	7	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	7	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	17	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	17	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	17	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	20	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	20	0.4
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	20	0.4
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	4	0.4
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	3	0.4
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	11	0.4
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	15	0.4
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	8	0.4
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	10	0.4
(1,281)	1:147:A:ALA:HB1	1:146:A:SER:H	9	0.4
(1,281)	1:147:A:ALA:HB2	1:146:A:SER:H	9	0.4
(1,281)	1:147:A:ALA:HB3	1:146:A:SER:H	9	0.4
(1,281)	1:147:A:ALA:HB1	1:146:A:SER:H	11	0.4
(1,281)	1:147:A:ALA:HB2	1:146:A:SER:H	11	0.4
(1,281)	1:147:A:ALA:HB3	1:146:A:SER:H	11	0.4
(1,281)	1:147:A:ALA:HB1	1:146:A:SER:H	15	0.4
(1,281)	1:147:A:ALA:HB2	1:146:A:SER:H	15	0.4
(1,281)	1:147:A:ALA:HB3	1:146:A:SER:H	15	0.4
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	11	0.4
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	11	0.4
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	10	0.4
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	14	0.4
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	18	0.4
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	8	0.4

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	8	0.4
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	8	0.4
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	19	0.4
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	19	0.4
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	18	0.4
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	18	0.4
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	18	0.4
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	4	0.4
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	2	0.4
(4,317)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD3	10	0.39
(4,317)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD3	10	0.39
(4,317)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD3	10	0.39
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	11	0.39
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	11	0.39
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	11	0.39
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	3	0.39
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	3	0.39
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	3	0.39
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	16	0.39
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	16	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	7	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	7	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	7	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	7	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	7	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	7	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	20	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	20	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	20	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	20	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	20	0.39
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	20	0.39
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	8	0.39
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	8	0.39
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	10	0.39
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	10	0.39
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE2	9	0.39
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE3	9	0.39
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	3	0.39
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	3	0.39
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	3	0.39
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	8	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	11	0.39
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	3	0.39
(4,2)	1:132:A:LEU:H	1:130:A:PRO:HA	12	0.39
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	15	0.39
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	15	0.39
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	15	0.39
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	8	0.39
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	8	0.39
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	8	0.39
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	8	0.39
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	8	0.39
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	8	0.39
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	8	0.39
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	8	0.39
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	8	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	4	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	4	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	4	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	16	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	16	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	16	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	17	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	17	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	17	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	19	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	19	0.39
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	19	0.39
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	15	0.39
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	3	0.39
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	6	0.39
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	6	0.39
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	6	0.39
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	5	0.39
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	7	0.39
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	12	0.39
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	18	0.39
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	20	0.39
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	4	0.39
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	4	0.39
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	4	0.39
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	16	0.39
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	16	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	16	0.39
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE2	16	0.39
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE3	16	0.39
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE2	16	0.39
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE3	16	0.39
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE2	16	0.39
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE3	16	0.39
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	16	0.39
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	16	0.39
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	16	0.39
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	16	0.39
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	16	0.39
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	16	0.39
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	5	0.39
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	12	0.39
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD21	9	0.39
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD22	9	0.39
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD23	9	0.39
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	2	0.39
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	2	0.39
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	2	0.39
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	7	0.39
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	7	0.39
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	7	0.39
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	18	0.39
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	18	0.39
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	18	0.39
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	6	0.39
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	6	0.39
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	6	0.39
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	7	0.39
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	20	0.39
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	4	0.39
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	4	0.39
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	4	0.39
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	17	0.39
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	17	0.39
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	17	0.39
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	10	0.39
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	10	0.39
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	10	0.39
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	13	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	13	0.39
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	13	0.39
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	15	0.39
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	15	0.39
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	15	0.39
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	12	0.39
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	12	0.39
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	12	0.39
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	11	0.39
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	15	0.39
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	1	0.39
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	18	0.39
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	20	0.39
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	13	0.39
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	13	0.39
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	12	0.39
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	18	0.39
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	17	0.39
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	2	0.39
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	20	0.39
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	4	0.39
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	5	0.39
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	16	0.39
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	7	0.39
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	17	0.39
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	1	0.39
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	6	0.39
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	10	0.39
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	15	0.39
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	16	0.39
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	15	0.39
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	17	0.39
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	17	0.39
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	17	0.39
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	12	0.39
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	19	0.39
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	4	0.39
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	16	0.39
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	4	0.39
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	4	0.39
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	4	0.39
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	9	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	9	0.39
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	9	0.39
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	15	0.39
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	15	0.39
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	15	0.39
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	10	0.39
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	14	0.39
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	14	0.39
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	7	0.39
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	13	0.39
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	16	0.39
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	8	0.39
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	8	0.39
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	8	0.39
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	8	0.39
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	3	0.39
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	16	0.39
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	16	0.39
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	16	0.39
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	8	0.39
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	19	0.39
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	19	0.39
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	19	0.39
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	3	0.39
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	3	0.39
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	12	0.39
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	12	0.39
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	12	0.39
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	14	0.39
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	14	0.39
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	14	0.39
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	3	0.39
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	19	0.39
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	5	0.39
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	20	0.39
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	12	0.39
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	12	0.39
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	12	0.39
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	2	0.39
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	6	0.39
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	12	0.39
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	5	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	6	0.39
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	9	0.39
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	11	0.39
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	1	0.39
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	17	0.39
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	12	0.39
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	12	0.39
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	12	0.39
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	16	0.39
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	16	0.39
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	20	0.39
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	20	0.39
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	13	0.39
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	13	0.39
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	17	0.39
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	17	0.39
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	5	0.39
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	5	0.39
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	5	0.39
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	10	0.39
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	10	0.39
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	10	0.39
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	3	0.39
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	7	0.39
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	13	0.39
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	19	0.39
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	16	0.39
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	16	0.39
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	16	0.39
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	1	0.39
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	1	0.39
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	1	0.39
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	9	0.39
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	9	0.39
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	9	0.39
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	13	0.39
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	13	0.39
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	13	0.39
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	4	0.39
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	5	0.39
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	2	0.39
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	2	0.39

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	16	0.39
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	16	0.39
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	2	0.39
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	2	0.39
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	2	0.39
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	11	0.39
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	11	0.39
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	11	0.39
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	16	0.39
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	9	0.39
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	11	0.39
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	13	0.39
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	10	0.39
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	10	0.39
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	10	0.39
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	16	0.39
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	10	0.39
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	1	0.38
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	1	0.38
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	1	0.38
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	1	0.38
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	1	0.38
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	1	0.38
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	16	0.38
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	16	0.38
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	16	0.38
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	10	0.38
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	1	0.38
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	2	0.38
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	10	0.38
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	10	0.38
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	10	0.38
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	13	0.38
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	13	0.38
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	13	0.38
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	13	0.38
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	13	0.38
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	13	0.38
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	10	0.38
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	10	0.38
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	10	0.38
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	12	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	13	0.38
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE2	16	0.38
(4,103)	1:120:A:LYS:HB3	1:120:A:LYS:HE3	16	0.38
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	6	0.38
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	6	0.38
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	6	0.38
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	6	0.38
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	16	0.38
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	4	0.38
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	4	0.38
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	4	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	3	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	3	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	3	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	3	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	3	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	3	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	3	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	3	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	3	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	14	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	14	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	14	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	14	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	14	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	14	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	14	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	14	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	14	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	15	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	15	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	15	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	15	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	15	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	15	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	15	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	15	0.38
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	15	0.38
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	7	0.38
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	17	0.38
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	11	0.38
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	11	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	11	0.38
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	6	0.38
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	6	0.38
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	6	0.38
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	7	0.38
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	7	0.38
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	7	0.38
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	14	0.38
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	14	0.38
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	14	0.38
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	1	0.38
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	1	0.38
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	1	0.38
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD11	6	0.38
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD12	6	0.38
(1,2954)	1:50:A:ILE:H	1:64:A:ILE:HD13	6	0.38
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	14	0.38
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	7	0.38
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	1	0.38
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	8	0.38
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	19	0.38
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	20	0.38
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	20	0.38
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	20	0.38
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	20	0.38
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	20	0.38
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	20	0.38
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	20	0.38
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	20	0.38
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	20	0.38
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	20	0.38
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	10	0.38
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	10	0.38
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	10	0.38
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	15	0.38
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	15	0.38
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	15	0.38
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	13	0.38
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	13	0.38
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	13	0.38
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	6	0.38
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	6	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	6	0.38
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	6	0.38
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	6	0.38
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	6	0.38
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	4	0.38
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	4	0.38
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	4	0.38
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	9	0.38
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	9	0.38
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	9	0.38
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	11	0.38
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	11	0.38
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	11	0.38
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	5	0.38
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	5	0.38
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	5	0.38
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	10	0.38
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	10	0.38
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	10	0.38
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	13	0.38
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	13	0.38
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	13	0.38
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	19	0.38
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD21	8	0.38
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD22	8	0.38
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD23	8	0.38
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	4	0.38
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	4	0.38
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	4	0.38
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	1	0.38
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	1	0.38
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	1	0.38
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD11	1:54:A:ASN:HA	15	0.38
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD12	1:54:A:ASN:HA	15	0.38
(1,2469)	1:6:A:LEU:HD13	1:54:A:ASN:HA	15	0.38
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	4	0.38
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	4	0.38
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	4	0.38
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	6	0.38
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	6	0.38
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	6	0.38
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	9	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	9	0.38
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	9	0.38
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	18	0.38
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	18	0.38
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	18	0.38
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	16	0.38
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	16	0.38
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	16	0.38
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	16	0.38
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	16	0.38
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	16	0.38
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	4	0.38
(1,2376)	1:90:A:GLU:HA	1:90:A:GLU:HG2	13	0.38
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	3	0.38
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	3	0.38
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	3	0.38
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	2	0.38
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	2	0.38
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	2	0.38
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	8	0.38
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	8	0.38
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	8	0.38
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	20	0.38
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	9	0.38
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	4	0.38
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	20	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	10	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	10	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	10	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	10	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	10	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	10	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	13	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	13	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	13	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	13	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	13	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	13	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	14	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	14	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	14	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	14	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	14	0.38
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	14	0.38
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	11	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	1	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	1	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	1	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	4	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	4	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	4	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	11	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	11	0.38
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	11	0.38
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	17	0.38
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	17	0.38
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	15	0.38
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	9	0.38
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	5	0.38
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	5	0.38
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	5	0.38
(1,1837)	1:217:A:ASN:HB2	1:223:A:VAL:H	7	0.38
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	13	0.38
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	20	0.38
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	5	0.38
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	3	0.38
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	3	0.38
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	3	0.38
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	6	0.38
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	6	0.38
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	6	0.38
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	9	0.38
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	6	0.38
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	2	0.38
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	4	0.38
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	9	0.38
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	15	0.38
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	4	0.38
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	8	0.38
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG21	11	0.38
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG22	11	0.38
(1,1523)	1:214:A:VAL:H	1:214:A:VAL:HG23	11	0.38
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	2	0.38
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	3	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	3	0.38
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	3	0.38
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	8	0.38
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	8	0.38
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	9	0.38
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	9	0.38
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	17	0.38
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	17	0.38
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	2	0.38
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	4	0.38
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	17	0.38
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	19	0.38
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	10	0.38
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	20	0.38
(1,1197)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:H	17	0.38
(1,1197)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:H	17	0.38
(1,1197)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:H	17	0.38
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	7	0.38
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	7	0.38
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	7	0.38
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	13	0.38
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	13	0.38
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	13	0.38
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	16	0.38
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	16	0.38
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	16	0.38
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	20	0.38
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	20	0.38
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	20	0.38
(1,1109)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG2	15	0.38
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	17	0.38
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	2	0.38
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	18	0.38
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	11	0.38
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	11	0.38
(1,938)	1:30:A:LYS:HB3	1:33:A:ASP:H	7	0.38
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	10	0.38
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	10	0.38
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	10	0.38
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	14	0.38
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	3	0.38
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	13	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	1	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	1	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	1	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	3	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	3	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	3	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	4	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	4	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	4	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	13	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	13	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	13	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	15	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	15	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	15	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	18	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	18	0.38
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	18	0.38
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	16	0.38
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	4	0.38
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	7	0.38
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	11	0.38
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	16	0.38
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	13	0.38
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	10	0.38
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	12	0.38
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	13	0.38
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	17	0.38
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	17	0.38
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	19	0.38
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	19	0.38
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	5	0.38
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	1	0.38
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	1	0.38
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	1	0.38
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	6	0.38
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	6	0.38
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	12	0.38
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	12	0.38
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	13	0.38
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	13	0.38
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	3	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	3	0.38
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	3	0.38
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	2	0.38
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	10	0.38
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	13	0.38
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	15	0.38
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	1	0.38
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	8	0.38
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	14	0.38
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	3	0.38
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	3	0.38
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	3	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	1	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	1	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	1	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	2	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	2	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	2	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	4	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	4	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	4	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	6	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	6	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	6	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	7	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	7	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	7	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	14	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	14	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	14	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	19	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	19	0.38
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	19	0.38
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	3	0.38
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	11	0.38
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	17	0.38
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	17	0.38
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	2	0.38
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	2	0.38
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	2	0.38
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	15	0.38
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	15	0.38

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	15	0.38
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	16	0.38
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	16	0.38
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	16	0.38
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	1	0.38
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	4	0.37
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	4	0.37
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	4	0.37
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	4	0.37
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	4	0.37
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	4	0.37
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	7	0.37
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	7	0.37
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	7	0.37
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	20	0.37
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	20	0.37
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	3	0.37
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	12	0.37
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	13	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	9	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	9	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	9	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	9	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	9	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	9	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	19	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	19	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	19	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	19	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	19	0.37
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	19	0.37
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	8	0.37
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	8	0.37
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	8	0.37
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	1	0.37
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	10	0.37
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	20	0.37
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	15	0.37
(4,66)	1:16:A:VAL:H	1:12:A:SER:HA	20	0.37
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	11	0.37
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	7	0.37
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	7	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	7	0.37
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	7	0.37
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	7	0.37
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	13	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	6	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	6	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	6	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	6	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	6	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	6	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	6	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	6	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	6	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	11	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	11	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	11	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	11	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	11	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	11	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	11	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	11	0.37
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	11	0.37
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	19	0.37
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	19	0.37
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	19	0.37
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	15	0.37
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	15	0.37
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	15	0.37
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	20	0.37
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	20	0.37
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	20	0.37
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	4	0.37
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	10	0.37
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	13	0.37
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	8	0.37
(1,2876)	1:38:A:ARG:HD2	1:38:A:ARG:HA	20	0.37
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE2	3	0.37
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE3	3	0.37
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	4	0.37
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	16	0.37
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	3	0.37
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	11	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	4	0.37
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	4	0.37
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	4	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	1	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	1	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	1	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	1	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	1	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	1	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	1	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	1	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	1	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	19	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	19	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	19	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	19	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	19	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	19	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	19	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	19	0.37
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	19	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	6	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	6	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	6	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	16	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	16	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	16	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	19	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	19	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	19	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	20	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	20	0.37
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	20	0.37
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	3	0.37
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	3	0.37
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	3	0.37
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	8	0.37
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	8	0.37
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	8	0.37
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	14	0.37
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	14	0.37
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	14	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	14	0.37
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	14	0.37
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	14	0.37
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	10	0.37
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	10	0.37
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	10	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	3	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	3	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	3	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	3	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	3	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	3	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	3	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	3	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	3	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	9	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	9	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	9	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	9	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	9	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	9	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	9	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	9	0.37
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	9	0.37
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	1	0.37
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	1	0.37
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	1	0.37
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	2	0.37
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	2	0.37
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	2	0.37
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	4	0.37
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	4	0.37
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	4	0.37
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	4	0.37
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	7	0.37
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	10	0.37
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	13	0.37
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB1	15	0.37
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB2	15	0.37
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB3	15	0.37
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	19	0.37
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	19	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	19	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	5	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	5	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	5	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	11	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	11	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	11	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	15	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	15	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	15	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	20	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	20	0.37
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	20	0.37
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	13	0.37
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	13	0.37
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	13	0.37
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	10	0.37
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	10	0.37
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	10	0.37
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	19	0.37
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	19	0.37
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	19	0.37
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	3	0.37
(1,2376)	1:90:A:GLU:HA	1:90:A:GLU:HG2	6	0.37
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	11	0.37
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	11	0.37
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	11	0.37
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	19	0.37
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	19	0.37
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	19	0.37
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	11	0.37
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	11	0.37
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	11	0.37
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	19	0.37
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	20	0.37
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	20	0.37
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	20	0.37
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	16	0.37
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	17	0.37
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	7	0.37
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	7	0.37
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	7	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	7	0.37
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	7	0.37
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	7	0.37
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	4	0.37
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	5	0.37
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	8	0.37
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	12	0.37
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	17	0.37
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	17	0.37
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	17	0.37
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	17	0.37
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	13	0.37
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	13	0.37
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	13	0.37
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	14	0.37
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	14	0.37
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	14	0.37
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	8	0.37
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	14	0.37
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	5	0.37
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	14	0.37
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	16	0.37
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	2	0.37
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	19	0.37
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	19	0.37
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	19	0.37
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	17	0.37
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	5	0.37
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	12	0.37
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	15	0.37
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	20	0.37
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	9	0.37
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	10	0.37
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	6	0.37
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	10	0.37
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	18	0.37
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	13	0.37
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	1	0.37
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	1	0.37
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	1	0.37
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	10	0.37
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	10	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	10	0.37
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	1	0.37
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	2	0.37
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	9	0.37
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	17	0.37
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	17	0.37
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	15	0.37
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	9	0.37
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	13	0.37
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	17	0.37
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	20	0.37
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	12	0.37
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	1	0.37
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	1	0.37
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	4	0.37
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	1	0.37
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	20	0.37
(1,1561)	1:28:A:GLU:H	1:36:A:LEU:HG	16	0.37
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	18	0.37
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	20	0.37
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	16	0.37
(1,1504)	1:123:A:GLU:H	1:123:A:GLU:HG3	18	0.37
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	7	0.37
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	16	0.37
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	18	0.37
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	5	0.37
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	5	0.37
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	11	0.37
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	11	0.37
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	19	0.37
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	19	0.37
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	3	0.37
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	6	0.37
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	8	0.37
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	10	0.37
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	10	0.37
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	10	0.37
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	11	0.37
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	11	0.37
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	11	0.37
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	7	0.37
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	7	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	7	0.37
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	12	0.37
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	4	0.37
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	4	0.37
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	4	0.37
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	10	0.37
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	12	0.37
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	16	0.37
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	8	0.37
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	8	0.37
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	8	0.37
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	15	0.37
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	15	0.37
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	15	0.37
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	9	0.37
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	9	0.37
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	9	0.37
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	11	0.37
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	11	0.37
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	11	0.37
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	15	0.37
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	15	0.37
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	15	0.37
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	20	0.37
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	8	0.37
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	8	0.37
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	4	0.37
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	18	0.37
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	18	0.37
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	18	0.37
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	6	0.37
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	6	0.37
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	6	0.37
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	20	0.37
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	20	0.37
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	20	0.37
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	6	0.37
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	6	0.37
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	6	0.37
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	5	0.37
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	2	0.37
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	5	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	5	0.37
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	5	0.37
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	6	0.37
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	6	0.37
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	6	0.37
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	7	0.37
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	18	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	2	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	4	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	6	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	8	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	9	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	10	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	12	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	16	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	18	0.37
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	19	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	6	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	6	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	6	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	11	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	11	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	11	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	14	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	14	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	14	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	17	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	17	0.37
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	17	0.37
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	19	0.37
(1,817)	1:23:A:LYS:HG2	1:23:A:LYS:H	20	0.37
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	14	0.37
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	18	0.37
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	20	0.37
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	4	0.37
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	3	0.37
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	14	0.37
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	16	0.37
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	17	0.37
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	5	0.37
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	13	0.37
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	17	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	17	0.37
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	3	0.37
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	8	0.37
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	2	0.37
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	2	0.37
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	6	0.37
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	6	0.37
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	12	0.37
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	12	0.37
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	20	0.37
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	20	0.37
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	3	0.37
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	3	0.37
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	3	0.37
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	11	0.37
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	18	0.37
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	4	0.37
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	15	0.37
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	15	0.37
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	15	0.37
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	12	0.37
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	12	0.37
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	12	0.37
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	14	0.37
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	14	0.37
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	14	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	2	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	2	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	2	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	4	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	4	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	4	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	9	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	9	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	9	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	12	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	12	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	12	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	15	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	15	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	15	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	18	0.37

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	18	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	18	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	19	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	19	0.37
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	19	0.37
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	12	0.37
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	12	0.37
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	18	0.37
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	18	0.37
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	18	0.37
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	4	0.37
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	20	0.37
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	6	0.37
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	7	0.37
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	19	0.37
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	3	0.37
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	3	0.37
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	3	0.37
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	2	0.37
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	2	0.37
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	2	0.37
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	5	0.37
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	5	0.37
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	5	0.37
(1,96)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG12	18	0.37
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	6	0.37
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	7	0.37
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	9	0.36
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	9	0.36
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	9	0.36
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	6	0.36
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	11	0.36
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	11	0.36
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	11	0.36
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	11	0.36
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	20	0.36
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	20	0.36
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	20	0.36
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	2	0.36
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	9	0.36
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	14	0.36
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	19	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	16	0.36
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	16	0.36
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	16	0.36
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG11	8	0.36
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG12	8	0.36
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG13	8	0.36
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	16	0.36
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	6	0.36
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	6	0.36
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	16	0.36
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	16	0.36
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	16	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	7	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	7	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	7	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	9	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	9	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	9	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	10	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	10	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	10	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	11	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	11	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	11	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	19	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	19	0.36
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	19	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	7	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	7	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	7	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	7	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	7	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	7	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	7	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	7	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	7	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	10	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	10	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	10	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	10	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	10	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	10	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	10	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	10	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	10	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	19	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	19	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	19	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	19	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	19	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	19	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	19	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	19	0.36
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	19	0.36
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	3	0.36
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	14	0.36
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	19	0.36
(1,3050)	1:108:A:SER:HA	1:83:A:PHE:HB2	9	0.36
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	8	0.36
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	8	0.36
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	8	0.36
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	12	0.36
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	12	0.36
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	12	0.36
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	10	0.36
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	2	0.36
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	2	0.36
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	2	0.36
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	3	0.36
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	3	0.36
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	3	0.36
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	13	0.36
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	13	0.36
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	13	0.36
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	2	0.36
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	5	0.36
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	5	0.36
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	5	0.36
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	12	0.36
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	19	0.36
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	20	0.36
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE2	1	0.36
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE3	1	0.36
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE2	15	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE3	15	0.36
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	1	0.36
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	4	0.36
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	5	0.36
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	6	0.36
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	15	0.36
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	16	0.36
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	17	0.36
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	7	0.36
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	7	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	4	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	4	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	4	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	4	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	4	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	4	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	4	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	4	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	4	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	11	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	11	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	11	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	11	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	11	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	11	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	11	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	11	0.36
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	11	0.36
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	13	0.36
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	13	0.36
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	13	0.36
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	9	0.36
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	9	0.36
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	9	0.36
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	3	0.36
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	3	0.36
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	3	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	2	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	2	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	2	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	2	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	2	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	2	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	2	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	2	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	2	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	10	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	10	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	10	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	10	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	10	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	10	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	10	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	10	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	10	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	12	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	12	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	12	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	12	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	12	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	12	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	12	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	12	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	12	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	17	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	17	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	17	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	17	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	17	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	17	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	17	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	17	0.36
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	17	0.36
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	14	0.36
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	14	0.36
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	14	0.36
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	8	0.36
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	2	0.36
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	5	0.36
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	14	0.36
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	14	0.36
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	14	0.36
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	6	0.36
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	6	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	6	0.36
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	8	0.36
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	8	0.36
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	8	0.36
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	10	0.36
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	10	0.36
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	3	0.36
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	3	0.36
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	3	0.36
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	18	0.36
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	18	0.36
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	18	0.36
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	1	0.36
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	5	0.36
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	1	0.36
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	1	0.36
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	1	0.36
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	6	0.36
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	6	0.36
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	6	0.36
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	7	0.36
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	3	0.36
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	12	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	1	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	1	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	1	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	1	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	1	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	1	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	15	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	15	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	15	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	15	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	15	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	15	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	17	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	17	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	17	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	17	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	17	0.36
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	17	0.36
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	2	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	16	0.36
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	8	0.36
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	8	0.36
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	8	0.36
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	3	0.36
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	3	0.36
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	3	0.36
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	12	0.36
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	12	0.36
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	12	0.36
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	1	0.36
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	1	0.36
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	7	0.36
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	7	0.36
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	8	0.36
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	8	0.36
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	13	0.36
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	13	0.36
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	4	0.36
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	15	0.36
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	2	0.36
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	2	0.36
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	2	0.36
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	2	0.36
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	2	0.36
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	2	0.36
(1,1981)	1:18:A:ILE:HG21	1:164:A:TYR:H	6	0.36
(1,1981)	1:18:A:ILE:HG22	1:164:A:TYR:H	6	0.36
(1,1981)	1:18:A:ILE:HG23	1:164:A:TYR:H	6	0.36
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	6	0.36
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	19	0.36
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	9	0.36
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	6	0.36
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	15	0.36
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	4	0.36
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	3	0.36
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	10	0.36
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	15	0.36
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	14	0.36
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	5	0.36
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	6	0.36
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	9	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	11	0.36
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	12	0.36
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	8	0.36
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	6	0.36
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	3	0.36
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	9	0.36
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	15	0.36
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	5	0.36
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	11	0.36
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	12	0.36
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	1	0.36
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	3	0.36
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	8	0.36
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	2	0.36
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	3	0.36
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	13	0.36
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	20	0.36
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	20	0.36
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	20	0.36
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	6	0.36
(1,1504)	1:123:A:GLU:H	1:123:A:GLU:HG3	11	0.36
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	12	0.36
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	12	0.36
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	12	0.36
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	6	0.36
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	6	0.36
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	7	0.36
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	7	0.36
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	10	0.36
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	10	0.36
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	10	0.36
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	18	0.36
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	19	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	2	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	2	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	2	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	3	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	3	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	3	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	4	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	4	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	4	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	8	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	8	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	8	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	20	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	20	0.36
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	20	0.36
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	17	0.36
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	17	0.36
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	17	0.36
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	13	0.36
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	10	0.36
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	15	0.36
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	11	0.36
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	11	0.36
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	11	0.36
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	4	0.36
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	4	0.36
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	4	0.36
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	7	0.36
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	7	0.36
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	7	0.36
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	11	0.36
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	11	0.36
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	11	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	6	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	6	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	6	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	10	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	10	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	10	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	12	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	12	0.36
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	12	0.36
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	3	0.36
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	3	0.36
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	3	0.36
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	13	0.36
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	2	0.36
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	5	0.36
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	5	0.36
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	1	0.36
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	1	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	1	0.36
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	11	0.36
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	11	0.36
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	11	0.36
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	1	0.36
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	11	0.36
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	4	0.36
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	4	0.36
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	4	0.36
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	1	0.36
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	5	0.36
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	7	0.36
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	11	0.36
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	14	0.36
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	15	0.36
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	17	0.36
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	16	0.36
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	16	0.36
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	16	0.36
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	1	0.36
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	1	0.36
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	1	0.36
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	7	0.36
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	1	0.36
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	9	0.36
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	16	0.36
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	11	0.36
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	3	0.36
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	19	0.36
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	16	0.36
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	16	0.36
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	16	0.36
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	18	0.36
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	7	0.36
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	7	0.36
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	9	0.36
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	9	0.36
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	15	0.36
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	15	0.36
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	19	0.36
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	19	0.36
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	10	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	10	0.36
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	10	0.36
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	15	0.36
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	15	0.36
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	15	0.36
(1,568)	1:116:A:ILE:HG21	1:118:A:ALA:H	16	0.36
(1,568)	1:116:A:ILE:HG22	1:118:A:ALA:H	16	0.36
(1,568)	1:116:A:ILE:HG23	1:118:A:ALA:H	16	0.36
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	6	0.36
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	7	0.36
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	14	0.36
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	6	0.36
(1,520)	1:36:A:LEU:HG	1:36:A:LEU:H	18	0.36
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	14	0.36
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	14	0.36
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	14	0.36
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	5	0.36
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	5	0.36
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	5	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	3	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	3	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	3	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	12	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	12	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	12	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	17	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	17	0.36
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	17	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	6	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	6	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	6	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	13	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	13	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	13	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	20	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	20	0.36
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	20	0.36
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	17	0.36
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	17	0.36
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	19	0.36
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	19	0.36
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	5	0.36

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	5	0.36
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	5	0.36
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	8	0.36
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	8	0.36
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	8	0.36
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	9	0.36
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	9	0.36
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	9	0.36
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	15	0.36
(1,235)	1:210:A:GLU:H	1:210:A:GLU:HB2	2	0.36
(1,235)	1:210:A:GLU:H	1:210:A:GLU:HB2	4	0.36
(1,235)	1:210:A:GLU:H	1:210:A:GLU:HB2	7	0.36
(1,235)	1:210:A:GLU:H	1:210:A:GLU:HB2	19	0.36
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	1	0.36
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	14	0.36
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	14	0.36
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	14	0.36
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	12	0.36
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	12	0.36
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	20	0.36
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	20	0.36
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	20	0.36
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	1	0.36
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	1	0.36
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	1	0.36
(1,96)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG12	7	0.36
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	12	0.36
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	16	0.36
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	10	0.35
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	10	0.35
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	10	0.35
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	10	0.35
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	10	0.35
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	10	0.35
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	18	0.35
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	18	0.35
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	18	0.35
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	18	0.35
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	18	0.35
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	10	0.35
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	10	0.35
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	10	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	10	0.35
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	10	0.35
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	10	0.35
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	6	0.35
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	6	0.35
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	9	0.35
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	9	0.35
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	3	0.35
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	5	0.35
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	6	0.35
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	7	0.35
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	11	0.35
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	16	0.35
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	17	0.35
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	18	0.35
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	10	0.35
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	13	0.35
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	14	0.35
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	4	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	8	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	8	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	8	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	12	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	12	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	12	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	13	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	13	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	13	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	15	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	15	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	15	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	19	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	19	0.35
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	19	0.35
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	18	0.35
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	18	0.35
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	6	0.35
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	6	0.35
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	6	0.35
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	11	0.35
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	11	0.35
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	11	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	18	0.35
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	18	0.35
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	18	0.35
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	16	0.35
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	16	0.35
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	16	0.35
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	16	0.35
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	16	0.35
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	16	0.35
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	16	0.35
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	16	0.35
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	16	0.35
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	13	0.35
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	6	0.35
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	6	0.35
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	8	0.35
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	8	0.35
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	13	0.35
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	13	0.35
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	15	0.35
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	15	0.35
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	11	0.35
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	13	0.35
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	10	0.35
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	10	0.35
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	10	0.35
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	17	0.35
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HA	11	0.35
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HA	11	0.35
(1,2970)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HA	11	0.35
(1,2953)	1:64:A:ILE:HA	1:64:A:ILE:HD11	5	0.35
(1,2953)	1:64:A:ILE:HA	1:64:A:ILE:HD12	5	0.35
(1,2953)	1:64:A:ILE:HA	1:64:A:ILE:HD13	5	0.35
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	2	0.35
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	5	0.35
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	6	0.35
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	20	0.35
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	1	0.35
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	2	0.35
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	3	0.35
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	7	0.35
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	8	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	10	0.35
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	11	0.35
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	13	0.35
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	16	0.35
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE2	6	0.35
(1,2817)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HE3	6	0.35
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	7	0.35
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	10	0.35
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	12	0.35
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	14	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	1	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	1	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	4	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	4	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	5	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	5	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	6	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	6	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	7	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	7	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	10	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	10	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	15	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	15	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	17	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	17	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	18	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	18	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	19	0.35
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	19	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	1	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	1	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	1	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	2	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	2	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	2	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	5	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	5	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	5	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	11	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	11	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	11	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	14	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	14	0.35
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	14	0.35
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	8	0.35
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	8	0.35
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	8	0.35
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	16	0.35
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	16	0.35
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	16	0.35
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE2	10	0.35
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:HE3	10	0.35
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE2	10	0.35
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:HE3	10	0.35
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE2	10	0.35
(1,2691)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:HE3	10	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	2	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	2	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	2	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	2	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	2	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	2	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	12	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	12	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	12	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	12	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	12	0.35
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	12	0.35
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	13	0.35
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	13	0.35
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	13	0.35
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	13	0.35
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	13	0.35
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	13	0.35
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	13	0.35
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	13	0.35
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	13	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	3	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	3	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	3	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	7	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	7	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	7	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	11	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	11	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	11	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	18	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	18	0.35
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	18	0.35
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	7	0.35
(1,2608)	1:185:A:ILE:HA	1:188:A:LEU:HG	16	0.35
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	15	0.35
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	15	0.35
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	15	0.35
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	1	0.35
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	12	0.35
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	16	0.35
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	17	0.35
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	17	0.35
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	17	0.35
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	11	0.35
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	11	0.35
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	11	0.35
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	16	0.35
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	16	0.35
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	1	0.35
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	1	0.35
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	1	0.35
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	8	0.35
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	8	0.35
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	8	0.35
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	14	0.35
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	14	0.35
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	14	0.35
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	5	0.35
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	5	0.35
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	5	0.35
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	12	0.35
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	17	0.35
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	4	0.35
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	4	0.35
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	10	0.35
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	10	0.35
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	10	0.35
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	15	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	15	0.35
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	15	0.35
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	19	0.35
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	19	0.35
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	19	0.35
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	5	0.35
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	13	0.35
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	19	0.35
(1,2230)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD2	17	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	11	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	11	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	11	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	11	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	11	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	11	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	12	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	12	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	12	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	12	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	12	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	12	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	20	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	20	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	20	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	20	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	20	0.35
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	20	0.35
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	10	0.35
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	7	0.35
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	7	0.35
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	7	0.35
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	18	0.35
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	18	0.35
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	18	0.35
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	20	0.35
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	20	0.35
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	20	0.35
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	17	0.35
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	17	0.35
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	17	0.35
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	14	0.35
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	14	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	1	0.35
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	4	0.35
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	4	0.35
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	5	0.35
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	5	0.35
(1,1917)	1:93:A:LYS:H	1:93:A:LYS:HE3	12	0.35
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	13	0.35
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	7	0.35
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	14	0.35
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	16	0.35
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	17	0.35
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	3	0.35
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	3	0.35
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	3	0.35
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	7	0.35
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	4	0.35
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	13	0.35
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	16	0.35
(1,1817)	1:206:A:ASN:HB3	1:205:A:ASN:H	16	0.35
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	14	0.35
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	17	0.35
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	13	0.35
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	1	0.35
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	7	0.35
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	9	0.35
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	14	0.35
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	17	0.35
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	19	0.35
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	16	0.35
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	7	0.35
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	7	0.35
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	7	0.35
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	9	0.35
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	9	0.35
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	9	0.35
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	12	0.35
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	12	0.35
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	12	0.35
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	5	0.35
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	17	0.35
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	20	0.35
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	3	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	15	0.35
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	18	0.35
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	4	0.35
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	17	0.35
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	18	0.35
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	19	0.35
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	2	0.35
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	4	0.35
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	8	0.35
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	16	0.35
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	19	0.35
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	1	0.35
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	16	0.35
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	3	0.35
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	4	0.35
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	1	0.35
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	1	0.35
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	1	0.35
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	10	0.35
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	15	0.35
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	7	0.35
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	19	0.35
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	3	0.35
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	7	0.35
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	7	0.35
(1,1535)	1:173:A:LYS:HB2	1:173:A:LYS:H	2	0.35
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	19	0.35
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	19	0.35
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	19	0.35
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	4	0.35
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	1	0.35
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	10	0.35
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	18	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	1	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	1	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	1	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	5	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	5	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	5	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	7	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	7	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	7	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	9	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	9	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	9	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	12	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	12	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	12	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	14	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	14	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	14	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	15	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	15	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	15	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	16	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	16	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	16	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	17	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	17	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	17	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	19	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	19	0.35
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	19	0.35
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	4	0.35
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	4	0.35
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	4	0.35
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	12	0.35
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	12	0.35
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	12	0.35
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	7	0.35
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	13	0.35
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	20	0.35
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	12	0.35
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	12	0.35
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	15	0.35
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	20	0.35
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	17	0.35
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	17	0.35
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	17	0.35
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	19	0.35
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	19	0.35
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	19	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	1	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	1	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	1	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	3	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	3	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	3	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	5	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	5	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	5	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	6	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	6	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	6	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	9	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	9	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	9	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	13	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	13	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	13	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	19	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	19	0.35
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	19	0.35
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	1	0.35
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	1	0.35
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	1	0.35
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	4	0.35
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	4	0.35
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	4	0.35
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	15	0.35
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	15	0.35
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	15	0.35
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	1	0.35
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	4	0.35
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	8	0.35
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	18	0.35
(1,1109)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG2	1	0.35
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	7	0.35
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	4	0.35
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	4	0.35
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	4	0.35
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	7	0.35
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	7	0.35
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	7	0.35
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	13	0.35
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	13	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	13	0.35
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	8	0.35
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	8	0.35
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	8	0.35
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	9	0.35
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	9	0.35
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	9	0.35
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	5	0.35
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	5	0.35
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	5	0.35
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	15	0.35
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	15	0.35
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	15	0.35
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	2	0.35
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	2	0.35
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	2	0.35
(1,981)	1:45:A:GLN:H	1:46:A:ARG:HB3	15	0.35
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	3	0.35
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	15	0.35
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	7	0.35
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	7	0.35
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	1	0.35
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	1	0.35
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	1	0.35
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	1	0.35
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	1	0.35
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	11	0.35
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	11	0.35
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	11	0.35
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	12	0.35
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	12	0.35
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	12	0.35
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	10	0.35
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	16	0.35
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	19	0.35
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	4	0.35
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	4	0.35
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	4	0.35
(1,828)	1:100:A:LYS:HB3	1:100:A:LYS:H	20	0.35
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	5	0.35
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	5	0.35
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	5	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	4	0.35
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	4	0.35
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	4	0.35
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	12	0.35
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	12	0.35
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	12	0.35
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	11	0.35
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	11	0.35
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	12	0.35
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	18	0.35
(1,682)	1:221:A:GLN:H	1:222:A:ARG:H	8	0.35
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	4	0.35
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	5	0.35
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	5	0.35
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	5	0.35
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	20	0.35
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	20	0.35
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	20	0.35
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	6	0.35
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	6	0.35
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	6	0.35
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	15	0.35
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	15	0.35
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	15	0.35
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	19	0.35
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	19	0.35
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	19	0.35
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	2	0.35
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	2	0.35
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	5	0.35
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	10	0.35
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	13	0.35
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	16	0.35
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	17	0.35
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	20	0.35
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	6	0.35
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	6	0.35
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	6	0.35
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	8	0.35
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	8	0.35
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	8	0.35
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	19	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	19	0.35
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	19	0.35
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	16	0.35
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	19	0.35
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	16	0.35
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	6	0.35
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	6	0.35
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	6	0.35
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	14	0.35
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	14	0.35
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	14	0.35
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	11	0.35
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	11	0.35
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	11	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	10	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	10	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	10	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	16	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	16	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	16	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	18	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	18	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	18	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	20	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	20	0.35
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	20	0.35
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	5	0.35
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	9	0.35
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	2	0.35
(1,305)	1:208:A:GLN:H	1:205:A:ASN:HB2	16	0.35
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	15	0.35
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	15	0.35
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	15	0.35
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	11	0.35
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	11	0.35
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	11	0.35
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	16	0.35
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	16	0.35
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	16	0.35
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	7	0.35
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	7	0.35
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	15	0.35

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	15	0.35
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	20	0.35
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	20	0.35
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	19	0.35
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	19	0.35
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	19	0.35
(1,235)	1:210:A:GLU:H	1:210:A:GLU:HB2	12	0.35
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	20	0.35
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	7	0.35
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	7	0.35
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	7	0.35
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	12	0.35
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	6	0.35
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	6	0.35
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	6	0.35
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	3	0.35
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	9	0.35
(4,313)	1:71:A:VAL:HG11	1:72:A:MET:HG3	5	0.34
(4,313)	1:71:A:VAL:HG12	1:72:A:MET:HG3	5	0.34
(4,313)	1:71:A:VAL:HG13	1:72:A:MET:HG3	5	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	8	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	8	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	8	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	12	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	12	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	12	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	19	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	19	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	19	0.34
(4,258)	1:187:A:SER:H	1:216:A:ILE:HG12	20	0.34
(4,241)	1:140:A:PHE:HD1	1:61:A:SER:H	5	0.34
(4,241)	1:140:A:PHE:HD2	1:61:A:SER:H	5	0.34
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	8	0.34
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	5	0.34
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	5	0.34
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	18	0.34
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	18	0.34
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	18	0.34
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	4	0.34
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	15	0.34
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	10	0.34
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	10	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	10	0.34
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	15	0.34
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	15	0.34
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	15	0.34
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	18	0.34
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	18	0.34
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	18	0.34
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	5	0.34
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	20	0.34
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	3	0.34
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	3	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	1	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	1	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	2	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	2	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	5	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	5	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	6	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	6	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	7	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	7	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	12	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	12	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	15	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	15	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	16	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	16	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	17	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	17	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE2	20	0.34
(4,1)	1:100:A:LYS:HG2	1:100:A:LYS:HE3	20	0.34
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	12	0.34
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	12	0.34
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	12	0.34
(1,3200)	1:211:A:THR:H	1:210:A:GLU:HG3	3	0.34
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	9	0.34
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	9	0.34
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	16	0.34
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	1	0.34
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	1	0.34
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	4	0.34
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	4	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	16	0.34
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	16	0.34
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	17	0.34
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	17	0.34
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	20	0.34
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	20	0.34
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	12	0.34
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	16	0.34
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	3	0.34
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	3	0.34
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	3	0.34
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	15	0.34
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	15	0.34
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	15	0.34
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	4	0.34
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	5	0.34
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	6	0.34
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	14	0.34
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	15	0.34
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	18	0.34
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	18	0.34
(1,2804)	1:21:A:LEU:HG	1:18:A:ILE:HA	6	0.34
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	9	0.34
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	9	0.34
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	9	0.34
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE1	18	0.34
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE2	18	0.34
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE1	18	0.34
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE2	18	0.34
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE1	18	0.34
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE2	18	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	2	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	2	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	3	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	3	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	9	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	9	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	11	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	11	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	12	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	12	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	13	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	13	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	14	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	14	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	16	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	16	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	20	0.34
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	20	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	8	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	8	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	8	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	8	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	8	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	8	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	8	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	8	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	8	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	13	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	13	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	13	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	13	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	13	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	13	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	13	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	13	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	13	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	15	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	15	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	15	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	15	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	15	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	15	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	15	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	15	0.34
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	15	0.34
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	3	0.34
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	3	0.34
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	3	0.34
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG21	11	0.34
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG22	11	0.34
(1,2697)	1:69:A:VAL:HA	1:69:A:VAL:HG23	11	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	1	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	1	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	1	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	5	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	5	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	5	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	7	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	7	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	7	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	11	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	11	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	11	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	14	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	14	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	14	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	17	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	17	0.34
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	17	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	3	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	3	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	3	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	3	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	3	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	3	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	19	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	19	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	19	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	19	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	19	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	19	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	20	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	20	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	20	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	20	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	20	0.34
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	20	0.34
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	6	0.34
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	6	0.34
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	6	0.34
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	14	0.34
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	14	0.34
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	14	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	7	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	7	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	7	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	7	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	7	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	7	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	7	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	7	0.34
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	7	0.34
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	20	0.34
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	20	0.34
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	20	0.34
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	13	0.34
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	14	0.34
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	2	0.34
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	2	0.34
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	2	0.34
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	4	0.34
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	4	0.34
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	4	0.34
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	20	0.34
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	20	0.34
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	20	0.34
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	3	0.34
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	14	0.34
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	17	0.34
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	18	0.34
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	15	0.34
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	15	0.34
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	15	0.34
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	3	0.34
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	3	0.34
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	3	0.34
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD21	19	0.34
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD22	19	0.34
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD23	19	0.34
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE2	3	0.34
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE3	3	0.34
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE2	3	0.34
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE3	3	0.34
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE2	11	0.34
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE3	11	0.34
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE2	11	0.34
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE3	11	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	20	0.34
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	20	0.34
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	20	0.34
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	14	0.34
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	14	0.34
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	14	0.34
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	4	0.34
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	4	0.34
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	4	0.34
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	12	0.34
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	12	0.34
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	12	0.34
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	7	0.34
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	7	0.34
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	7	0.34
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	13	0.34
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	3	0.34
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	3	0.34
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	4	0.34
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	7	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	1	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	1	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	1	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	9	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	9	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	9	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	11	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	11	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	11	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	14	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	14	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	14	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	19	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	19	0.34
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	19	0.34
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	8	0.34
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	11	0.34
(1,2305)	1:97:A:LYS:HG3	1:97:A:LYS:H	9	0.34
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	4	0.34
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	4	0.34
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	4	0.34
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	1	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	2	0.34
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	6	0.34
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	20	0.34
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	16	0.34
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	16	0.34
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	16	0.34
(1,2230)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD2	5	0.34
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	2	0.34
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	2	0.34
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	2	0.34
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	2	0.34
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	2	0.34
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	2	0.34
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	6	0.34
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	14	0.34
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	14	0.34
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	14	0.34
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	2	0.34
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	2	0.34
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	2	0.34
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	7	0.34
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	7	0.34
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	7	0.34
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	10	0.34
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	10	0.34
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	12	0.34
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	12	0.34
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	9	0.34
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	15	0.34
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	11	0.34
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	15	0.34
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	8	0.34
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	8	0.34
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	13	0.34
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	3	0.34
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	4	0.34
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	6	0.34
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	6	0.34
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	6	0.34
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	2	0.34
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	10	0.34
(1,1808)	1:201:A:ILE:H	1:243:A:ARG:HD2	8	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1808)	1:201:A:ILE:H	1:243:A:ARG:HD3	8	0.34
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	8	0.34
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	1	0.34
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	3	0.34
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	17	0.34
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	1	0.34
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	12	0.34
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	20	0.34
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	1	0.34
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	2	0.34
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	8	0.34
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	10	0.34
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	15	0.34
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	1	0.34
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	2	0.34
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	8	0.34
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	9	0.34
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	16	0.34
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	20	0.34
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	1	0.34
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	17	0.34
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	10	0.34
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	15	0.34
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	2	0.34
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	2	0.34
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	8	0.34
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	19	0.34
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	19	0.34
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	6	0.34
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	11	0.34
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	14	0.34
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	6	0.34
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	11	0.34
(1,1561)	1:28:A:GLU:H	1:36:A:LEU:HG	20	0.34
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	1	0.34
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	2	0.34
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	10	0.34
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	14	0.34
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	14	0.34
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	2	0.34
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	2	0.34
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	14	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	14	0.34
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	14	0.34
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	19	0.34
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	3	0.34
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	3	0.34
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	20	0.34
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	20	0.34
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	8	0.34
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	11	0.34
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	5	0.34
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	15	0.34
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	6	0.34
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	6	0.34
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	6	0.34
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	13	0.34
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	13	0.34
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	13	0.34
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD21	1:21:A:LEU:H	18	0.34
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD22	1:21:A:LEU:H	18	0.34
(1,1428)	1:21:A:LEU:HD23	1:21:A:LEU:H	18	0.34
(1,1396)	1:243:A:ARG:HG3	1:243:A:ARG:H	2	0.34
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	4	0.34
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	6	0.34
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	8	0.34
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	9	0.34
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	7	0.34
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	7	0.34
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	10	0.34
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	10	0.34
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	10	0.34
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	11	0.34
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	11	0.34
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	11	0.34
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	17	0.34
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	2	0.34
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	12	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	12	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	12	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	12	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	14	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	14	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	14	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	16	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	16	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	16	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	17	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	17	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	17	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	18	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	18	0.34
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	18	0.34
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	5	0.34
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	5	0.34
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	5	0.34
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	18	0.34
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	18	0.34
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	18	0.34
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	20	0.34
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	20	0.34
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	20	0.34
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	8	0.34
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	8	0.34
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	10	0.34
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	10	0.34
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	17	0.34
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	17	0.34
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	2	0.34
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	2	0.34
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	2	0.34
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	3	0.34
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	17	0.34
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	16	0.34
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	11	0.34
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	11	0.34
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	15	0.34
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	15	0.34
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	19	0.34
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	19	0.34
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	20	0.34
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	20	0.34
(1,1123)	1:85:A:GLU:H	1:84:A:ASN:H	13	0.34
(1,1123)	1:85:A:GLU:H	1:84:A:ASN:H	17	0.34
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	12	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	7	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	7	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	7	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	10	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	10	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	10	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	15	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	15	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	15	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	19	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	19	0.34
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	19	0.34
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	9	0.34
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	9	0.34
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	9	0.34
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	14	0.34
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	14	0.34
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	14	0.34
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	4	0.34
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	6	0.34
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	4	0.34
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	14	0.34
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	16	0.34
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	4	0.34
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	7	0.34
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	16	0.34
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	3	0.34
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	3	0.34
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	3	0.34
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	18	0.34
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	18	0.34
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	18	0.34
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	3	0.34
(1,836)	1:243:A:ARG:H	1:246:A:MET:H	15	0.34
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	2	0.34
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	2	0.34
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	2	0.34
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD11	19	0.34
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD12	19	0.34
(1,819)	1:23:A:LYS:H	1:21:A:LEU:HD13	19	0.34
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	4	0.34
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	19	0.34
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	19	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	19	0.34
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	10	0.34
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	15	0.34
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	17	0.34
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	19	0.34
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	7	0.34
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	7	0.34
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	7	0.34
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	15	0.34
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	15	0.34
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	18	0.34
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	18	0.34
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	12	0.34
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	16	0.34
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	11	0.34
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB2	1	0.34
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB3	1	0.34
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB2	7	0.34
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB3	7	0.34
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB2	14	0.34
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB3	14	0.34
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB2	20	0.34
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB3	20	0.34
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	13	0.34
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	1	0.34
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	11	0.34
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	1	0.34
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	4	0.34
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	6	0.34
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	9	0.34
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	18	0.34
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	1	0.34
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	1	0.34
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	5	0.34
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	5	0.34
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	11	0.34
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	11	0.34
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	11	0.34
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	17	0.34
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	17	0.34
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	17	0.34
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	3	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	3	0.34
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	3	0.34
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	14	0.34
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	14	0.34
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	14	0.34
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	20	0.34
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	20	0.34
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	20	0.34
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	12	0.34
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	2	0.34
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	2	0.34
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	2	0.34
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	5	0.34
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	5	0.34
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	5	0.34
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	11	0.34
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	11	0.34
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	11	0.34
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	13	0.34
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	13	0.34
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	13	0.34
(1,319)	1:74:A:TYR:HB3	1:63:A:ALA:H	19	0.34
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	4	0.34
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	8	0.34
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	15	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	1	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	1	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	1	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	3	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	3	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	3	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	5	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	5	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	5	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	7	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	7	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	7	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	8	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	8	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	8	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	14	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	14	0.34

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	14	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	17	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	17	0.34
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	17	0.34
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	3	0.34
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	3	0.34
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	8	0.34
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	8	0.34
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	10	0.34
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	10	0.34
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	13	0.34
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	13	0.34
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	5	0.34
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	5	0.34
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	5	0.34
(1,235)	1:210:A:GLU:H	1:210:A:GLU:HB2	6	0.34
(1,235)	1:210:A:GLU:H	1:210:A:GLU:HB2	15	0.34
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	6	0.34
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	6	0.34
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	6	0.34
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	2	0.34
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	2	0.34
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	2	0.34
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	13	0.34
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	13	0.34
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	13	0.34
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	5	0.34
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	1	0.33
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	1	0.33
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	1	0.33
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	17	0.33
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	17	0.33
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	17	0.33
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	7	0.33
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	2	0.33
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	2	0.33
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	2	0.33
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	5	0.33
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	5	0.33
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	5	0.33
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	18	0.33
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	18	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	18	0.33
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	16	0.33
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	20	0.33
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	13	0.33
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	17	0.33
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	17	0.33
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	17	0.33
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	17	0.33
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	17	0.33
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	17	0.33
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	12	0.33
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	12	0.33
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	14	0.33
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	14	0.33
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	2	0.33
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	2	0.33
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	2	0.33
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	13	0.33
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	13	0.33
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	13	0.33
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	2	0.33
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	2	0.33
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	2	0.33
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	20	0.33
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	20	0.33
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	20	0.33
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG11	7	0.33
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG12	7	0.33
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG13	7	0.33
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	2	0.33
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	12	0.33
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	17	0.33
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	19	0.33
(4,16)	1:113:A:ARG:H	1:116:A:ILE:H	4	0.33
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	10	0.33
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	10	0.33
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	10	0.33
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	11	0.33
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	11	0.33
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	11	0.33
(1,3226)	1:243:A:ARG:HA	1:243:A:ARG:HG3	6	0.33
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	17	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	2	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	2	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	5	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	5	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	7	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	7	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	9	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	9	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	10	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	10	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	14	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	14	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	19	0.33
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	19	0.33
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	12	0.33
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	15	0.33
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	19	0.33
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	4	0.33
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	4	0.33
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	4	0.33
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	4	0.33
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	8	0.33
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	9	0.33
(1,2853)	1:31:A:LEU:HA	1:32:A:TYR:HA	20	0.33
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	1	0.33
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	9	0.33
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	14	0.33
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	17	0.33
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	2	0.33
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	13	0.33
(1,2792)	1:10:A:THR:HA	1:9:A:ALA:HA	18	0.33
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	2	0.33
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	15	0.33
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	19	0.33
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	20	0.33
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	17	0.33
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	17	0.33
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	18	0.33
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	18	0.33
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG2	8	0.33
(1,2718)	1:221:A:GLN:HA	1:221:A:GLN:HG3	8	0.33
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	7	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	7	0.33
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	7	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	12	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	12	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	12	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	12	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	12	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	12	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	12	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	12	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	12	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	16	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	16	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	16	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	16	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	16	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	16	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	16	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	16	0.33
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	16	0.33
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD11	10	0.33
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD12	10	0.33
(1,2693)	1:186:A:ILE:HA	1:186:A:ILE:HD13	10	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	4	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	4	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	4	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	4	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	4	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	4	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	10	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	10	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	10	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	10	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	10	0.33
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	10	0.33
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	1	0.33
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	1	0.33
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	1	0.33
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	19	0.33
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	19	0.33
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	19	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	1	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	1	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	1	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	1	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	1	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	1	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	1	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	1	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	1	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	8	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	8	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	8	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	8	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	8	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	8	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	8	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	8	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	8	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	11	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	11	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	11	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	11	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	11	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	11	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	11	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	11	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	11	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	15	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	15	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	15	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	15	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	15	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	15	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	15	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	15	0.33
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	15	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	9	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	9	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	9	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	12	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	12	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	12	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	15	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	15	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	15	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	17	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	17	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	17	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	19	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	19	0.33
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	19	0.33
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	16	0.33
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	3	0.33
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	3	0.33
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	3	0.33
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	8	0.33
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	9	0.33
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	2	0.33
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	2	0.33
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	2	0.33
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	6	0.33
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	6	0.33
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	6	0.33
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD21	10	0.33
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD22	10	0.33
(1,2547)	1:180:A:LEU:H	1:180:A:LEU:HD23	10	0.33
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD21	20	0.33
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD22	20	0.33
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD23	20	0.33
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	2	0.33
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	2	0.33
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	2	0.33
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	9	0.33
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	9	0.33
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	9	0.33
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	5	0.33
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	5	0.33
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	5	0.33
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	6	0.33
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	6	0.33
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	6	0.33
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	5	0.33
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	6	0.33
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	15	0.33
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	15	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	15	0.33
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	3	0.33
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	3	0.33
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	3	0.33
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	12	0.33
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	12	0.33
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	12	0.33
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	13	0.33
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	13	0.33
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	13	0.33
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	15	0.33
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	15	0.33
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	15	0.33
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	17	0.33
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	17	0.33
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	17	0.33
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD11	1:50:A:ILE:H	5	0.33
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD12	1:50:A:ILE:H	5	0.33
(1,2354)	1:50:A:ILE:HD13	1:50:A:ILE:H	5	0.33
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	8	0.33
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	11	0.33
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	11	0.33
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	11	0.33
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	14	0.33
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	14	0.33
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	14	0.33
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	15	0.33
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	15	0.33
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	15	0.33
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	15	0.33
(1,2234)	1:31:A:LEU:HD21	1:31:A:LEU:HB3	17	0.33
(1,2234)	1:31:A:LEU:HD22	1:31:A:LEU:HB3	17	0.33
(1,2234)	1:31:A:LEU:HD23	1:31:A:LEU:HB3	17	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	3	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	3	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	3	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	3	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	3	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	3	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	16	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	16	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	16	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	16	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	16	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	16	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	18	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	18	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	18	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	18	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	18	0.33
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	18	0.33
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	3	0.33
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	15	0.33
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	11	0.33
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	11	0.33
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	11	0.33
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	12	0.33
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	12	0.33
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	12	0.33
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	15	0.33
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	15	0.33
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	15	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	5	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	5	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	11	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	11	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	16	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	16	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	18	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	18	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	19	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	19	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	20	0.33
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	20	0.33
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	12	0.33
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	6	0.33
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	20	0.33
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	2	0.33
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	5	0.33
(1,1917)	1:93:A:LYS:H	1:93:A:LYS:HE3	14	0.33
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	20	0.33
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	15	0.33
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	1	0.33
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	1	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	1	0.33
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	13	0.33
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	13	0.33
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	13	0.33
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	15	0.33
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	15	0.33
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	15	0.33
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	11	0.33
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	4	0.33
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	4	0.33
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	4	0.33
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	2	0.33
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	3	0.33
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	6	0.33
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	8	0.33
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	13	0.33
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	15	0.33
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	7	0.33
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	11	0.33
(1,1724)	1:55:A:TYR:H	1:134:A:SER:H	20	0.33
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	18	0.33
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	11	0.33
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	15	0.33
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	16	0.33
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	4	0.33
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	13	0.33
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	14	0.33
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	11	0.33
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	17	0.33
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	2	0.33
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	7	0.33
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	11	0.33
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	20	0.33
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	7	0.33
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	7	0.33
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	3	0.33
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	6	0.33
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	2	0.33
(1,1566)	1:32:A:TYR:H	1:33:A:ASP:HB3	9	0.33
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	8	0.33
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	12	0.33
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	14	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	17	0.33
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	11	0.33
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	11	0.33
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	15	0.33
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	1	0.33
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	1	0.33
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	1	0.33
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	4	0.33
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	4	0.33
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	4	0.33
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	4	0.33
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	13	0.33
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	16	0.33
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	11	0.33
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	11	0.33
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	11	0.33
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	2	0.33
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	1	0.33
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	11	0.33
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	14	0.33
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	17	0.33
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	2	0.33
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	2	0.33
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	6	0.33
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	6	0.33
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	14	0.33
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	14	0.33
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	16	0.33
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	16	0.33
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	16	0.33
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	13	0.33
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	18	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	3	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	4	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	8	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	10	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	12	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	15	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	16	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	17	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	18	0.33
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	19	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	2	0.33
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	2	0.33
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	2	0.33
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	10	0.33
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	10	0.33
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	10	0.33
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG11	1:233:A:VAL:H	20	0.33
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG12	1:233:A:VAL:H	20	0.33
(1,1187)	1:233:A:VAL:HG13	1:233:A:VAL:H	20	0.33
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	3	0.33
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	3	0.33
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	3	0.33
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	8	0.33
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	8	0.33
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	8	0.33
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	1	0.33
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	1	0.33
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	13	0.33
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	13	0.33
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	14	0.33
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	14	0.33
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	11	0.33
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	14	0.33
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	17	0.33
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	2	0.33
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	8	0.33
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	10	0.33
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	15	0.33
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	19	0.33
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	10	0.33
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	10	0.33
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	10	0.33
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	10	0.33
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	10	0.33
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	10	0.33
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	16	0.33
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	16	0.33
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	16	0.33
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	3	0.33
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	8	0.33
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	13	0.33
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	9	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	3	0.33
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	2	0.33
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	9	0.33
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	9	0.33
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	9	0.33
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	14	0.33
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	14	0.33
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	14	0.33
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	8	0.33
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	12	0.33
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	17	0.33
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	15	0.33
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	20	0.33
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	17	0.33
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	17	0.33
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	17	0.33
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	4	0.33
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	19	0.33
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	17	0.33
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	17	0.33
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	17	0.33
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	11	0.33
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	3	0.33
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	3	0.33
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	3	0.33
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	9	0.33
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	7	0.33
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	13	0.33
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	12	0.33
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	12	0.33
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	12	0.33
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	17	0.33
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	17	0.33
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	17	0.33
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	6	0.33
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	6	0.33
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	6	0.33
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	2	0.33
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	13	0.33
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	18	0.33
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB2	9	0.33
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB3	9	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB2	17	0.33
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB3	17	0.33
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	3	0.33
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	3	0.33
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	3	0.33
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	1	0.33
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	1	0.33
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	11	0.33
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	11	0.33
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	18	0.33
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	18	0.33
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	13	0.33
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	2	0.33
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	11	0.33
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	12	0.33
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	14	0.33
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	15	0.33
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	18	0.33
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	18	0.33
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	2	0.33
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	2	0.33
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	2	0.33
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	9	0.33
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	9	0.33
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	9	0.33
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	12	0.33
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	12	0.33
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	12	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	1	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	1	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	1	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	9	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	9	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	9	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	15	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	15	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	15	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	17	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	17	0.33
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	17	0.33
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	17	0.33
(1,521)	1:30:A:LYS:HG2	1:36:A:LEU:H	9	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	8	0.33
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	8	0.33
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	8	0.33
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	9	0.33
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	9	0.33
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	9	0.33
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	12	0.33
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	12	0.33
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	12	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	4	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	4	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	4	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	13	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	13	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	13	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	14	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	14	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	14	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	17	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	17	0.33
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	17	0.33
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	8	0.33
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	8	0.33
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	8	0.33
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	2	0.33
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	10	0.33
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	11	0.33
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	12	0.33
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	14	0.33
(1,290)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:H	10	0.33
(1,290)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:H	10	0.33
(1,290)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:H	10	0.33
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	4	0.33
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	17	0.33
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	13	0.33
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	13	0.33
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	13	0.33
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	5	0.33
(1,235)	1:210:A:GLU:H	1:210:A:GLU:HB2	20	0.33
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	12	0.33
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	12	0.33
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	12	0.33

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	19	0.33
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	19	0.33
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	19	0.33
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	4	0.33
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	4	0.33
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	4	0.33
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	6	0.33
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	6	0.33
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	6	0.33
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	18	0.33
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	18	0.33
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	18	0.33
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	8	0.33
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	8	0.33
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	8	0.33
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	13	0.33
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	17	0.33
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	10	0.33
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	10	0.33
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	10	0.33
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	7	0.33
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	10	0.33
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	8	0.33
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	13	0.33
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	20	0.33
(4,311)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:H	3	0.32
(4,311)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:H	3	0.32
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	10	0.32
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	10	0.32
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	10	0.32
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	13	0.32
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	13	0.32
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	13	0.32
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	1	0.32
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	2	0.32
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	3	0.32
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	6	0.32
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	9	0.32
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	10	0.32
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	14	0.32
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	1	0.32
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	1	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	1	0.32
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	15	0.32
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	15	0.32
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	15	0.32
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	9	0.32
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	16	0.32
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	16	0.32
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	2	0.32
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	9	0.32
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	9	0.32
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	9	0.32
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	2	0.32
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	2	0.32
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	13	0.32
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	13	0.32
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	16	0.32
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	10	0.32
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	10	0.32
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	1	0.32
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	1	0.32
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	1	0.32
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	2	0.32
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	2	0.32
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	2	0.32
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	20	0.32
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	20	0.32
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	20	0.32
(1,3226)	1:243:A:ARG:HA	1:243:A:ARG:HG3	9	0.32
(1,3226)	1:243:A:ARG:HA	1:243:A:ARG:HG3	10	0.32
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	19	0.32
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	19	0.32
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	19	0.32
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	1	0.32
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	1	0.32
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	1	0.32
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	1	0.32
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	1	0.32
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	1	0.32
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	1	0.32
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	1	0.32
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	1	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	3	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	3	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	3	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	6	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	6	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	6	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	7	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	7	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	7	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	8	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	8	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	8	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	16	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	16	0.32
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	16	0.32
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	12	0.32
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG21	1:54:A:ASN:HD22	11	0.32
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG22	1:54:A:ASN:HD22	11	0.32
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG23	1:54:A:ASN:HD22	11	0.32
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	3	0.32
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	3	0.32
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	11	0.32
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	11	0.32
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	12	0.32
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	12	0.32
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:H	18	0.32
(1,3059)	1:112:A:GLU:HG3	1:112:A:GLU:H	18	0.32
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	1	0.32
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	18	0.32
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	6	0.32
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	6	0.32
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	6	0.32
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	7	0.32
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	7	0.32
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	7	0.32
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	19	0.32
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	19	0.32
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	19	0.32
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	12	0.32
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	16	0.32
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	5	0.32
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	19	0.32
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	19	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	19	0.32
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	16	0.32
(1,2843)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD2	12	0.32
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	2	0.32
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	6	0.32
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	15	0.32
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	19	0.32
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	6	0.32
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	14	0.32
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	1	0.32
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	1	0.32
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	1	0.32
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	13	0.32
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	13	0.32
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	13	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	3	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	3	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	3	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	3	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	3	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	3	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	3	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	3	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	3	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	7	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	7	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	7	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	7	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	7	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	7	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	7	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	7	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	7	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	10	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	10	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	10	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	10	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	10	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	10	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	10	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	10	0.32
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	10	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	4	0.32
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	4	0.32
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	4	0.32
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	17	0.32
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	17	0.32
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	17	0.32
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	3	0.32
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	3	0.32
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	3	0.32
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	19	0.32
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	19	0.32
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	19	0.32
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	19	0.32
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	19	0.32
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	19	0.32
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	19	0.32
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	19	0.32
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	19	0.32
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	6	0.32
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	6	0.32
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	6	0.32
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD11	8	0.32
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD12	8	0.32
(1,2622)	1:116:A:ILE:H	1:116:A:ILE:HD13	8	0.32
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	5	0.32
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	5	0.32
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	5	0.32
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	8	0.32
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	8	0.32
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	8	0.32
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	11	0.32
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	11	0.32
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	11	0.32
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	6	0.32
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	11	0.32
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	9	0.32
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	9	0.32
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	9	0.32
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	10	0.32
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	10	0.32
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	10	0.32
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD21	18	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD22	18	0.32
(1,2546)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD23	18	0.32
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	1	0.32
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	4	0.32
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	4	0.32
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	4	0.32
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	15	0.32
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	15	0.32
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	15	0.32
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	17	0.32
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	17	0.32
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	20	0.32
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	20	0.32
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	7	0.32
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	7	0.32
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	7	0.32
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	18	0.32
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	18	0.32
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	18	0.32
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	17	0.32
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	17	0.32
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	17	0.32
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	14	0.32
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	17	0.32
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG21	19	0.32
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG22	19	0.32
(1,2410)	1:50:A:ILE:HA	1:2:A:VAL:HG23	19	0.32
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	14	0.32
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	14	0.32
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	14	0.32
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	7	0.32
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	7	0.32
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	7	0.32
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	10	0.32
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	10	0.32
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	10	0.32
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	13	0.32
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	13	0.32
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	13	0.32
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	12	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	2	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	2	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	2	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	4	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	4	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	4	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	6	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	6	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	6	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	7	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	7	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	7	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	8	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	8	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	8	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	9	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	9	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	9	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	10	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	10	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	10	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	11	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	11	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	11	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	12	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	12	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	12	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	13	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	13	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	13	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	14	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	14	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	14	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	15	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	15	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	15	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	16	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	16	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	16	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	20	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	20	0.32
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	20	0.32
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	8	0.32
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	18	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	1	0.32
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	1	0.32
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	1	0.32
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	3	0.32
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	3	0.32
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	3	0.32
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	16	0.32
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD2	16	0.32
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD3	16	0.32
(1,2230)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD2	19	0.32
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	9	0.32
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	9	0.32
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	9	0.32
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	9	0.32
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	9	0.32
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	9	0.32
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	13	0.32
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	15	0.32
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	15	0.32
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	15	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	3	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	3	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	3	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	4	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	4	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	4	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	16	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	16	0.32
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	16	0.32
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG21	1:158:A:THR:H	10	0.32
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG22	1:158:A:THR:H	10	0.32
(1,2079)	1:171:A:ILE:HG23	1:158:A:THR:H	10	0.32
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	20	0.32
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	2	0.32
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	5	0.32
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	17	0.32
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	10	0.32
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	12	0.32
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	17	0.32
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD21	1:125:A:ILE:H	10	0.32
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD22	1:125:A:ILE:H	10	0.32
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD23	1:125:A:ILE:H	10	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	5	0.32
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	5	0.32
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	6	0.32
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	12	0.32
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	14	0.32
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	18	0.32
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	20	0.32
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	10	0.32
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	5	0.32
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	18	0.32
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	18	0.32
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	2	0.32
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	7	0.32
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	14	0.32
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	16	0.32
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	11	0.32
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	16	0.32
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	5	0.32
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	19	0.32
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	8	0.32
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	8	0.32
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	8	0.32
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	17	0.32
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	17	0.32
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	17	0.32
(1,1701)	1:119:A:GLY:H	1:115:A:GLN:H	13	0.32
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	7	0.32
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	18	0.32
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	19	0.32
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	4	0.32
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	6	0.32
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	16	0.32
(1,1664)	1:88:A:ALA:H	1:83:A:PHE:HB3	3	0.32
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	14	0.32
(1,1653)	1:76:A:ALA:H	1:80:A:SER:HB3	11	0.32
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	1	0.32
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	7	0.32
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	6	0.32
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	7	0.32
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	12	0.32
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	17	0.32
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	17	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	5	0.32
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	10	0.32
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	11	0.32
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	6	0.32
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	10	0.32
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	13	0.32
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	7	0.32
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	5	0.32
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	14	0.32
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	14	0.32
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	14	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	12	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	12	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	12	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	14	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	14	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	14	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	15	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	15	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	15	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	20	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	20	0.32
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	20	0.32
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	3	0.32
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	3	0.32
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	3	0.32
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	14	0.32
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	15	0.32
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	15	0.32
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	12	0.32
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	3	0.32
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	20	0.32
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	2	0.32
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	9	0.32
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	6	0.32
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	6	0.32
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	6	0.32
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	20	0.32
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	20	0.32
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	20	0.32
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	1	0.32
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	5	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	12	0.32
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	14	0.32
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	7	0.32
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	2	0.32
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	3	0.32
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	9	0.32
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	9	0.32
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	17	0.32
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	17	0.32
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	2	0.32
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	5	0.32
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	1	0.32
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	6	0.32
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	7	0.32
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	9	0.32
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	11	0.32
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	13	0.32
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	14	0.32
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	20	0.32
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	4	0.32
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG21	1:173:A:LYS:H	17	0.32
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG22	1:173:A:LYS:H	17	0.32
(1,1174)	1:171:A:ILE:HG23	1:173:A:LYS:H	17	0.32
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	6	0.32
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	6	0.32
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	9	0.32
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	9	0.32
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	18	0.32
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	18	0.32
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	1	0.32
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	1	0.32
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	1	0.32
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	6	0.32
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	6	0.32
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	6	0.32
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	2	0.32
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	15	0.32
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	4	0.32
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	4	0.32
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	6	0.32
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	6	0.32
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	4	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	12	0.32
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	20	0.32
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	2	0.32
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	2	0.32
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	2	0.32
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	20	0.32
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	20	0.32
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	20	0.32
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	2	0.32
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	7	0.32
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	2	0.32
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	2	0.32
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	17	0.32
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	19	0.32
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	20	0.32
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	13	0.32
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	6	0.32
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	10	0.32
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	6	0.32
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	6	0.32
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	13	0.32
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	13	0.32
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	13	0.32
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	17	0.32
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	17	0.32
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	17	0.32
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	19	0.32
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	19	0.32
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	19	0.32
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	4	0.32
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	4	0.32
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	20	0.32
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	20	0.32
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	20	0.32
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	20	0.32
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	20	0.32
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	4	0.32
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	4	0.32
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	4	0.32
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	8	0.32
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	11	0.32
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	14	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	7	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	7	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	7	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	8	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	8	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	8	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	9	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	9	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	9	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	10	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	10	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	10	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	12	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	12	0.32
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	12	0.32
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	1	0.32
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	2	0.32
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	12	0.32
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	18	0.32
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	8	0.32
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	8	0.32
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	8	0.32
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	8	0.32
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	20	0.32
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	20	0.32
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	20	0.32
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	2	0.32
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	3	0.32
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	5	0.32
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	14	0.32
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	20	0.32
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	1	0.32
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	4	0.32
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	9	0.32
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	9	0.32
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	9	0.32
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	1	0.32
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	1	0.32
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	6	0.32
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	6	0.32
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	2	0.32
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	20	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	9	0.32
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	9	0.32
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	9	0.32
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	10	0.32
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	10	0.32
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	10	0.32
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	13	0.32
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	13	0.32
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	13	0.32
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	9	0.32
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	9	0.32
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	9	0.32
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	13	0.32
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	13	0.32
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	13	0.32
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	16	0.32
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	7	0.32
(1,614)	1:80:A:SER:H	1:79:A:THR:H	19	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	1	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	1	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	1	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	4	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	4	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	4	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	5	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	5	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	5	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	8	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	8	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	8	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	14	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	14	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	14	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	15	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	15	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	15	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	16	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	16	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	16	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	20	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	20	0.32
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	20	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	5	0.32
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	5	0.32
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	5	0.32
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	10	0.32
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	10	0.32
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	10	0.32
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	10	0.32
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	10	0.32
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	5	0.32
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	9	0.32
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	16	0.32
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	16	0.32
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	16	0.32
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	6	0.32
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	6	0.32
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	6	0.32
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	12	0.32
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	12	0.32
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	12	0.32
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	2	0.32
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	2	0.32
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	2	0.32
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	11	0.32
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	11	0.32
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	11	0.32
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	18	0.32
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	10	0.32
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	10	0.32
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	10	0.32
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	5	0.32
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	20	0.32
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	20	0.32
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	20	0.32
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	10	0.32
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	20	0.32
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	20	0.32
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	20	0.32
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	12	0.32
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	12	0.32
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	12	0.32
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	11	0.32
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	11	0.32

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	11	0.32
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	16	0.32
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	16	0.32
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	16	0.32
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	18	0.32
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	7	0.32
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	7	0.32
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	7	0.32
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	1	0.32
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	1	0.32
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	1	0.32
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	2	0.32
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	2	0.32
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	2	0.32
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	10	0.32
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	10	0.32
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	10	0.32
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	11	0.32
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	11	0.32
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	11	0.32
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	14	0.32
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	18	0.32
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	7	0.32
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	7	0.32
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	7	0.32
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	11	0.32
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	11	0.32
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	11	0.32
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	11	0.32
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	18	0.32
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	18	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	18	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	18	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	18	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	18	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	18	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	20	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	20	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	20	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	20	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	20	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	20	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	15	0.31
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	15	0.31
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	15	0.31
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	18	0.31
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	18	0.31
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	18	0.31
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	5	0.31
(4,281)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:HG2	11	0.31
(4,263)	1:185:A:ILE:H	1:182:A:SER:HB2	3	0.31
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	19	0.31
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	7	0.31
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	7	0.31
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	5	0.31
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	5	0.31
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	5	0.31
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	17	0.31
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	17	0.31
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	17	0.31
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	12	0.31
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	1	0.31
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	1	0.31
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	11	0.31
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	11	0.31
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	19	0.31
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	19	0.31
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	1	0.31
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	1	0.31
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	1	0.31
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	5	0.31
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	5	0.31
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	5	0.31
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	4	0.31
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	4	0.31
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	4	0.31
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	4	0.31
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	4	0.31
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	4	0.31
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	4	0.31
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	4	0.31
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	4	0.31
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	4	0.31
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	4	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	4	0.31
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	19	0.31
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	19	0.31
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	19	0.31
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	9	0.31
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	11	0.31
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	3	0.31
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	3	0.31
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	3	0.31
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	10	0.31
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	10	0.31
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	10	0.31
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	18	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	6	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	6	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	6	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	8	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	8	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	8	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	10	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	10	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	10	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	12	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	12	0.31
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	12	0.31
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	17	0.31
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	17	0.31
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	17	0.31
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	3	0.31
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	11	0.31
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	16	0.31
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	5	0.31
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	8	0.31
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	10	0.31
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	11	0.31
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	16	0.31
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	18	0.31
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	18	0.31
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	18	0.31
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	4	0.31
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	5	0.31
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	13	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	14	0.31
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	14	0.31
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	3	0.31
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	3	0.31
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	3	0.31
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	10	0.31
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	10	0.31
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	10	0.31
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	19	0.31
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	19	0.31
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	19	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	2	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	2	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	2	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	2	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	2	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	2	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	2	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	2	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	2	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	14	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	14	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	14	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	14	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	14	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	14	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	14	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	14	0.31
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	14	0.31
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	20	0.31
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	20	0.31
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	20	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	5	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	5	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	5	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	5	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	5	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	5	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	13	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	13	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	13	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	13	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	13	0.31
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	13	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	10	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	10	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	10	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	14	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	14	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	14	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	19	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	19	0.31
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	19	0.31
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	15	0.31
(1,2594)	1:57:A:ASP:H	1:57:A:ASP:HB3	20	0.31
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	13	0.31
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	13	0.31
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	13	0.31
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	13	0.31
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	13	0.31
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	13	0.31
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	13	0.31
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	13	0.31
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	13	0.31
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	4	0.31
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	4	0.31
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	4	0.31
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	17	0.31
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	17	0.31
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	17	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	2	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	4	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	6	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	9	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	12	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	14	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	15	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	16	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	17	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	18	0.31
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	19	0.31
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG21	19	0.31
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG22	19	0.31
(1,2501)	1:9:A:ALA:HA	1:10:A:THR:HG23	19	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	8	0.31
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	19	0.31
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	19	0.31
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	15	0.31
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	15	0.31
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	15	0.31
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	15	0.31
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	15	0.31
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	15	0.31
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	15	0.31
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	15	0.31
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	15	0.31
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	20	0.31
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	10	0.31
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	10	0.31
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	10	0.31
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	3	0.31
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	4	0.31
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	10	0.31
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	9	0.31
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	9	0.31
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	9	0.31
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	1	0.31
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	8	0.31
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	15	0.31
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	20	0.31
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	8	0.31
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	8	0.31
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	8	0.31
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	18	0.31
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	18	0.31
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	18	0.31
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	3	0.31
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	3	0.31
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	3	0.31
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	16	0.31
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	16	0.31
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	16	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	1	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	1	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	1	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	3	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	3	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	3	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	5	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	5	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	5	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	17	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	17	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	17	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	18	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	18	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	18	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HG12	19	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HG12	19	0.31
(1,2310)	1:18:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HG12	19	0.31
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	8	0.31
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	8	0.31
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	8	0.31
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	9	0.31
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	9	0.31
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	9	0.31
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	14	0.31
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	14	0.31
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	14	0.31
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	15	0.31
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	10	0.31
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	9	0.31
(1,2094)	1:207:A:GLY:H	1:228:A:VAL:HG21	16	0.31
(1,2094)	1:207:A:GLY:H	1:228:A:VAL:HG22	16	0.31
(1,2094)	1:207:A:GLY:H	1:228:A:VAL:HG23	16	0.31
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	20	0.31
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	7	0.31
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	7	0.31
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	7	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	1	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	1	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	1	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	5	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	5	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	5	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	9	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	9	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	9	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	19	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	19	0.31
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	19	0.31
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	2	0.31
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	2	0.31
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	3	0.31
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	3	0.31
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	15	0.31
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	15	0.31
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	2	0.31
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	2	0.31
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	2	0.31
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	11	0.31
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	1	0.31
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	18	0.31
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	2	0.31
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	16	0.31
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	16	0.31
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	8	0.31
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	1	0.31
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	4	0.31
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	7	0.31
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	11	0.31
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	13	0.31
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	16	0.31
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	17	0.31
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	19	0.31
(1,1873)	1:31:A:LEU:HD11	1:200:A:GLN:HE22	17	0.31
(1,1873)	1:31:A:LEU:HD12	1:200:A:GLN:HE22	17	0.31
(1,1873)	1:31:A:LEU:HD13	1:200:A:GLN:HE22	17	0.31
(1,1873)	1:31:A:LEU:HD11	1:200:A:GLN:HE21	17	0.31
(1,1873)	1:31:A:LEU:HD12	1:200:A:GLN:HE21	17	0.31
(1,1873)	1:31:A:LEU:HD13	1:200:A:GLN:HE21	17	0.31
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	5	0.31
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	20	0.31
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	9	0.31
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	1	0.31
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	3	0.31
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	11	0.31
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	16	0.31
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	8	0.31
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	10	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	4	0.31
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	9	0.31
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	4	0.31
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	5	0.31
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	8	0.31
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	8	0.31
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	18	0.31
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	19	0.31
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	1	0.31
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	1	0.31
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	7	0.31
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	12	0.31
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	3	0.31
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	8	0.31
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	18	0.31
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	14	0.31
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	1	0.31
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	2	0.31
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	9	0.31
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	13	0.31
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	13	0.31
(1,1630)	1:64:A:ILE:H	1:47:A:TYR:HB2	13	0.31
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	6	0.31
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	10	0.31
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	12	0.31
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	9	0.31
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	17	0.31
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	3	0.31
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	6	0.31
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	9	0.31
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	12	0.31
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	12	0.31
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	12	0.31
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	12	0.31
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	9	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	9	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	9	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	9	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	10	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	10	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	10	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	11	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	11	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	11	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	17	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	17	0.31
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	17	0.31
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD1	1:13:A:SER:H	2	0.31
(1,1468)	1:14:A:TYR:HD2	1:13:A:SER:H	2	0.31
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	12	0.31
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	9	0.31
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	9	0.31
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	9	0.31
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	19	0.31
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	19	0.31
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	19	0.31
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	8	0.31
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	18	0.31
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	16	0.31
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	18	0.31
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	8	0.31
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	10	0.31
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	10	0.31
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	13	0.31
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	13	0.31
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	16	0.31
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	16	0.31
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	8	0.31
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	8	0.31
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	8	0.31
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	19	0.31
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	19	0.31
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	19	0.31
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	14	0.31
(1,1215)	1:221:A:GLN:HG2	1:221:A:GLN:HE22	5	0.31
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	19	0.31
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	7	0.31
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	7	0.31
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	19	0.31
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	19	0.31
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	16	0.31
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	16	0.31
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	16	0.31
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	18	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	18	0.31
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	18	0.31
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	3	0.31
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	6	0.31
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	7	0.31
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	13	0.31
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	13	0.31
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	13	0.31
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	14	0.31
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	14	0.31
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	18	0.31
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	18	0.31
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	8	0.31
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	9	0.31
(1,1073)	1:221:A:GLN:HG2	1:220:A:ASN:H	11	0.31
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	5	0.31
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	8	0.31
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	1	0.31
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	3	0.31
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	9	0.31
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	13	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	1	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	1	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	1	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	3	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	3	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	3	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	8	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	8	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	8	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	16	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	16	0.31
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	16	0.31
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	13	0.31
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	13	0.31
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	13	0.31
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	4	0.31
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	4	0.31
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	4	0.31
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	16	0.31
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	16	0.31
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	16	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	8	0.31
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	8	0.31
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	8	0.31
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	17	0.31
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	13	0.31
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	3	0.31
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	10	0.31
(1,951)	1:46:A:ARG:HB3	1:47:A:TYR:H	12	0.31
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	14	0.31
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	14	0.31
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	7	0.31
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	10	0.31
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	12	0.31
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	15	0.31
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	17	0.31
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	20	0.31
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	13	0.31
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	13	0.31
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	8	0.31
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	8	0.31
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	8	0.31
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	15	0.31
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	15	0.31
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	15	0.31
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	1	0.31
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	14	0.31
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	14	0.31
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	14	0.31
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	19	0.31
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	19	0.31
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	19	0.31
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	3	0.31
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	10	0.31
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	13	0.31
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	3	0.31
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	3	0.31
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	3	0.31
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	12	0.31
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	12	0.31
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	12	0.31
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	10	0.31
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	10	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	10	0.31
(1,750)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HD3	5	0.31
(1,748)	1:130:A:PRO:HD3	1:177:A:LYS:H	5	0.31
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	6	0.31
(1,727)	1:142:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	8	0.31
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	11	0.31
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	15	0.31
(1,693)	1:108:A:SER:HA	1:85:A:GLU:H	17	0.31
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	10	0.31
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	14	0.31
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	14	0.31
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	14	0.31
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	5	0.31
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	5	0.31
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	10	0.31
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	10	0.31
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	20	0.31
(1,612)	1:101:A:ARG:HB2	1:80:A:SER:H	11	0.31
(1,612)	1:101:A:ARG:HB3	1:80:A:SER:H	11	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	6	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	6	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	6	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	7	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	7	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	7	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	13	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	13	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	13	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	18	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	18	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	18	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB1	19	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB2	19	0.31
(1,585)	1:169:A:GLN:H	1:161:A:ALA:HB3	19	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	4	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	4	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	4	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	7	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	7	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	7	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	11	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	11	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	11	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	12	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	12	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	12	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	18	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	18	0.31
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	18	0.31
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	7	0.31
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	7	0.31
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	20	0.31
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	20	0.31
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	20	0.31
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	20	0.31
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	20	0.31
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	20	0.31
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	10	0.31
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	10	0.31
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	10	0.31
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	16	0.31
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	16	0.31
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	16	0.31
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	19	0.31
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	19	0.31
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	19	0.31
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	7	0.31
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	7	0.31
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	7	0.31
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	13	0.31
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	13	0.31
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	13	0.31
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	14	0.31
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	14	0.31
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	14	0.31
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	18	0.31
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	4	0.31
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	4	0.31
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	9	0.31
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	9	0.31
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	6	0.31
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	8	0.31
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	16	0.31
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	18	0.31

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	20	0.31
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	2	0.31
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	2	0.31
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	2	0.31
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	16	0.31
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	16	0.31
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	16	0.31
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	1	0.31
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	1	0.31
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	1	0.31
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	6	0.31
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	6	0.31
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	6	0.31
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	18	0.31
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	18	0.31
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	18	0.31
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	17	0.31
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD11	10	0.31
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD12	10	0.31
(1,105)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:HD13	10	0.31
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	2	0.31
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	6	0.31
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	7	0.31
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	10	0.31
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	12	0.31
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	19	0.31
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	4	0.31
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	4	0.31
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	4	0.31
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	6	0.31
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	6	0.31
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	6	0.31
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	20	0.31
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	20	0.31
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	20	0.31
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	1	0.31
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	12	0.31
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	12	0.31
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	12	0.31
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	19	0.31
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	7	0.3
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	7	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	7	0.3
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	7	0.3
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	7	0.3
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	7	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	2	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	2	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	2	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	3	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	3	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	3	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	6	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	6	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	6	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	14	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	14	0.3
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	14	0.3
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	12	0.3
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	12	0.3
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	12	0.3
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	20	0.3
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	19	0.3
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	19	0.3
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	19	0.3
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	3	0.3
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	3	0.3
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	3	0.3
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	5	0.3
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	5	0.3
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	5	0.3
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	9	0.3
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	9	0.3
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	9	0.3
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	16	0.3
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	16	0.3
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	16	0.3
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	5	0.3
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	5	0.3
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	5	0.3
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	5	0.3
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	5	0.3
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	5	0.3
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	5	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	5	0.3
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	5	0.3
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	7	0.3
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	7	0.3
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	7	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	1	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	1	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	1	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	10	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	10	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	10	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	15	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	15	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	15	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	17	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	17	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	17	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	18	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	18	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	18	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	20	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	20	0.3
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	20	0.3
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	5	0.3
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	14	0.3
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	18	0.3
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	18	0.3
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	18	0.3
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	6	0.3
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	16	0.3
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	16	0.3
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	16	0.3
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	10	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	11	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	11	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	11	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	14	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	14	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	14	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	18	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	18	0.3
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	18	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	14	0.3
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	4	0.3
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	7	0.3
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	12	0.3
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	1	0.3
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	7	0.3
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	10	0.3
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	12	0.3
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	16	0.3
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	1	0.3
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	1	0.3
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	5	0.3
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	5	0.3
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	5	0.3
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	6	0.3
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	6	0.3
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	6	0.3
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	6	0.3
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	6	0.3
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	6	0.3
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	6	0.3
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	6	0.3
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	6	0.3
(1,2649)	1:243:A:ARG:HA	1:243:A:ARG:HG2	10	0.3
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	6	0.3
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	6	0.3
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	6	0.3
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	9	0.3
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	9	0.3
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	9	0.3
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	11	0.3
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	11	0.3
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	11	0.3
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	19	0.3
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	19	0.3
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	19	0.3
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD11	4	0.3
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD12	4	0.3
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD13	4	0.3
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD11	7	0.3
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD12	7	0.3
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD13	7	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	13	0.3
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	13	0.3
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	13	0.3
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE2	9	0.3
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE3	9	0.3
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE2	9	0.3
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE3	9	0.3
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	8	0.3
(1,2507)	1:219:A:GLN:HG3	1:219:A:GLN:HB2	11	0.3
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	12	0.3
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	12	0.3
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	12	0.3
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	14	0.3
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	14	0.3
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	14	0.3
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	10	0.3
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	10	0.3
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	10	0.3
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	12	0.3
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	12	0.3
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	12	0.3
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	9	0.3
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	3	0.3
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	7	0.3
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	9	0.3
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	11	0.3
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	17	0.3
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	14	0.3
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	14	0.3
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	14	0.3
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	7	0.3
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	18	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	1	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	1	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	1	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	6	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	6	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	6	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	8	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	8	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	8	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	13	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	13	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	13	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	17	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	17	0.3
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	17	0.3
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	6	0.3
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	16	0.3
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	18	0.3
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	2	0.3
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	2	0.3
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	2	0.3
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	16	0.3
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	19	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	2	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	2	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	2	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	4	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	4	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	4	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	6	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	6	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	6	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	16	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	16	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	16	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	18	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	18	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	18	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	20	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	20	0.3
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	20	0.3
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	3	0.3
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	3	0.3
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	3	0.3
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	18	0.3
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	20	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	2	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	2	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	2	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	6	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	6	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	6	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	13	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	13	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	13	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	16	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	16	0.3
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	16	0.3
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	9	0.3
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	10	0.3
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	13	0.3
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	13	0.3
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	13	0.3
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	19	0.3
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	19	0.3
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	19	0.3
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	20	0.3
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	20	0.3
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	20	0.3
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB2	6	0.3
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HB3	6	0.3
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB2	6	0.3
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HB3	6	0.3
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB2	6	0.3
(1,2206)	1:95:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HB3	6	0.3
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	16	0.3
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	16	0.3
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	16	0.3
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	5	0.3
(1,2131)	1:209:A:PHE:H	1:227:A:ASN:H	16	0.3
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	7	0.3
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	14	0.3
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	1	0.3
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	5	0.3
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	11	0.3
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	10	0.3
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	10	0.3
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	10	0.3
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	20	0.3
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	20	0.3
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	20	0.3
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	2	0.3
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	2	0.3
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	2	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	1	0.3
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	1	0.3
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	1	0.3
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	14	0.3
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	14	0.3
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	14	0.3
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	17	0.3
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	7	0.3
(1,2030)	1:228:A:VAL:HG21	1:229:A:ASP:H	16	0.3
(1,2030)	1:228:A:VAL:HG22	1:229:A:ASP:H	16	0.3
(1,2030)	1:228:A:VAL:HG23	1:229:A:ASP:H	16	0.3
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	7	0.3
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	9	0.3
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	11	0.3
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	17	0.3
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	18	0.3
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	18	0.3
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	18	0.3
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	6	0.3
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	6	0.3
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	6	0.3
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	6	0.3
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	6	0.3
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	6	0.3
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD21	1:125:A:ILE:H	19	0.3
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD22	1:125:A:ILE:H	19	0.3
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD23	1:125:A:ILE:H	19	0.3
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	6	0.3
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	6	0.3
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	6	0.3
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	2	0.3
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	8	0.3
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	10	0.3
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	15	0.3
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	6	0.3
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	9	0.3
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	11	0.3
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	15	0.3
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	19	0.3
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	2	0.3
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	4	0.3
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	8	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1818)	1:207:A:GLY:HA3	1:205:A:ASN:H	14	0.3
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	4	0.3
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	15	0.3
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	11	0.3
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	18	0.3
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	19	0.3
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	1	0.3
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	4	0.3
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	6	0.3
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	18	0.3
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:H	16	0.3
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:H	16	0.3
(1,1703)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:H	16	0.3
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	3	0.3
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	18	0.3
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	17	0.3
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	3	0.3
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	3	0.3
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	5	0.3
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	10	0.3
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	13	0.3
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	5	0.3
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	10	0.3
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	16	0.3
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	5	0.3
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	7	0.3
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	13	0.3
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	2	0.3
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	13	0.3
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	8	0.3
(1,1594)	1:49:A:LEU:H	1:47:A:TYR:HA	8	0.3
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	18	0.3
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	18	0.3
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	18	0.3
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	18	0.3
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	5	0.3
(1,1551)	1:16:A:VAL:HB	1:19:A:SER:H	15	0.3
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	5	0.3
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	9	0.3
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	7	0.3
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	7	0.3
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	7	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	7	0.3
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	7	0.3
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	9	0.3
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	9	0.3
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	14	0.3
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	14	0.3
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	18	0.3
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	18	0.3
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	7	0.3
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	7	0.3
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	7	0.3
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	8	0.3
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	8	0.3
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	8	0.3
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	16	0.3
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	16	0.3
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	16	0.3
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	1	0.3
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	1	0.3
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	1	0.3
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	5	0.3
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	12	0.3
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	14	0.3
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	14	0.3
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	14	0.3
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	18	0.3
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	18	0.3
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	18	0.3
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	5	0.3
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	6	0.3
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	15	0.3
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	14	0.3
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	9	0.3
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	15	0.3
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	11	0.3
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	11	0.3
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	10	0.3
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	10	0.3
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	10	0.3
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	18	0.3
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	18	0.3
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	18	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	20	0.3
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	20	0.3
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	20	0.3
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	20	0.3
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	20	0.3
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	20	0.3
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	7	0.3
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	12	0.3
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	1	0.3
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	5	0.3
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	11	0.3
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	18	0.3
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	5	0.3
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	5	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	5	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	5	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	5	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	9	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	9	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	9	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	10	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	10	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	10	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	11	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	11	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	11	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	14	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	14	0.3
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	14	0.3
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	6	0.3
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	10	0.3
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	10	0.3
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	19	0.3
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	12	0.3
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	12	0.3
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	17	0.3
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	2	0.3
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	6	0.3
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	10	0.3
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	13	0.3
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	7	0.3
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	16	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	11	0.3
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	11	0.3
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	11	0.3
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	16	0.3
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	16	0.3
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	16	0.3
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	11	0.3
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	11	0.3
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	11	0.3
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	10	0.3
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	10	0.3
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	10	0.3
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	17	0.3
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	17	0.3
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	17	0.3
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	5	0.3
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	16	0.3
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	9	0.3
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	1	0.3
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	3	0.3
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	8	0.3
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	11	0.3
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	7	0.3
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	7	0.3
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	12	0.3
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	12	0.3
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	17	0.3
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	17	0.3
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	19	0.3
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	19	0.3
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	16	0.3
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	16	0.3
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	16	0.3
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	4	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	3	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	3	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	3	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	6	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	6	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	6	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	14	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	14	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	14	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	16	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	16	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	16	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	20	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	20	0.3
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	20	0.3
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	1	0.3
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	12	0.3
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	12	0.3
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	12	0.3
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	7	0.3
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	11	0.3
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	14	0.3
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	17	0.3
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	20	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	7	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	7	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	7	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	10	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	10	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	10	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	11	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	11	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	11	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	20	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	20	0.3
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	20	0.3
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	6	0.3
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	20	0.3
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	13	0.3
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	13	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	1	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	1	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	1	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	7	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	7	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	7	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	13	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	13	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	13	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	14	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	14	0.3
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	14	0.3
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	1	0.3
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	1	0.3
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	20	0.3
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	16	0.3
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	18	0.3
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	2	0.3
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	2	0.3
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	2	0.3
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	8	0.3
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	8	0.3
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	8	0.3
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	17	0.3
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	17	0.3
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	17	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	1	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	1	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	1	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	4	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	4	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	4	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	11	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	11	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	11	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	16	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	16	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	16	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	20	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	20	0.3
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	20	0.3
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	1	0.3
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	9	0.3
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	9	0.3
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	9	0.3
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	11	0.3
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	11	0.3
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	11	0.3
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	19	0.3
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	19	0.3
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	6	0.3
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	6	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	6	0.3
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	7	0.3
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	7	0.3
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	7	0.3
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	18	0.3
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	18	0.3
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	18	0.3
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	9	0.3
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	9	0.3
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	9	0.3
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	20	0.3
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	20	0.3
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	20	0.3
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	8	0.3
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	13	0.3
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	18	0.3
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	9	0.3
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	9	0.3
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	9	0.3
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	16	0.3
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	5	0.3
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	5	0.3
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	6	0.3
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	6	0.3
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	11	0.3
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	11	0.3
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	11	0.3
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	20	0.3
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	20	0.3
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	20	0.3
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	13	0.3
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	13	0.3
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	15	0.3
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	15	0.3
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	20	0.3
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	20	0.3
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	1	0.3
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	11	0.3
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	15	0.3
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	10	0.3
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	10	0.3
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	10	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	14	0.3
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	14	0.3
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	14	0.3
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	5	0.3
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	5	0.3
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	5	0.3
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	13	0.3
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	13	0.3
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	13	0.3
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	13	0.3
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	1	0.3
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	6	0.3
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	6	0.3
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	6	0.3
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	13	0.3
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	13	0.3
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	13	0.3
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	5	0.3
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	13	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	10	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	10	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	10	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	11	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	11	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	11	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	17	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	17	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	17	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	18	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	18	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	18	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	19	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	19	0.3
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	19	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	4	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	4	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	4	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	5	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	5	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	5	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	8	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	8	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	8	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	14	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	14	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	14	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	17	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	17	0.3
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	17	0.3
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	11	0.3
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	11	0.3
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	11	0.3
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	1	0.3
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	5	0.3
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	11	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	3	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	3	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	3	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	5	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	5	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	5	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	10	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	10	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	10	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	11	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	11	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	11	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	14	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	14	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	14	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	15	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	15	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	15	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	18	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	18	0.3
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	18	0.3
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	4	0.3
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	6	0.3
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	6	0.3
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	6	0.3
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	15	0.3
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	15	0.3
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	15	0.3
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	5	0.3

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	5	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	5	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	5	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	5	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	5	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	5	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	6	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	6	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	6	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	6	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	6	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	6	0.29
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	16	0.29
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	16	0.29
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	16	0.29
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	7	0.29
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	18	0.29
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	1	0.29
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	11	0.29
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	11	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	10	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	10	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	10	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	11	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	11	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	11	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	18	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	18	0.29
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	18	0.29
(4,54)	1:49:A:LEU:HD11	1:96:A:PHE:H	16	0.29
(4,54)	1:49:A:LEU:HD12	1:96:A:PHE:H	16	0.29
(4,54)	1:49:A:LEU:HD13	1:96:A:PHE:H	16	0.29
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	14	0.29
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	14	0.29
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	15	0.29
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	15	0.29
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	2	0.29
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	17	0.29
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	17	0.29
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	17	0.29
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	6	0.29
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	6	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	6	0.29
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	9	0.29
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	9	0.29
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	9	0.29
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	13	0.29
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	13	0.29
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	13	0.29
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	4	0.29
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	4	0.29
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	4	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	2	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	2	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	2	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	11	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	11	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	11	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	13	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	13	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	13	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	14	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	14	0.29
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	14	0.29
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	8	0.29
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	8	0.29
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	8	0.29
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	8	0.29
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	20	0.29
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	5	0.29
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	5	0.29
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	5	0.29
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	6	0.29
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	13	0.29
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	19	0.29
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	19	0.29
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	19	0.29
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	1	0.29
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	3	0.29
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	14	0.29
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	17	0.29
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	9	0.29
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	9	0.29
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	9	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	17	0.29
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	17	0.29
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	17	0.29
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	3	0.29
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	3	0.29
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	3	0.29
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	5	0.29
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	5	0.29
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	5	0.29
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	8	0.29
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	8	0.29
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	8	0.29
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	5	0.29
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	2	0.29
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	18	0.29
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	10	0.29
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	10	0.29
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	10	0.29
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	20	0.29
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	20	0.29
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	20	0.29
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	11	0.29
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	17	0.29
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	18	0.29
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	8	0.29
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	8	0.29
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	1	0.29
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	1	0.29
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	1	0.29
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	15	0.29
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	15	0.29
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	15	0.29
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	16	0.29
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	16	0.29
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	16	0.29
(1,2649)	1:243:A:ARG:HA	1:243:A:ARG:HG2	9	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	2	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	2	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	2	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	5	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	5	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	5	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	8	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	8	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	8	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	17	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	17	0.29
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	17	0.29
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	5	0.29
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	5	0.29
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	5	0.29
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	5	0.29
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	5	0.29
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	5	0.29
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	5	0.29
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	5	0.29
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	5	0.29
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	1	0.29
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	1	0.29
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	1	0.29
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	16	0.29
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	16	0.29
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	16	0.29
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	8	0.29
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	8	0.29
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	8	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD11	1	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD12	1	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD13	1	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD11	3	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD12	3	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD13	3	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD11	6	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD12	6	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD13	6	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD11	12	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD12	12	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD13	12	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD11	17	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD12	17	0.29
(1,2573)	1:129:A:LEU:HB2	1:129:A:LEU:HD13	17	0.29
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	13	0.29
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	13	0.29
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	13	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB1	11	0.29
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB2	11	0.29
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB3	11	0.29
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	4	0.29
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	4	0.29
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	4	0.29
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	4	0.29
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	4	0.29
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	4	0.29
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	10	0.29
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	10	0.29
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	10	0.29
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	18	0.29
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	18	0.29
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	18	0.29
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	13	0.29
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	13	0.29
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	16	0.29
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	16	0.29
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	16	0.29
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	18	0.29
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	1	0.29
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	6	0.29
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	12	0.29
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	13	0.29
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	15	0.29
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	16	0.29
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	19	0.29
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	19	0.29
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	19	0.29
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	16	0.29
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	16	0.29
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	16	0.29
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	10	0.29
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	10	0.29
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	10	0.29
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	19	0.29
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	19	0.29
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	19	0.29
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	10	0.29
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	15	0.29
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	11	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	5	0.29
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	5	0.29
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	5	0.29
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	10	0.29
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	6	0.29
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	13	0.29
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	17	0.29
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG21	1:168:A:GLU:HG2	14	0.29
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG22	1:168:A:GLU:HG2	14	0.29
(1,2309)	1:18:A:ILE:HG23	1:168:A:GLU:HG2	14	0.29
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	5	0.29
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	5	0.29
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	5	0.29
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	5	0.29
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	5	0.29
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	5	0.29
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	10	0.29
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	10	0.29
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	10	0.29
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	17	0.29
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	17	0.29
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	17	0.29
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	12	0.29
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	12	0.29
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	12	0.29
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	10	0.29
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD2	3	0.29
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD3	3	0.29
(1,2115)	1:103:A:VAL:H	1:80:A:SER:HB3	8	0.29
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	11	0.29
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	9	0.29
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	14	0.29
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	4	0.29
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	4	0.29
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	4	0.29
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	13	0.29
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	13	0.29
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	13	0.29
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	8	0.29
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	8	0.29
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	11	0.29
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	16	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	14	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	14	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	14	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	14	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	14	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	14	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	20	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	20	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	20	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	20	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	20	0.29
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	20	0.29
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD21	1:125:A:ILE:H	9	0.29
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD22	1:125:A:ILE:H	9	0.29
(1,1965)	1:180:A:LEU:HD23	1:125:A:ILE:H	9	0.29
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	7	0.29
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	9	0.29
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	20	0.29
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	2	0.29
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	3	0.29
(1,1943)	1:19:A:SER:H	1:18:A:ILE:HG13	9	0.29
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	12	0.29
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	1	0.29
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	14	0.29
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	16	0.29
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	8	0.29
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	10	0.29
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	16	0.29
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	12	0.29
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	12	0.29
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	2	0.29
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	8	0.29
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	12	0.29
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	14	0.29
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	20	0.29
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	6	0.29
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	17	0.29
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	20	0.29
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	11	0.29
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	12	0.29
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	1	0.29
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	12	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	13	0.29
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	14	0.29
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	5	0.29
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	8	0.29
(1,1587)	1:41:A:LEU:H	1:43:A:GLY:H	17	0.29
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	2	0.29
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	7	0.29
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	3	0.29
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	3	0.29
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	3	0.29
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	19	0.29
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	19	0.29
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	19	0.29
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	13	0.29
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	18	0.29
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	10	0.29
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	10	0.29
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	19	0.29
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	2	0.29
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	2	0.29
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	2	0.29
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	18	0.29
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	18	0.29
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	18	0.29
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	11	0.29
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	11	0.29
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	11	0.29
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	6	0.29
(1,1434)	1:15:A:GLY:H	1:18:A:ILE:HB	14	0.29
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	15	0.29
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	15	0.29
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	15	0.29
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	15	0.29
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	19	0.29
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	2	0.29
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	8	0.29
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	8	0.29
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	15	0.29
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	15	0.29
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	19	0.29
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	19	0.29
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	13	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	13	0.29
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	13	0.29
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	19	0.29
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	19	0.29
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	19	0.29
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	6	0.29
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	6	0.29
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	6	0.29
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	2	0.29
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	6	0.29
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	9	0.29
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	15	0.29
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	17	0.29
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	13	0.29
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	13	0.29
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	13	0.29
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	10	0.29
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	12	0.29
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	20	0.29
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	11	0.29
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	11	0.29
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	20	0.29
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	20	0.29
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	12	0.29
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	12	0.29
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	12	0.29
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	20	0.29
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	20	0.29
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	20	0.29
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	1	0.29
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	3	0.29
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	19	0.29
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	16	0.29
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	16	0.29
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	16	0.29
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	17	0.29
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	17	0.29
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	17	0.29
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	19	0.29
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	19	0.29
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	19	0.29
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	7	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	9	0.29
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	16	0.29
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	20	0.29
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	10	0.29
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	10	0.29
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	20	0.29
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	4	0.29
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	7	0.29
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	9	0.29
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	11	0.29
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	15	0.29
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	17	0.29
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	18	0.29
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	19	0.29
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	11	0.29
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	5	0.29
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	5	0.29
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	5	0.29
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	14	0.29
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	14	0.29
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	14	0.29
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	3	0.29
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	3	0.29
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	3	0.29
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	3	0.29
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	3	0.29
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	3	0.29
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	11	0.29
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	13	0.29
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	15	0.29
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	8	0.29
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	9	0.29
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	20	0.29
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	13	0.29
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	4	0.29
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	9	0.29
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	13	0.29
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	2	0.29
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	2	0.29
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	2	0.29
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	13	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	2	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	2	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	5	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	5	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	6	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	6	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	11	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	11	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	14	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	14	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	15	0.29
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	15	0.29
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	13	0.29
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	13	0.29
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	13	0.29
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	15	0.29
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	15	0.29
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	15	0.29
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	18	0.29
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	18	0.29
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	18	0.29
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	7	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	1	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	1	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	1	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	2	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	2	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	2	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	11	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	11	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	11	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	13	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	13	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	13	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	18	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	18	0.29
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	18	0.29
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	5	0.29
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	6	0.29
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	9	0.29
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	15	0.29
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	18	0.29
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	18	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	18	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	9	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	9	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	9	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	13	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	13	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	13	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	14	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	14	0.29
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	14	0.29
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	10	0.29
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	11	0.29
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	11	0.29
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	11	0.29
(1,742)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HG	8	0.29
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	9	0.29
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	2	0.29
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	6	0.29
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	11	0.29
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	9	0.29
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	20	0.29
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	20	0.29
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	20	0.29
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	7	0.29
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	7	0.29
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	7	0.29
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	8	0.29
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	18	0.29
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	18	0.29
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	18	0.29
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB2	14	0.29
(1,633)	1:132:A:LEU:H	1:134:A:SER:HB3	14	0.29
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	12	0.29
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	13	0.29
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	13	0.29
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	13	0.29
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	3	0.29
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	8	0.29
(1,525)	1:136:A:ILE:H	1:137:A:THR:HB	20	0.29
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	10	0.29
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	10	0.29
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	10	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	3	0.29
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	3	0.29
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	3	0.29
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	5	0.29
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	5	0.29
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	5	0.29
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	3	0.29
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	3	0.29
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	3	0.29
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	5	0.29
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	5	0.29
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	5	0.29
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	18	0.29
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	18	0.29
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	18	0.29
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	9	0.29
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	9	0.29
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	9	0.29
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	14	0.29
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	18	0.29
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	18	0.29
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	18	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	10	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	10	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	10	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	15	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	15	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	15	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	16	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	16	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	16	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	17	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	17	0.29
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	17	0.29
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	14	0.29
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	20	0.29
(1,335)	1:60:A:ILE:HG21	1:61:A:SER:H	5	0.29
(1,335)	1:60:A:ILE:HG22	1:61:A:SER:H	5	0.29
(1,335)	1:60:A:ILE:HG23	1:61:A:SER:H	5	0.29
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	4	0.29
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	4	0.29
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	4	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	12	0.29
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	12	0.29
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	12	0.29
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	2	0.29
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	10	0.29
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	12	0.29
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	14	0.29
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	9	0.29
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	9	0.29
(1,263)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HG	12	0.29
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	6	0.29
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	16	0.29
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	16	0.29
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	16	0.29
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	3	0.29
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	3	0.29
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	9	0.29
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	12	0.29
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	9	0.29
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	9	0.29
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	9	0.29
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	11	0.29
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	11	0.29
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	11	0.29
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	18	0.29
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	18	0.29
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	18	0.29
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	10	0.29
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	10	0.29
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	10	0.29
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	12	0.29
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	12	0.29
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	12	0.29
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	6	0.29
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	15	0.29
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	15	0.29
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	15	0.29
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	16	0.29
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	16	0.29
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	16	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	12	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	12	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	12	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	15	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	15	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	15	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	16	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	16	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	16	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	20	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	20	0.29
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	20	0.29
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	9	0.29
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	9	0.29
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	9	0.29
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	4	0.29
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	8	0.29
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	15	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	1	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	1	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	1	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	2	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	2	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	2	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	7	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	7	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	7	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	9	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	9	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	9	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	12	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	12	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	12	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	13	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	13	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	13	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	16	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	16	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	16	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	17	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	17	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	17	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	19	0.29
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	19	0.29

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	19	0.29
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	7	0.29
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	17	0.29
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	3	0.29
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	3	0.29
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	3	0.29
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	6	0.29
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	6	0.29
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	6	0.29
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	3	0.29
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	16	0.29
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	1	0.29
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	14	0.28
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	14	0.28
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	14	0.28
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	14	0.28
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	14	0.28
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	14	0.28
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	12	0.28
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	12	0.28
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	12	0.28
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	15	0.28
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	15	0.28
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	15	0.28
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	15	0.28
(4,128)	1:28:A:GLU:HG2	1:36:A:LEU:H	8	0.28
(4,114)	1:74:A:TYR:H	1:75:A:ARG:HA	8	0.28
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	18	0.28
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	18	0.28
(4,83)	1:88:A:ALA:H	1:90:A:GLU:H	12	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	4	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	4	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	4	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	7	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	7	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	7	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	19	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	19	0.28
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	19	0.28
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD2	1	0.28
(4,58)	1:170:A:GLN:H	1:166:A:PHE:HD1	18	0.28
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	4	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	17	0.28
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	17	0.28
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	13	0.28
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	13	0.28
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	13	0.28
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	14	0.28
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	14	0.28
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	14	0.28
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	15	0.28
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	17	0.28
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	17	0.28
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	17	0.28
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	17	0.28
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	17	0.28
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	17	0.28
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	17	0.28
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	17	0.28
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	17	0.28
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	10	0.28
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	10	0.28
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	10	0.28
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	13	0.28
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	13	0.28
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	13	0.28
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	5	0.28
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	5	0.28
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	5	0.28
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	9	0.28
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	9	0.28
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	9	0.28
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB1	12	0.28
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB2	12	0.28
(1,3131)	1:143:A:ASN:HA	1:144:A:ALA:HB3	12	0.28
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	2	0.28
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	2	0.28
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	2	0.28
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	12	0.28
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	12	0.28
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	12	0.28
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	5	0.28
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	10	0.28
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	13	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	13	0.28
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	13	0.28
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	12	0.28
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	12	0.28
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	12	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	1	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	2	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	3	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	4	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	5	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	7	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	8	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	10	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	11	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	12	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	13	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	14	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	15	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	16	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	17	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	18	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	19	0.28
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	20	0.28
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	14	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	6	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	6	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	6	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	9	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	9	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	9	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	11	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	11	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	11	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	20	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	20	0.28
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	20	0.28
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	6	0.28
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	6	0.28
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	6	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	1	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	1	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	1	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	2	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	2	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	2	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	3	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	3	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	3	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	7	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	7	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	7	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	13	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	13	0.28
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	13	0.28
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	10	0.28
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	10	0.28
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	10	0.28
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	3	0.28
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	4	0.28
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	8	0.28
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	8	0.28
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	8	0.28
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	11	0.28
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	11	0.28
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	11	0.28
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	8	0.28
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	4	0.28
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	4	0.28
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	1	0.28
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	1	0.28
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	1	0.28
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	17	0.28
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	17	0.28
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	17	0.28
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	2	0.28
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	2	0.28
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	2	0.28
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	18	0.28
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	18	0.28
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	18	0.28
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	18	0.28
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	18	0.28
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	18	0.28
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	18	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	18	0.28
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	18	0.28
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	6	0.28
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	6	0.28
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	6	0.28
(1,2649)	1:243:A:ARG:HA	1:243:A:ARG:HG2	6	0.28
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	12	0.28
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	12	0.28
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	12	0.28
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG11	20	0.28
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG12	20	0.28
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG13	20	0.28
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG11	20	0.28
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG12	20	0.28
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG13	20	0.28
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG11	20	0.28
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG12	20	0.28
(1,2629)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG13	20	0.28
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	10	0.28
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	7	0.28
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	7	0.28
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	7	0.28
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	13	0.28
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	13	0.28
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	13	0.28
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	18	0.28
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	18	0.28
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	18	0.28
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	13	0.28
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	13	0.28
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	13	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	7	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	7	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	7	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	7	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	7	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	7	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	7	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	7	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	7	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	15	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	15	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	15	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	15	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	15	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	15	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	15	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	15	0.28
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	15	0.28
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	7	0.28
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	7	0.28
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	7	0.28
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	11	0.28
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	11	0.28
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	11	0.28
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	18	0.28
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	18	0.28
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	18	0.28
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	12	0.28
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	13	0.28
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	13	0.28
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	13	0.28
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	19	0.28
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	19	0.28
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	19	0.28
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	4	0.28
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	14	0.28
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	19	0.28
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	19	0.28
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	19	0.28
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	13	0.28
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	7	0.28
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	7	0.28
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	7	0.28
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	20	0.28
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	20	0.28
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	20	0.28
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	12	0.28
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD11	12	0.28
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD12	12	0.28
(1,2369)	1:21:A:LEU:HB3	1:18:A:ILE:HD13	12	0.28
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	18	0.28
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	3	0.28
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	7	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	4	0.28
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	4	0.28
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	4	0.28
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	18	0.28
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	18	0.28
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	18	0.28
(1,2264)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HG3	14	0.28
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	5	0.28
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	5	0.28
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	5	0.28
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	18	0.28
(1,2104)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:HB2	19	0.28
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	6	0.28
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	7	0.28
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	8	0.28
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	13	0.28
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	17	0.28
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	14	0.28
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	14	0.28
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	14	0.28
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	18	0.28
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	18	0.28
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	18	0.28
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	15	0.28
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	15	0.28
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	15	0.28
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	6	0.28
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	6	0.28
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	6	0.28
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	6	0.28
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	6	0.28
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	15	0.28
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	15	0.28
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	15	0.28
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	20	0.28
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	20	0.28
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	20	0.28
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	5	0.28
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	7	0.28
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	2	0.28
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	5	0.28
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	17	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	1	0.28
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	4	0.28
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	19	0.28
(1,1995)	1:36:A:LEU:HG	1:242:A:ASN:HD22	3	0.28
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	13	0.28
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	3	0.28
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	4	0.28
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	11	0.28
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	16	0.28
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	18	0.28
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	18	0.28
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	12	0.28
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	1	0.28
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	6	0.28
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	11	0.28
(1,1825)	1:209:A:PHE:HA	1:211:A:THR:H	1	0.28
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG21	7	0.28
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG22	7	0.28
(1,1822)	1:209:A:PHE:H	1:228:A:VAL:HG23	7	0.28
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	12	0.28
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	1	0.28
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	1	0.28
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	6	0.28
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	3	0.28
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	9	0.28
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	15	0.28
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	17	0.28
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	5	0.28
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	10	0.28
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	16	0.28
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	6	0.28
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	7	0.28
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	2	0.28
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	2	0.28
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	4	0.28
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	4	0.28
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	20	0.28
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	20	0.28
(1,1680)	1:96:A:PHE:H	1:97:A:LYS:HA	19	0.28
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	11	0.28
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	12	0.28
(1,1664)	1:88:A:ALA:H	1:83:A:PHE:HB3	15	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	10	0.28
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	16	0.28
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	8	0.28
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	16	0.28
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	16	0.28
(1,1605)	1:54:A:ASN:H	1:58:A:GLU:HG3	10	0.28
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	11	0.28
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	10	0.28
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	10	0.28
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	10	0.28
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	13	0.28
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	16	0.28
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	17	0.28
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	6	0.28
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	15	0.28
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	15	0.28
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	15	0.28
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	15	0.28
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	3	0.28
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	6	0.28
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	17	0.28
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	12	0.28
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	12	0.28
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	19	0.28
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	19	0.28
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	16	0.28
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	20	0.28
(1,1517)	1:100:A:LYS:H	1:100:A:LYS:HD2	11	0.28
(1,1517)	1:100:A:LYS:H	1:100:A:LYS:HD3	11	0.28
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	5	0.28
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	5	0.28
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	5	0.28
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	6	0.28
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	6	0.28
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	6	0.28
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD11	1:114:A:LEU:H	13	0.28
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD12	1:114:A:LEU:H	13	0.28
(1,1507)	1:114:A:LEU:HD13	1:114:A:LEU:H	13	0.28
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	7	0.28
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	7	0.28
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	7	0.28
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	11	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	2	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	2	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	2	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	10	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	10	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	10	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	13	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	13	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	13	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	16	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	16	0.28
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	16	0.28
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	9	0.28
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	2	0.28
(1,1334)	1:74:A:TYR:H	1:73:A:GLY:H	5	0.28
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	3	0.28
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	3	0.28
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	5	0.28
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	5	0.28
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	15	0.28
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	15	0.28
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	15	0.28
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	9	0.28
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	4	0.28
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	8	0.28
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	10	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	1	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	1	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	1	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	3	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	3	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	3	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	7	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	7	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	7	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	14	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	14	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	14	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	15	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	15	0.28
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	15	0.28
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	2	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	13	0.28
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	16	0.28
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	17	0.28
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB2	6	0.28
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB3	6	0.28
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	14	0.28
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	2	0.28
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	2	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	6	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	6	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	6	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	11	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	11	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	11	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	17	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	17	0.28
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	17	0.28
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	8	0.28
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	4	0.28
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	4	0.28
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	4	0.28
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	18	0.28
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	5	0.28
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	5	0.28
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	9	0.28
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	9	0.28
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	16	0.28
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	16	0.28
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	16	0.28
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	18	0.28
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	1	0.28
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	14	0.28
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	20	0.28
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	8	0.28
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	8	0.28
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	8	0.28
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	15	0.28
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	15	0.28
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	15	0.28
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	20	0.28
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	20	0.28
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	20	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	6	0.28
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	6	0.28
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	6	0.28
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	20	0.28
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	20	0.28
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	20	0.28
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	20	0.28
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	20	0.28
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	20	0.28
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	1	0.28
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	1	0.28
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	1	0.28
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	1	0.28
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	20	0.28
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	6	0.28
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	19	0.28
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	8	0.28
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	8	0.28
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	13	0.28
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	13	0.28
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	7	0.28
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	6	0.28
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	10	0.28
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	1	0.28
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	1	0.28
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	2	0.28
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	8	0.28
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	4	0.28
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	4	0.28
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	5	0.28
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	5	0.28
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	4	0.28
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	16	0.28
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	6	0.28
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	6	0.28
(1,905)	1:225:A:ILE:HG21	1:226:A:THR:H	20	0.28
(1,905)	1:225:A:ILE:HG22	1:226:A:THR:H	20	0.28
(1,905)	1:225:A:ILE:HG23	1:226:A:THR:H	20	0.28
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	3	0.28
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	3	0.28
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	8	0.28
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	8	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	18	0.28
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	18	0.28
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	11	0.28
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	11	0.28
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	11	0.28
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	8	0.28
(1,838)	1:103:A:VAL:HB	1:104:A:THR:H	16	0.28
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	3	0.28
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	3	0.28
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	6	0.28
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	20	0.28
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	12	0.28
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	17	0.28
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	12	0.28
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	14	0.28
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	2	0.28
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	19	0.28
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	4	0.28
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	4	0.28
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	4	0.28
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	14	0.28
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	14	0.28
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	14	0.28
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	19	0.28
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	19	0.28
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	19	0.28
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	14	0.28
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	14	0.28
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	14	0.28
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	19	0.28
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	19	0.28
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	19	0.28
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	3	0.28
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	3	0.28
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	3	0.28
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	8	0.28
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	8	0.28
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	8	0.28
(1,620)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG3	15	0.28
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	1	0.28
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	1	0.28
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	19	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	19	0.28
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	15	0.28
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	8	0.28
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	8	0.28
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	2	0.28
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	2	0.28
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	2	0.28
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	1	0.28
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	1	0.28
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	1	0.28
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	4	0.28
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	4	0.28
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	4	0.28
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	11	0.28
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	11	0.28
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	11	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	1	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	1	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	1	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	2	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	2	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	2	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	6	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	6	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	6	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	8	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	8	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	8	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	9	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	9	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	9	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	11	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	11	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	11	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	12	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	12	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	12	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	15	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	15	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	15	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	16	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	16	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	16	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	17	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	17	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	17	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	19	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	19	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	19	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	20	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	20	0.28
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	20	0.28
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	18	0.28
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	18	0.28
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	18	0.28
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	2	0.28
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	2	0.28
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	2	0.28
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	1	0.28
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	7	0.28
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	8	0.28
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	2	0.28
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	13	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	2	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	2	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	5	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	5	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	8	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	8	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	10	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	10	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	18	0.28
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	18	0.28
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	10	0.28
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	7	0.28
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	7	0.28
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	7	0.28
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	8	0.28
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	8	0.28
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	8	0.28
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	11	0.28
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	17	0.28
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	11	0.28
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	11	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	11	0.28
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	2	0.28
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	2	0.28
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	2	0.28
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	3	0.28
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	3	0.28
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	3	0.28
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	5	0.28
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	7	0.28
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	7	0.28
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	7	0.28
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	15	0.28
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	15	0.28
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	15	0.28
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	16	0.28
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	16	0.28
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	16	0.28
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	4	0.28
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	4	0.28
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	9	0.28
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	9	0.28
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	7	0.28
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	7	0.28
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	7	0.28
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	9	0.28
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	9	0.28
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	9	0.28
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	19	0.28
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	19	0.28
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	19	0.28
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	2	0.28
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	3	0.28
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	3	0.28
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	3	0.28
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	3	0.28
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	9	0.28
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG21	8	0.28
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG22	8	0.28
(1,97)	1:34:A:ILE:H	1:34:A:ILE:HG23	8	0.28
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	8	0.28
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	12	0.28
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	16	0.28

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	20	0.28
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	20	0.28
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	20	0.28
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	20	0.28
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	15	0.28
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	20	0.28
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	2	0.28
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	18	0.28
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	4	0.28
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	4	0.28
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	4	0.28
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	9	0.28
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	9	0.28
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	9	0.28
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	18	0.28
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	18	0.28
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	18	0.28
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	17	0.28
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	3	0.27
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	3	0.27
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	3	0.27
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	8	0.27
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	8	0.27
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	8	0.27
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	9	0.27
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	9	0.27
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	9	0.27
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	6	0.27
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	6	0.27
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	6	0.27
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	6	0.27
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	19	0.27
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	19	0.27
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	19	0.27
(4,159)	1:179:A:PHE:HD1	1:129:A:LEU:H	12	0.27
(4,159)	1:179:A:PHE:HD2	1:129:A:LEU:H	12	0.27
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	14	0.27
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	14	0.27
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	14	0.27
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	2	0.27
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	2	0.27
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	2	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG11	5	0.27
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG12	5	0.27
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG13	5	0.27
(4,23)	1:150:A:ALA:H	1:147:A:ALA:HA	18	0.27
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	4	0.27
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	4	0.27
(4,4)	1:95:A:VAL:HG11	1:96:A:PHE:H	6	0.27
(4,4)	1:95:A:VAL:HG12	1:96:A:PHE:H	6	0.27
(4,4)	1:95:A:VAL:HG13	1:96:A:PHE:H	6	0.27
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	4	0.27
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	4	0.27
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	4	0.27
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	2	0.27
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	2	0.27
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	2	0.27
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	8	0.27
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	8	0.27
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	8	0.27
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	9	0.27
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	9	0.27
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	9	0.27
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	4	0.27
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	4	0.27
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	4	0.27
(1,3208)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HB2	5	0.27
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	2	0.27
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	2	0.27
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	2	0.27
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	8	0.27
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	8	0.27
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	8	0.27
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	20	0.27
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	20	0.27
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	20	0.27
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	13	0.27
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	15	0.27
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	1	0.27
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	1	0.27
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	1	0.27
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	20	0.27
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	20	0.27
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	20	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	6	0.27
(1,3040)	1:104:A:THR:HA	1:104:A:THR:HB	9	0.27
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	3	0.27
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	7	0.27
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	16	0.27
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	20	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	2	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	2	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	2	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	7	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	7	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	7	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	12	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	12	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	12	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	17	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	17	0.27
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	17	0.27
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	8	0.27
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	9	0.27
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	19	0.27
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	19	0.27
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	19	0.27
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	15	0.27
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	15	0.27
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	15	0.27
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	5	0.27
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	4	0.27
(1,2839)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HA	13	0.27
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	1	0.27
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	1	0.27
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	1	0.27
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	6	0.27
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	6	0.27
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	6	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	6	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	6	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	10	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	10	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	11	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	11	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	13	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	13	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	16	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	16	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	20	0.27
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	20	0.27
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	17	0.27
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	10	0.27
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	10	0.27
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	10	0.27
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	20	0.27
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	20	0.27
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	20	0.27
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	15	0.27
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	15	0.27
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	15	0.27
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	1	0.27
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	3	0.27
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	4	0.27
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	7	0.27
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	9	0.27
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	10	0.27
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	16	0.27
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	19	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	9	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	9	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	9	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	9	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	9	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	9	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	9	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	9	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	9	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	17	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	17	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	17	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	17	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	17	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	17	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	17	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	17	0.27
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	17	0.27
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	7	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	7	0.27
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	7	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	7	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	7	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	7	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	7	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	7	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	7	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	18	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	18	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	18	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	18	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	18	0.27
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	18	0.27
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD11	1:223:A:VAL:H	13	0.27
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD12	1:223:A:VAL:H	13	0.27
(1,2632)	1:216:A:ILE:HD13	1:223:A:VAL:H	13	0.27
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	12	0.27
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	12	0.27
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	12	0.27
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	20	0.27
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	20	0.27
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	20	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	1	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	1	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	1	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	3	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	3	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	3	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	15	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	15	0.27
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	15	0.27
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	13	0.27
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	13	0.27
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	13	0.27
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	5	0.27
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB1	1	0.27
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB2	1	0.27
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB3	1	0.27
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB1	2	0.27
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB2	2	0.27
(1,2538)	1:247:A:ALA:H	1:247:A:ALA:HB3	2	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	17	0.27
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	17	0.27
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	17	0.27
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	17	0.27
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	17	0.27
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	17	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	1	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	1	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	3	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	3	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	6	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	6	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	9	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	9	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	15	0.27
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	15	0.27
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	3	0.27
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	3	0.27
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	3	0.27
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG21	1:199:A:ILE:H	17	0.27
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG22	1:199:A:ILE:H	17	0.27
(1,2455)	1:199:A:ILE:HG23	1:199:A:ILE:H	17	0.27
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	6	0.27
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	6	0.27
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	6	0.27
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	2	0.27
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	5	0.27
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	10	0.27
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	19	0.27
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	2	0.27
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	2	0.27
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	2	0.27
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	16	0.27
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	16	0.27
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	16	0.27
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	15	0.27
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	15	0.27
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	15	0.27
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	2	0.27
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	2	0.27
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	2	0.27
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	4	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	4	0.27
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	4	0.27
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	15	0.27
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	15	0.27
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	15	0.27
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	1	0.27
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	1	0.27
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	5	0.27
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	5	0.27
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	15	0.27
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	15	0.27
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	9	0.27
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	1	0.27
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	4	0.27
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	12	0.27
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	19	0.27
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	7	0.27
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	7	0.27
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	7	0.27
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	14	0.27
(1,2230)	1:177:A:LYS:HB2	1:177:A:LYS:HD2	3	0.27
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	3	0.27
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	3	0.27
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	3	0.27
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	7	0.27
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	7	0.27
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	7	0.27
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	13	0.27
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	13	0.27
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	13	0.27
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	7	0.27
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	15	0.27
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	3	0.27
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	12	0.27
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	16	0.27
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	18	0.27
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	11	0.27
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	11	0.27
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	11	0.27
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	16	0.27
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	16	0.27
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	16	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	19	0.27
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	19	0.27
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	19	0.27
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	1	0.27
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	4	0.27
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	14	0.27
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	16	0.27
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	19	0.27
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	17	0.27
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	13	0.27
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	7	0.27
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	7	0.27
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	15	0.27
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	1	0.27
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	6	0.27
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	12	0.27
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	8	0.27
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	8	0.27
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	8	0.27
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	13	0.27
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	13	0.27
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	13	0.27
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	2	0.27
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	14	0.27
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	8	0.27
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	9	0.27
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	10	0.27
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	11	0.27
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	14	0.27
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	1	0.27
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	4	0.27
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	5	0.27
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	18	0.27
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	5	0.27
(1,1734)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:H	20	0.27
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	7	0.27
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	13	0.27
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	3	0.27
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	6	0.27
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	15	0.27
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	7	0.27
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	7	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	14	0.27
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	14	0.27
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	16	0.27
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	16	0.27
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	9	0.27
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	11	0.27
(1,1664)	1:88:A:ALA:H	1:83:A:PHE:HB3	12	0.27
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	4	0.27
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	15	0.27
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	3	0.27
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	4	0.27
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	20	0.27
(1,1589)	1:45:A:GLN:H	1:42:A:PRO:HD3	7	0.27
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	1	0.27
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	12	0.27
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	12	0.27
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	12	0.27
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	18	0.27
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	18	0.27
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	18	0.27
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	1	0.27
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	11	0.27
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	14	0.27
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	15	0.27
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	19	0.27
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	16	0.27
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	16	0.27
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	11	0.27
(1,1504)	1:123:A:GLU:H	1:123:A:GLU:HG3	8	0.27
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	6	0.27
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	6	0.27
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	6	0.27
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	15	0.27
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	15	0.27
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	15	0.27
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	20	0.27
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	20	0.27
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	20	0.27
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	6	0.27
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	7	0.27
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD11	5	0.27
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD12	5	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1425)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HD13	5	0.27
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	20	0.27
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	7	0.27
(1,1355)	1:32:A:TYR:HD1	1:31:A:LEU:H	20	0.27
(1,1355)	1:32:A:TYR:HD2	1:31:A:LEU:H	20	0.27
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	14	0.27
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	16	0.27
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	18	0.27
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	18	0.27
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	5	0.27
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	5	0.27
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	5	0.27
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	2	0.27
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	2	0.27
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	2	0.27
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	3	0.27
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	3	0.27
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	3	0.27
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	13	0.27
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	13	0.27
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	13	0.27
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG11	1:163:A:ARG:H	20	0.27
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG12	1:163:A:ARG:H	20	0.27
(1,1276)	1:69:A:VAL:HG13	1:163:A:ARG:H	20	0.27
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	6	0.27
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	1	0.27
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	7	0.27
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	11	0.27
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	19	0.27
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	20	0.27
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	9	0.27
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	9	0.27
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	9	0.27
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	8	0.27
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	15	0.27
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	9	0.27
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	16	0.27
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG21	1:157:A:SER:H	5	0.27
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG22	1:157:A:SER:H	5	0.27
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG23	1:157:A:SER:H	5	0.27
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	4	0.27
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	4	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	12	0.27
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	12	0.27
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD1	15	0.27
(1,1170)	1:142:A:TYR:H	1:140:A:PHE:HD2	15	0.27
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	14	0.27
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	14	0.27
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	14	0.27
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	18	0.27
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	18	0.27
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	18	0.27
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	6	0.27
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	10	0.27
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	14	0.27
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	1	0.27
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	1	0.27
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	1	0.27
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	12	0.27
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	19	0.27
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	12	0.27
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	7	0.27
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	7	0.27
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	7	0.27
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	12	0.27
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	12	0.27
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	12	0.27
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	14	0.27
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	14	0.27
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	14	0.27
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	17	0.27
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	17	0.27
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	1	0.27
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	16	0.27
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	1	0.27
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	1	0.27
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	1	0.27
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	19	0.27
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	19	0.27
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	19	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	12	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	12	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	12	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	15	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	15	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	15	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	17	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	17	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	17	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	19	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	19	0.27
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	19	0.27
(1,1033)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB2	1	0.27
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	3	0.27
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	3	0.27
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	3	0.27
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	2	0.27
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	13	0.27
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	13	0.27
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	13	0.27
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	12	0.27
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	18	0.27
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	7	0.27
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	9	0.27
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	17	0.27
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	10	0.27
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	10	0.27
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	16	0.27
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	16	0.27
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	5	0.27
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	11	0.27
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	3	0.27
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	3	0.27
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	12	0.27
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	12	0.27
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	20	0.27
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	20	0.27
(1,883)	1:137:A:THR:H	1:54:A:ASN:HD22	11	0.27
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	13	0.27
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	13	0.27
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	16	0.27
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	16	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	2	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	2	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	2	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	3	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	3	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	3	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	7	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	7	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	7	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	10	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	10	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	10	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	13	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	13	0.27
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	13	0.27
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	5	0.27
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	5	0.27
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	5	0.27
(1,853)	1:71:A:VAL:HG21	1:72:A:MET:H	15	0.27
(1,853)	1:71:A:VAL:HG22	1:72:A:MET:H	15	0.27
(1,853)	1:71:A:VAL:HG23	1:72:A:MET:H	15	0.27
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	8	0.27
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	8	0.27
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	8	0.27
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	2	0.27
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	13	0.27
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	18	0.27
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	18	0.27
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	2	0.27
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	2	0.27
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	2	0.27
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	4	0.27
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	4	0.27
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	4	0.27
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	6	0.27
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	6	0.27
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	6	0.27
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	3	0.27
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	5	0.27
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	7	0.27
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	19	0.27
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	7	0.27
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	17	0.27
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	19	0.27
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	7	0.27
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	7	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	7	0.27
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	17	0.27
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	2	0.27
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	2	0.27
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	2	0.27
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	7	0.27
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	7	0.27
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	7	0.27
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	10	0.27
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	10	0.27
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	10	0.27
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	6	0.27
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	15	0.27
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	16	0.27
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	16	0.27
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	16	0.27
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	6	0.27
(1,448)	1:103:A:VAL:H	1:80:A:SER:H	3	0.27
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	14	0.27
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	14	0.27
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	15	0.27
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	15	0.27
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	20	0.27
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	20	0.27
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	7	0.27
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	7	0.27
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	7	0.27
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	15	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	3	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	3	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	3	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	4	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	4	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	4	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	10	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	10	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	10	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	13	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	13	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	13	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	14	0.27
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	14	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	14	0.27
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	1	0.27
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	1	0.27
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	1	0.27
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	4	0.27
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	4	0.27
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	4	0.27
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	10	0.27
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	3	0.27
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	3	0.27
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	3	0.27
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	5	0.27
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	19	0.27
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	11	0.27
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	11	0.27
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	14	0.27
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	14	0.27
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	15	0.27
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	15	0.27
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	15	0.27
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	7	0.27
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	8	0.27
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	17	0.27
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	20	0.27
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	20	0.27
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	20	0.27
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	1	0.27
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	1	0.27
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	11	0.27
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	11	0.27
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	17	0.27
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	17	0.27
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	2	0.27
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	7	0.27
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	14	0.27
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	2	0.27
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	14	0.27
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	14	0.27
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	14	0.27
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	17	0.27
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	17	0.27
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	17	0.27

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	19	0.27
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	19	0.27
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	19	0.27
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	14	0.27
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	10	0.27
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	2	0.27
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	2	0.27
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	2	0.27
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	4	0.27
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	4	0.27
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	4	0.27
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	6	0.27
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	4	0.27
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	4	0.27
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	4	0.27
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	20	0.27
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	20	0.27
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	20	0.27
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	2	0.27
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	16	0.27
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	4	0.27
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	9	0.27
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	18	0.27
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	14	0.27
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	13	0.27
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	13	0.27
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	13	0.27
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	16	0.26
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	16	0.26
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	16	0.26
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	16	0.26
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	16	0.26
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	16	0.26
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	19	0.26
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	19	0.26
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	19	0.26
(4,252)	1:36:A:LEU:HD21	1:29:A:ARG:HD3	18	0.26
(4,252)	1:36:A:LEU:HD22	1:29:A:ARG:HD3	18	0.26
(4,252)	1:36:A:LEU:HD23	1:29:A:ARG:HD3	18	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	2	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	2	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	2	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	6	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	6	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	6	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	10	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	10	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	10	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	15	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	15	0.26
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	15	0.26
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	12	0.26
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	12	0.26
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	12	0.26
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	17	0.26
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	17	0.26
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	17	0.26
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	16	0.26
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	16	0.26
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	19	0.26
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	19	0.26
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	20	0.26
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	20	0.26
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	20	0.26
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	20	0.26
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	20	0.26
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	20	0.26
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	20	0.26
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	20	0.26
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	1	0.26
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	1	0.26
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	1	0.26
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	7	0.26
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	7	0.26
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	7	0.26
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	20	0.26
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	20	0.26
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	20	0.26
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	7	0.26
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	5	0.26
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	5	0.26
(1,3226)	1:243:A:ARG:HA	1:243:A:ARG:HG3	2	0.26
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	3	0.26
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	3	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	3	0.26
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	6	0.26
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	6	0.26
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	6	0.26
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	17	0.26
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	17	0.26
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	17	0.26
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	15	0.26
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	15	0.26
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	15	0.26
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	16	0.26
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	16	0.26
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	16	0.26
(1,3141)	1:139:A:LEU:HG	1:151:A:LEU:HG	19	0.26
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	2	0.26
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG21	1:54:A:ASN:HD22	20	0.26
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG22	1:54:A:ASN:HD22	20	0.26
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG23	1:54:A:ASN:HD22	20	0.26
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	3	0.26
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	3	0.26
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	1	0.26
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	2	0.26
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	8	0.26
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	1	0.26
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	1	0.26
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	1	0.26
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	5	0.26
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	5	0.26
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	5	0.26
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	13	0.26
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	13	0.26
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	13	0.26
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	6	0.26
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	13	0.26
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	13	0.26
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	13	0.26
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	20	0.26
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	20	0.26
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	20	0.26
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	13	0.26
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	13	0.26
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	13	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	7	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	5	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	5	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	5	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	9	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	9	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	9	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	12	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	12	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	12	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	17	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	17	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	17	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	19	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	19	0.26
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	19	0.26
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	12	0.26
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	12	0.26
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	19	0.26
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	19	0.26
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	6	0.26
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	6	0.26
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	6	0.26
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	14	0.26
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	14	0.26
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	14	0.26
(1,2742)	1:221:A:GLN:HG3	1:223:A:VAL:HG11	10	0.26
(1,2742)	1:221:A:GLN:HG3	1:223:A:VAL:HG12	10	0.26
(1,2742)	1:221:A:GLN:HG3	1:223:A:VAL:HG13	10	0.26
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	12	0.26
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	14	0.26
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	10	0.26
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	10	0.26
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	10	0.26
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	6	0.26
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	6	0.26
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	6	0.26
(1,2677)	1:19:A:SER:HB2	1:16:A:VAL:HA	2	0.26
(1,2663)	1:100:A:LYS:HG3	1:100:A:LYS:HE2	11	0.26
(1,2663)	1:100:A:LYS:HG3	1:100:A:LYS:HE3	11	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	1	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	1	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	1	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	1	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	1	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	1	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	16	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	16	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	16	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	16	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	16	0.26
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	16	0.26
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	18	0.26
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	4	0.26
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	4	0.26
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	4	0.26
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	12	0.26
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	12	0.26
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	12	0.26
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	14	0.26
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	14	0.26
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	14	0.26
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	5	0.26
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	5	0.26
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	5	0.26
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	18	0.26
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	14	0.26
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	14	0.26
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	14	0.26
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	14	0.26
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	4	0.26
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	4	0.26
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	17	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	1	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	1	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	1	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	1	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	1	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	1	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	13	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	13	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	13	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	13	0.26
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	13	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	13	0.26
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	2	0.26
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	2	0.26
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	4	0.26
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	4	0.26
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	12	0.26
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	12	0.26
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	18	0.26
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	18	0.26
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	1	0.26
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	1	0.26
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	1	0.26
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	16	0.26
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	16	0.26
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	16	0.26
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	8	0.26
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	8	0.26
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	8	0.26
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	11	0.26
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	11	0.26
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	11	0.26
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	5	0.26
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	5	0.26
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	5	0.26
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	3	0.26
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	17	0.26
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	10	0.26
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	10	0.26
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	10	0.26
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	2	0.26
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	15	0.26
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	20	0.26
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	8	0.26
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	8	0.26
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	8	0.26
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	13	0.26
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	13	0.26
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	13	0.26
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	14	0.26
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	14	0.26
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	14	0.26
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	5	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	13	0.26
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	15	0.26
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	18	0.26
(1,2276)	1:97:A:LYS:HA	1:97:A:LYS:HG2	19	0.26
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	6	0.26
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	6	0.26
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	6	0.26
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	17	0.26
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	17	0.26
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	17	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	10	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	10	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	10	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	17	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	17	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	17	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	19	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	19	0.26
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	19	0.26
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	16	0.26
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	6	0.26
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	6	0.26
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	6	0.26
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB1	1:197:A:LYS:H	10	0.26
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB2	1:197:A:LYS:H	10	0.26
(1,2088)	1:194:A:ALA:HB3	1:197:A:LYS:H	10	0.26
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	9	0.26
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	9	0.26
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	12	0.26
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	20	0.26
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	12	0.26
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	19	0.26
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD1	1:30:A:LYS:H	9	0.26
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD2	1:30:A:LYS:H	9	0.26
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	4	0.26
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	9	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	1	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	1	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	1	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	1	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	1	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	1	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	4	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	4	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	4	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	4	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	4	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	4	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	8	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	8	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	8	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	8	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	8	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	8	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	11	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	11	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	11	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	11	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	11	0.26
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	11	0.26
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	8	0.26
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	14	0.26
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	15	0.26
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	10	0.26
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	10	0.26
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	10	0.26
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	20	0.26
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	20	0.26
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	20	0.26
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	19	0.26
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	9	0.26
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	8	0.26
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	17	0.26
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	20	0.26
(1,1825)	1:209:A:PHE:HA	1:211:A:THR:H	3	0.26
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	12	0.26
(1,1790)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HA	7	0.26
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	11	0.26
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	11	0.26
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	1	0.26
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	4	0.26
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	14	0.26
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	17	0.26
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	19	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	4	0.26
(1,1746)	1:150:A:ALA:H	1:139:A:LEU:HG	12	0.26
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	11	0.26
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	9	0.26
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	19	0.26
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	20	0.26
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	2	0.26
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	6	0.26
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	11	0.26
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	13	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	1	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	1	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	3	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	3	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	9	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	9	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	12	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	12	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	13	0.26
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	13	0.26
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	14	0.26
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	19	0.26
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	5	0.26
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	18	0.26
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	3	0.26
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	11	0.26
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	12	0.26
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	14	0.26
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	1	0.26
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	5	0.26
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	6	0.26
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	13	0.26
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	4	0.26
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	9	0.26
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	17	0.26
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	7	0.26
(1,1571)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HG2	17	0.26
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	13	0.26
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	13	0.26
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	13	0.26
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	9	0.26
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	9	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	9	0.26
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	17	0.26
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	17	0.26
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	13	0.26
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	8	0.26
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	8	0.26
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	8	0.26
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	9	0.26
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	9	0.26
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	9	0.26
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	12	0.26
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	5	0.26
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	14	0.26
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	17	0.26
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	13	0.26
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	18	0.26
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	18	0.26
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	18	0.26
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	8	0.26
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	11	0.26
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	16	0.26
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	8	0.26
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	11	0.26
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	14	0.26
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	1	0.26
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	4	0.26
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	1	0.26
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	1	0.26
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	4	0.26
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	4	0.26
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	4	0.26
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	4	0.26
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	4	0.26
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	12	0.26
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	12	0.26
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	12	0.26
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	16	0.26
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	16	0.26
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	16	0.26
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	6	0.26
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	7	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	3	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	3	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	3	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	7	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	7	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	7	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	9	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	9	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	9	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	10	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	10	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	10	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	13	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	13	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	13	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	19	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	19	0.26
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	19	0.26
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	7	0.26
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	16	0.26
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	18	0.26
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	8	0.26
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	8	0.26
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	8	0.26
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	13	0.26
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	13	0.26
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	13	0.26
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	1	0.26
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	11	0.26
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	14	0.26
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	15	0.26
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	4	0.26
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	4	0.26
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	4	0.26
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	6	0.26
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	6	0.26
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	6	0.26
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	7	0.26
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	7	0.26
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	12	0.26
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	7	0.26
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	7	0.26
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	7	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	9	0.26
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	9	0.26
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	9	0.26
(1,1063)	1:76:A:ALA:H	1:75:A:ARG:HD2	3	0.26
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	9	0.26
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	9	0.26
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	9	0.26
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	10	0.26
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	10	0.26
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	10	0.26
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	14	0.26
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	14	0.26
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	14	0.26
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	6	0.26
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	8	0.26
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	16	0.26
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	19	0.26
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	19	0.26
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	19	0.26
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	10	0.26
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	19	0.26
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	8	0.26
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	20	0.26
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	11	0.26
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	6	0.26
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	10	0.26
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	17	0.26
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	19	0.26
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	13	0.26
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	13	0.26
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	14	0.26
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	9	0.26
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	9	0.26
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	17	0.26
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	17	0.26
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	9	0.26
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	9	0.26
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	9	0.26
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	1	0.26
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	1	0.26
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	1	0.26
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	8	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	8	0.26
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	8	0.26
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	1	0.26
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	1	0.26
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	1	0.26
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	2	0.26
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	9	0.26
(1,856)	1:222:A:ARG:H	1:223:A:VAL:H	15	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	5	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	5	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	5	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	6	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	6	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	6	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	15	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	15	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	15	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	19	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	19	0.26
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	19	0.26
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	5	0.26
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	10	0.26
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	10	0.26
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	13	0.26
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	16	0.26
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	5	0.26
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	6	0.26
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	5	0.26
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	20	0.26
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	20	0.26
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	20	0.26
(1,677)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:HD2	4	0.26
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	17	0.26
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	17	0.26
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	17	0.26
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	17	0.26
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	17	0.26
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	17	0.26
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	3	0.26
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	19	0.26
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	2	0.26
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	19	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	18	0.26
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	18	0.26
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	5	0.26
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	11	0.26
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	11	0.26
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	16	0.26
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	16	0.26
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	4	0.26
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	4	0.26
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	4	0.26
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	5	0.26
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	5	0.26
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	5	0.26
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	4	0.26
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	4	0.26
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	4	0.26
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	17	0.26
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	17	0.26
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	17	0.26
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	12	0.26
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	12	0.26
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	12	0.26
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	8	0.26
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	8	0.26
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	8	0.26
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	13	0.26
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	13	0.26
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	13	0.26
(1,362)	1:136:A:ILE:HG21	1:55:A:TYR:H	8	0.26
(1,362)	1:136:A:ILE:HG22	1:55:A:TYR:H	8	0.26
(1,362)	1:136:A:ILE:HG23	1:55:A:TYR:H	8	0.26
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	5	0.26
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	5	0.26
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	5	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	3	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	3	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	3	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	6	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	6	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	6	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	12	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	12	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	12	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	14	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	14	0.26
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	14	0.26
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	1	0.26
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	4	0.26
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	4	0.26
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	4	0.26
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	6	0.26
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	6	0.26
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	6	0.26
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	8	0.26
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	8	0.26
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	8	0.26
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	19	0.26
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	19	0.26
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	19	0.26
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	6	0.26
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	6	0.26
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	6	0.26
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	11	0.26
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	15	0.26
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	20	0.26
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	20	0.26
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	1	0.26
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	9	0.26
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	14	0.26
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	16	0.26
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	9	0.26
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	9	0.26
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	9	0.26
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	18	0.26
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	18	0.26
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	18	0.26
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	6	0.26
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	6	0.26
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	12	0.26
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	12	0.26
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	3	0.26
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	4	0.26
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	4	0.26
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	16	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	1	0.26
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	1	0.26
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	1	0.26
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	12	0.26
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	12	0.26
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	12	0.26
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	8	0.26
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	8	0.26
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	8	0.26
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	5	0.26
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	5	0.26
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	5	0.26
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	14	0.26
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	14	0.26
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	14	0.26
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	20	0.26
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	20	0.26
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	20	0.26
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	1	0.26
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	20	0.26
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	3	0.26
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	14	0.26
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	14	0.26
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	14	0.26
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	6	0.26
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	18	0.26
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	18	0.26
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	18	0.26
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	8	0.26
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	8	0.26
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	8	0.26
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	13	0.26
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	13	0.26
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	13	0.26
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	14	0.26
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	14	0.26
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	17	0.26
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	17	0.26
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	3	0.26
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	3	0.26
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	3	0.26
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	16	0.26

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	18	0.26
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	19	0.26
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	19	0.26
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	19	0.26
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	13	0.26
(1,101)	1:110:A:ASN:H	1:108:A:SER:HA	20	0.26
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	5	0.26
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	5	0.26
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	5	0.26
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	14	0.26
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	14	0.26
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	14	0.26
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	15	0.26
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	15	0.26
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	15	0.26
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	14	0.26
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	19	0.26
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	9	0.26
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	11	0.26
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	19	0.26
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	19	0.26
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	19	0.26
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	20	0.26
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	20	0.26
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	20	0.26
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	14	0.26
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	16	0.25
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	16	0.25
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	16	0.25
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	10	0.25
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	10	0.25
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	10	0.25
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	17	0.25
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	17	0.25
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	17	0.25
(4,263)	1:185:A:ILE:H	1:182:A:SER:HB2	9	0.25
(4,252)	1:36:A:LEU:HD21	1:29:A:ARG:HD3	4	0.25
(4,252)	1:36:A:LEU:HD22	1:29:A:ARG:HD3	4	0.25
(4,252)	1:36:A:LEU:HD23	1:29:A:ARG:HD3	4	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	1	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	1	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	1	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	7	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	7	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	7	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	11	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	11	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	11	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	14	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	14	0.25
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	14	0.25
(4,238)	1:173:A:LYS:HE2	1:173:A:LYS:HG3	2	0.25
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG3	2	0.25
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG2	2	0.25
(4,233)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:PHE:HZ	17	0.25
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	17	0.25
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	19	0.25
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	13	0.25
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	13	0.25
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	15	0.25
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	15	0.25
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	13	0.25
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	1	0.25
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	19	0.25
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	19	0.25
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	19	0.25
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	16	0.25
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	16	0.25
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	16	0.25
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	12	0.25
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	12	0.25
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	12	0.25
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	15	0.25
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	15	0.25
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	15	0.25
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	17	0.25
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	12	0.25
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	12	0.25
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	12	0.25
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	12	0.25
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	12	0.25
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	12	0.25
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	12	0.25
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	12	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	12	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	1	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	1	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	1	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	9	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	9	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	9	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	12	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	12	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	12	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	19	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	19	0.25
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	19	0.25
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	11	0.25
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	15	0.25
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	15	0.25
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	15	0.25
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	7	0.25
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	5	0.25
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	5	0.25
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	5	0.25
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	6	0.25
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	6	0.25
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	6	0.25
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	7	0.25
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	7	0.25
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	7	0.25
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	4	0.25
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	18	0.25
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	4	0.25
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	4	0.25
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	4	0.25
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	15	0.25
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	15	0.25
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	15	0.25
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	16	0.25
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	16	0.25
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	16	0.25
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	11	0.25
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	11	0.25
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	11	0.25
(1,2916)	1:50:A:ILE:HG12	1:62:A:VAL:HB	19	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB1	1:47:A:TYR:HA	16	0.25
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB2	1:47:A:TYR:HA	16	0.25
(1,2902)	1:48:A:ALA:HB3	1:47:A:TYR:HA	16	0.25
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	13	0.25
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	18	0.25
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	19	0.25
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	1	0.25
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	13	0.25
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	4	0.25
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	4	0.25
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	4	0.25
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	14	0.25
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	14	0.25
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	14	0.25
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	20	0.25
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	20	0.25
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	20	0.25
(1,2786)	1:6:A:LEU:H	1:6:A:LEU:HG	9	0.25
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	7	0.25
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	7	0.25
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	7	0.25
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	12	0.25
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	12	0.25
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	12	0.25
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	13	0.25
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	13	0.25
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	13	0.25
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	15	0.25
(1,2729)	1:244:A:ASN:HA	1:244:A:ASN:HB2	18	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	5	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	5	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	5	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	15	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	15	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	15	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	16	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	16	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	16	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	17	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	17	0.25
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	17	0.25
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	19	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	19	0.25
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	19	0.25
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	9	0.25
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	9	0.25
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	9	0.25
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	12	0.25
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	12	0.25
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	12	0.25
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	3	0.25
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	3	0.25
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	3	0.25
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	18	0.25
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	18	0.25
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	18	0.25
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	1	0.25
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	1	0.25
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	1	0.25
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	1	0.25
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	1	0.25
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	1	0.25
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	1	0.25
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	1	0.25
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	1	0.25
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	19	0.25
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	19	0.25
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	19	0.25
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	18	0.25
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	18	0.25
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	11	0.25
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	14	0.25
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	14	0.25
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	14	0.25
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	11	0.25
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	11	0.25
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	3	0.25
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	3	0.25
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	3	0.25
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	4	0.25
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	4	0.25
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	4	0.25
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	5	0.25
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	5	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	5	0.25
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	20	0.25
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	13	0.25
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	13	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	1	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	1	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	1	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	2	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	2	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	2	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	7	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	7	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	7	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	13	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	13	0.25
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	13	0.25
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	3	0.25
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	9	0.25
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	9	0.25
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	9	0.25
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	16	0.25
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	16	0.25
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	16	0.25
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	17	0.25
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	17	0.25
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	17	0.25
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	18	0.25
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	18	0.25
(1,2277)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	18	0.25
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	9	0.25
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	9	0.25
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	9	0.25
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	2	0.25
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	2	0.25
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	2	0.25
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	2	0.25
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	2	0.25
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	2	0.25
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	2	0.25
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	2	0.25
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	2	0.25
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	16	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	16	0.25
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	16	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	2	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	2	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	2	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	8	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	8	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	8	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	12	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	12	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	12	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	14	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	14	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	14	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	20	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	20	0.25
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	20	0.25
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	16	0.25
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	16	0.25
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	16	0.25
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	2	0.25
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	2	0.25
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	2	0.25
(1,2136)	1:39:A:SER:HA	1:242:A:ASN:H	16	0.25
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	12	0.25
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	16	0.25
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	2	0.25
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	10	0.25
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	15	0.25
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	16	0.25
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	16	0.25
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	16	0.25
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB2	4	0.25
(1,2076)	1:136:A:ILE:H	1:134:A:SER:HB3	4	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	4	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	4	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	4	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	7	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	7	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	7	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	9	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	9	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	9	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	10	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	10	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	10	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	12	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	12	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	12	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	17	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	17	0.25
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	17	0.25
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	2	0.25
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	3	0.25
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	6	0.25
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	9	0.25
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	13	0.25
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	3	0.25
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	3	0.25
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	3	0.25
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	3	0.25
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	13	0.25
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	10	0.25
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	13	0.25
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	13	0.25
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	2	0.25
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	17	0.25
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	7	0.25
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	7	0.25
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	7	0.25
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	7	0.25
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	6	0.25
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	17	0.25
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	11	0.25
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	16	0.25
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	2	0.25
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	16	0.25
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	4	0.25
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	6	0.25
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	6	0.25
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	13	0.25
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	12	0.25
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG21	1:189:A:GLU:H	2	0.25
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG22	1:189:A:GLU:H	2	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG23	1:189:A:GLU:H	2	0.25
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	13	0.25
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	13	0.25
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	13	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	2	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	3	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	7	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	9	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	10	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	11	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	13	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	16	0.25
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	20	0.25
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	14	0.25
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	16	0.25
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	7	0.25
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	8	0.25
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	2	0.25
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	9	0.25
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	12	0.25
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	15	0.25
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	9	0.25
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	6	0.25
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	6	0.25
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	16	0.25
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	17	0.25
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	18	0.25
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	9	0.25
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	1	0.25
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	2	0.25
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	6	0.25
(1,1664)	1:88:A:ALA:H	1:83:A:PHE:HB3	13	0.25
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	11	0.25
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	12	0.25
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	10	0.25
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	7	0.25
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	4	0.25
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	7	0.25
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	7	0.25
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	12	0.25
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	14	0.25
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	18	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	18	0.25
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	1	0.25
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	1	0.25
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	1	0.25
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	5	0.25
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	5	0.25
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	5	0.25
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	6	0.25
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	6	0.25
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	6	0.25
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	12	0.25
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	2	0.25
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	2	0.25
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	8	0.25
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	8	0.25
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	13	0.25
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	13	0.25
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	19	0.25
(1,1508)	1:113:A:ARG:HD2	1:113:A:ARG:H	1	0.25
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	10	0.25
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	15	0.25
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	16	0.25
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	2	0.25
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	2	0.25
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	2	0.25
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	14	0.25
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	14	0.25
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	14	0.25
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	15	0.25
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	15	0.25
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	15	0.25
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	11	0.25
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	13	0.25
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	9	0.25
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	9	0.25
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	11	0.25
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	13	0.25
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	15	0.25
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	18	0.25
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	4	0.25
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	11	0.25
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	2	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	17	0.25
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE1	1:94:A:TYR:H	20	0.25
(1,1286)	1:94:A:TYR:HE2	1:94:A:TYR:H	20	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	2	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	2	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	2	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	4	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	4	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	4	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	6	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	6	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	6	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	7	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	7	0.25
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	7	0.25
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	7	0.25
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	7	0.25
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	7	0.25
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	11	0.25
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	3	0.25
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	4	0.25
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	4	0.25
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	4	0.25
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	6	0.25
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	6	0.25
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	6	0.25
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	11	0.25
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	11	0.25
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	11	0.25
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	3	0.25
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	14	0.25
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	10	0.25
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	5	0.25
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	5	0.25
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	5	0.25
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	4	0.25
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	5	0.25
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	13	0.25
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	17	0.25
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	2	0.25
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	2	0.25
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	2	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB1	1:82:A:PHE:H	7	0.25
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB2	1:82:A:PHE:H	7	0.25
(1,1158)	1:88:A:ALA:HB3	1:82:A:PHE:H	7	0.25
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	4	0.25
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	8	0.25
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	3	0.25
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	3	0.25
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	11	0.25
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	13	0.25
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	13	0.25
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	13	0.25
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	2	0.25
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	2	0.25
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	2	0.25
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	8	0.25
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	8	0.25
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	8	0.25
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	4	0.25
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	6	0.25
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	9	0.25
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	9	0.25
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	11	0.25
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	14	0.25
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	15	0.25
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	16	0.25
(1,973)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HE22	3	0.25
(1,973)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HE22	3	0.25
(1,973)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HE22	3	0.25
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	11	0.25
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	18	0.25
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	2	0.25
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	2	0.25
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	9	0.25
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	9	0.25
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	14	0.25
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	14	0.25
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	15	0.25
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	15	0.25
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	15	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	6	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	6	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	6	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	8	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	8	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	8	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	12	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	12	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	12	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	13	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	13	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	13	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	17	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	17	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	17	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	19	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	19	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	19	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	20	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	20	0.25
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	20	0.25
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	10	0.25
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	10	0.25
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	6	0.25
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	6	0.25
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	6	0.25
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	6	0.25
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	6	0.25
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	6	0.25
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	12	0.25
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	12	0.25
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	12	0.25
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	20	0.25
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	20	0.25
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	20	0.25
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	16	0.25
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	15	0.25
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	9	0.25
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	6	0.25
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	6	0.25
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	19	0.25
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	4	0.25
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	15	0.25
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	10	0.25
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	20	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	1	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	1	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	1	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	1	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	10	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	10	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	10	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	11	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	11	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	11	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	15	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	15	0.25
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	15	0.25
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	12	0.25
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	12	0.25
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	12	0.25
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	16	0.25
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	14	0.25
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	5	0.25
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	8	0.25
(1,541)	1:139:A:LEU:HD11	1:140:A:PHE:H	2	0.25
(1,541)	1:139:A:LEU:HD12	1:140:A:PHE:H	2	0.25
(1,541)	1:139:A:LEU:HD13	1:140:A:PHE:H	2	0.25
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	3	0.25
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	12	0.25
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	12	0.25
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	16	0.25
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	16	0.25
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	10	0.25
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	5	0.25
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	5	0.25
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	5	0.25
(1,419)	1:24:A:ALA:H	1:20:A:ASN:HA	2	0.25
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	1	0.25
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	1	0.25
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	9	0.25
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	9	0.25
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	10	0.25
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	10	0.25
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	13	0.25
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	13	0.25
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	17	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	17	0.25
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	17	0.25
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	18	0.25
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	18	0.25
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	18	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	6	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	6	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	6	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	7	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	7	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	7	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	8	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	8	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	8	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	13	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	13	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	13	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	18	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	18	0.25
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	18	0.25
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	9	0.25
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	9	0.25
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	12	0.25
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	12	0.25
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG21	7	0.25
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG22	7	0.25
(1,348)	1:155:A:ILE:H	1:155:A:ILE:HG23	7	0.25
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	16	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	7	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	7	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	7	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	11	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	11	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	11	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	13	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	13	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	13	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	16	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	16	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	16	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	17	0.25
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	17	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	17	0.25
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	3	0.25
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	13	0.25
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	20	0.25
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	1	0.25
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	1	0.25
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	12	0.25
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	12	0.25
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	18	0.25
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	18	0.25
(1,263)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HG	1	0.25
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	12	0.25
(1,243)	1:120:A:LYS:H	1:118:A:ALA:H	19	0.25
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	2	0.25
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	2	0.25
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	2	0.25
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	16	0.25
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	16	0.25
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	17	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	8	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	8	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	8	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	11	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	11	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	11	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	13	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	13	0.25
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	13	0.25
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	10	0.25
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	11	0.25
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	15	0.25
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	15	0.25
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	15	0.25
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	13	0.25
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	13	0.25
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	13	0.25
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	18	0.25
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	18	0.25
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	18	0.25
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	4	0.25
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	4	0.25
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	7	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	13	0.25
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	13	0.25
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	13	0.25
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	2	0.25
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	14	0.25
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	14	0.25
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	14	0.25
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	5	0.25
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	5	0.25
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	5	0.25
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	20	0.25
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	20	0.25
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	20	0.25
(1,133)	1:148:A:ALA:HB1	1:119:A:GLY:H	11	0.25
(1,133)	1:148:A:ALA:HB2	1:119:A:GLY:H	11	0.25
(1,133)	1:148:A:ALA:HB3	1:119:A:GLY:H	11	0.25
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	1	0.25
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	3	0.25
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	8	0.25
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	13	0.25
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	1	0.25
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	1	0.25
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	1	0.25
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	15	0.25
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	15	0.25
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	15	0.25
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	1	0.25
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	13	0.25
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	14	0.25
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	12	0.25
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	13	0.25
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	13	0.25
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	13	0.25
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	13	0.25
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	2	0.25
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	6	0.25
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	8	0.25
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	11	0.25
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	12	0.25
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	13	0.25
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	7	0.25
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	17	0.25

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	2	0.25
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	2	0.25
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	2	0.25
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	7	0.25
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	11	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	11	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	11	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	11	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	11	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	11	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	13	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	13	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	13	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	13	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	13	0.24
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	13	0.24
(4,292)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:H	11	0.24
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	4	0.24
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	4	0.24
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	4	0.24
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	9	0.24
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	9	0.24
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	9	0.24
(4,263)	1:185:A:ILE:H	1:182:A:SER:HB2	16	0.24
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	4	0.24
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	4	0.24
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	4	0.24
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	16	0.24
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	16	0.24
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	16	0.24
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	17	0.24
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	17	0.24
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	17	0.24
(4,238)	1:173:A:LYS:HE2	1:173:A:LYS:HG3	8	0.24
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG3	8	0.24
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG2	8	0.24
(4,217)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	12	0.24
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	4	0.24
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	4	0.24
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	14	0.24
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	14	0.24
(4,204)	1:215:A:LEU:HB2	1:223:A:VAL:H	15	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE1	11	0.24
(4,200)	1:50:A:ILE:HD11	1:17:A:PHE:HE2	11	0.24
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE1	11	0.24
(4,200)	1:50:A:ILE:HD12	1:17:A:PHE:HE2	11	0.24
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE1	11	0.24
(4,200)	1:50:A:ILE:HD13	1:17:A:PHE:HE2	11	0.24
(4,195)	1:85:A:GLU:HG3	1:108:A:SER:H	9	0.24
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	8	0.24
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	8	0.24
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	10	0.24
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	10	0.24
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	19	0.24
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	19	0.24
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	7	0.24
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	15	0.24
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	15	0.24
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	13	0.24
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	19	0.24
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	14	0.24
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	14	0.24
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	14	0.24
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	9	0.24
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	9	0.24
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	9	0.24
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	16	0.24
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	9	0.24
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	9	0.24
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	12	0.24
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	12	0.24
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	20	0.24
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	20	0.24
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	19	0.24
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	19	0.24
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	19	0.24
(1,3208)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HB2	3	0.24
(1,3208)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HB2	7	0.24
(1,3208)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HB2	10	0.24
(1,3208)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HB2	20	0.24
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	4	0.24
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	4	0.24
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	4	0.24
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD11	18	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD12	18	0.24
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG21	1:18:A:ILE:HD13	18	0.24
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD11	18	0.24
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD12	18	0.24
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG22	1:18:A:ILE:HD13	18	0.24
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD11	18	0.24
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD12	18	0.24
(1,3162)	1:171:A:ILE:HG23	1:18:A:ILE:HD13	18	0.24
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	6	0.24
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	6	0.24
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	6	0.24
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	18	0.24
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	18	0.24
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	18	0.24
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	10	0.24
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	10	0.24
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	10	0.24
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	10	0.24
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD11	1:106:A:PRO:HD2	9	0.24
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD12	1:106:A:PRO:HD2	9	0.24
(1,3045)	1:105:A:LEU:HD13	1:106:A:PRO:HD2	9	0.24
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	14	0.24
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	14	0.24
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	14	0.24
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	8	0.24
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	8	0.24
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	8	0.24
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	11	0.24
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	2	0.24
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	2	0.24
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	2	0.24
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	10	0.24
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	10	0.24
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	10	0.24
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	12	0.24
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	12	0.24
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	12	0.24
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	3	0.24
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	14	0.24
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	5	0.24
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	7	0.24
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	7	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	7	0.24
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	13	0.24
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	13	0.24
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	13	0.24
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	14	0.24
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	14	0.24
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	14	0.24
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	5	0.24
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	5	0.24
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	3	0.24
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	3	0.24
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	3	0.24
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HA	12	0.24
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HA	12	0.24
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HA	12	0.24
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	6	0.24
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	6	0.24
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	6	0.24
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	9	0.24
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	9	0.24
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	9	0.24
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	12	0.24
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	12	0.24
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	12	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	1	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	1	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	1	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	2	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	2	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	2	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	3	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	3	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	3	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	4	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	4	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	4	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	5	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	5	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	5	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	6	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	6	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	6	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	7	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	7	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	7	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	8	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	8	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	8	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	9	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	9	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	9	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	10	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	10	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	10	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	11	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	11	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	11	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	12	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	12	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	12	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	13	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	13	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	13	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	14	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	14	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	14	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	15	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	15	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	15	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	16	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	16	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	16	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	17	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	17	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	17	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	18	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	18	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	18	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	19	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	19	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	19	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD11	20	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD12	20	0.24
(1,2699)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HD13	20	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	12	0.24
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	12	0.24
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	12	0.24
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD11	20	0.24
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD12	20	0.24
(1,2696)	1:201:A:ILE:H	1:201:A:ILE:HD13	20	0.24
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	6	0.24
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	6	0.24
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	6	0.24
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	4	0.24
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	4	0.24
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	4	0.24
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	8	0.24
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	8	0.24
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	8	0.24
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	18	0.24
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	18	0.24
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	18	0.24
(1,2677)	1:19:A:SER:HB2	1:16:A:VAL:HA	10	0.24
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	6	0.24
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	6	0.24
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	6	0.24
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	2	0.24
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG21	17	0.24
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG22	17	0.24
(1,2600)	1:179:A:PHE:H	1:178:A:THR:HG23	17	0.24
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	14	0.24
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	14	0.24
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	14	0.24
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	17	0.24
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	17	0.24
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	17	0.24
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	3	0.24
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	3	0.24
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	3	0.24
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	3	0.24
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	3	0.24
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	3	0.24
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	3	0.24
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	3	0.24
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	3	0.24
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	12	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	12	0.24
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	12	0.24
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	12	0.24
(1,2520)	1:233:A:VAL:HB	1:234:A:THR:HG21	12	0.24
(1,2520)	1:233:A:VAL:HB	1:234:A:THR:HG22	12	0.24
(1,2520)	1:233:A:VAL:HB	1:234:A:THR:HG23	12	0.24
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	18	0.24
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	3	0.24
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	12	0.24
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	12	0.24
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	12	0.24
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	12	0.24
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	12	0.24
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	12	0.24
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	1	0.24
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	1	0.24
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	1	0.24
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	10	0.24
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	10	0.24
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	10	0.24
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	20	0.24
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	20	0.24
(1,2488)	1:186:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	20	0.24
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	5	0.24
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	5	0.24
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	4	0.24
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	4	0.24
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	4	0.24
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	1	0.24
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	2	0.24
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	3	0.24
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	10	0.24
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	14	0.24
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	15	0.24
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	16	0.24
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	18	0.24
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	4	0.24
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	15	0.24
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	20	0.24
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	20	0.24
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	20	0.24
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	15	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	15	0.24
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	15	0.24
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	11	0.24
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	11	0.24
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	11	0.24
(1,2411)	1:175:A:VAL:HB	1:175:A:VAL:H	12	0.24
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	18	0.24
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	18	0.24
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	18	0.24
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	11	0.24
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	11	0.24
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	12	0.24
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	12	0.24
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	5	0.24
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	12	0.24
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	19	0.24
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	3	0.24
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	3	0.24
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	3	0.24
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	7	0.24
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	11	0.24
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD2	11	0.24
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD3	11	0.24
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	1	0.24
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	1	0.24
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	1	0.24
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	13	0.24
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	13	0.24
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	13	0.24
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	17	0.24
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	17	0.24
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	17	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	1	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	1	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	1	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	4	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	4	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	4	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	11	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	11	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	11	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	15	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	15	0.24
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	15	0.24
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	12	0.24
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	12	0.24
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	12	0.24
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	14	0.24
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	14	0.24
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	14	0.24
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	9	0.24
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	15	0.24
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	4	0.24
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	5	0.24
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	8	0.24
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	9	0.24
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	20	0.24
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	8	0.24
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	8	0.24
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	8	0.24
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	18	0.24
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	18	0.24
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	18	0.24
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	4	0.24
(1,2093)	1:77:A:GLY:HA2	1:76:A:ALA:H	19	0.24
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	2	0.24
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	2	0.24
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	2	0.24
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	11	0.24
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	11	0.24
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	11	0.24
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	8	0.24
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	8	0.24
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	8	0.24
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	18	0.24
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	18	0.24
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	18	0.24
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	1	0.24
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	1	0.24
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	1	0.24
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	14	0.24
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	14	0.24
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	14	0.24
(1,2051)	1:228:A:VAL:HG21	1:228:A:VAL:H	16	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2051)	1:228:A:VAL:HG22	1:228:A:VAL:H	16	0.24
(1,2051)	1:228:A:VAL:HG23	1:228:A:VAL:H	16	0.24
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	1	0.24
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	1	0.24
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	19	0.24
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	19	0.24
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	19	0.24
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	19	0.24
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	19	0.24
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	19	0.24
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	10	0.24
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	2	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	2	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	2	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	2	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	3	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	3	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	3	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	17	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	17	0.24
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	17	0.24
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	15	0.24
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	1	0.24
(1,1917)	1:93:A:LYS:H	1:93:A:LYS:HE3	15	0.24
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	19	0.24
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	9	0.24
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	14	0.24
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	10	0.24
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG11	1:194:A:ALA:H	2	0.24
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG12	1:194:A:ALA:H	2	0.24
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG13	1:194:A:ALA:H	2	0.24
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG21	1:194:A:ALA:H	2	0.24
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG22	1:194:A:ALA:H	2	0.24
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG23	1:194:A:ALA:H	2	0.24
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	18	0.24
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB1	1:221:A:GLN:H	13	0.24
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB2	1:221:A:GLN:H	13	0.24
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB3	1:221:A:GLN:H	13	0.24
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	3	0.24
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	5	0.24
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	11	0.24
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	8	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	8	0.24
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	7	0.24
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	7	0.24
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	7	0.24
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	19	0.24
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	19	0.24
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	19	0.24
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	15	0.24
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	10	0.24
(1,1727)	1:139:A:LEU:HB2	1:136:A:ILE:H	20	0.24
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	5	0.24
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	8	0.24
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	14	0.24
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	17	0.24
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	20	0.24
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	12	0.24
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	7	0.24
(1,1700)	1:107:A:TYR:HB2	1:116:A:ILE:H	13	0.24
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	10	0.24
(1,1690)	1:114:A:LEU:HA	1:108:A:SER:H	20	0.24
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	8	0.24
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	8	0.24
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	11	0.24
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	11	0.24
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	15	0.24
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	15	0.24
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	19	0.24
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	19	0.24
(1,1688)	1:108:A:SER:HA	1:107:A:TYR:H	16	0.24
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	4	0.24
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	6	0.24
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	6	0.24
(1,1664)	1:88:A:ALA:H	1:83:A:PHE:HB3	17	0.24
(1,1664)	1:88:A:ALA:H	1:83:A:PHE:HB3	19	0.24
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	19	0.24
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	10	0.24
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	13	0.24
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	4	0.24
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	1	0.24
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	1	0.24
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	13	0.24
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	16	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	19	0.24
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	6	0.24
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	15	0.24
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	15	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	1	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	1	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	1	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	11	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	11	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	11	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	13	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	13	0.24
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	13	0.24
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	4	0.24
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	7	0.24
(1,1540)	1:3:A:SER:HA	1:2:A:VAL:H	16	0.24
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	19	0.24
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	19	0.24
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	5	0.24
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	5	0.24
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	6	0.24
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	7	0.24
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	18	0.24
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	16	0.24
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	16	0.24
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	16	0.24
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	2	0.24
(1,1439)	1:22:A:ARG:H	1:20:A:ASN:HB3	9	0.24
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	7	0.24
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	1	0.24
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	1	0.24
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	1	0.24
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	9	0.24
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	10	0.24
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	4	0.24
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	3	0.24
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	5	0.24
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	8	0.24
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	10	0.24
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	20	0.24
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	6	0.24
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	16	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	16	0.24
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	16	0.24
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	19	0.24
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	19	0.24
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	19	0.24
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	2	0.24
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	2	0.24
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	2	0.24
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	15	0.24
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	15	0.24
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	15	0.24
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	19	0.24
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	19	0.24
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	19	0.24
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	13	0.24
(1,1237)	1:177:A:LYS:H	1:178:A:THR:H	16	0.24
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	8	0.24
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	8	0.24
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	8	0.24
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	12	0.24
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	12	0.24
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	12	0.24
(1,1235)	1:177:A:LYS:HD3	1:178:A:THR:H	17	0.24
(1,1213)	1:99:A:ALA:H	1:97:A:LYS:H	9	0.24
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	13	0.24
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG21	1:157:A:SER:H	12	0.24
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG22	1:157:A:SER:H	12	0.24
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG23	1:157:A:SER:H	12	0.24
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	8	0.24
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	8	0.24
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	8	0.24
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	15	0.24
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	15	0.24
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	15	0.24
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	9	0.24
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	11	0.24
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	12	0.24
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	15	0.24
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	15	0.24
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	15	0.24
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	15	0.24
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	6	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	15	0.24
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	15	0.24
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	15	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	2	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	2	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	2	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	6	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	6	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	6	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	11	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	11	0.24
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	11	0.24
(1,1050)	1:171:A:ILE:HG12	1:172:A:GLY:H	14	0.24
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	12	0.24
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	12	0.24
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	12	0.24
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	19	0.24
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	19	0.24
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	19	0.24
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	10	0.24
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	12	0.24
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	17	0.24
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	18	0.24
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	20	0.24
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	11	0.24
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	11	0.24
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	11	0.24
(1,980)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HB3	17	0.24
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	9	0.24
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	9	0.24
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	11	0.24
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	11	0.24
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	16	0.24
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	16	0.24
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	17	0.24
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	17	0.24
(1,973)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HE22	7	0.24
(1,973)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HE22	7	0.24
(1,973)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HE22	7	0.24
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	4	0.24
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	12	0.24
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	2	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	12	0.24
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	17	0.24
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	17	0.24
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	19	0.24
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	10	0.24
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	10	0.24
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	1	0.24
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	1	0.24
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	1	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	1	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	1	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	1	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	2	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	2	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	2	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	3	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	3	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	3	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	4	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	4	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	4	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	5	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	5	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	5	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	7	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	7	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	7	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	10	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	10	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	10	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	15	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	15	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	15	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	16	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	16	0.24
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	16	0.24
(1,867)	1:23:A:LYS:HB2	1:21:A:LEU:H	1	0.24
(1,867)	1:23:A:LYS:HB3	1:21:A:LEU:H	1	0.24
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	15	0.24
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	15	0.24
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	15	0.24
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	17	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	17	0.24
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	17	0.24
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	19	0.24
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	16	0.24
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	16	0.24
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	16	0.24
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	9	0.24
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	7	0.24
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	7	0.24
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	8	0.24
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	8	0.24
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	17	0.24
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	17	0.24
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	19	0.24
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	19	0.24
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	15	0.24
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	15	0.24
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	15	0.24
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	16	0.24
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	16	0.24
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	16	0.24
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	18	0.24
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	2	0.24
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	6	0.24
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	9	0.24
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	3	0.24
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	3	0.24
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	3	0.24
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	6	0.24
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	6	0.24
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	6	0.24
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	8	0.24
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	8	0.24
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	8	0.24
(1,680)	1:221:A:GLN:HG2	1:222:A:ARG:H	5	0.24
(1,680)	1:221:A:GLN:HG3	1:222:A:ARG:H	5	0.24
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	15	0.24
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	19	0.24
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	1	0.24
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	9	0.24
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	4	0.24
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	4	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	9	0.24
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	1	0.24
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	1	0.24
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	5	0.24
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	5	0.24
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	13	0.24
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	13	0.24
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	14	0.24
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	14	0.24
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	5	0.24
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	5	0.24
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	12	0.24
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	12	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	2	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	2	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	2	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	15	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	15	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	15	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	17	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	17	0.24
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	17	0.24
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	1	0.24
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	1	0.24
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	4	0.24
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	4	0.24
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	3	0.24
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	18	0.24
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	8	0.24
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	8	0.24
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	8	0.24
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	4	0.24
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	6	0.24
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	7	0.24
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	12	0.24
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	7	0.24
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	7	0.24
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	7	0.24
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	12	0.24
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	12	0.24
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	12	0.24
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	15	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	6	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	3	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	3	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	4	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	4	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	5	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	5	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	6	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	6	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	10	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	10	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	14	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	14	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	16	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	16	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	19	0.24
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	19	0.24
(1,263)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HG	4	0.24
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	12	0.24
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	12	0.24
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	12	0.24
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	13	0.24
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	19	0.24
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	3	0.24
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	8	0.24
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	12	0.24
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	15	0.24
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	18	0.24
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	7	0.24
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	7	0.24
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	7	0.24
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	17	0.24
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	17	0.24
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	17	0.24
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	19	0.24
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	12	0.24
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	2	0.24
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	2	0.24
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	2	0.24
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	1	0.24
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	1	0.24
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	7	0.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	7	0.24
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	4	0.24
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	12	0.24
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	19	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	2	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	2	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	2	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	5	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	5	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	5	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	10	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	10	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	10	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	14	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	14	0.24
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	14	0.24
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	16	0.24
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	3	0.24
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	5	0.24
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	10	0.24
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	15	0.24
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	19	0.24
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	20	0.24
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	16	0.24
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	16	0.24
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	16	0.24
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	17	0.24
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	17	0.24
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	17	0.24
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	6	0.24
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	13	0.24
(4,322)	1:59:A:THR:H	1:140:A:PHE:HE1	18	0.23
(4,322)	1:59:A:THR:H	1:140:A:PHE:HE2	18	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	17	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	17	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	17	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	17	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	17	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	17	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	19	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	19	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	19	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	19	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	19	0.23
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	19	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	1	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	2	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	3	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	4	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	5	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	6	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	7	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	8	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	9	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	10	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	11	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	12	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	13	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	14	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	15	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	17	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	18	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	19	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	20	0.23
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	5	0.23
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	5	0.23
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	5	0.23
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	6	0.23
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	6	0.23
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	6	0.23
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	7	0.23
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	7	0.23
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	7	0.23
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	18	0.23
(4,238)	1:173:A:LYS:HE2	1:173:A:LYS:HG3	11	0.23
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG3	11	0.23
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG2	11	0.23
(4,233)	1:171:A:ILE:H	1:179:A:PHE:HZ	7	0.23
(4,230)	1:192:A:TRP:H	1:188:A:LEU:HB2	16	0.23
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	8	0.23
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	8	0.23
(4,128)	1:28:A:GLU:HG2	1:36:A:LEU:H	13	0.23
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	16	0.23
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	16	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	20	0.23
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	13	0.23
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	13	0.23
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	16	0.23
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	16	0.23
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	20	0.23
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	20	0.23
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	20	0.23
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	18	0.23
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	18	0.23
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	18	0.23
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	11	0.23
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	11	0.23
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	11	0.23
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	10	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	3	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	3	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	3	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	5	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	5	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	5	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	14	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	14	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	14	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	17	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	17	0.23
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	17	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	1	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	1	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	1	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	19	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	19	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	19	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	20	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	20	0.23
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	20	0.23
(1,3057)	1:112:A:GLU:HG2	1:112:A:GLU:HA	4	0.23
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	4	0.23
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	4	0.23
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	4	0.23
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	14	0.23
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	14	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	14	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	3	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	3	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	3	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	17	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	17	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	17	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	20	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	20	0.23
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	20	0.23
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	11	0.23
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	11	0.23
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	11	0.23
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	10	0.23
(1,2848)	1:33:A:ASP:HA	1:30:A:LYS:HE2	3	0.23
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	15	0.23
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	15	0.23
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	19	0.23
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	19	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	1	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	1	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	1	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	8	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	8	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	8	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	10	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	10	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	10	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	16	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	16	0.23
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	16	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	1	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	1	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	1	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	1	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	1	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	1	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	15	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	15	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	15	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	15	0.23
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	15	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	15	0.23
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	1	0.23
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	10	0.23
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	14	0.23
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	16	0.23
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	4	0.23
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	4	0.23
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	4	0.23
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	9	0.23
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	9	0.23
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	9	0.23
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	15	0.23
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	15	0.23
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	15	0.23
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	11	0.23
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	11	0.23
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	11	0.23
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	14	0.23
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	14	0.23
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	14	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	7	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	7	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	7	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	14	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	14	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	14	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	16	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	16	0.23
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	16	0.23
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	9	0.23
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	9	0.23
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	9	0.23
(1,2677)	1:19:A:SER:HB2	1:16:A:VAL:HA	13	0.23
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	4	0.23
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	4	0.23
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	4	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	9	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	9	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	9	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	9	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	9	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	9	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	15	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	15	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	15	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	15	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	15	0.23
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	15	0.23
(1,2628)	1:169:A:GLN:HA	1:168:A:GLU:HG3	14	0.23
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	1	0.23
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	1	0.23
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	1	0.23
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	5	0.23
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	5	0.23
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	5	0.23
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	5	0.23
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	5	0.23
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	5	0.23
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	5	0.23
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	5	0.23
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	5	0.23
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	8	0.23
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	8	0.23
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	14	0.23
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	14	0.23
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	8	0.23
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	8	0.23
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	8	0.23
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	8	0.23
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	17	0.23
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	17	0.23
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	17	0.23
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	17	0.23
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	18	0.23
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB2	1:79:A:THR:HA	8	0.23
(1,2480)	1:101:A:ARG:HB3	1:79:A:THR:HA	8	0.23
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	16	0.23
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	16	0.23
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	16	0.23
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	16	0.23
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	16	0.23
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	16	0.23
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	16	0.23
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	16	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	16	0.23
(1,2456)	1:199:A:ILE:HG21	1:32:A:TYR:HD1	20	0.23
(1,2456)	1:199:A:ILE:HG21	1:32:A:TYR:HD2	20	0.23
(1,2456)	1:199:A:ILE:HG22	1:32:A:TYR:HD1	20	0.23
(1,2456)	1:199:A:ILE:HG22	1:32:A:TYR:HD2	20	0.23
(1,2456)	1:199:A:ILE:HG23	1:32:A:TYR:HD1	20	0.23
(1,2456)	1:199:A:ILE:HG23	1:32:A:TYR:HD2	20	0.23
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	10	0.23
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	10	0.23
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	10	0.23
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	4	0.23
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	7	0.23
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	8	0.23
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	9	0.23
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	11	0.23
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	13	0.23
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	17	0.23
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	19	0.23
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	18	0.23
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	1	0.23
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	1	0.23
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	1	0.23
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG21	1:120:A:LYS:HA	5	0.23
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG22	1:120:A:LYS:HA	5	0.23
(1,2404)	1:121:A:ILE:HG23	1:120:A:LYS:HA	5	0.23
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	2	0.23
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	17	0.23
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	17	0.23
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	14	0.23
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	7	0.23
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	7	0.23
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	7	0.23
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	11	0.23
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	11	0.23
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	11	0.23
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	11	0.23
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	1	0.23
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	4	0.23
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	11	0.23
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	11	0.23
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	11	0.23
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	8	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	10	0.23
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	7	0.23
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	7	0.23
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	7	0.23
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	3	0.23
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	3	0.23
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	3	0.23
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	9	0.23
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	9	0.23
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	9	0.23
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	18	0.23
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	18	0.23
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	18	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	6	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	6	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	6	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	9	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	9	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	9	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	16	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	16	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	16	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD11	1:155:A:ILE:H	18	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD12	1:155:A:ILE:H	18	0.23
(1,2196)	1:155:A:ILE:HD13	1:155:A:ILE:H	18	0.23
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	1	0.23
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	1	0.23
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	1	0.23
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	15	0.23
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	15	0.23
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	15	0.23
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	11	0.23
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	1	0.23
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	13	0.23
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	18	0.23
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	1	0.23
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	1	0.23
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	1	0.23
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	2	0.23
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	2	0.23
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	2	0.23
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	11	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	11	0.23
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	11	0.23
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	8	0.23
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	8	0.23
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	8	0.23
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	12	0.23
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	12	0.23
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	12	0.23
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	18	0.23
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	18	0.23
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	18	0.23
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	7	0.23
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	14	0.23
(1,2029)	1:213:A:VAL:H	1:212:A:PRO:HD2	3	0.23
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	20	0.23
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	20	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	5	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	5	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	5	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	5	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	5	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	5	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	12	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	12	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	12	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	12	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	12	0.23
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	12	0.23
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	14	0.23
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	19	0.23
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	19	0.23
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	19	0.23
(1,1950)	1:30:A:LYS:H	1:33:A:ASP:HA	20	0.23
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	4	0.23
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	16	0.23
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	17	0.23
(1,1941)	1:7:A:SER:H	1:5:A:ARG:HD2	16	0.23
(1,1941)	1:7:A:SER:H	1:5:A:ARG:HD3	16	0.23
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	11	0.23
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG3	1:115:A:GLN:H	4	0.23
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG2	1:115:A:GLN:H	4	0.23
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG3	1:115:A:GLN:H	5	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG2	1:115:A:GLN:H	5	0.23
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG3	1:115:A:GLN:H	15	0.23
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG2	1:115:A:GLN:H	15	0.23
(1,1894)	1:227:A:ASN:HD22	1:227:A:ASN:HA	7	0.23
(1,1894)	1:227:A:ASN:HD22	1:227:A:ASN:HA	16	0.23
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	3	0.23
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	17	0.23
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	2	0.23
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	8	0.23
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	3	0.23
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	12	0.23
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	17	0.23
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	18	0.23
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	19	0.23
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	13	0.23
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	7	0.23
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	2	0.23
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	9	0.23
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG21	1:189:A:GLU:H	8	0.23
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG22	1:189:A:GLU:H	8	0.23
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG23	1:189:A:GLU:H	8	0.23
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	7	0.23
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	9	0.23
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	15	0.23
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	15	0.23
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	12	0.23
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	12	0.23
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	12	0.23
(1,1759)	1:158:A:THR:HA	1:157:A:SER:H	8	0.23
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	7	0.23
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	2	0.23
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	6	0.23
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	7	0.23
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	10	0.23
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	11	0.23
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	12	0.23
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	18	0.23
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	13	0.23
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	14	0.23
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	20	0.23
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	10	0.23
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	19	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	4	0.23
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	20	0.23
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	4	0.23
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	5	0.23
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	15	0.23
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	18	0.23
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	20	0.23
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	16	0.23
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	17	0.23
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	2	0.23
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	6	0.23
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	20	0.23
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	15	0.23
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	15	0.23
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	15	0.23
(1,1567)	1:30:A:LYS:HA	1:32:A:TYR:H	20	0.23
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	4	0.23
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	4	0.23
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	4	0.23
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	16	0.23
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	16	0.23
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	16	0.23
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	3	0.23
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	17	0.23
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	10	0.23
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	10	0.23
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	10	0.23
(1,1470)	1:85:A:GLU:H	1:107:A:TYR:H	8	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	3	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	3	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	3	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	8	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	8	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	8	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	11	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	11	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	11	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	14	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	14	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	14	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	16	0.23
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	16	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	16	0.23
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	7	0.23
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	6	0.23
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	14	0.23
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	17	0.23
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	20	0.23
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	20	0.23
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	20	0.23
(1,1357)	1:213:A:VAL:H	1:209:A:PHE:HZ	15	0.23
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	4	0.23
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	5	0.23
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	6	0.23
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	12	0.23
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	15	0.23
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	20	0.23
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	17	0.23
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	12	0.23
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	14	0.23
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	14	0.23
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	20	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	8	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	8	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	8	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	9	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	9	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	9	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	12	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	12	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	12	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	14	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	14	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	14	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	17	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	17	0.23
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	17	0.23
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	1	0.23
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	1	0.23
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	1	0.23
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	5	0.23
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	5	0.23
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	5	0.23
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	9	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	9	0.23
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	9	0.23
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	3	0.23
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	3	0.23
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	3	0.23
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	18	0.23
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	18	0.23
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	18	0.23
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	20	0.23
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	20	0.23
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	20	0.23
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	1	0.23
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	4	0.23
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	7	0.23
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	20	0.23
(1,1147)	1:89:A:THR:HB	1:92:A:ALA:H	9	0.23
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	5	0.23
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	5	0.23
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	5	0.23
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB2	1	0.23
(1,1131)	1:20:A:ASN:H	1:23:A:LYS:HB3	1	0.23
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	2	0.23
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	10	0.23
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	13	0.23
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	19	0.23
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	2	0.23
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	2	0.23
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	2	0.23
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	5	0.23
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	5	0.23
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	5	0.23
(1,1058)	1:56:A:ALA:H	1:58:A:GLU:HG3	12	0.23
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	7	0.23
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	7	0.23
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	7	0.23
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	16	0.23
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	16	0.23
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	16	0.23
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	1	0.23
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	1	0.23
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	1	0.23
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	9	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	9	0.23
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	9	0.23
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	13	0.23
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	14	0.23
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	15	0.23
(1,973)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HE22	10	0.23
(1,973)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HE22	10	0.23
(1,973)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HE22	10	0.23
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	1	0.23
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	3	0.23
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	11	0.23
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	8	0.23
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	8	0.23
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	18	0.23
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	18	0.23
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	19	0.23
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	19	0.23
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	18	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	9	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	9	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	9	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	11	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	11	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	11	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	14	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	14	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	14	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD11	1:19:A:SER:H	18	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD12	1:19:A:SER:H	18	0.23
(1,896)	1:18:A:ILE:HD13	1:19:A:SER:H	18	0.23
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	13	0.23
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	13	0.23
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	13	0.23
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	15	0.23
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	15	0.23
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	15	0.23
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	17	0.23
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	17	0.23
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	17	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	3	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	3	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	3	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	5	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	5	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	5	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	10	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	10	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	10	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	19	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	19	0.23
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	19	0.23
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	17	0.23
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	20	0.23
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	1	0.23
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	1	0.23
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	1	0.23
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	12	0.23
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	12	0.23
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	12	0.23
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	2	0.23
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	2	0.23
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	2	0.23
(1,818)	1:2:A:VAL:HG21	1:23:A:LYS:H	18	0.23
(1,818)	1:2:A:VAL:HG22	1:23:A:LYS:H	18	0.23
(1,818)	1:2:A:VAL:HG23	1:23:A:LYS:H	18	0.23
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	13	0.23
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	17	0.23
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	1	0.23
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	12	0.23
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	14	0.23
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	17	0.23
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	18	0.23
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	5	0.23
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	5	0.23
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	15	0.23
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	15	0.23
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	5	0.23
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	5	0.23
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	5	0.23
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	3	0.23
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	11	0.23
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	16	0.23
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	8	0.23
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	10	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,734)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HD3	14	0.23
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	3	0.23
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	10	0.23
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	13	0.23
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	18	0.23
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	20	0.23
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	5	0.23
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	5	0.23
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	5	0.23
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	18	0.23
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	18	0.23
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	18	0.23
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	9	0.23
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	9	0.23
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	9	0.23
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	10	0.23
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	10	0.23
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	10	0.23
(1,693)	1:108:A:SER:HA	1:85:A:GLU:H	13	0.23
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	8	0.23
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	20	0.23
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	18	0.23
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	14	0.23
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	14	0.23
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	18	0.23
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	18	0.23
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	18	0.23
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	20	0.23
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	20	0.23
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	20	0.23
(1,473)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HG3	3	0.23
(1,473)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HG3	5	0.23
(1,473)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HG3	7	0.23
(1,473)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HG3	10	0.23
(1,473)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HG3	20	0.23
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	8	0.23
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	12	0.23
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	4	0.23
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	4	0.23
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	6	0.23
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	6	0.23
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	9	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	9	0.23
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	17	0.23
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	17	0.23
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	2	0.23
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	3	0.23
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	3	0.23
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	3	0.23
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	17	0.23
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	17	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	1	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	1	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	1	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	14	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	14	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	14	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	19	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	19	0.23
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	19	0.23
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	18	0.23
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	18	0.23
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	18	0.23
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	10	0.23
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	15	0.23
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	15	0.23
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	15	0.23
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	19	0.23
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	19	0.23
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	19	0.23
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	1	0.23
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	1	0.23
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	1	0.23
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	4	0.23
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	4	0.23
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	4	0.23
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	7	0.23
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	7	0.23
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	18	0.23
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	18	0.23
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	2	0.23
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	1	0.23
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	1	0.23
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	1	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	2	0.23
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	2	0.23
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	2	0.23
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	15	0.23
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	15	0.23
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	15	0.23
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	4	0.23
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	4	0.23
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	4	0.23
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	9	0.23
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	9	0.23
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	13	0.23
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	13	0.23
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	10	0.23
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	10	0.23
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	10	0.23
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	19	0.23
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	19	0.23
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	19	0.23
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	19	0.23
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	19	0.23
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	7	0.23
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	14	0.23
(1,227)	1:101:A:ARG:H	1:99:A:ALA:HA	19	0.23
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	5	0.23
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	5	0.23
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	5	0.23
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	4	0.23
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	5	0.23
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	6	0.23
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	13	0.23
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	3	0.23
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	3	0.23
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	3	0.23
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	15	0.23
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	15	0.23
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	15	0.23
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	16	0.23
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	16	0.23
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	16	0.23
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	9	0.23
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	9	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	9	0.23
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	14	0.23
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	14	0.23
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	14	0.23
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	15	0.23
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	15	0.23
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	15	0.23
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	19	0.23
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	19	0.23
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	19	0.23
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	16	0.23
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	2	0.23
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	13	0.23
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	2	0.23
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	2	0.23
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	9	0.23
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	9	0.23
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	9	0.23
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	13	0.23
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	13	0.23
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	13	0.23
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	20	0.23
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	9	0.23
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	9	0.23
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	9	0.23
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	7	0.23
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	14	0.23
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	13	0.23
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	13	0.23
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	13	0.23
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	9	0.23
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	6	0.23
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	9	0.23
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	11	0.23
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	19	0.23
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	1	0.23
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	1	0.23
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	1	0.23
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	2	0.23
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	2	0.23
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	2	0.23
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	12	0.23

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	12	0.23
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	12	0.23
(1,73)	1:25:A:LEU:H	1:66:A:VAL:HB	17	0.23
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	8	0.23
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	19	0.23
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	11	0.23
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	12	0.23
(1,5)	1:192:A:TRP:H	1:192:A:TRP:HD1	14	0.23
(4,279)	1:120:A:LYS:HA	1:120:A:LYS:HB3	16	0.22
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	20	0.22
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	20	0.22
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	20	0.22
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	19	0.22
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	19	0.22
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	19	0.22
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	8	0.22
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	8	0.22
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	8	0.22
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	19	0.22
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	19	0.22
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	19	0.22
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	20	0.22
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	20	0.22
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	20	0.22
(4,217)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	7	0.22
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	2	0.22
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	2	0.22
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	8	0.22
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE2	9	0.22
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE3	9	0.22
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	8	0.22
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	8	0.22
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	8	0.22
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	4	0.22
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	4	0.22
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	3	0.22
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	3	0.22
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	3	0.22
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	9	0.22
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	9	0.22
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	9	0.22
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	10	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	10	0.22
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	10	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	2	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	2	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	2	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	11	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	11	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	11	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	18	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	18	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	18	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	20	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	20	0.22
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	20	0.22
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	9	0.22
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	8	0.22
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	8	0.22
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	8	0.22
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	17	0.22
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	17	0.22
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	17	0.22
(1,3208)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HB2	13	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	7	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	7	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	7	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	12	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	12	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	12	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	18	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	18	0.22
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	18	0.22
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	11	0.22
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	2	0.22
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	2	0.22
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	2	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	4	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	4	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	4	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	6	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	6	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	6	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	13	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	13	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	13	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	16	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	16	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	16	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	17	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	17	0.22
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	17	0.22
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	16	0.22
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	16	0.22
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	16	0.22
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	5	0.22
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	5	0.22
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	14	0.22
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	14	0.22
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	15	0.22
(1,2938)	1:56:A:ALA:HA	1:57:A:ASP:HB3	20	0.22
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	7	0.22
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	7	0.22
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	7	0.22
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	18	0.22
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	18	0.22
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	18	0.22
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	9	0.22
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	6	0.22
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	13	0.22
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	3	0.22
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	3	0.22
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	3	0.22
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	15	0.22
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	15	0.22
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	15	0.22
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD21	1:66:A:VAL:H	16	0.22
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD22	1:66:A:VAL:H	16	0.22
(1,2823)	1:25:A:LEU:HD23	1:66:A:VAL:H	16	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	6	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	6	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	8	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	8	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	11	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	11	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	12	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	12	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	16	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	16	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	20	0.22
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	20	0.22
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	2	0.22
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	2	0.22
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	2	0.22
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	13	0.22
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	13	0.22
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	13	0.22
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	7	0.22
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	13	0.22
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	16	0.22
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	16	0.22
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	16	0.22
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	5	0.22
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	5	0.22
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	5	0.22
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	6	0.22
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	6	0.22
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	6	0.22
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	18	0.22
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	18	0.22
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	18	0.22
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	15	0.22
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	15	0.22
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	15	0.22
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	20	0.22
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	20	0.22
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	20	0.22
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	17	0.22
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	17	0.22
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	17	0.22
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	17	0.22
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	17	0.22
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	17	0.22
(1,2651)	1:30:A:LYS:HD3	1:30:A:LYS:HE3	1	0.22
(1,2651)	1:30:A:LYS:HD3	1:30:A:LYS:HE3	8	0.22
(1,2651)	1:30:A:LYS:HD3	1:30:A:LYS:HE3	10	0.22
(1,2651)	1:30:A:LYS:HD3	1:30:A:LYS:HE3	18	0.22
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	13	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	13	0.22
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	13	0.22
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	5	0.22
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	5	0.22
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	5	0.22
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	17	0.22
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	17	0.22
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	17	0.22
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	17	0.22
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	17	0.22
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	17	0.22
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	17	0.22
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	17	0.22
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	17	0.22
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	10	0.22
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	10	0.22
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	14	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	4	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	4	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	4	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	4	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	6	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	6	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	6	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	6	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	15	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	15	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	15	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	15	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	18	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	18	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	18	0.22
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	18	0.22
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	8	0.22
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	11	0.22
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	15	0.22
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	14	0.22
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	19	0.22
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	20	0.22
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	20	0.22
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	20	0.22
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	20	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	20	0.22
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	20	0.22
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	19	0.22
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	19	0.22
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	19	0.22
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	19	0.22
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	19	0.22
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	19	0.22
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	19	0.22
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	19	0.22
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	19	0.22
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	20	0.22
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	20	0.22
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	20	0.22
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	5	0.22
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	6	0.22
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	12	0.22
(1,2442)	1:66:A:VAL:H	1:66:A:VAL:HA	20	0.22
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	2	0.22
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	9	0.22
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	9	0.22
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	9	0.22
(1,2398)	1:215:A:LEU:HA	1:215:A:LEU:HG	19	0.22
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	10	0.22
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG21	16	0.22
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG22	16	0.22
(1,2365)	1:226:A:THR:H	1:224:A:THR:HG23	16	0.22
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	1	0.22
(1,2333)	1:129:A:LEU:HG	1:175:A:VAL:HA	13	0.22
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	2	0.22
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	15	0.22
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	5	0.22
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	17	0.22
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	11	0.22
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	11	0.22
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	11	0.22
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	12	0.22
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	12	0.22
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	12	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	4	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	4	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	4	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	5	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	5	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	5	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	13	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	13	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	13	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	20	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	20	0.22
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	20	0.22
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	10	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	3	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	3	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	3	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	6	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	6	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	6	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	7	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	7	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	7	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	13	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	13	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	13	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	20	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	20	0.22
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	20	0.22
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	9	0.22
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	9	0.22
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	9	0.22
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	19	0.22
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	19	0.22
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	19	0.22
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	3	0.22
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	3	0.22
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	3	0.22
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG21	13	0.22
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG22	13	0.22
(1,2075)	1:131:A:ALA:H	1:153:A:VAL:HG23	13	0.22
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	10	0.22
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	18	0.22
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	1	0.22
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	16	0.22
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	7	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	12	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	3	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	3	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	3	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	3	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	3	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	3	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	13	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	13	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	13	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	13	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	13	0.22
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	13	0.22
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	4	0.22
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	13	0.22
(1,1959)	1:75:A:ARG:HA	1:77:A:GLY:H	19	0.22
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	11	0.22
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	11	0.22
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	11	0.22
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	14	0.22
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	3	0.22
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	8	0.22
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	9	0.22
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	18	0.22
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG3	1:115:A:GLN:H	3	0.22
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG2	1:115:A:GLN:H	3	0.22
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG3	1:115:A:GLN:H	11	0.22
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG2	1:115:A:GLN:H	11	0.22
(1,1894)	1:227:A:ASN:HD22	1:227:A:ASN:HA	4	0.22
(1,1894)	1:227:A:ASN:HD22	1:227:A:ASN:HA	20	0.22
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	15	0.22
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	13	0.22
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB1	1:221:A:GLN:H	4	0.22
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB2	1:221:A:GLN:H	4	0.22
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB3	1:221:A:GLN:H	4	0.22
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	7	0.22
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	16	0.22
(1,1828)	1:215:A:LEU:H	1:213:A:VAL:H	20	0.22
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	18	0.22
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	1	0.22
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG21	1:189:A:GLU:H	3	0.22
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG22	1:189:A:GLU:H	3	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG23	1:189:A:GLU:H	3	0.22
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	13	0.22
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	1	0.22
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	3	0.22
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	13	0.22
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	16	0.22
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	15	0.22
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	5	0.22
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	14	0.22
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	5	0.22
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	5	0.22
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	17	0.22
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	17	0.22
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	9	0.22
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	19	0.22
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	3	0.22
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	20	0.22
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	15	0.22
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	3	0.22
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	14	0.22
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	18	0.22
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	6	0.22
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	16	0.22
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	19	0.22
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	2	0.22
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	11	0.22
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	12	0.22
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	18	0.22
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	20	0.22
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	16	0.22
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	3	0.22
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	2	0.22
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	10	0.22
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	20	0.22
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	13	0.22
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	7	0.22
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	7	0.22
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	7	0.22
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	10	0.22
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	10	0.22
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	10	0.22
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	15	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	15	0.22
(1,1527)	1:208:A:GLN:H	1:208:A:GLN:HG3	1	0.22
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	18	0.22
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	18	0.22
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	18	0.22
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	20	0.22
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	20	0.22
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	20	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	1	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	1	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	1	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	4	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	4	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	4	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	5	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	5	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	5	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	7	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	7	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	7	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	10	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	10	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	10	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	17	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	17	0.22
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	17	0.22
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	12	0.22
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	5	0.22
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	5	0.22
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	5	0.22
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	3	0.22
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	17	0.22
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	18	0.22
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	2	0.22
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	7	0.22
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	13	0.22
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	17	0.22
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	16	0.22
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	3	0.22
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	3	0.22
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	3	0.22
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	15	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	15	0.22
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	15	0.22
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	10	0.22
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	10	0.22
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	10	0.22
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	4	0.22
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	19	0.22
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	10	0.22
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	10	0.22
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	10	0.22
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	16	0.22
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	16	0.22
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	16	0.22
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	9	0.22
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	9	0.22
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	9	0.22
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	16	0.22
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	18	0.22
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	20	0.22
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	7	0.22
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	19	0.22
(1,1164)	1:141:A:TYR:HA	1:142:A:TYR:H	2	0.22
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	11	0.22
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	11	0.22
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	11	0.22
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	19	0.22
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	19	0.22
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	19	0.22
(1,1109)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG2	3	0.22
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	14	0.22
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	15	0.22
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	3	0.22
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	3	0.22
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	3	0.22
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	14	0.22
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	14	0.22
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	14	0.22
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	18	0.22
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	18	0.22
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	18	0.22
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	20	0.22
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	20	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	20	0.22
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	1	0.22
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	3	0.22
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	7	0.22
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	11	0.22
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	4	0.22
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	4	0.22
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	20	0.22
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	20	0.22
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	2	0.22
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	12	0.22
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	4	0.22
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	7	0.22
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	5	0.22
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	18	0.22
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	14	0.22
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	4	0.22
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	4	0.22
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	4	0.22
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	3	0.22
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	3	0.22
(1,926)	1:230:A:ALA:HA	1:229:A:ASP:H	6	0.22
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	7	0.22
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	7	0.22
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	18	0.22
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	18	0.22
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	18	0.22
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	19	0.22
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	19	0.22
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	19	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	1	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	1	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	1	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	2	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	2	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	2	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	3	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	3	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	3	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	4	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	4	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	4	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	5	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	5	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	5	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	8	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	8	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	8	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	9	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	9	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	9	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	10	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	10	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	10	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	11	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	11	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	11	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	12	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	12	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	12	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	13	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	13	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	13	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	14	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	14	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	14	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	16	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	16	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	16	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	17	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	17	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	17	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	18	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	18	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	18	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	19	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	19	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	19	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	20	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	20	0.22
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	20	0.22
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	5	0.22
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	5	0.22
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	5	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	16	0.22
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	16	0.22
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	16	0.22
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	7	0.22
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	7	0.22
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	7	0.22
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	3	0.22
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	5	0.22
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	7	0.22
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	12	0.22
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	19	0.22
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	11	0.22
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	19	0.22
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	20	0.22
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	14	0.22
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	14	0.22
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	9	0.22
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	9	0.22
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	9	0.22
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	17	0.22
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	17	0.22
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	17	0.22
(1,757)	1:148:A:ALA:HB1	1:147:A:ALA:H	18	0.22
(1,757)	1:148:A:ALA:HB2	1:147:A:ALA:H	18	0.22
(1,757)	1:148:A:ALA:HB3	1:147:A:ALA:H	18	0.22
(1,744)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD11	4	0.22
(1,744)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD12	4	0.22
(1,744)	1:183:A:LEU:H	1:183:A:LEU:HD13	4	0.22
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	10	0.22
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	15	0.22
(1,726)	1:141:A:TYR:H	1:143:A:ASN:H	8	0.22
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	11	0.22
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	12	0.22
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	14	0.22
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	17	0.22
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	13	0.22
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	13	0.22
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	13	0.22
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	16	0.22
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	16	0.22
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	16	0.22
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	14	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	14	0.22
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	14	0.22
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	5	0.22
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	5	0.22
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	5	0.22
(1,638)	1:6:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	19	0.22
(1,638)	1:6:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	19	0.22
(1,638)	1:6:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	19	0.22
(1,638)	1:6:A:LEU:HD21	1:132:A:LEU:H	19	0.22
(1,638)	1:6:A:LEU:HD22	1:132:A:LEU:H	19	0.22
(1,638)	1:6:A:LEU:HD23	1:132:A:LEU:H	19	0.22
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	12	0.22
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	15	0.22
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	16	0.22
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	14	0.22
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	14	0.22
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	14	0.22
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	10	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	10	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	10	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	10	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	11	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	11	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	11	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	17	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	17	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	17	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	19	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	19	0.22
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	19	0.22
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	4	0.22
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	18	0.22
(1,473)	1:219:A:GLN:HE21	1:219:A:GLN:HG3	13	0.22
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	12	0.22
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	7	0.22
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	7	0.22
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	10	0.22
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	10	0.22
(1,448)	1:103:A:VAL:H	1:80:A:SER:H	8	0.22
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	18	0.22
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	18	0.22
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	19	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	19	0.22
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	17	0.22
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	17	0.22
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	17	0.22
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	10	0.22
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	10	0.22
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	10	0.22
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	11	0.22
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	11	0.22
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	13	0.22
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	13	0.22
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	14	0.22
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	14	0.22
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	3	0.22
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	15	0.22
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	17	0.22
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	5	0.22
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	5	0.22
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	5	0.22
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	9	0.22
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	9	0.22
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	9	0.22
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	10	0.22
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	10	0.22
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	10	0.22
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	3	0.22
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	5	0.22
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	12	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	2	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	2	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	7	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	7	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	8	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	8	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	15	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	15	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD1	17	0.22
(1,275)	1:17:A:PHE:H	1:17:A:PHE:HD2	17	0.22
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD1	18	0.22
(1,274)	1:17:A:PHE:H	1:14:A:TYR:HD2	18	0.22
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	13	0.22
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	13	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	13	0.22
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	18	0.22
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	18	0.22
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	18	0.22
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	4	0.22
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	4	0.22
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	4	0.22
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	9	0.22
(1,208)	1:245:A:ASN:HD21	1:245:A:ASN:HA	19	0.22
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	10	0.22
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	10	0.22
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	10	0.22
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	8	0.22
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	8	0.22
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	8	0.22
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD11	9	0.22
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD12	9	0.22
(1,180)	1:196:A:SER:H	1:199:A:ILE:HD13	9	0.22
(1,178)	1:196:A:SER:H	1:197:A:LYS:HB2	16	0.22
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	20	0.22
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	3	0.22
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	3	0.22
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	3	0.22
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	15	0.22
(1,159)	1:53:A:THR:HB	1:5:A:ARG:H	20	0.22
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	5	0.22
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	5	0.22
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	5	0.22
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG21	12	0.22
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG22	12	0.22
(1,146)	1:141:A:TYR:H	1:60:A:ILE:HG23	12	0.22
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	13	0.22
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	13	0.22
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	15	0.22
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	15	0.22
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	8	0.22
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	8	0.22
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	8	0.22
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	16	0.22
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	16	0.22
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	16	0.22
(1,117)	1:51:A:HIS:H	1:2:A:VAL:H	8	0.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	14	0.22
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	6	0.22
(1,94)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:HA	18	0.22
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	9	0.22
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	9	0.22
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	9	0.22
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	10	0.22
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	12	0.22
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	7	0.22
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	7	0.22
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	7	0.22
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	4	0.21
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	4	0.21
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	4	0.21
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	4	0.21
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	4	0.21
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	4	0.21
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	10	0.21
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	10	0.21
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	10	0.21
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	13	0.21
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	13	0.21
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	13	0.21
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	13	0.21
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	13	0.21
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	13	0.21
(4,238)	1:173:A:LYS:HE2	1:173:A:LYS:HG3	13	0.21
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG3	13	0.21
(4,238)	1:173:A:LYS:HE3	1:173:A:LYS:HG2	13	0.21
(4,217)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	14	0.21
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	3	0.21
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	3	0.21
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	19	0.21
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	19	0.21
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	1	0.21
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	1	0.21
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	3	0.21
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	3	0.21
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	17	0.21
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	17	0.21
(4,163)	1:222:A:ARG:HB2	1:222:A:ARG:HD2	2	0.21
(4,163)	1:222:A:ARG:HB2	1:222:A:ARG:HD3	2	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,120)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:H	18	0.21
(4,120)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:H	18	0.21
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	15	0.21
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	15	0.21
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	1	0.21
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	1	0.21
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	1	0.21
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	16	0.21
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	16	0.21
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	16	0.21
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	5	0.21
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	5	0.21
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	5	0.21
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	5	0.21
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	5	0.21
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	5	0.21
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	18	0.21
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	18	0.21
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	18	0.21
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	2	0.21
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	11	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	7	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	7	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	7	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	12	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	12	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	12	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	15	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	15	0.21
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	15	0.21
(1,3220)	1:67:A:THR:HG21	1:66:A:VAL:H	17	0.21
(1,3220)	1:67:A:THR:HG22	1:66:A:VAL:H	17	0.21
(1,3220)	1:67:A:THR:HG23	1:66:A:VAL:H	17	0.21
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	16	0.21
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	16	0.21
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	16	0.21
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	15	0.21
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	15	0.21
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	15	0.21
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	16	0.21
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	16	0.21
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	16	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	6	0.21
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	6	0.21
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	6	0.21
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	13	0.21
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	13	0.21
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	13	0.21
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	7	0.21
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	8	0.21
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	12	0.21
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	15	0.21
(1,3149)	1:158:A:THR:HG21	1:159:A:SER:H	11	0.21
(1,3149)	1:158:A:THR:HG22	1:159:A:SER:H	11	0.21
(1,3149)	1:158:A:THR:HG23	1:159:A:SER:H	11	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	3	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	3	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	3	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	7	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	7	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	7	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	11	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	11	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	11	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	14	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	14	0.21
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	14	0.21
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	10	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	3	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	3	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	3	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	11	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	11	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	11	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	13	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	13	0.21
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	13	0.21
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	18	0.21
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	18	0.21
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	18	0.21
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG21	1:71:A:VAL:HA	18	0.21
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG22	1:71:A:VAL:HA	18	0.21
(1,2958)	1:64:A:ILE:HG23	1:71:A:VAL:HA	18	0.21
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	9	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	8	0.21
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	8	0.21
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	8	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	1	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	1	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	1	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	12	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	12	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	12	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	19	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	19	0.21
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	19	0.21
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	2	0.21
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	15	0.21
(1,2858)	1:32:A:TYR:H	1:31:A:LEU:HG	19	0.21
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	3	0.21
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	5	0.21
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	5	0.21
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	13	0.21
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	13	0.21
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	14	0.21
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	14	0.21
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	17	0.21
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	17	0.21
(1,2814)	1:22:A:ARG:HA	1:22:A:ARG:HD2	1	0.21
(1,2814)	1:22:A:ARG:HA	1:22:A:ARG:HD3	1	0.21
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	7	0.21
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	7	0.21
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	7	0.21
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	15	0.21
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	15	0.21
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	15	0.21
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	2	0.21
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	2	0.21
(1,2739)	1:238:A:ALA:HB1	1:239:A:LEU:HG	3	0.21
(1,2739)	1:238:A:ALA:HB2	1:239:A:LEU:HG	3	0.21
(1,2739)	1:238:A:ALA:HB3	1:239:A:LEU:HG	3	0.21
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	9	0.21
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	9	0.21
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	9	0.21
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	3	0.21
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	3	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	3	0.21
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	2	0.21
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	4	0.21
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	8	0.21
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	11	0.21
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	17	0.21
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	20	0.21
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	4	0.21
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	4	0.21
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	4	0.21
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	4	0.21
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	4	0.21
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	4	0.21
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	4	0.21
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	4	0.21
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	4	0.21
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	2	0.21
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	2	0.21
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	16	0.21
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	16	0.21
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	17	0.21
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	17	0.21
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	20	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	5	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	5	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	5	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	5	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	7	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	7	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	7	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	7	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	11	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	11	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	11	0.21
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	11	0.21
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	6	0.21
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	17	0.21
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	19	0.21
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	19	0.21
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	19	0.21
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	1	0.21
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	5	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	3	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	3	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	3	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	3	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	3	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	3	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	5	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	5	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	5	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	5	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	5	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	5	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	19	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	19	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	19	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	19	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	19	0.21
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	19	0.21
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	8	0.21
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	8	0.21
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	8	0.21
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	17	0.21
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	17	0.21
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	17	0.21
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	13	0.21
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	13	0.21
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	13	0.21
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	13	0.21
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	13	0.21
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	13	0.21
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	13	0.21
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	13	0.21
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	13	0.21
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	15	0.21
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	15	0.21
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	15	0.21
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	1	0.21
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	6	0.21
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	7	0.21
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	8	0.21
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	19	0.21
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB1	17	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB2	17	0.21
(1,2426)	1:102:A:LYS:HB3	1:92:A:ALA:HB3	17	0.21
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	2	0.21
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	2	0.21
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	2	0.21
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	5	0.21
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	5	0.21
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	5	0.21
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	20	0.21
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	20	0.21
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	20	0.21
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	17	0.21
(1,2379)	1:90:A:GLU:HG2	1:90:A:GLU:H	18	0.21
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	2	0.21
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	16	0.21
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	19	0.21
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	6	0.21
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	6	0.21
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	6	0.21
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	16	0.21
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	19	0.21
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	19	0.21
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	19	0.21
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	3	0.21
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	3	0.21
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	3	0.21
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	5	0.21
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	5	0.21
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	5	0.21
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	18	0.21
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	18	0.21
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	18	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	3	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	3	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	3	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	7	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	7	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	7	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	17	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	17	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	17	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	18	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	18	0.21
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	18	0.21
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	14	0.21
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	18	0.21
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	19	0.21
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	5	0.21
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	6	0.21
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	8	0.21
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	2	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	4	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	4	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	4	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	5	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	5	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	5	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	16	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	16	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	16	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	19	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	19	0.21
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	19	0.21
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	5	0.21
(1,2100)	1:219:A:GLN:HE22	1:218:A:ALA:HA	5	0.21
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	15	0.21
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	20	0.21
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	20	0.21
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	20	0.21
(1,2046)	1:237:A:ILE:HB	1:236:A:ASN:H	3	0.21
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	20	0.21
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	5	0.21
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	6	0.21
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	10	0.21
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	20	0.21
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	19	0.21
(1,1956)	1:74:A:TYR:HB2	1:63:A:ALA:H	19	0.21
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	3	0.21
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	18	0.21
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	1	0.21
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	1	0.21
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	1	0.21
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	12	0.21
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	12	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	12	0.21
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	6	0.21
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	17	0.21
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	5	0.21
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	14	0.21
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	15	0.21
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	19	0.21
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	3	0.21
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	4	0.21
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	13	0.21
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	14	0.21
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	17	0.21
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	18	0.21
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	1	0.21
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	6	0.21
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	17	0.21
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	6	0.21
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	8	0.21
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	5	0.21
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	9	0.21
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB1	1:221:A:GLN:H	11	0.21
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB2	1:221:A:GLN:H	11	0.21
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB3	1:221:A:GLN:H	11	0.21
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	15	0.21
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	18	0.21
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG21	1:189:A:GLU:H	9	0.21
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG22	1:189:A:GLU:H	9	0.21
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG23	1:189:A:GLU:H	9	0.21
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	10	0.21
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	10	0.21
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	14	0.21
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	14	0.21
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	16	0.21
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	4	0.21
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	19	0.21
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE1	1:133:A:ASP:H	8	0.21
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE2	1:133:A:ASP:H	8	0.21
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	7	0.21
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	7	0.21
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	7	0.21
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	11	0.21
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	13	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	14	0.21
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	4	0.21
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	17	0.21
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	1	0.21
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	2	0.21
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	10	0.21
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	4	0.21
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	5	0.21
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	3	0.21
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	20	0.21
(1,1664)	1:88:A:ALA:H	1:83:A:PHE:HB3	20	0.21
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	9	0.21
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	9	0.21
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	11	0.21
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	12	0.21
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	14	0.21
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	9	0.21
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	17	0.21
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	19	0.21
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	3	0.21
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	8	0.21
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	8	0.21
(1,1598)	1:51:A:HIS:H	1:52:A:LEU:HA	15	0.21
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	3	0.21
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	4	0.21
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	18	0.21
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	20	0.21
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	19	0.21
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	19	0.21
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	19	0.21
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	14	0.21
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	14	0.21
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	14	0.21
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	18	0.21
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	18	0.21
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	18	0.21
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	4	0.21
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	4	0.21
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	4	0.21
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	8	0.21
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	8	0.21
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	8	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	12	0.21
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	12	0.21
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	12	0.21
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	5	0.21
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	5	0.21
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	5	0.21
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD21	13	0.21
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD22	13	0.21
(1,1480)	1:74:A:TYR:H	1:105:A:LEU:HD23	13	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	6	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	6	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	6	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	12	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	12	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	12	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	13	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	13	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	13	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	15	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	15	0.21
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	15	0.21
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	1	0.21
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	9	0.21
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	9	0.21
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	6	0.21
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	6	0.21
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	6	0.21
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	8	0.21
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	8	0.21
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	8	0.21
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	11	0.21
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	11	0.21
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	11	0.21
(1,1339)	1:209:A:PHE:HD1	1:211:A:THR:H	1	0.21
(1,1339)	1:209:A:PHE:HD2	1:211:A:THR:H	1	0.21
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	12	0.21
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	7	0.21
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	13	0.21
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	17	0.21
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	17	0.21
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	17	0.21
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	18	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	18	0.21
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	18	0.21
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	2	0.21
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	2	0.21
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	2	0.21
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	20	0.21
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	20	0.21
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	11	0.21
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG21	1:157:A:SER:H	4	0.21
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG22	1:157:A:SER:H	4	0.21
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG23	1:157:A:SER:H	4	0.21
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	6	0.21
(1,1167)	1:138:A:THR:HG21	1:142:A:TYR:H	4	0.21
(1,1167)	1:138:A:THR:HG22	1:142:A:TYR:H	4	0.21
(1,1167)	1:138:A:THR:HG23	1:142:A:TYR:H	4	0.21
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	1	0.21
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	1	0.21
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	1	0.21
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	2	0.21
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	2	0.21
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	2	0.21
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	1	0.21
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	10	0.21
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	5	0.21
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	5	0.21
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	5	0.21
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	2	0.21
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG21	1:220:A:ASN:H	8	0.21
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG22	1:220:A:ASN:H	8	0.21
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG23	1:220:A:ASN:H	8	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	1	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	1	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	1	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	6	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	6	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	6	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	19	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	19	0.21
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	19	0.21
(1,1073)	1:221:A:GLN:HG2	1:220:A:ASN:H	8	0.21
(1,1073)	1:221:A:GLN:HG2	1:220:A:ASN:H	12	0.21
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	14	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	12	0.21
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	12	0.21
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	14	0.21
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	14	0.21
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	15	0.21
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	15	0.21
(1,973)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HE22	20	0.21
(1,973)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HE22	20	0.21
(1,973)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HE22	20	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	1	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	2	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	5	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	6	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	7	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	8	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	10	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	11	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	12	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	14	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	15	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	16	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	18	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	19	0.21
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	20	0.21
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	8	0.21
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	12	0.21
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	15	0.21
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	20	0.21
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	20	0.21
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	11	0.21
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	11	0.21
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	6	0.21
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	6	0.21
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	6	0.21
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	11	0.21
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	11	0.21
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	11	0.21
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	20	0.21
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	20	0.21
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	20	0.21
(1,888)	1:113:A:ARG:H	1:112:A:GLU:HG3	2	0.21
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	6	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	6	0.21
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	6	0.21
(1,881)	1:137:A:THR:HG21	1:137:A:THR:H	7	0.21
(1,881)	1:137:A:THR:HG22	1:137:A:THR:H	7	0.21
(1,881)	1:137:A:THR:HG23	1:137:A:THR:H	7	0.21
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	19	0.21
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	19	0.21
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	19	0.21
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	8	0.21
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	8	0.21
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	8	0.21
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	9	0.21
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	9	0.21
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	9	0.21
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	12	0.21
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	18	0.21
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	3	0.21
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	3	0.21
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	3	0.21
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	8	0.21
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	8	0.21
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	8	0.21
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	1	0.21
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	2	0.21
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	3	0.21
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	14	0.21
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	16	0.21
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	18	0.21
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	7	0.21
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	2	0.21
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	2	0.21
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	19	0.21
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	3	0.21
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	8	0.21
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	3	0.21
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	3	0.21
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	3	0.21
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	7	0.21
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	8	0.21
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	15	0.21
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	19	0.21
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD2	5	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD3	5	0.21
(1,639)	1:171:A:ILE:HG21	1:132:A:LEU:H	12	0.21
(1,639)	1:171:A:ILE:HG22	1:132:A:LEU:H	12	0.21
(1,639)	1:171:A:ILE:HG23	1:132:A:LEU:H	12	0.21
(1,638)	1:6:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	1	0.21
(1,638)	1:6:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	1	0.21
(1,638)	1:6:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	1	0.21
(1,638)	1:6:A:LEU:HD21	1:132:A:LEU:H	1	0.21
(1,638)	1:6:A:LEU:HD22	1:132:A:LEU:H	1	0.21
(1,638)	1:6:A:LEU:HD23	1:132:A:LEU:H	1	0.21
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	4	0.21
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	11	0.21
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	2	0.21
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	7	0.21
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	10	0.21
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	14	0.21
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	1	0.21
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	3	0.21
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	15	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	1	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	1	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	1	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	2	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	2	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	2	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	5	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	5	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	5	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	6	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	6	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	6	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	7	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	7	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	7	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	9	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	9	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	9	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	12	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	12	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	12	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	13	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	13	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	13	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	14	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	14	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	14	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	15	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	15	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	15	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	16	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	16	0.21
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	16	0.21
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	7	0.21
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	8	0.21
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	8	0.21
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	11	0.21
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	11	0.21
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	7	0.21
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	7	0.21
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	7	0.21
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	19	0.21
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	19	0.21
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	19	0.21
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	4	0.21
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	4	0.21
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	6	0.21
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	6	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	7	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	7	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	7	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	12	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	12	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	12	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	13	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	13	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	13	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	16	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	16	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	16	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	20	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	20	0.21
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	20	0.21
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	13	0.21
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	13	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	13	0.21
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	12	0.21
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	12	0.21
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	12	0.21
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	2	0.21
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	15	0.21
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	15	0.21
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	2	0.21
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	6	0.21
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	8	0.21
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	9	0.21
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	10	0.21
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	18	0.21
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	7	0.21
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	9	0.21
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	17	0.21
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	18	0.21
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	18	0.21
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	18	0.21
(1,337)	1:60:A:ILE:HD11	1:61:A:SER:H	19	0.21
(1,337)	1:60:A:ILE:HD12	1:61:A:SER:H	19	0.21
(1,337)	1:60:A:ILE:HD13	1:61:A:SER:H	19	0.21
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	9	0.21
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	14	0.21
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	14	0.21
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	14	0.21
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	1	0.21
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	7	0.21
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	19	0.21
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	11	0.21
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	11	0.21
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	11	0.21
(1,263)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HG	3	0.21
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	8	0.21
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	8	0.21
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	8	0.21
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	15	0.21
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	15	0.21
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	15	0.21
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	1	0.21
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	1	0.21
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	1	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	15	0.21
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	15	0.21
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	15	0.21
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	17	0.21
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	17	0.21
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	17	0.21
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	18	0.21
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	18	0.21
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	18	0.21
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	18	0.21
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	5	0.21
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	5	0.21
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	5	0.21
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	7	0.21
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	1	0.21
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	1	0.21
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	1	0.21
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	10	0.21
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	10	0.21
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	10	0.21
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	12	0.21
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	12	0.21
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	12	0.21
(1,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HA	14	0.21
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	2	0.21
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	2	0.21
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	16	0.21
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	16	0.21
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	20	0.21
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	20	0.21
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	10	0.21
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	11	0.21
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	20	0.21
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	12	0.21
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	12	0.21
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	12	0.21
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	6	0.21
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	17	0.21
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	4	0.21
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	17	0.21
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	11	0.21
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	3	0.21

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	15	0.21
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	1	0.21
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	1	0.21
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	1	0.21
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	2	0.21
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	17	0.21
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	2	0.2
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	12	0.2
(4,245)	1:135:A:ALA:HB1	1:132:A:LEU:H	3	0.2
(4,245)	1:135:A:ALA:HB2	1:132:A:LEU:H	3	0.2
(4,245)	1:135:A:ALA:HB3	1:132:A:LEU:H	3	0.2
(4,226)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:H	5	0.2
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	9	0.2
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	9	0.2
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	4	0.2
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	4	0.2
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	6	0.2
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	6	0.2
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	6	0.2
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	7	0.2
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	7	0.2
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	7	0.2
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	14	0.2
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	14	0.2
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	14	0.2
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	16	0.2
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	2	0.2
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	4	0.2
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	9	0.2
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	15	0.2
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	20	0.2
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	8	0.2
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	8	0.2
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	12	0.2
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	12	0.2
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	17	0.2
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	17	0.2
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	15	0.2
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	15	0.2
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	15	0.2
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	15	0.2
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	15	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	15	0.2
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	8	0.2
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	8	0.2
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	8	0.2
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	8	0.2
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	8	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	5	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	5	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	5	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	11	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	11	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	11	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	13	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	13	0.2
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	13	0.2
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	10	0.2
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	11	0.2
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	11	0.2
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	11	0.2
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	5	0.2
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	5	0.2
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	5	0.2
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	16	0.2
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	16	0.2
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	16	0.2
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	20	0.2
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	20	0.2
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	20	0.2
(1,3156)	1:170:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:HG2	7	0.2
(1,3156)	1:170:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:HG3	7	0.2
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	1	0.2
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	4	0.2
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	5	0.2
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	9	0.2
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	13	0.2
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	16	0.2
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	18	0.2
(1,3155)	1:169:A:GLN:HG2	1:169:A:GLN:HE22	20	0.2
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	9	0.2
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	9	0.2
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	9	0.2
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD11	3	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD12	3	0.2
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD13	3	0.2
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD11	7	0.2
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD12	7	0.2
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD13	7	0.2
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	8	0.2
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	13	0.2
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	5	0.2
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	16	0.2
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	10	0.2
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	10	0.2
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	10	0.2
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	10	0.2
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	10	0.2
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	12	0.2
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	12	0.2
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	14	0.2
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	14	0.2
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	14	0.2
(1,2951)	1:64:A:ILE:HB	1:65:A:ASP:H	5	0.2
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	9	0.2
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	9	0.2
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	9	0.2
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	16	0.2
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	16	0.2
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	16	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	4	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	4	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	4	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	9	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	9	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	9	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	15	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	15	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	15	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	16	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	16	0.2
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	16	0.2
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	10	0.2
(1,2843)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD2	3	0.2
(1,2843)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD2	19	0.2
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	7	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	4	0.2
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	4	0.2
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	9	0.2
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	9	0.2
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	9	0.2
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	11	0.2
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	11	0.2
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	11	0.2
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	2	0.2
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	2	0.2
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	2	0.2
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	11	0.2
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	11	0.2
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	11	0.2
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	18	0.2
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	18	0.2
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	18	0.2
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE1	12	0.2
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE2	12	0.2
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE1	12	0.2
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE2	12	0.2
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE1	12	0.2
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE2	12	0.2
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	1	0.2
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	1	0.2
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	1	0.2
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	12	0.2
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	12	0.2
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	12	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	2	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	2	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	2	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	4	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	4	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	4	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	7	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	7	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	7	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	15	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	15	0.2
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	15	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	1	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	3	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	5	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	6	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	7	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	9	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	10	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	12	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	13	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	14	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	15	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	16	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	18	0.2
(1,2588)	1:98:A:ASP:HA	1:98:A:ASP:HB3	19	0.2
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD11	7	0.2
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD12	7	0.2
(1,2577)	1:188:A:LEU:H	1:188:A:LEU:HD13	7	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	20	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	20	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	20	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	20	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	20	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	20	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	20	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	20	0.2
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	20	0.2
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	4	0.2
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	4	0.2
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	6	0.2
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	6	0.2
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	1	0.2
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	15	0.2
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	2	0.2
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	2	0.2
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	2	0.2
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	2	0.2
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	2	0.2
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	11	0.2
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	11	0.2
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	11	0.2
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	16	0.2
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	16	0.2
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	16	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	13	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	7	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	7	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	7	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	7	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	7	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	7	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	14	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	14	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	14	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	14	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	14	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	14	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	15	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	15	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	15	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	15	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	15	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	15	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	16	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	16	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	16	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	16	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	16	0.2
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	16	0.2
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	5	0.2
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	5	0.2
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	5	0.2
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	7	0.2
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	7	0.2
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	7	0.2
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	12	0.2
(1,2432)	1:52:A:LEU:HG	1:52:A:LEU:HA	8	0.2
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	13	0.2
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	13	0.2
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	13	0.2
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	2	0.2
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	2	0.2
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	2	0.2
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	6	0.2
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	8	0.2
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	8	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	8	0.2
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	15	0.2
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	15	0.2
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	15	0.2
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	19	0.2
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	19	0.2
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	19	0.2
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	10	0.2
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	2	0.2
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	6	0.2
(1,2293)	1:29:A:ARG:HA	1:29:A:ARG:HG3	14	0.2
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	2	0.2
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	2	0.2
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	2	0.2
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD2	20	0.2
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD3	20	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	3	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	6	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	7	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	8	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	10	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	11	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	12	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	16	0.2
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	17	0.2
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	20	0.2
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	20	0.2
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	20	0.2
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	14	0.2
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	14	0.2
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	14	0.2
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	7	0.2
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	7	0.2
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	7	0.2
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	6	0.2
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	6	0.2
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	6	0.2
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	16	0.2
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	16	0.2
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	16	0.2
(1,2136)	1:39:A:SER:HA	1:242:A:ASN:H	11	0.2
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	1	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	16	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	10	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	10	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	10	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	12	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	12	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	12	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	15	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	15	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	15	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	17	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	17	0.2
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	17	0.2
(1,2073)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HB3	11	0.2
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD1	1:30:A:LYS:H	4	0.2
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD2	1:30:A:LYS:H	4	0.2
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	3	0.2
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	18	0.2
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	5	0.2
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	6	0.2
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	8	0.2
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	2	0.2
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	6	0.2
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	11	0.2
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	12	0.2
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	9	0.2
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	15	0.2
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	7	0.2
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	14	0.2
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG3	1:115:A:GLN:H	10	0.2
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG2	1:115:A:GLN:H	10	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	2	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	5	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	6	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	7	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	8	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	9	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	11	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	12	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	16	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	19	0.2
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	20	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	6	0.2
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	7	0.2
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	13	0.2
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	4	0.2
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	6	0.2
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	6	0.2
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	6	0.2
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	20	0.2
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	2	0.2
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	5	0.2
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	18	0.2
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	18	0.2
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	18	0.2
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	20	0.2
(1,1725)	1:136:A:ILE:HA	1:135:A:ALA:H	15	0.2
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	5	0.2
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	5	0.2
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	5	0.2
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	13	0.2
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	13	0.2
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	13	0.2
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	15	0.2
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	15	0.2
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	15	0.2
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	1	0.2
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	3	0.2
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	18	0.2
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	18	0.2
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	18	0.2
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	11	0.2
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	12	0.2
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	8	0.2
(1,1673)	1:44:A:SER:HA	1:94:A:TYR:H	13	0.2
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	18	0.2
(1,1661)	1:74:A:TYR:H	1:83:A:PHE:H	8	0.2
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	8	0.2
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	2	0.2
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	11	0.2
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	10	0.2
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	16	0.2
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	19	0.2
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	10	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	14	0.2
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	17	0.2
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	11	0.2
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	14	0.2
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	16	0.2
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	11	0.2
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	8	0.2
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	8	0.2
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	8	0.2
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	2	0.2
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	2	0.2
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	2	0.2
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	15	0.2
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	15	0.2
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	15	0.2
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	19	0.2
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	19	0.2
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	19	0.2
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	2	0.2
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	2	0.2
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	2	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	2	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	2	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	2	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	9	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	9	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	9	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	18	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	18	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	18	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	19	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	19	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	19	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG21	1:185:A:ILE:H	20	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG22	1:185:A:ILE:H	20	0.2
(1,1459)	1:185:A:ILE:HG23	1:185:A:ILE:H	20	0.2
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	20	0.2
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	3	0.2
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	3	0.2
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD1	1:20:A:ASN:H	8	0.2
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD2	1:20:A:ASN:H	8	0.2
(1,1427)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HE2	11	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1427)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HE3	11	0.2
(1,1414)	1:5:A:ARG:H	1:52:A:LEU:HA	19	0.2
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	3	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	4	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	4	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	4	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	13	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	13	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	13	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	16	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	16	0.2
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	16	0.2
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	1	0.2
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	19	0.2
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	6	0.2
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	19	0.2
(1,1322)	1:65:A:ASP:H	1:66:A:VAL:H	20	0.2
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	3	0.2
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	5	0.2
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	6	0.2
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	7	0.2
(1,1300)	1:177:A:LYS:H	1:175:A:VAL:H	12	0.2
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	4	0.2
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	8	0.2
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	10	0.2
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	11	0.2
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	15	0.2
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	18	0.2
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	6	0.2
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	6	0.2
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	6	0.2
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	7	0.2
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	7	0.2
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	7	0.2
(1,1236)	1:178:A:THR:HG21	1:178:A:THR:H	20	0.2
(1,1236)	1:178:A:THR:HG22	1:178:A:THR:H	20	0.2
(1,1236)	1:178:A:THR:HG23	1:178:A:THR:H	20	0.2
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	15	0.2
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	15	0.2
(1,1201)	1:39:A:SER:HB2	1:39:A:SER:H	14	0.2
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	13	0.2
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	14	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	3	0.2
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	4	0.2
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	5	0.2
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	6	0.2
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	7	0.2
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	14	0.2
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	15	0.2
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD1	16	0.2
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD2	16	0.2
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	16	0.2
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	16	0.2
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	16	0.2
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	8	0.2
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	8	0.2
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	8	0.2
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	2	0.2
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	11	0.2
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	5	0.2
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	4	0.2
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	4	0.2
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	4	0.2
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	17	0.2
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	17	0.2
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	17	0.2
(1,997)	1:153:A:VAL:HB	1:154:A:LEU:H	19	0.2
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	18	0.2
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	18	0.2
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	10	0.2
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	3	0.2
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	9	0.2
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	13	0.2
(1,969)	1:95:A:VAL:H	1:96:A:PHE:H	17	0.2
(1,953)	1:65:A:ASP:HA	1:47:A:TYR:H	14	0.2
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	5	0.2
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	5	0.2
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	2	0.2
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	2	0.2
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	2	0.2
(1,904)	1:230:A:ALA:HB1	1:226:A:THR:H	16	0.2
(1,904)	1:230:A:ALA:HB2	1:226:A:THR:H	16	0.2
(1,904)	1:230:A:ALA:HB3	1:226:A:THR:H	16	0.2
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	1	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	1	0.2
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	1	0.2
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	18	0.2
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	18	0.2
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	18	0.2
(1,886)	1:113:A:ARG:HD3	1:113:A:ARG:H	16	0.2
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	9	0.2
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	9	0.2
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	9	0.2
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	11	0.2
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	11	0.2
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	11	0.2
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	14	0.2
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	14	0.2
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	14	0.2
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	4	0.2
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	4	0.2
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	4	0.2
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG21	18	0.2
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG22	18	0.2
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG23	18	0.2
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	4	0.2
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	5	0.2
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	6	0.2
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	11	0.2
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	15	0.2
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	17	0.2
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	20	0.2
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	8	0.2
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	10	0.2
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	15	0.2
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	4	0.2
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	4	0.2
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	5	0.2
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	12	0.2
(1,733)	1:84:A:ASN:HB3	1:107:A:TYR:H	1	0.2
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	4	0.2
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	4	0.2
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	4	0.2
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	2	0.2
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	10	0.2
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	12	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	14	0.2
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	18	0.2
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	11	0.2
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD2	4	0.2
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD3	4	0.2
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	4	0.2
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	4	0.2
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	4	0.2
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	5	0.2
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	19	0.2
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	17	0.2
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	4	0.2
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	8	0.2
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	11	0.2
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	11	0.2
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	11	0.2
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	9	0.2
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	12	0.2
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	13	0.2
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	17	0.2
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	6	0.2
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	6	0.2
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	3	0.2
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	3	0.2
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	3	0.2
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	4	0.2
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	4	0.2
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	4	0.2
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	12	0.2
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	5	0.2
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	2	0.2
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	8	0.2
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	18	0.2
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	2	0.2
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	2	0.2
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	3	0.2
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	3	0.2
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	19	0.2
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	19	0.2
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	20	0.2
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	20	0.2
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	8	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	9	0.2
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	14	0.2
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	15	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	10	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	10	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	10	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	18	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	18	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	18	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	20	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	20	0.2
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	20	0.2
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	3	0.2
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	3	0.2
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	7	0.2
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	7	0.2
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	9	0.2
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	9	0.2
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	9	0.2
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	15	0.2
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	15	0.2
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	15	0.2
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	8	0.2
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	10	0.2
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	10	0.2
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	10	0.2
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	2	0.2
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	2	0.2
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	16	0.2
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	16	0.2
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	20	0.2
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	20	0.2
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	3	0.2
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	7	0.2
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	14	0.2
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	17	0.2
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	14	0.2
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	6	0.2
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	18	0.2
(1,284)	1:148:A:ALA:H	1:146:A:SER:H	15	0.2
(1,263)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HG	7	0.2
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	1	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	1	0.2
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	1	0.2
(1,228)	1:101:A:ARG:HD2	1:101:A:ARG:H	14	0.2
(1,228)	1:101:A:ARG:HD3	1:101:A:ARG:H	14	0.2
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	19	0.2
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	19	0.2
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	19	0.2
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	6	0.2
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	6	0.2
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	6	0.2
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	4	0.2
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	4	0.2
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	4	0.2
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	8	0.2
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	8	0.2
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	8	0.2
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	1	0.2
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	1	0.2
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	1	0.2
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	7	0.2
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	7	0.2
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	7	0.2
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	11	0.2
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	16	0.2
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	10	0.2
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	10	0.2
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	10	0.2
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	12	0.2
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	6	0.2
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	6	0.2
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	18	0.2
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	18	0.2
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	9	0.2
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	17	0.2
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	17	0.2
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	17	0.2
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	2	0.2
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	8	0.2
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	18	0.2
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	19	0.2
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	18	0.2
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	10	0.2

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	10	0.2
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	10	0.2
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	8	0.2
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	3	0.2
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	6	0.2
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	8	0.2
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	9	0.2
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	16	0.2
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	18	0.2
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	3	0.19
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	3	0.19
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	3	0.19
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	3	0.19
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	3	0.19
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	3	0.19
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	14	0.19
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	14	0.19
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	14	0.19
(4,263)	1:185:A:ILE:H	1:182:A:SER:HB2	6	0.19
(4,217)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	9	0.19
(4,217)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	10	0.19
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	5	0.19
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	5	0.19
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	12	0.19
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	12	0.19
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	7	0.19
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	7	0.19
(4,163)	1:222:A:ARG:HB2	1:222:A:ARG:HD2	9	0.19
(4,163)	1:222:A:ARG:HB2	1:222:A:ARG:HD3	9	0.19
(4,163)	1:222:A:ARG:HB2	1:222:A:ARG:HD2	15	0.19
(4,163)	1:222:A:ARG:HB2	1:222:A:ARG:HD3	15	0.19
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	20	0.19
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	20	0.19
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	18	0.19
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	4	0.19
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	4	0.19
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	4	0.19
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD11	18	0.19
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD12	18	0.19
(4,76)	1:48:A:ALA:H	1:49:A:LEU:HD13	18	0.19
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	2	0.19
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	2	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	11	0.19
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	11	0.19
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	11	0.19
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	9	0.19
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	9	0.19
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	9	0.19
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	1	0.19
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	12	0.19
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	14	0.19
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	14	0.19
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	14	0.19
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	3	0.19
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	5	0.19
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	3	0.19
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	3	0.19
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	3	0.19
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	8	0.19
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD11	17	0.19
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD12	17	0.19
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD13	17	0.19
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	5	0.19
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	6	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	1	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	1	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	1	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	9	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	9	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	9	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	15	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	15	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	15	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	20	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	20	0.19
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	20	0.19
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	8	0.19
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	8	0.19
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	9	0.19
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	9	0.19
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	9	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	1	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	1	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	1	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	5	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	5	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	5	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	14	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	14	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	14	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	15	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	15	0.19
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	15	0.19
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	7	0.19
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	7	0.19
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	7	0.19
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	14	0.19
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	14	0.19
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	14	0.19
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	20	0.19
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	20	0.19
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	20	0.19
(1,2878)	1:39:A:SER:HB3	1:242:A:ASN:HB3	6	0.19
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	10	0.19
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	7	0.19
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	7	0.19
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	10	0.19
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	10	0.19
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	20	0.19
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	20	0.19
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	20	0.19
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	20	0.19
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	20	0.19
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	20	0.19
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	4	0.19
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	19	0.19
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	8	0.19
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	8	0.19
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	8	0.19
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB1	19	0.19
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB2	19	0.19
(1,2758)	1:2:A:VAL:HB	1:24:A:ALA:HB3	19	0.19
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	7	0.19
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	7	0.19
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	7	0.19
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE1	16	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD11	1:142:A:TYR:HE2	16	0.19
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE1	16	0.19
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD12	1:142:A:TYR:HE2	16	0.19
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE1	16	0.19
(1,2734)	1:105:A:LEU:HD13	1:142:A:TYR:HE2	16	0.19
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB1	1:83:A:PHE:HB3	8	0.19
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB2	1:83:A:PHE:HB3	8	0.19
(1,2714)	1:88:A:ALA:HB3	1:83:A:PHE:HB3	8	0.19
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	5	0.19
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	5	0.19
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	5	0.19
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	17	0.19
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	17	0.19
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	17	0.19
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	13	0.19
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	13	0.19
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	13	0.19
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	8	0.19
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	8	0.19
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	8	0.19
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	8	0.19
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	8	0.19
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	8	0.19
(1,2652)	1:30:A:LYS:HG2	1:30:A:LYS:HE3	9	0.19
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	8	0.19
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	8	0.19
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	8	0.19
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	8	0.19
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	8	0.19
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	8	0.19
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	8	0.19
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	8	0.19
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	8	0.19
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD11	12	0.19
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD12	12	0.19
(1,2570)	1:29:A:ARG:HD2	1:31:A:LEU:HD13	12	0.19
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB2	20	0.19
(1,2568)	1:29:A:ARG:HD2	1:29:A:ARG:HB3	20	0.19
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	17	0.19
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	9	0.19
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	9	0.19
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	9	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	9	0.19
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	20	0.19
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	20	0.19
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	20	0.19
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	20	0.19
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	16	0.19
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	16	0.19
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	16	0.19
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	1	0.19
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	12	0.19
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	12	0.19
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	12	0.19
(1,2495)	1:132:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:HD21	12	0.19
(1,2495)	1:132:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:HD22	12	0.19
(1,2495)	1:132:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:HD23	12	0.19
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	12	0.19
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	12	0.19
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	12	0.19
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	16	0.19
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	16	0.19
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	16	0.19
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	8	0.19
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	8	0.19
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	8	0.19
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	10	0.19
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	10	0.19
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	10	0.19
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	4	0.19
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	13	0.19
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	14	0.19
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	15	0.19
(1,2347)	1:25:A:LEU:HA	1:25:A:LEU:HG	2	0.19
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	19	0.19
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	9	0.19
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	9	0.19
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	9	0.19
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	16	0.19
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG21	16	0.19
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG22	16	0.19
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG23	16	0.19
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	1	0.19
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	4	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	5	0.19
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	9	0.19
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	14	0.19
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	20	0.19
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	5	0.19
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	5	0.19
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	5	0.19
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	10	0.19
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	10	0.19
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	10	0.19
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	19	0.19
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	19	0.19
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	19	0.19
(1,2126)	1:233:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	18	0.19
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	12	0.19
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	6	0.19
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	9	0.19
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	9	0.19
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	9	0.19
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB1	14	0.19
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB2	14	0.19
(1,2109)	1:55:A:TYR:H	1:56:A:ALA:HB3	14	0.19
(1,2103)	1:234:A:THR:H	1:235:A:SER:HB2	19	0.19
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	3	0.19
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	3	0.19
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	3	0.19
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	5	0.19
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	5	0.19
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	5	0.19
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	4	0.19
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	4	0.19
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	4	0.19
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	15	0.19
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	15	0.19
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	15	0.19
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	16	0.19
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	19	0.19
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	18	0.19
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	18	0.19
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	18	0.19
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	18	0.19
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	18	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	18	0.19
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	12	0.19
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	12	0.19
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	12	0.19
(1,1978)	1:164:A:TYR:H	1:166:A:PHE:H	15	0.19
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	3	0.19
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	13	0.19
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	15	0.19
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	18	0.19
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	16	0.19
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	4	0.19
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	4	0.19
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	4	0.19
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	15	0.19
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	15	0.19
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	15	0.19
(1,1950)	1:30:A:LYS:H	1:33:A:ASP:HA	9	0.19
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	13	0.19
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	20	0.19
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG3	1:115:A:GLN:H	20	0.19
(1,1920)	1:115:A:GLN:HG2	1:115:A:GLN:H	20	0.19
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	5	0.19
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	10	0.19
(1,1910)	1:22:A:ARG:H	1:22:A:ARG:HB3	15	0.19
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	15	0.19
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	16	0.19
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	20	0.19
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	7	0.19
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	17	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG11	1:194:A:ALA:H	19	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG12	1:194:A:ALA:H	19	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG13	1:194:A:ALA:H	19	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG21	1:194:A:ALA:H	19	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG22	1:194:A:ALA:H	19	0.19
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG23	1:194:A:ALA:H	19	0.19
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	9	0.19
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	18	0.19
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	14	0.19
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	19	0.19
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	13	0.19
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	13	0.19
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	19	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	19	0.19
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	19	0.19
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	17	0.19
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	18	0.19
(1,1705)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HE2	10	0.19
(1,1705)	1:121:A:ILE:H	1:120:A:LYS:HE3	10	0.19
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	6	0.19
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	2	0.19
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	4	0.19
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:H	6	0.19
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:H	6	0.19
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:H	6	0.19
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:H	20	0.19
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:H	20	0.19
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:H	20	0.19
(1,1645)	1:70:A:TYR:H	1:64:A:ILE:HA	5	0.19
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	3	0.19
(1,1626)	1:63:A:ALA:H	1:71:A:VAL:HA	17	0.19
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	10	0.19
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	1	0.19
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	3	0.19
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	11	0.19
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	20	0.19
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	5	0.19
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	7	0.19
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	8	0.19
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	5	0.19
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	5	0.19
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	5	0.19
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	3	0.19
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	3	0.19
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	3	0.19
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	2	0.19
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	2	0.19
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	2	0.19
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	4	0.19
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	4	0.19
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	4	0.19
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	16	0.19
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	16	0.19
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	16	0.19
(1,1454)	1:27:A:TYR:H	1:38:A:ARG:H	20	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	19	0.19
(1,1414)	1:5:A:ARG:H	1:52:A:LEU:HA	2	0.19
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	3	0.19
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	3	0.19
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	3	0.19
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	12	0.19
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	12	0.19
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	12	0.19
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	17	0.19
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	17	0.19
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	17	0.19
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	3	0.19
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	5	0.19
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	17	0.19
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	18	0.19
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	20	0.19
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	1	0.19
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	19	0.19
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	5	0.19
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	5	0.19
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	5	0.19
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	5	0.19
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	1	0.19
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	1	0.19
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	1	0.19
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	6	0.19
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	6	0.19
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	6	0.19
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	4	0.19
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD11	1:216:A:ILE:H	9	0.19
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD12	1:216:A:ILE:H	9	0.19
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD13	1:216:A:ILE:H	9	0.19
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD11	1:216:A:ILE:H	15	0.19
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD12	1:216:A:ILE:H	15	0.19
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD13	1:216:A:ILE:H	15	0.19
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG21	1:157:A:SER:H	18	0.19
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG22	1:157:A:SER:H	18	0.19
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG23	1:157:A:SER:H	18	0.19
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	11	0.19
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	9	0.19
(1,1153)	1:89:A:THR:H	1:92:A:ALA:H	5	0.19
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	2	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	8	0.19
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	9	0.19
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	11	0.19
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	12	0.19
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	20	0.19
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	18	0.19
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	18	0.19
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	18	0.19
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	4	0.19
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	4	0.19
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	4	0.19
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	10	0.19
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	10	0.19
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	10	0.19
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	19	0.19
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	19	0.19
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	19	0.19
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	9	0.19
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	15	0.19
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	10	0.19
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	10	0.19
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	10	0.19
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	13	0.19
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	13	0.19
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	13	0.19
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	16	0.19
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	16	0.19
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	16	0.19
(1,1057)	1:54:A:ASN:HB3	1:56:A:ALA:H	2	0.19
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	3	0.19
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	3	0.19
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	3	0.19
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD11	1:170:A:GLN:H	16	0.19
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD12	1:170:A:GLN:H	16	0.19
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD13	1:170:A:GLN:H	16	0.19
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	2	0.19
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	2	0.19
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	2	0.19
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	17	0.19
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	17	0.19
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	17	0.19
(1,990)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HA	6	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	13	0.19
(1,973)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HE22	13	0.19
(1,973)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HE22	13	0.19
(1,973)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HE22	13	0.19
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	15	0.19
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	1	0.19
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	1	0.19
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	12	0.19
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	12	0.19
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	6	0.19
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	6	0.19
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	6	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	3	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	3	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	3	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	4	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	4	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	4	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	5	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	5	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	5	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	12	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	12	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	12	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	16	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	16	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	16	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	17	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	17	0.19
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	17	0.19
(1,883)	1:137:A:THR:H	1:54:A:ASN:HD22	20	0.19
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	2	0.19
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	2	0.19
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	2	0.19
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	8	0.19
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	10	0.19
(1,799)	1:27:A:TYR:HB3	1:29:A:ARG:H	2	0.19
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	10	0.19
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	11	0.19
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	11	0.19
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	1	0.19
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	6	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	7	0.19
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	13	0.19
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	4	0.19
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	15	0.19
(1,717)	1:202:A:ALA:HA	1:205:A:ASN:HD22	16	0.19
(1,707)	1:108:A:SER:HB2	1:109:A:GLY:H	3	0.19
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	16	0.19
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	16	0.19
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	16	0.19
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	13	0.19
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	13	0.19
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	13	0.19
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	1	0.19
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	3	0.19
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	4	0.19
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	5	0.19
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	11	0.19
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	16	0.19
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	17	0.19
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	20	0.19
(1,669)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:H	6	0.19
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	12	0.19
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	18	0.19
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	5	0.19
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	1	0.19
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	8	0.19
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	13	0.19
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	11	0.19
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	16	0.19
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	18	0.19
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	19	0.19
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	20	0.19
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	1	0.19
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	14	0.19
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	6	0.19
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	19	0.19
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD1	15	0.19
(1,456)	1:14:A:TYR:H	1:14:A:TYR:HD2	15	0.19
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	8	0.19
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	3	0.19
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	3	0.19
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	3	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	5	0.19
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	18	0.19
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	18	0.19
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	6	0.19
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	6	0.19
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	4	0.19
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	5	0.19
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	15	0.19
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	20	0.19
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	20	0.19
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	20	0.19
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	3	0.19
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	13	0.19
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	17	0.19
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	20	0.19
(1,284)	1:148:A:ALA:H	1:146:A:SER:H	11	0.19
(1,278)	1:146:A:SER:H	1:143:A:ASN:HA	9	0.19
(1,263)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HG	6	0.19
(1,263)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HG	17	0.19
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE2	10	0.19
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE3	10	0.19
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	10	0.19
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	10	0.19
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	10	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	3	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	3	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	3	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	6	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	6	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	6	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	13	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	13	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	13	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	14	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	14	0.19
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	14	0.19
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	18	0.19
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	14	0.19
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	17	0.19
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	12	0.19
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	12	0.19
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	12	0.19

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	8	0.19
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	8	0.19
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	9	0.19
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	9	0.19
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	16	0.19
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	16	0.19
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	3	0.19
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	3	0.19
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	3	0.19
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	3	0.19
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	11	0.19
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	11	0.19
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	11	0.19
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	15	0.19
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	6	0.19
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	6	0.19
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	6	0.19
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	7	0.19
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	19	0.19
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	18	0.19
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	5	0.19
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	4	0.19
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	12	0.19
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	19	0.19
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	17	0.19
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	17	0.19
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	17	0.19
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	1	0.19
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	4	0.19
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	5	0.19
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	10	0.19
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	13	0.19
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	15	0.19
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	19	0.19
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	11	0.18
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	11	0.18
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	11	0.18
(4,263)	1:185:A:ILE:H	1:182:A:SER:HB2	8	0.18
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	12	0.18
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	12	0.18
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	20	0.18
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	20	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	3	0.18
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	3	0.18
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	3	0.18
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	13	0.18
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	13	0.18
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	13	0.18
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	16	0.18
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	16	0.18
(4,185)	1:224:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HB3	7	0.18
(4,185)	1:224:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HB3	7	0.18
(4,185)	1:224:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HB3	7	0.18
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	4	0.18
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	4	0.18
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	12	0.18
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	12	0.18
(4,128)	1:28:A:GLU:HG2	1:36:A:LEU:H	9	0.18
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	4	0.18
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	15	0.18
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	3	0.18
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	16	0.18
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	17	0.18
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE2	1	0.18
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE3	1	0.18
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	14	0.18
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	14	0.18
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	1	0.18
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	1	0.18
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	1	0.18
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	1	0.18
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	1	0.18
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	1	0.18
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	14	0.18
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	2	0.18
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	2	0.18
(3,97)	1:191:A:SER:H	1:188:A:LEU:O	2	0.18
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	16	0.18
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	16	0.18
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	16	0.18
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	15	0.18
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	17	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	2	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	2	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	2	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	9	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	9	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	9	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	12	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	12	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	12	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	14	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	14	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	14	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	19	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	19	0.18
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	19	0.18
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	1	0.18
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	1	0.18
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	1	0.18
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD11	1:195:A:LEU:H	14	0.18
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD12	1:195:A:LEU:H	14	0.18
(1,3183)	1:195:A:LEU:HD13	1:195:A:LEU:H	14	0.18
(1,3156)	1:170:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:HG2	16	0.18
(1,3156)	1:170:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:HG3	16	0.18
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	6	0.18
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	6	0.18
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	6	0.18
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	9	0.18
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	9	0.18
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	9	0.18
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	16	0.18
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	16	0.18
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	16	0.18
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	12	0.18
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	12	0.18
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	12	0.18
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	12	0.18
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	12	0.18
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	12	0.18
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG21	1:153:A:VAL:H	11	0.18
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG22	1:153:A:VAL:H	11	0.18
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG23	1:153:A:VAL:H	11	0.18
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	4	0.18
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	6	0.18
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	16	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	4	0.18
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	18	0.18
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	7	0.18
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	7	0.18
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	17	0.18
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	17	0.18
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	20	0.18
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	20	0.18
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	4	0.18
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	4	0.18
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	4	0.18
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	12	0.18
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG21	1:62:A:VAL:H	4	0.18
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG22	1:62:A:VAL:H	4	0.18
(1,2923)	1:50:A:ILE:HG23	1:62:A:VAL:H	4	0.18
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	12	0.18
(1,2843)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD2	5	0.18
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	3	0.18
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	3	0.18
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	3	0.18
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	19	0.18
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	19	0.18
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	19	0.18
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	19	0.18
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	19	0.18
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	19	0.18
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	19	0.18
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	19	0.18
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	19	0.18
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	11	0.18
(1,2752)	1:188:A:LEU:HA	1:188:A:LEU:HG	15	0.18
(1,2741)	1:221:A:GLN:HG2	1:219:A:GLN:HB2	13	0.18
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	17	0.18
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	17	0.18
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	17	0.18
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	11	0.18
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	11	0.18
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	11	0.18
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	19	0.18
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	19	0.18
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	19	0.18
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	15	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	15	0.18
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	15	0.18
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD1	11	0.18
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB1	1:142:A:TYR:HD2	11	0.18
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD1	11	0.18
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB2	1:142:A:TYR:HD2	11	0.18
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD1	11	0.18
(1,2655)	1:144:A:ALA:HB3	1:142:A:TYR:HD2	11	0.18
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	5	0.18
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	5	0.18
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	5	0.18
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	8	0.18
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	8	0.18
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	8	0.18
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	20	0.18
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	20	0.18
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	20	0.18
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	12	0.18
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	12	0.18
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	12	0.18
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	14	0.18
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	14	0.18
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	14	0.18
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	14	0.18
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	14	0.18
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	14	0.18
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	14	0.18
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	14	0.18
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	14	0.18
(1,2567)	1:123:A:GLU:HB3	1:123:A:GLU:HA	18	0.18
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE2	1	0.18
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG2	1:177:A:LYS:HE3	1	0.18
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE2	1	0.18
(1,2556)	1:177:A:LYS:HG3	1:177:A:LYS:HE3	1	0.18
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	10	0.18
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	10	0.18
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	10	0.18
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:HG2	14	0.18
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:HG2	14	0.18
(1,2552)	1:121:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:HG2	14	0.18
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	7	0.18
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	7	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	7	0.18
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	9	0.18
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	9	0.18
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	9	0.18
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	15	0.18
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	15	0.18
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	15	0.18
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	13	0.18
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	13	0.18
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	13	0.18
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	14	0.18
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	4	0.18
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	4	0.18
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	4	0.18
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	20	0.18
(1,2495)	1:132:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:HD21	18	0.18
(1,2495)	1:132:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:HD22	18	0.18
(1,2495)	1:132:A:LEU:HB3	1:132:A:LEU:HD23	18	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	3	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	3	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	3	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	6	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	6	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	6	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	15	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	15	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	15	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	16	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	16	0.18
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	16	0.18
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	3	0.18
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	3	0.18
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	3	0.18
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	3	0.18
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	3	0.18
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	3	0.18
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	3	0.18
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	3	0.18
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	3	0.18
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	10	0.18
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	10	0.18
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	11	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	11	0.18
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	11	0.18
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	11	0.18
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	11	0.18
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	11	0.18
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	17	0.18
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	5	0.18
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	5	0.18
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	5	0.18
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	9	0.18
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	9	0.18
(1,2336)	1:234:A:THR:HA	1:234:A:THR:HG21	12	0.18
(1,2336)	1:234:A:THR:HA	1:234:A:THR:HG22	12	0.18
(1,2336)	1:234:A:THR:HA	1:234:A:THR:HG23	12	0.18
(1,2333)	1:129:A:LEU:HG	1:175:A:VAL:HA	20	0.18
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	11	0.18
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	2	0.18
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	2	0.18
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	2	0.18
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	9	0.18
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	9	0.18
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	9	0.18
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	10	0.18
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	10	0.18
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	10	0.18
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	1	0.18
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	1	0.18
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	1	0.18
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	10	0.18
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	10	0.18
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	10	0.18
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	10	0.18
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	10	0.18
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	10	0.18
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	10	0.18
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	10	0.18
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	10	0.18
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	10	0.18
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	10	0.18
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	10	0.18
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD2	12	0.18
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD3	12	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2225)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HG	18	0.18
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	4	0.18
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	4	0.18
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	4	0.18
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	7	0.18
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	7	0.18
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	7	0.18
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	10	0.18
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	10	0.18
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	10	0.18
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	15	0.18
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	15	0.18
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	15	0.18
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	15	0.18
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	15	0.18
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	15	0.18
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	7	0.18
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	14	0.18
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	20	0.18
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	8	0.18
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	16	0.18
(1,2105)	1:234:A:THR:HG21	1:229:A:ASP:H	6	0.18
(1,2105)	1:234:A:THR:HG22	1:229:A:ASP:H	6	0.18
(1,2105)	1:234:A:THR:HG23	1:229:A:ASP:H	6	0.18
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	6	0.18
(1,2006)	1:168:A:GLU:H	1:164:A:TYR:H	6	0.18
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	15	0.18
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	15	0.18
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	15	0.18
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	15	0.18
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	15	0.18
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	15	0.18
(1,1987)	1:190:A:ASN:H	1:188:A:LEU:HB3	16	0.18
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	4	0.18
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	4	0.18
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	4	0.18
(1,1978)	1:164:A:TYR:H	1:166:A:PHE:H	6	0.18
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	2	0.18
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	7	0.18
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	11	0.18
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	14	0.18
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	17	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	5	0.18
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	7	0.18
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	13	0.18
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	15	0.18
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	9	0.18
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	9	0.18
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	9	0.18
(1,1945)	1:21:A:LEU:HB2	1:22:A:ARG:H	10	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	6	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	6	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	6	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	11	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	11	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	11	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	14	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	14	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	14	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	17	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	17	0.18
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	17	0.18
(1,1941)	1:7:A:SER:H	1:5:A:ARG:HD2	17	0.18
(1,1941)	1:7:A:SER:H	1:5:A:ARG:HD3	17	0.18
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	1	0.18
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	16	0.18
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	18	0.18
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	18	0.18
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	19	0.18
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	17	0.18
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	18	0.18
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	14	0.18
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	14	0.18
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	14	0.18
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	10	0.18
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	3	0.18
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	8	0.18
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	6	0.18
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	8	0.18
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	3	0.18
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	20	0.18
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	19	0.18
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	19	0.18
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	1	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	1	0.18
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	1	0.18
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	4	0.18
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	6	0.18
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	8	0.18
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	9	0.18
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	10	0.18
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	15	0.18
(1,1745)	1:146:A:SER:HA	1:150:A:ALA:H	8	0.18
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	6	0.18
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	6	0.18
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	6	0.18
(1,1697)	1:110:A:ASN:HB3	1:112:A:GLU:H	3	0.18
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	7	0.18
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	18	0.18
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	6	0.18
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	9	0.18
(1,1627)	1:61:A:SER:HB2	1:63:A:ALA:H	19	0.18
(1,1613)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HG3	7	0.18
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	9	0.18
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	13	0.18
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	15	0.18
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	7	0.18
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	17	0.18
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	14	0.18
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	14	0.18
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	14	0.18
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	19	0.18
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	19	0.18
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	19	0.18
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	14	0.18
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	18	0.18
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	18	0.18
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	18	0.18
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	17	0.18
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	17	0.18
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	17	0.18
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	6	0.18
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	1	0.18
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	1	0.18
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	1	0.18
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	7	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	7	0.18
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	7	0.18
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	9	0.18
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	9	0.18
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	9	0.18
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	5	0.18
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	5	0.18
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	5	0.18
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	7	0.18
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	7	0.18
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	7	0.18
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	10	0.18
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	10	0.18
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	10	0.18
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	19	0.18
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	19	0.18
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	19	0.18
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	10	0.18
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	16	0.18
(1,1300)	1:177:A:LYS:H	1:175:A:VAL:H	18	0.18
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	1	0.18
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	3	0.18
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	19	0.18
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	4	0.18
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	4	0.18
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	4	0.18
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	12	0.18
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	12	0.18
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	12	0.18
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	17	0.18
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	17	0.18
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	17	0.18
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	15	0.18
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	15	0.18
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	15	0.18
(1,1235)	1:177:A:LYS:HD3	1:178:A:THR:H	5	0.18
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	1	0.18
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	2	0.18
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	3	0.18
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	16	0.18
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD1	1:92:A:ALA:H	20	0.18
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD2	1:92:A:ALA:H	20	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	8	0.18
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	8	0.18
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	8	0.18
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	11	0.18
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	18	0.18
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	19	0.18
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	16	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	1	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	1	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	1	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	2	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	2	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	2	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	3	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	3	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	3	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	6	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	6	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	6	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	7	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	7	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	7	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	9	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	9	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	9	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	11	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	11	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	11	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	12	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	12	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	12	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	14	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	14	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	14	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	15	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	15	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	15	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	16	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	16	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	16	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	17	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	17	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	17	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	18	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	18	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	18	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	20	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	20	0.18
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	20	0.18
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	13	0.18
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	14	0.18
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	3	0.18
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	3	0.18
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	3	0.18
(1,1074)	1:220:A:ASN:H	1:219:A:GLN:HB2	8	0.18
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG21	1:219:A:GLN:H	9	0.18
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG22	1:219:A:GLN:H	9	0.18
(1,1045)	1:216:A:ILE:HG23	1:219:A:GLN:H	9	0.18
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	13	0.18
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	13	0.18
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	13	0.18
(1,979)	1:42:A:PRO:HB3	1:45:A:GLN:H	18	0.18
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	1	0.18
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	1	0.18
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	1	0.18
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	3	0.18
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	6	0.18
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	8	0.18
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	15	0.18
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	17	0.18
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	19	0.18
(1,949)	1:45:A:GLN:HB3	1:47:A:TYR:H	16	0.18
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	2	0.18
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	2	0.18
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	2	0.18
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	7	0.18
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	7	0.18
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	7	0.18
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	13	0.18
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	13	0.18
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	13	0.18
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	10	0.18
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	10	0.18
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	10	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	20	0.18
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	20	0.18
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	20	0.18
(1,836)	1:243:A:ARG:H	1:246:A:MET:H	12	0.18
(1,800)	1:29:A:ARG:HB2	1:29:A:ARG:H	9	0.18
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	3	0.18
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	3	0.18
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	14	0.18
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	4	0.18
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	14	0.18
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	17	0.18
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	9	0.18
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	6	0.18
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	9	0.18
(1,678)	1:95:A:VAL:H	1:95:A:VAL:HB	13	0.18
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	9	0.18
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	9	0.18
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	9	0.18
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	15	0.18
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	15	0.18
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	15	0.18
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	3	0.18
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	6	0.18
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	14	0.18
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	17	0.18
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	7	0.18
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	9	0.18
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	17	0.18
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	2	0.18
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	6	0.18
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	13	0.18
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	17	0.18
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG21	6	0.18
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG22	6	0.18
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG23	6	0.18
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	14	0.18
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	13	0.18
(1,454)	1:9:A:ALA:HB1	1:14:A:TYR:H	2	0.18
(1,454)	1:9:A:ALA:HB2	1:14:A:TYR:H	2	0.18
(1,454)	1:9:A:ALA:HB3	1:14:A:TYR:H	2	0.18
(1,454)	1:9:A:ALA:HB1	1:14:A:TYR:H	10	0.18
(1,454)	1:9:A:ALA:HB2	1:14:A:TYR:H	10	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,454)	1:9:A:ALA:HB3	1:14:A:TYR:H	10	0.18
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	3	0.18
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	17	0.18
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	18	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	4	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	4	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	4	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	8	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	8	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	8	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	9	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	9	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	9	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	12	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	12	0.18
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	12	0.18
(1,417)	1:4:A:PHE:HD1	1:53:A:THR:H	2	0.18
(1,417)	1:4:A:PHE:HD2	1:53:A:THR:H	2	0.18
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	6	0.18
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	6	0.18
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	6	0.18
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	5	0.18
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	5	0.18
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	5	0.18
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB1	5	0.18
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB2	5	0.18
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB3	5	0.18
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	15	0.18
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	15	0.18
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	1	0.18
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	13	0.18
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	19	0.18
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	2	0.18
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	5	0.18
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	8	0.18
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	11	0.18
(1,307)	1:208:A:GLN:HB3	1:208:A:GLN:H	16	0.18
(1,306)	1:206:A:ASN:HB3	1:208:A:GLN:H	7	0.18
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	20	0.18
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	20	0.18
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	20	0.18
(1,284)	1:148:A:ALA:H	1:146:A:SER:H	9	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,239)	1:120:A:LYS:H	1:115:A:GLN:HA	15	0.18
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	11	0.18
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	12	0.18
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	3	0.18
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	3	0.18
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	3	0.18
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	4	0.18
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	4	0.18
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	4	0.18
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	10	0.18
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	10	0.18
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	10	0.18
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	11	0.18
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	11	0.18
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	11	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	1	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	1	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	1	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	2	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	2	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	2	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	4	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	4	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	4	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	7	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	7	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	7	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	9	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	9	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	9	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	11	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	11	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	11	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	12	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	12	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	12	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	15	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	15	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	15	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	16	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	16	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	16	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	17	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	17	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	17	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	18	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	18	0.18
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	18	0.18
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	12	0.18
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	7	0.18
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	18	0.18
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	5	0.18
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	5	0.18
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	5	0.18
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	10	0.18
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	10	0.18
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	17	0.18
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	17	0.18
(1,159)	1:53:A:THR:HB	1:5:A:ARG:H	10	0.18
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	3	0.18
(1,153)	1:208:A:GLN:HB2	1:209:A:PHE:H	17	0.18
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	11	0.18
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	11	0.18
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG21	7	0.18
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG22	7	0.18
(1,126)	1:122:A:ARG:H	1:121:A:ILE:HG23	7	0.18
(1,117)	1:51:A:HIS:H	1:2:A:VAL:H	5	0.18
(1,116)	1:51:A:HIS:HD2	1:2:A:VAL:H	3	0.18
(1,116)	1:51:A:HIS:HD2	1:2:A:VAL:H	19	0.18
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	9	0.18
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	9	0.18
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	9	0.18
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	12	0.18
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	15	0.18
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	7	0.18
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	13	0.18
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	14	0.18
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	15	0.18
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	1	0.18
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	4	0.18
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	4	0.18
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	4	0.18
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	4	0.18
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	16	0.18

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,68)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:HA	20	0.18
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	2	0.18
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	7	0.18
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	8	0.18
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	9	0.18
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	13	0.18
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	16	0.18
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	17	0.18
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	5	0.18
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	5	0.18
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	5	0.18
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	1	0.18
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	2	0.18
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	6	0.18
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	18	0.18
(1,23)	1:102:A:LYS:H	1:102:A:LYS:HG2	20	0.18
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD11	17	0.17
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD12	17	0.17
(4,277)	1:129:A:LEU:HB2	1:132:A:LEU:HD13	17	0.17
(4,217)	1:154:A:LEU:HG	1:154:A:LEU:HA	3	0.17
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	17	0.17
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	17	0.17
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	2	0.17
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	2	0.17
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	6	0.17
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	6	0.17
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	4	0.17
(4,120)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:H	17	0.17
(4,120)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:H	17	0.17
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	9	0.17
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	16	0.17
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	5	0.17
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	7	0.17
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	11	0.17
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	10	0.17
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	10	0.17
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	10	0.17
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	3	0.17
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	3	0.17
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	19	0.17
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	19	0.17
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	19	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	8	0.17
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	8	0.17
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	8	0.17
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	3	0.17
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	19	0.17
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	12	0.17
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	12	0.17
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	12	0.17
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	12	0.17
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	12	0.17
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	12	0.17
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	15	0.17
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	15	0.17
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	15	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	9	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	9	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	9	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	9	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	9	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	9	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	14	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	14	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	14	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	14	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	14	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	14	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	20	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	20	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	20	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	20	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	20	0.17
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	20	0.17
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	1	0.17
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	6	0.17
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	7	0.17
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	8	0.17
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	9	0.17
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	10	0.17
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	11	0.17
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	17	0.17
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	18	0.17
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	17	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3050)	1:108:A:SER:HA	1:83:A:PHE:HB2	1	0.17
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	8	0.17
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	8	0.17
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	8	0.17
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	18	0.17
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	18	0.17
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	19	0.17
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	19	0.17
(1,3004)	1:89:A:THR:HB	1:90:A:GLU:H	5	0.17
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	16	0.17
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	16	0.17
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	16	0.17
(1,2965)	1:68:A:ASN:H	1:69:A:VAL:HA	9	0.17
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	16	0.17
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	16	0.17
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	16	0.17
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	20	0.17
(1,2945)	1:60:A:ILE:HD11	1:136:A:ILE:H	18	0.17
(1,2945)	1:60:A:ILE:HD12	1:136:A:ILE:H	18	0.17
(1,2945)	1:60:A:ILE:HD13	1:136:A:ILE:H	18	0.17
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	2	0.17
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	2	0.17
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	2	0.17
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	18	0.17
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	18	0.17
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	18	0.17
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	2	0.17
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	2	0.17
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	18	0.17
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	18	0.17
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	12	0.17
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	12	0.17
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	12	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	10	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	10	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	10	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	10	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	10	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	10	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	12	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	12	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	12	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	12	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	12	0.17
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	12	0.17
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	18	0.17
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	18	0.17
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	18	0.17
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	3	0.17
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	3	0.17
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	3	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	1	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	1	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	1	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	3	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	3	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	3	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	10	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	10	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	10	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	18	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	18	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	18	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	19	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	19	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	19	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	20	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	20	0.17
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	20	0.17
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HA	10	0.17
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HA	10	0.17
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HA	10	0.17
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	5	0.17
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	5	0.17
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	5	0.17
(1,2652)	1:30:A:LYS:HG2	1:30:A:LYS:HE3	3	0.17
(1,2652)	1:30:A:LYS:HG2	1:30:A:LYS:HE3	7	0.17
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	3	0.17
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	3	0.17
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	3	0.17
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	12	0.17
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	12	0.17
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	12	0.17
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	9	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	9	0.17
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	9	0.17
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	16	0.17
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	16	0.17
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	16	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	6	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	6	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	6	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	6	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	6	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	6	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	6	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	6	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	6	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	10	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	10	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	10	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	10	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	10	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	10	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	10	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	10	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	10	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	18	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	18	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	18	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	18	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	18	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	18	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	18	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	18	0.17
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	18	0.17
(1,2567)	1:123:A:GLU:HB3	1:123:A:GLU:HA	11	0.17
(1,2554)	1:137:A:THR:HG21	1:141:A:TYR:HD1	11	0.17
(1,2554)	1:137:A:THR:HG21	1:141:A:TYR:HD2	11	0.17
(1,2554)	1:137:A:THR:HG22	1:141:A:TYR:HD1	11	0.17
(1,2554)	1:137:A:THR:HG22	1:141:A:TYR:HD2	11	0.17
(1,2554)	1:137:A:THR:HG23	1:141:A:TYR:HD1	11	0.17
(1,2554)	1:137:A:THR:HG23	1:141:A:TYR:HD2	11	0.17
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	6	0.17
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	6	0.17
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	6	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	16	0.17
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	16	0.17
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	16	0.17
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE2	12	0.17
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE3	12	0.17
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE2	12	0.17
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE3	12	0.17
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	9	0.17
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	12	0.17
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	16	0.17
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	1	0.17
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	1	0.17
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	1	0.17
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	1	0.17
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	1	0.17
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	1	0.17
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	2	0.17
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	2	0.17
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	2	0.17
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	17	0.17
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	17	0.17
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	17	0.17
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	10	0.17
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	13	0.17
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	16	0.17
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	10	0.17
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	10	0.17
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	10	0.17
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	12	0.17
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	12	0.17
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	12	0.17
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	4	0.17
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	4	0.17
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	4	0.17
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	7	0.17
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	7	0.17
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	7	0.17
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	8	0.17
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	6	0.17
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	6	0.17
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	6	0.17
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD11	1:168:A:GLU:HA	20	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD12	1:168:A:GLU:HA	20	0.17
(1,2325)	1:171:A:ILE:HD13	1:168:A:GLU:HA	20	0.17
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	7	0.17
(1,2320)	1:75:A:ARG:HA	1:80:A:SER:HB2	14	0.17
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	5	0.17
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	5	0.17
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	5	0.17
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	7	0.17
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	7	0.17
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	7	0.17
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	18	0.17
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	18	0.17
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	18	0.17
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	5	0.17
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	5	0.17
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	5	0.17
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	15	0.17
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	15	0.17
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	15	0.17
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	19	0.17
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	19	0.17
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	19	0.17
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	4	0.17
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	4	0.17
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	4	0.17
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	6	0.17
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	6	0.17
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	6	0.17
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	8	0.17
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	8	0.17
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	8	0.17
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	8	0.17
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	8	0.17
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	8	0.17
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	11	0.17
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	11	0.17
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	11	0.17
(1,2162)	1:50:A:ILE:HG21	1:2:A:VAL:HB	2	0.17
(1,2162)	1:50:A:ILE:HG22	1:2:A:VAL:HB	2	0.17
(1,2162)	1:50:A:ILE:HG23	1:2:A:VAL:HB	2	0.17
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	2	0.17
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	3	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	2	0.17
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	2	0.17
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	2	0.17
(1,2006)	1:168:A:GLU:H	1:164:A:TYR:H	1	0.17
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG11	10	0.17
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG12	10	0.17
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG13	10	0.17
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG21	10	0.17
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG22	10	0.17
(1,1988)	1:191:A:SER:H	1:213:A:VAL:HG23	10	0.17
(1,1978)	1:164:A:TYR:H	1:166:A:PHE:H	10	0.17
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	6	0.17
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	14	0.17
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	14	0.17
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	14	0.17
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	3	0.17
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	3	0.17
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	3	0.17
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	12	0.17
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	12	0.17
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	12	0.17
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	15	0.17
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	15	0.17
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	15	0.17
(1,1901)	1:110:A:ASN:HD22	1:112:A:GLU:H	14	0.17
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	5	0.17
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	12	0.17
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	18	0.17
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	4	0.17
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:H	13	0.17
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:H	13	0.17
(1,1853)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:H	13	0.17
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	7	0.17
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG21	1:189:A:GLU:H	19	0.17
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG22	1:189:A:GLU:H	19	0.17
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG23	1:189:A:GLU:H	19	0.17
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	16	0.17
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	17	0.17
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	16	0.17
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	16	0.17
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	16	0.17
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	11	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	12	0.17
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	14	0.17
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	3	0.17
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	3	0.17
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	3	0.17
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	11	0.17
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	11	0.17
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	11	0.17
(1,1694)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:H	20	0.17
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	5	0.17
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	6	0.17
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	10	0.17
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	12	0.17
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	13	0.17
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	14	0.17
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	16	0.17
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	19	0.17
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	7	0.17
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:H	5	0.17
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:H	5	0.17
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:H	5	0.17
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	16	0.17
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	19	0.17
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	9	0.17
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	1	0.17
(1,1592)	1:45:A:GLN:H	1:47:A:TYR:H	20	0.17
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	8	0.17
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	8	0.17
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	8	0.17
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	10	0.17
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	19	0.17
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	1	0.17
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	1	0.17
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	3	0.17
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	3	0.17
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD11	1:105:A:LEU:H	17	0.17
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD12	1:105:A:LEU:H	17	0.17
(1,1513)	1:105:A:LEU:HD13	1:105:A:LEU:H	17	0.17
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	1	0.17
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	16	0.17
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	18	0.17
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	3	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	3	0.17
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	3	0.17
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	5	0.17
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	5	0.17
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	5	0.17
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	11	0.17
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	11	0.17
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	11	0.17
(1,1472)	1:104:A:THR:HG21	1:84:A:ASN:H	9	0.17
(1,1472)	1:104:A:THR:HG22	1:84:A:ASN:H	9	0.17
(1,1472)	1:104:A:THR:HG23	1:84:A:ASN:H	9	0.17
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	6	0.17
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	6	0.17
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	6	0.17
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	9	0.17
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	13	0.17
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	14	0.17
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	11	0.17
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	11	0.17
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	8	0.17
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	8	0.17
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	8	0.17
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	14	0.17
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	14	0.17
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	14	0.17
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	18	0.17
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	18	0.17
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	18	0.17
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD1	1:20:A:ASN:H	2	0.17
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD2	1:20:A:ASN:H	2	0.17
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	18	0.17
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB1	9	0.17
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB2	9	0.17
(1,1365)	1:57:A:ASP:H	1:56:A:ALA:HB3	9	0.17
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	10	0.17
(1,1314)	1:221:A:GLN:H	1:219:A:GLN:H	18	0.17
(1,1300)	1:177:A:LYS:H	1:175:A:VAL:H	6	0.17
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD21	1:163:A:ARG:H	14	0.17
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD22	1:163:A:ARG:H	14	0.17
(1,1277)	1:21:A:LEU:HD23	1:163:A:ARG:H	14	0.17
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	8	0.17
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	8	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	8	0.17
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	16	0.17
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	16	0.17
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	16	0.17
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	1	0.17
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	1	0.17
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	5	0.17
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	5	0.17
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB2	1	0.17
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB3	1	0.17
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB2	13	0.17
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB3	13	0.17
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	18	0.17
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	18	0.17
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	18	0.17
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	20	0.17
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	20	0.17
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	20	0.17
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	8	0.17
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	16	0.17
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD1	1	0.17
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD2	1	0.17
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG21	1:50:A:ILE:H	13	0.17
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG22	1:50:A:ILE:H	13	0.17
(1,1117)	1:50:A:ILE:HG23	1:50:A:ILE:H	13	0.17
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	1	0.17
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	6	0.17
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	17	0.17
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	20	0.17
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	2	0.17
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	4	0.17
(1,1089)	1:73:A:GLY:H	1:71:A:VAL:HB	3	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	4	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	4	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	4	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	5	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	5	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	5	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	11	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	11	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	11	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	12	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	12	0.17
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	12	0.17
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	7	0.17
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	7	0.17
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	7	0.17
(1,990)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HA	3	0.17
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD11	18	0.17
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD12	18	0.17
(1,988)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HD13	18	0.17
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	3	0.17
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	3	0.17
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	10	0.17
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	10	0.17
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	5	0.17
(1,973)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HE22	5	0.17
(1,973)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HE22	5	0.17
(1,973)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HE22	5	0.17
(1,947)	1:44:A:SER:HA	1:47:A:TYR:H	13	0.17
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	6	0.17
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	6	0.17
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	6	0.17
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	14	0.17
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	14	0.17
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	14	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	14	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	14	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	14	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	17	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	17	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	17	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	19	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	19	0.17
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	19	0.17
(1,904)	1:230:A:ALA:HB1	1:226:A:THR:H	1	0.17
(1,904)	1:230:A:ALA:HB2	1:226:A:THR:H	1	0.17
(1,904)	1:230:A:ALA:HB3	1:226:A:THR:H	1	0.17
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	7	0.17
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	7	0.17
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	7	0.17
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	9	0.17
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	9	0.17
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	9	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	15	0.17
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	15	0.17
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	15	0.17
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	6	0.17
(1,852)	1:222:A:ARG:HB2	1:223:A:VAL:H	13	0.17
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	7	0.17
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	7	0.17
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	7	0.17
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	13	0.17
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	13	0.17
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	13	0.17
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	16	0.17
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	16	0.17
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	16	0.17
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	9	0.17
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	9	0.17
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	9	0.17
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG21	10	0.17
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG22	10	0.17
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG23	10	0.17
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	8	0.17
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	12	0.17
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	12	0.17
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	8	0.17
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	1	0.17
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	11	0.17
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	15	0.17
(1,702)	1:226:A:THR:HG21	1:225:A:ILE:H	7	0.17
(1,702)	1:226:A:THR:HG22	1:225:A:ILE:H	7	0.17
(1,702)	1:226:A:THR:HG23	1:225:A:ILE:H	7	0.17
(1,663)	1:36:A:LEU:HD21	1:243:A:ARG:H	16	0.17
(1,663)	1:36:A:LEU:HD22	1:243:A:ARG:H	16	0.17
(1,663)	1:36:A:LEU:HD23	1:243:A:ARG:H	16	0.17
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	1	0.17
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	11	0.17
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	11	0.17
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	11	0.17
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	1	0.17
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	2	0.17
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	9	0.17
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	11	0.17
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	16	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	19	0.17
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	20	0.17
(1,643)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HG2	2	0.17
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	17	0.17
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	6	0.17
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	5	0.17
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	5	0.17
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	5	0.17
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	8	0.17
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	8	0.17
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	8	0.17
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	5	0.17
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	8	0.17
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	3	0.17
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	3	0.17
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	1	0.17
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	7	0.17
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	17	0.17
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	7	0.17
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	5	0.17
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	1	0.17
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	1	0.17
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	1	0.17
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	15	0.17
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	15	0.17
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	15	0.17
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	16	0.17
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	16	0.17
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	16	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	1	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	1	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	1	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	2	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	2	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	2	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	8	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	8	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	8	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	18	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	18	0.17
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	18	0.17
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	2	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	2	0.17
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	4	0.17
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	4	0.17
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	10	0.17
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	10	0.17
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	12	0.17
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	12	0.17
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	10	0.17
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	10	0.17
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	16	0.17
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	6	0.17
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	17	0.17
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	17	0.17
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	17	0.17
(1,326)	1:10:A:THR:HG21	1:11:A:SER:H	18	0.17
(1,326)	1:10:A:THR:HG22	1:11:A:SER:H	18	0.17
(1,326)	1:10:A:THR:HG23	1:11:A:SER:H	18	0.17
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	13	0.17
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	13	0.17
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	13	0.17
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	14	0.17
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	14	0.17
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	14	0.17
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	12	0.17
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	12	0.17
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	12	0.17
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	6	0.17
(1,212)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HB2	19	0.17
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	19	0.17
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	19	0.17
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	19	0.17
(1,204)	1:62:A:VAL:HG11	1:62:A:VAL:H	20	0.17
(1,204)	1:62:A:VAL:HG12	1:62:A:VAL:H	20	0.17
(1,204)	1:62:A:VAL:HG13	1:62:A:VAL:H	20	0.17
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	16	0.17
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	16	0.17
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	16	0.17
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	13	0.17
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	11	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	8	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	8	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	8	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	11	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	11	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	11	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	16	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	16	0.17
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	16	0.17
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	11	0.17
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	11	0.17
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	18	0.17
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	11	0.17
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	20	0.17
(1,159)	1:53:A:THR:HB	1:5:A:ARG:H	14	0.17
(1,159)	1:53:A:THR:HB	1:5:A:ARG:H	17	0.17
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	4	0.17
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	4	0.17
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	4	0.17
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	17	0.17
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	17	0.17
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	17	0.17
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	19	0.17
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	19	0.17
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	19	0.17
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	2	0.17
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	5	0.17
(1,131)	1:119:A:GLY:H	1:117:A:ALA:HA	15	0.17
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	12	0.17
(1,104)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:HB2	2	0.17
(1,104)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:HB2	16	0.17
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	18	0.17
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	20	0.17
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	2	0.17
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	10	0.17
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	16	0.17
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	8	0.17
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	17	0.17
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	8	0.17
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	8	0.17
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	8	0.17
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	18	0.17
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	18	0.17
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	18	0.17
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD11	19	0.17

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD12	19	0.17
(1,89)	1:139:A:LEU:H	1:60:A:ILE:HD13	19	0.17
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	1	0.17
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	3	0.17
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	11	0.17
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	14	0.17
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	20	0.17
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	8	0.17
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	8	0.17
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	8	0.17
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	3	0.17
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	5	0.17
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	15	0.17
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	20	0.17
(4,268)	1:199:A:ILE:HD11	1:198:A:GLN:H	7	0.16
(4,268)	1:199:A:ILE:HD12	1:198:A:GLN:H	7	0.16
(4,268)	1:199:A:ILE:HD13	1:198:A:GLN:H	7	0.16
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	12	0.16
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	16	0.16
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	3	0.16
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	3	0.16
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	7	0.16
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	7	0.16
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	8	0.16
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	8	0.16
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE2	17	0.16
(4,211)	1:178:A:THR:H	1:177:A:LYS:HE3	17	0.16
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	9	0.16
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	14	0.16
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	18	0.16
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	2	0.16
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	3	0.16
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	10	0.16
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	20	0.16
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	6	0.16
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	10	0.16
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	12	0.16
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	3	0.16
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	3	0.16
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	3	0.16
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	5	0.16
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	5	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	5	0.16
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	16	0.16
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	16	0.16
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	16	0.16
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	3	0.16
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	3	0.16
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	3	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	3	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	3	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	3	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	3	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	3	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	3	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	14	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	14	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	14	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	14	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	14	0.16
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	14	0.16
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	10	0.16
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	10	0.16
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	10	0.16
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	10	0.16
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	14	0.16
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	2	0.16
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	15	0.16
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	15	0.16
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	15	0.16
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	15	0.16
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	15	0.16
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	15	0.16
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG21	1:54:A:ASN:HD22	1	0.16
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG22	1:54:A:ASN:HD22	1	0.16
(1,3113)	1:136:A:ILE:HG23	1:54:A:ASN:HD22	1	0.16
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD21	1:157:A:SER:HA	5	0.16
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD22	1:157:A:SER:HA	5	0.16
(1,3101)	1:132:A:LEU:HD23	1:157:A:SER:HA	5	0.16
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD11	6	0.16
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD12	6	0.16
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD13	6	0.16
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	12	0.16
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	2	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	14	0.16
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	19	0.16
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	20	0.16
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	14	0.16
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	1	0.16
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	1	0.16
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	13	0.16
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	13	0.16
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	8	0.16
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	8	0.16
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	8	0.16
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	14	0.16
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	14	0.16
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	14	0.16
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	17	0.16
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	17	0.16
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	17	0.16
(1,2965)	1:68:A:ASN:H	1:69:A:VAL:HA	14	0.16
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	2	0.16
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	2	0.16
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	2	0.16
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD11	1:140:A:PHE:HA	19	0.16
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD12	1:140:A:PHE:HA	19	0.16
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD13	1:140:A:PHE:HA	19	0.16
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	7	0.16
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	8	0.16
(1,2847)	1:30:A:LYS:HA	1:30:A:LYS:HD2	13	0.16
(1,2843)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD2	1	0.16
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	9	0.16
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	12	0.16
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	5	0.16
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	5	0.16
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	5	0.16
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	5	0.16
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	5	0.16
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	5	0.16
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	5	0.16
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	5	0.16
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	5	0.16
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	15	0.16
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	15	0.16
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	3	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	20	0.16
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	20	0.16
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	20	0.16
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	20	0.16
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	16	0.16
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	16	0.16
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	16	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	4	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	4	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	4	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	6	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	6	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	6	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	7	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	7	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	7	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	8	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	8	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	8	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	9	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	9	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	9	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	11	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	11	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	11	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	12	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	12	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	12	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	13	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	13	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	13	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	14	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	14	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	14	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	15	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	15	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	15	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	16	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	16	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	16	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	17	0.16
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	17	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	17	0.16
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HA	9	0.16
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HA	9	0.16
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HA	9	0.16
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HA	20	0.16
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HA	20	0.16
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HA	20	0.16
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	13	0.16
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	13	0.16
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	13	0.16
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	2	0.16
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	2	0.16
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	2	0.16
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	6	0.16
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	6	0.16
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	6	0.16
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	18	0.16
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	18	0.16
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	18	0.16
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	19	0.16
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	19	0.16
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	19	0.16
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	1	0.16
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	1	0.16
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	1	0.16
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	8	0.16
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	8	0.16
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	8	0.16
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	3	0.16
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	12	0.16
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	11	0.16
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	11	0.16
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	11	0.16
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	9	0.16
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	9	0.16
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	9	0.16
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	12	0.16
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	12	0.16
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	12	0.16
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	20	0.16
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	20	0.16
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	20	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	9	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	9	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	9	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	9	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	9	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	9	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	11	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	11	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	11	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	11	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	11	0.16
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	11	0.16
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	11	0.16
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	11	0.16
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	11	0.16
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	13	0.16
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	13	0.16
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	13	0.16
(1,2479)	1:101:A:ARG:H	1:101:A:ARG:HB2	7	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	11	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	11	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	11	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	11	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	11	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	11	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	11	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	11	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	11	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	20	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	20	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	20	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	20	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	20	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	20	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	20	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	20	0.16
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	20	0.16
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	8	0.16
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	8	0.16
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	8	0.16
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	20	0.16
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	20	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	20	0.16
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD21	1:242:A:ASN:HA	9	0.16
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD22	1:242:A:ASN:HA	9	0.16
(1,2446)	1:36:A:LEU:HD23	1:242:A:ASN:HA	9	0.16
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	5	0.16
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	20	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	3	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	3	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	3	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	6	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	6	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	6	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	15	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	15	0.16
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	15	0.16
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	6	0.16
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	6	0.16
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	20	0.16
(1,2333)	1:129:A:LEU:HG	1:175:A:VAL:HA	2	0.16
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	4	0.16
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	4	0.16
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	4	0.16
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	16	0.16
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	16	0.16
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	16	0.16
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	16	0.16
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	16	0.16
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	16	0.16
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	16	0.16
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	16	0.16
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	16	0.16
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD2	4	0.16
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD3	4	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	4	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	4	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	4	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	9	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	9	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	9	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	13	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	13	0.16
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	13	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2111)	1:169:A:GLN:HA	1:169:A:GLN:HE22	17	0.16
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	17	0.16
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	13	0.16
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	13	0.16
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	13	0.16
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD1	1:30:A:LYS:H	6	0.16
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD2	1:30:A:LYS:H	6	0.16
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	11	0.16
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB1	1:196:A:SER:H	3	0.16
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB2	1:196:A:SER:H	3	0.16
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB3	1:196:A:SER:H	3	0.16
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	1	0.16
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	8	0.16
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	10	0.16
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	12	0.16
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	16	0.16
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	18	0.16
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	18	0.16
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	18	0.16
(1,1950)	1:30:A:LYS:H	1:33:A:ASP:HA	19	0.16
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	5	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	1	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	1	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	1	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	2	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	2	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	2	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	4	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	4	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	4	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	5	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	5	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	5	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	10	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	10	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	10	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	16	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	16	0.16
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	16	0.16
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	13	0.16
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	2	0.16
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	6	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	7	0.16
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	8	0.16
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	11	0.16
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	14	0.16
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	17	0.16
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	18	0.16
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	3	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB1	1:221:A:GLN:H	8	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB2	1:221:A:GLN:H	8	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB3	1:221:A:GLN:H	8	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB1	1:221:A:GLN:H	12	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB2	1:221:A:GLN:H	12	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB3	1:221:A:GLN:H	12	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB1	1:221:A:GLN:H	16	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB2	1:221:A:GLN:H	16	0.16
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB3	1:221:A:GLN:H	16	0.16
(1,1825)	1:209:A:PHE:HA	1:211:A:THR:H	13	0.16
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG21	1:189:A:GLU:H	14	0.16
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG22	1:189:A:GLU:H	14	0.16
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG23	1:189:A:GLU:H	14	0.16
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	1	0.16
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	11	0.16
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	20	0.16
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	20	0.16
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	3	0.16
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE1	1:133:A:ASP:H	13	0.16
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE2	1:133:A:ASP:H	13	0.16
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	1	0.16
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	11	0.16
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	11	0.16
(1,1657)	1:80:A:SER:H	1:100:A:LYS:H	3	0.16
(1,1657)	1:80:A:SER:H	1:100:A:LYS:H	8	0.16
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	20	0.16
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	20	0.16
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	20	0.16
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	2	0.16
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	2	0.16
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	3	0.16
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	8	0.16
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	9	0.16
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	10	0.16
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	12	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	15	0.16
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	6	0.16
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	6	0.16
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	6	0.16
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	9	0.16
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	9	0.16
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	9	0.16
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	18	0.16
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	18	0.16
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	18	0.16
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	2	0.16
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	8	0.16
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	8	0.16
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	17	0.16
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	17	0.16
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	2	0.16
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	6	0.16
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	8	0.16
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	10	0.16
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	11	0.16
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	14	0.16
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	15	0.16
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	18	0.16
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	1	0.16
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	1	0.16
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	1	0.16
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	3	0.16
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	3	0.16
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	3	0.16
(1,1414)	1:5:A:ARG:H	1:52:A:LEU:HA	3	0.16
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	1	0.16
(1,1300)	1:177:A:LYS:H	1:175:A:VAL:H	7	0.16
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	9	0.16
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	9	0.16
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	9	0.16
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	9	0.16
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	14	0.16
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	14	0.16
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	14	0.16
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	19	0.16
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	19	0.16
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	19	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB2	18	0.16
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB3	18	0.16
(1,1191)	1:36:A:LEU:HG	1:242:A:ASN:HD21	12	0.16
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	5	0.16
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD1	1:92:A:ALA:H	11	0.16
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD2	1:92:A:ALA:H	11	0.16
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	10	0.16
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	10	0.16
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	10	0.16
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	4	0.16
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	10	0.16
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	3	0.16
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	4	0.16
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	11	0.16
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	12	0.16
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	17	0.16
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	18	0.16
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	19	0.16
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	4	0.16
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	4	0.16
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	4	0.16
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	3	0.16
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	4	0.16
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	7	0.16
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	18	0.16
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	13	0.16
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	13	0.16
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	13	0.16
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	12	0.16
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	12	0.16
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	12	0.16
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG21	1:220:A:ASN:H	11	0.16
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG22	1:220:A:ASN:H	11	0.16
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG23	1:220:A:ASN:H	11	0.16
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG21	1:220:A:ASN:H	12	0.16
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG22	1:220:A:ASN:H	12	0.16
(1,1077)	1:216:A:ILE:HG23	1:220:A:ASN:H	12	0.16
(1,1057)	1:54:A:ASN:HB3	1:56:A:ALA:H	18	0.16
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD11	1:170:A:GLN:H	15	0.16
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD12	1:170:A:GLN:H	15	0.16
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD13	1:170:A:GLN:H	15	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	6	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	6	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	6	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	7	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	7	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	7	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	10	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	10	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	10	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	13	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	13	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	13	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	14	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	14	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	14	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	15	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	15	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	15	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	16	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	16	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	16	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	17	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	17	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	17	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	18	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	18	0.16
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	18	0.16
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	5	0.16
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	5	0.16
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	7	0.16
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	7	0.16
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	11	0.16
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	13	0.16
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	13	0.16
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	13	0.16
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	17	0.16
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	17	0.16
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	17	0.16
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD1	16	0.16
(1,918)	1:70:A:TYR:H	1:70:A:TYR:HD2	16	0.16
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	3	0.16
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	3	0.16
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	3	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,908)	1:199:A:ILE:HD11	1:199:A:ILE:H	9	0.16
(1,908)	1:199:A:ILE:HD12	1:199:A:ILE:H	9	0.16
(1,908)	1:199:A:ILE:HD13	1:199:A:ILE:H	9	0.16
(1,904)	1:230:A:ALA:HB1	1:226:A:THR:H	2	0.16
(1,904)	1:230:A:ALA:HB2	1:226:A:THR:H	2	0.16
(1,904)	1:230:A:ALA:HB3	1:226:A:THR:H	2	0.16
(1,883)	1:137:A:THR:H	1:54:A:ASN:HD22	18	0.16
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	14	0.16
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	14	0.16
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	14	0.16
(1,827)	1:78:A:ASP:HB2	1:100:A:LYS:H	13	0.16
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	7	0.16
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	7	0.16
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	7	0.16
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	17	0.16
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	17	0.16
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	17	0.16
(1,783)	1:48:A:ALA:H	1:63:A:ALA:HA	5	0.16
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	14	0.16
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	11	0.16
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	20	0.16
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	20	0.16
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	3	0.16
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	8	0.16
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	12	0.16
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	2	0.16
(1,733)	1:84:A:ASN:HB3	1:107:A:TYR:H	16	0.16
(1,733)	1:84:A:ASN:HB3	1:107:A:TYR:H	20	0.16
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	20	0.16
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	19	0.16
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD2	7	0.16
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD3	7	0.16
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD2	16	0.16
(1,660)	1:243:A:ARG:H	1:243:A:ARG:HD3	16	0.16
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	8	0.16
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	8	0.16
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	8	0.16
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	4	0.16
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	7	0.16
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	8	0.16
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	10	0.16
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	13	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,648)	1:158:A:THR:H	1:158:A:THR:HB	15	0.16
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	17	0.16
(1,638)	1:6:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	13	0.16
(1,638)	1:6:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	13	0.16
(1,638)	1:6:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	13	0.16
(1,638)	1:6:A:LEU:HD21	1:132:A:LEU:H	13	0.16
(1,638)	1:6:A:LEU:HD22	1:132:A:LEU:H	13	0.16
(1,638)	1:6:A:LEU:HD23	1:132:A:LEU:H	13	0.16
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	2	0.16
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	5	0.16
(1,624)	1:15:A:GLY:H	1:11:A:SER:HA	4	0.16
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	2	0.16
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	9	0.16
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	10	0.16
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	19	0.16
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	7	0.16
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	7	0.16
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	7	0.16
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	4	0.16
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	7	0.16
(1,571)	1:58:A:GLU:H	1:56:A:ALA:HA	14	0.16
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	9	0.16
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	17	0.16
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	14	0.16
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	16	0.16
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	4	0.16
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	6	0.16
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	10	0.16
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	11	0.16
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	11	0.16
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	11	0.16
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	14	0.16
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	14	0.16
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	14	0.16
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	16	0.16
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	16	0.16
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	16	0.16
(1,384)	1:99:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	2	0.16
(1,384)	1:99:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	2	0.16
(1,384)	1:99:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	2	0.16
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	1	0.16
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	1	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	5	0.16
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	5	0.16
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	7	0.16
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	7	0.16
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	8	0.16
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	8	0.16
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	17	0.16
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	17	0.16
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	11	0.16
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	12	0.16
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	20	0.16
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	17	0.16
(1,306)	1:206:A:ASN:HB3	1:208:A:GLN:H	15	0.16
(1,298)	1:186:A:ILE:HG21	1:190:A:ASN:H	10	0.16
(1,298)	1:186:A:ILE:HG22	1:190:A:ASN:H	10	0.16
(1,298)	1:186:A:ILE:HG23	1:190:A:ASN:H	10	0.16
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	4	0.16
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	4	0.16
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	4	0.16
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	7	0.16
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	2	0.16
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	2	0.16
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	2	0.16
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	2	0.16
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	17	0.16
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	17	0.16
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	17	0.16
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	3	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	1	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	1	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	6	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	6	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	7	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	7	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	13	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	13	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	14	0.16
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	14	0.16
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	9	0.16
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	10	0.16
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	10	0.16
(1,128)	1:186:A:ILE:HD11	1:122:A:ARG:H	1	0.16

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,128)	1:186:A:ILE:HD12	1:122:A:ARG:H	1	0.16
(1,128)	1:186:A:ILE:HD13	1:122:A:ARG:H	1	0.16
(1,117)	1:51:A:HIS:H	1:2:A:VAL:H	10	0.16
(1,116)	1:51:A:HIS:HD2	1:2:A:VAL:H	14	0.16
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	17	0.16
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	17	0.16
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	17	0.16
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	3	0.16
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	17	0.16
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	3	0.16
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	4	0.16
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	8	0.16
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	20	0.16
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	10	0.16
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	15	0.16
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	14	0.16
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	14	0.16
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	14	0.16
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	14	0.16
(1,3)	1:192:A:TRP:H	1:191:A:SER:HB2	8	0.16
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	2	0.15
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	2	0.15
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	13	0.15
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	13	0.15
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	1	0.15
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	5	0.15
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	15	0.15
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	9	0.15
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	9	0.15
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	18	0.15
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	18	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	1	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	2	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	3	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	6	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	11	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	12	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	13	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	15	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	16	0.15
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	19	0.15
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	8	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	12	0.15
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	14	0.15
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	18	0.15
(4,99)	1:23:A:LYS:H	1:20:A:ASN:H	14	0.15
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	4	0.15
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	4	0.15
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	4	0.15
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	6	0.15
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	6	0.15
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	6	0.15
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	10	0.15
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	10	0.15
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	13	0.15
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	13	0.15
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	12	0.15
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	12	0.15
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	17	0.15
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	17	0.15
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	17	0.15
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	15	0.15
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	18	0.15
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	4	0.15
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	4	0.15
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	4	0.15
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	4	0.15
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	4	0.15
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	4	0.15
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	5	0.15
(3,97)	1:191:A:SER:H	1:188:A:LEU:O	20	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	1	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	1	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	1	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	5	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	5	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	5	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	8	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	8	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	8	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	17	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	17	0.15
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	17	0.15
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	6	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	11	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	1	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	3	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	4	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	5	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	6	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	7	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	8	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	9	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	10	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	11	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	12	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	13	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	14	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	15	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	16	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	17	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	18	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	19	0.15
(1,3217)	1:229:A:ASP:HB3	1:229:A:ASP:HA	20	0.15
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	7	0.15
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	7	0.15
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	7	0.15
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	13	0.15
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	13	0.15
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	13	0.15
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	14	0.15
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	3	0.15
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	4	0.15
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	12	0.15
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	15	0.15
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	3	0.15
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	9	0.15
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	15	0.15
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	18	0.15
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	18	0.15
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	18	0.15
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	4	0.15
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	4	0.15
(1,3006)	1:90:A:GLU:HA	1:90:A:GLU:HG3	6	0.15
(1,3006)	1:90:A:GLU:HA	1:90:A:GLU:HG3	13	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	1	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	1	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	1	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	15	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	15	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	15	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	20	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	20	0.15
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	20	0.15
(1,2965)	1:68:A:ASN:H	1:69:A:VAL:HA	17	0.15
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	16	0.15
(1,2882)	1:41:A:LEU:H	1:40:A:THR:HB	20	0.15
(1,2878)	1:39:A:SER:HB3	1:242:A:ASN:HB3	10	0.15
(1,2843)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD2	15	0.15
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD2	9	0.15
(1,2816)	1:23:A:LYS:H	1:23:A:LYS:HD3	9	0.15
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	18	0.15
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	18	0.15
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	18	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	4	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	4	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	4	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	4	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	4	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	4	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	11	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	11	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	11	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	11	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	11	0.15
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	11	0.15
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	12	0.15
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	10	0.15
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	10	0.15
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	10	0.15
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	17	0.15
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	17	0.15
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	17	0.15
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG21	1:153:A:VAL:HA	2	0.15
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG22	1:153:A:VAL:HA	2	0.15
(1,2726)	1:153:A:VAL:HG23	1:153:A:VAL:HA	2	0.15
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	2	0.15
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	2	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	2	0.15
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	13	0.15
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	13	0.15
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	13	0.15
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	3	0.15
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	3	0.15
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	3	0.15
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	7	0.15
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	7	0.15
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	7	0.15
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	10	0.15
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	10	0.15
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	10	0.15
(1,2663)	1:100:A:LYS:HG3	1:100:A:LYS:HE2	13	0.15
(1,2663)	1:100:A:LYS:HG3	1:100:A:LYS:HE3	13	0.15
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	5	0.15
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	5	0.15
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	5	0.15
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	11	0.15
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	11	0.15
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	11	0.15
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	19	0.15
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	19	0.15
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	19	0.15
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	19	0.15
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	19	0.15
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	19	0.15
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	19	0.15
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	19	0.15
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	19	0.15
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	19	0.15
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	19	0.15
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	19	0.15
(1,2567)	1:123:A:GLU:HB3	1:123:A:GLU:HA	8	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG21	1:141:A:TYR:HD1	19	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG21	1:141:A:TYR:HD2	19	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG22	1:141:A:TYR:HD1	19	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG22	1:141:A:TYR:HD2	19	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG23	1:141:A:TYR:HD1	19	0.15
(1,2554)	1:137:A:THR:HG23	1:141:A:TYR:HD2	19	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	8	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	8	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	8	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	14	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	14	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	14	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	20	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	20	0.15
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	20	0.15
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	5	0.15
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	5	0.15
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	5	0.15
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	18	0.15
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	18	0.15
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	18	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	8	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	8	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	8	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	9	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	9	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	9	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	13	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	13	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	13	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	14	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	14	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	14	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	15	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	15	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	15	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	20	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	20	0.15
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	20	0.15
(1,2497)	1:222:A:ARG:HA	1:222:A:ARG:HG3	6	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	6	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	6	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	6	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	6	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	6	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	6	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	10	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	10	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	10	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	10	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	10	0.15
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	10	0.15
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	19	0.15
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	19	0.15
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	19	0.15
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	5	0.15
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	5	0.15
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	5	0.15
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	9	0.15
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	9	0.15
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	9	0.15
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	13	0.15
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	13	0.15
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	13	0.15
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	3	0.15
(1,2438)	1:246:A:MET:HG3	1:246:A:MET:HA	14	0.15
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	6	0.15
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	6	0.15
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	6	0.15
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	12	0.15
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	12	0.15
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	12	0.15
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB1	1:162:A:ALA:HA	17	0.15
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB2	1:162:A:ALA:HA	17	0.15
(1,2413)	1:238:A:ALA:HB3	1:162:A:ALA:HA	17	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	1	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	1	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	1	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	9	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	9	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	9	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	13	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	13	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	13	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	16	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	16	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	16	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	19	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	19	0.15
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	19	0.15
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	7	0.15
(1,2351)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HD2	9	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	13	0.15
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	13	0.15
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	13	0.15
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG21	9	0.15
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG22	9	0.15
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG23	9	0.15
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG21	12	0.15
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG22	12	0.15
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG23	12	0.15
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	13	0.15
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	13	0.15
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	13	0.15
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	8	0.15
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	8	0.15
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	8	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	3	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	3	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	3	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	3	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	3	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	3	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	3	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	3	0.15
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	3	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	1	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	1	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	1	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	6	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	6	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	6	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	9	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	9	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	9	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	18	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	18	0.15
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	18	0.15
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	5	0.15
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	5	0.15
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	5	0.15
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	6	0.15
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	6	0.15
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	6	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	17	0.15
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	17	0.15
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	17	0.15
(1,2172)	1:50:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	5	0.15
(1,2172)	1:50:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	5	0.15
(1,2172)	1:50:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	5	0.15
(1,2136)	1:39:A:SER:HA	1:242:A:ASN:H	7	0.15
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	4	0.15
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	9	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG21	1:229:A:ASP:H	2	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG22	1:229:A:ASP:H	2	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG23	1:229:A:ASP:H	2	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG21	1:229:A:ASP:H	10	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG22	1:229:A:ASP:H	10	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG23	1:229:A:ASP:H	10	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG21	1:229:A:ASP:H	13	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG22	1:229:A:ASP:H	13	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG23	1:229:A:ASP:H	13	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG21	1:229:A:ASP:H	19	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG22	1:229:A:ASP:H	19	0.15
(1,2105)	1:234:A:THR:HG23	1:229:A:ASP:H	19	0.15
(1,2085)	1:245:A:ASN:HD22	1:67:A:THR:HA	3	0.15
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD1	1:30:A:LYS:H	13	0.15
(1,2005)	1:27:A:TYR:HD2	1:30:A:LYS:H	13	0.15
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD2	11	0.15
(1,1997)	1:244:A:ASN:H	1:243:A:ARG:HD3	11	0.15
(1,1995)	1:36:A:LEU:HG	1:242:A:ASN:HD22	10	0.15
(1,1995)	1:36:A:LEU:HG	1:242:A:ASN:HD22	20	0.15
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	19	0.15
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	19	0.15
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	19	0.15
(1,1980)	1:167:A:ILE:HB	1:164:A:TYR:H	16	0.15
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	1	0.15
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	4	0.15
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	12	0.15
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	17	0.15
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	7	0.15
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	7	0.15
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	7	0.15
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	9	0.15
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	9	0.15
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	9	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	9	0.15
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	13	0.15
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	19	0.15
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	20	0.15
(1,1888)	1:219:A:GLN:HE22	1:219:A:GLN:HA	4	0.15
(1,1876)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HE22	12	0.15
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	13	0.15
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	11	0.15
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	5	0.15
(1,1827)	1:214:A:VAL:H	1:225:A:ILE:HB	14	0.15
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	5	0.15
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	20	0.15
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	10	0.15
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	14	0.15
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	4	0.15
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	4	0.15
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	2	0.15
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	2	0.15
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	2	0.15
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	1	0.15
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	17	0.15
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	18	0.15
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE1	1:133:A:ASP:H	7	0.15
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE2	1:133:A:ASP:H	7	0.15
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	4	0.15
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	4	0.15
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	4	0.15
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	20	0.15
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	20	0.15
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	20	0.15
(1,1712)	1:124:A:ASN:HD22	1:124:A:ASN:H	2	0.15
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	2	0.15
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	13	0.15
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	11	0.15
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	15	0.15
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	20	0.15
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	17	0.15
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	17	0.15
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	17	0.15
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	17	0.15
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	17	0.15
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	17	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	3	0.15
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	8	0.15
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD1	7	0.15
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD2	7	0.15
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	14	0.15
(1,1665)	1:89:A:THR:H	1:87:A:SER:HA	12	0.15
(1,1620)	1:74:A:TYR:HA	1:61:A:SER:H	10	0.15
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	5	0.15
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	12	0.15
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	13	0.15
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	12	0.15
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	13	0.15
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	19	0.15
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	2	0.15
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	2	0.15
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	2	0.15
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	4	0.15
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB1	16	0.15
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB2	16	0.15
(1,1544)	1:3:A:SER:H	1:24:A:ALA:HB3	16	0.15
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	20	0.15
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	20	0.15
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	20	0.15
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	11	0.15
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	14	0.15
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	14	0.15
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	14	0.15
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	14	0.15
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	17	0.15
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	17	0.15
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	17	0.15
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	15	0.15
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	18	0.15
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	19	0.15
(1,1472)	1:104:A:THR:HG21	1:84:A:ASN:H	6	0.15
(1,1472)	1:104:A:THR:HG22	1:84:A:ASN:H	6	0.15
(1,1472)	1:104:A:THR:HG23	1:84:A:ASN:H	6	0.15
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	7	0.15
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	7	0.15
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	7	0.15
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	10	0.15
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	10	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	10	0.15
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	10	0.15
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	15	0.15
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	12	0.15
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	12	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	1	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	4	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	5	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	7	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	9	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	12	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	13	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	16	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	17	0.15
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	19	0.15
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	12	0.15
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	12	0.15
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	12	0.15
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	7	0.15
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	7	0.15
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	7	0.15
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	9	0.15
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	9	0.15
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	9	0.15
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD1	1:20:A:ASN:H	5	0.15
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD2	1:20:A:ASN:H	5	0.15
(1,1345)	1:202:A:ALA:H	1:205:A:ASN:H	7	0.15
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	16	0.15
(1,1300)	1:177:A:LYS:H	1:175:A:VAL:H	4	0.15
(1,1300)	1:177:A:LYS:H	1:175:A:VAL:H	20	0.15
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	13	0.15
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	13	0.15
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	13	0.15
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	1	0.15
(1,1264)	1:237:A:ILE:HA	1:164:A:TYR:H	18	0.15
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	6	0.15
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	6	0.15
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	12	0.15
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	12	0.15
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	17	0.15
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	17	0.15
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB2	7	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB3	7	0.15
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	8	0.15
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	9	0.15
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	9	0.15
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	9	0.15
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	8	0.15
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	2	0.15
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	7	0.15
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	13	0.15
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	17	0.15
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	20	0.15
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	12	0.15
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	19	0.15
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	13	0.15
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	17	0.15
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	17	0.15
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	17	0.15
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	11	0.15
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	11	0.15
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	11	0.15
(1,1074)	1:220:A:ASN:H	1:219:A:GLN:HB2	11	0.15
(1,1035)	1:22:A:ARG:H	1:162:A:ALA:HB1	11	0.15
(1,1035)	1:22:A:ARG:H	1:162:A:ALA:HB2	11	0.15
(1,1035)	1:22:A:ARG:H	1:162:A:ALA:HB3	11	0.15
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD11	1:170:A:GLN:H	3	0.15
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD12	1:170:A:GLN:H	3	0.15
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD13	1:170:A:GLN:H	3	0.15
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD11	1:170:A:GLN:H	9	0.15
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD12	1:170:A:GLN:H	9	0.15
(1,1020)	1:185:A:ILE:HD13	1:170:A:GLN:H	9	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	1	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	1	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	1	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	2	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	2	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	2	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	3	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	3	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	3	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	8	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	8	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	8	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	9	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	9	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	9	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	19	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	19	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	19	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG21	1:171:A:ILE:H	20	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG22	1:171:A:ILE:H	20	0.15
(1,1014)	1:171:A:ILE:HG23	1:171:A:ILE:H	20	0.15
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	14	0.15
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	14	0.15
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	14	0.15
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	9	0.15
(1,956)	1:174:A:ARG:H	1:172:A:GLY:HA3	2	0.15
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	11	0.15
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	11	0.15
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	11	0.15
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	11	0.15
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	11	0.15
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	11	0.15
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	12	0.15
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	12	0.15
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	12	0.15
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	16	0.15
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	16	0.15
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	16	0.15
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	2	0.15
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	2	0.15
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	2	0.15
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	8	0.15
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	8	0.15
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	8	0.15
(1,883)	1:137:A:THR:H	1:54:A:ASN:HD22	8	0.15
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG21	1	0.15
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG22	1	0.15
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG23	1	0.15
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG21	14	0.15
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG22	14	0.15
(1,808)	1:84:A:ASN:HD21	1:104:A:THR:HG23	14	0.15
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	2	0.15
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	6	0.15
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	9	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	10	0.15
(1,738)	1:105:A:LEU:H	1:107:A:TYR:H	18	0.15
(1,733)	1:84:A:ASN:HB3	1:107:A:TYR:H	3	0.15
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	2	0.15
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	3	0.15
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	8	0.15
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	12	0.15
(1,707)	1:108:A:SER:HB2	1:109:A:GLY:H	15	0.15
(1,675)	1:92:A:ALA:HA	1:95:A:VAL:H	2	0.15
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	6	0.15
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	14	0.15
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	14	0.15
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	3	0.15
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	18	0.15
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	20	0.15
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD2	12	0.15
(1,532)	1:41:A:LEU:H	1:46:A:ARG:HD3	12	0.15
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	16	0.15
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	20	0.15
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG21	4	0.15
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG22	4	0.15
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG23	4	0.15
(1,454)	1:9:A:ALA:HB1	1:14:A:TYR:H	18	0.15
(1,454)	1:9:A:ALA:HB2	1:14:A:TYR:H	18	0.15
(1,454)	1:9:A:ALA:HB3	1:14:A:TYR:H	18	0.15
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	13	0.15
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	13	0.15
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	13	0.15
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	11	0.15
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	11	0.15
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	11	0.15
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	6	0.15
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	6	0.15
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	11	0.15
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	11	0.15
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	8	0.15
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	8	0.15
(1,336)	1:75:A:ARG:HB2	1:61:A:SER:H	19	0.15
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	6	0.15
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	6	0.15
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	6	0.15
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	7	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,306)	1:206:A:ASN:HB3	1:208:A:GLN:H	18	0.15
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	3	0.15
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	3	0.15
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	3	0.15
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	8	0.15
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	8	0.15
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	8	0.15
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	2	0.15
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	2	0.15
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	2	0.15
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	19	0.15
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	19	0.15
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	19	0.15
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	10	0.15
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	19	0.15
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	4	0.15
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	4	0.15
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	20	0.15
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	20	0.15
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	4	0.15
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	19	0.15
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	8	0.15
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	8	0.15
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	20	0.15
(1,116)	1:51:A:HIS:HD2	1:2:A:VAL:H	6	0.15
(1,116)	1:51:A:HIS:HD2	1:2:A:VAL:H	11	0.15
(1,116)	1:51:A:HIS:HD2	1:2:A:VAL:H	15	0.15
(1,116)	1:51:A:HIS:HD2	1:2:A:VAL:H	16	0.15
(1,116)	1:51:A:HIS:HD2	1:2:A:VAL:H	18	0.15
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	5	0.15
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	11	0.15
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	1	0.15
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	5	0.15
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	4	0.15
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	11	0.15
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	7	0.15
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	14	0.15
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	2	0.15
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	3	0.15
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	3	0.15
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	3	0.15
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	12	0.15

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	13	0.15
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	16	0.15
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	17	0.15
(1,49)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:HB2	3	0.15
(1,49)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:HB2	15	0.15
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	14	0.14
(4,263)	1:185:A:ILE:H	1:182:A:SER:HB2	13	0.14
(4,256)	1:195:A:LEU:HA	1:198:A:GLN:HG3	7	0.14
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	4	0.14
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	4	0.14
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	4	0.14
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	5	0.14
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	5	0.14
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	2	0.14
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	6	0.14
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	11	0.14
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	7	0.14
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	8	0.14
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	9	0.14
(4,120)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:H	5	0.14
(4,120)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:H	5	0.14
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	1	0.14
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	11	0.14
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE2	2	0.14
(4,93)	1:197:A:LYS:HG3	1:197:A:LYS:HE3	2	0.14
(4,93)	1:197:A:LYS:HG2	1:197:A:LYS:HE3	2	0.14
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	6	0.14
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	6	0.14
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	11	0.14
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	11	0.14
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	5	0.14
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	5	0.14
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG11	15	0.14
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG12	15	0.14
(4,29)	1:26:A:PRO:HD3	1:66:A:VAL:HG13	15	0.14
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	11	0.14
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	13	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	2	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	2	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	2	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	2	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	2	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	2	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	19	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	19	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	19	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	19	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	19	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	19	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	20	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	20	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	20	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	20	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	20	0.14
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	20	0.14
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	8	0.14
(3,97)	1:191:A:SER:H	1:188:A:LEU:O	9	0.14
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG21	3	0.14
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG22	3	0.14
(1,3236)	1:187:A:SER:HA	1:186:A:ILE:HG23	3	0.14
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	1	0.14
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	2	0.14
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	8	0.14
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	13	0.14
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	16	0.14
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	18	0.14
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	19	0.14
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	20	0.14
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	4	0.14
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	4	0.14
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	4	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	3	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	3	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	3	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	3	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	3	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	3	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	4	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	4	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	4	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	4	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	4	0.14
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	4	0.14
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG21	1:153:A:VAL:H	3	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG22	1:153:A:VAL:H	3	0.14
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG23	1:153:A:VAL:H	3	0.14
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	18	0.14
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	1	0.14
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	7	0.14
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	2	0.14
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	2	0.14
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	2	0.14
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	6	0.14
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	6	0.14
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	9	0.14
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	9	0.14
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	15	0.14
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	15	0.14
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	5	0.14
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	5	0.14
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	5	0.14
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	1	0.14
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	1	0.14
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	1	0.14
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	15	0.14
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	15	0.14
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	15	0.14
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD11	1:140:A:PHE:HA	4	0.14
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD12	1:140:A:PHE:HA	4	0.14
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD13	1:140:A:PHE:HA	4	0.14
(1,2847)	1:30:A:LYS:HA	1:30:A:LYS:HD2	4	0.14
(1,2847)	1:30:A:LYS:HA	1:30:A:LYS:HD2	11	0.14
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	6	0.14
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	14	0.14
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	14	0.14
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	14	0.14
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	14	0.14
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	14	0.14
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	14	0.14
(1,2752)	1:188:A:LEU:HA	1:188:A:LEU:HG	6	0.14
(1,2742)	1:221:A:GLN:HG3	1:223:A:VAL:HG11	6	0.14
(1,2742)	1:221:A:GLN:HG3	1:223:A:VAL:HG12	6	0.14
(1,2742)	1:221:A:GLN:HG3	1:223:A:VAL:HG13	6	0.14
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG21	1:117:A:ALA:H	5	0.14
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG22	1:117:A:ALA:H	5	0.14
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG23	1:117:A:ALA:H	5	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	6	0.14
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	6	0.14
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	6	0.14
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	8	0.14
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	8	0.14
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	8	0.14
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	15	0.14
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	15	0.14
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	15	0.14
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	3	0.14
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	3	0.14
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	3	0.14
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	14	0.14
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	14	0.14
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	14	0.14
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	20	0.14
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	20	0.14
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	20	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	9	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	9	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	9	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	10	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	10	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	10	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	13	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	13	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	13	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	15	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	15	0.14
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	15	0.14
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	10	0.14
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	10	0.14
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	10	0.14
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	17	0.14
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	17	0.14
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	17	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	1	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	1	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	1	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	5	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	5	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	5	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	10	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	10	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	10	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	12	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	12	0.14
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	12	0.14
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	19	0.14
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	19	0.14
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	19	0.14
(1,2508)	1:219:A:GLN:H	1:219:A:GLN:HG3	19	0.14
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	3	0.14
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	3	0.14
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	3	0.14
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	5	0.14
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	5	0.14
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	5	0.14
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	17	0.14
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	17	0.14
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	17	0.14
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	4	0.14
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	4	0.14
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	4	0.14
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	2	0.14
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	2	0.14
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	2	0.14
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	3	0.14
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	3	0.14
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	3	0.14
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	12	0.14
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	12	0.14
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	12	0.14
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	14	0.14
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	14	0.14
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	14	0.14
(1,2333)	1:129:A:LEU:HG	1:175:A:VAL:HA	19	0.14
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	9	0.14
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	10	0.14
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	10	0.14
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	10	0.14
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	14	0.14
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	14	0.14
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	14	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	17	0.14
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	17	0.14
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	17	0.14
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG21	11	0.14
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG22	11	0.14
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG23	11	0.14
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	9	0.14
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	9	0.14
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	9	0.14
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD11	10	0.14
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD12	10	0.14
(1,2265)	1:3:A:SER:HA	1:52:A:LEU:HD13	10	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	7	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	7	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	7	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	7	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	7	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	7	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	7	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	7	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	7	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	17	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	17	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	17	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	17	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	17	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	17	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	17	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	17	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	17	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	20	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	20	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	20	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	20	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	20	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	20	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	20	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	20	0.14
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	20	0.14
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD2	15	0.14
(1,2241)	1:28:A:GLU:HA	1:38:A:ARG:HD3	15	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	5	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	5	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	5	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	11	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	11	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	11	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	12	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	12	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	12	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	14	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	14	0.14
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	14	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE1	5	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE2	5	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE1	5	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE2	5	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE1	5	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE2	5	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE1	9	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE2	9	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE1	9	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE2	9	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE1	9	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE2	9	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE1	15	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE2	15	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE1	15	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE2	15	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE1	15	0.14
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE2	15	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	8	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	8	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	8	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	12	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	12	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	12	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	14	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	14	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	14	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	20	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	20	0.14
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	20	0.14
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG11	1:81:A:TYR:HA	9	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG12	1:81:A:TYR:HA	9	0.14
(1,2176)	1:103:A:VAL:HG13	1:81:A:TYR:HA	9	0.14
(1,2136)	1:39:A:SER:HA	1:242:A:ASN:H	12	0.14
(1,2135)	1:70:A:TYR:H	1:68:A:ASN:HD22	8	0.14
(1,2131)	1:209:A:PHE:H	1:227:A:ASN:H	15	0.14
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	17	0.14
(1,2122)	1:64:A:ILE:H	1:72:A:MET:HG2	15	0.14
(1,2105)	1:234:A:THR:HG21	1:229:A:ASP:H	5	0.14
(1,2105)	1:234:A:THR:HG22	1:229:A:ASP:H	5	0.14
(1,2105)	1:234:A:THR:HG23	1:229:A:ASP:H	5	0.14
(1,2105)	1:234:A:THR:HG21	1:229:A:ASP:H	8	0.14
(1,2105)	1:234:A:THR:HG22	1:229:A:ASP:H	8	0.14
(1,2105)	1:234:A:THR:HG23	1:229:A:ASP:H	8	0.14
(1,2103)	1:234:A:THR:H	1:235:A:SER:HB2	9	0.14
(1,2100)	1:219:A:GLN:HE22	1:218:A:ALA:HA	10	0.14
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	11	0.14
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	13	0.14
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB1	1:164:A:TYR:H	17	0.14
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB2	1:164:A:TYR:H	17	0.14
(1,2090)	1:161:A:ALA:HB3	1:164:A:TYR:H	17	0.14
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	16	0.14
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	16	0.14
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	16	0.14
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	19	0.14
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	19	0.14
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	19	0.14
(1,2042)	1:165:A:LYS:H	1:236:A:ASN:H	7	0.14
(1,2012)	1:169:A:GLN:HB2	1:166:A:PHE:H	17	0.14
(1,2004)	1:238:A:ALA:H	1:192:A:TRP:HE1	2	0.14
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	14	0.14
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	16	0.14
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	16	0.14
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	16	0.14
(1,1978)	1:164:A:TYR:H	1:166:A:PHE:H	14	0.14
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	10	0.14
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	19	0.14
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG21	16	0.14
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG22	16	0.14
(1,1952)	1:48:A:ALA:H	1:95:A:VAL:HG23	16	0.14
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	18	0.14
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	8	0.14
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	8	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	8	0.14
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	19	0.14
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	19	0.14
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	19	0.14
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	20	0.14
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	20	0.14
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	20	0.14
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	20	0.14
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	11	0.14
(1,1929)	1:199:A:ILE:H	1:199:A:ILE:HG12	13	0.14
(1,1929)	1:199:A:ILE:H	1:199:A:ILE:HG12	19	0.14
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	10	0.14
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	1	0.14
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	5	0.14
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	7	0.14
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	20	0.14
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	16	0.14
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB1	1:221:A:GLN:H	14	0.14
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB2	1:221:A:GLN:H	14	0.14
(1,1833)	1:184:A:ALA:HB3	1:221:A:GLN:H	14	0.14
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	14	0.14
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	12	0.14
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	18	0.14
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	7	0.14
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	7	0.14
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	9	0.14
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	9	0.14
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	18	0.14
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	19	0.14
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	2	0.14
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	4	0.14
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	10	0.14
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE1	1:133:A:ASP:H	5	0.14
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE2	1:133:A:ASP:H	5	0.14
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	1	0.14
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	1	0.14
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	1	0.14
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	16	0.14
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	16	0.14
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	16	0.14
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	14	0.14
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	17	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1697)	1:110:A:ASN:HB3	1:112:A:GLU:H	4	0.14
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD1	10	0.14
(1,1689)	1:107:A:TYR:H	1:107:A:TYR:HD2	10	0.14
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	8	0.14
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	9	0.14
(1,1679)	1:95:A:VAL:H	1:97:A:LYS:H	15	0.14
(1,1620)	1:74:A:TYR:HA	1:61:A:SER:H	17	0.14
(1,1593)	1:48:A:ALA:H	1:66:A:VAL:HA	9	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	2	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	2	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	2	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	9	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	9	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	9	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	11	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	11	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	11	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	12	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	12	0.14
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	12	0.14
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	6	0.14
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	6	0.14
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	6	0.14
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	4	0.14
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	7	0.14
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	17	0.14
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	19	0.14
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	10	0.14
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	10	0.14
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	10	0.14
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD11	1:121:A:ILE:H	13	0.14
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD12	1:121:A:ILE:H	13	0.14
(1,1505)	1:121:A:ILE:HD13	1:121:A:ILE:H	13	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	1	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	4	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	6	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	9	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	10	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	11	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	13	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	16	0.14
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	20	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	5	0.14
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	5	0.14
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	5	0.14
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	8	0.14
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	8	0.14
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	8	0.14
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	11	0.14
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	18	0.14
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	18	0.14
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	3	0.14
(1,1444)	1:133:A:ASP:H	1:132:A:LEU:HA	20	0.14
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	13	0.14
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	13	0.14
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	13	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	6	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	6	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	6	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	17	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	17	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	17	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	20	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	20	0.14
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	20	0.14
(1,1414)	1:5:A:ARG:H	1:52:A:LEU:HA	6	0.14
(1,1414)	1:5:A:ARG:H	1:52:A:LEU:HA	15	0.14
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	6	0.14
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	19	0.14
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	10	0.14
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	5	0.14
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	5	0.14
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	5	0.14
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	9	0.14
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	9	0.14
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	9	0.14
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	3	0.14
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	3	0.14
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	11	0.14
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	11	0.14
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	13	0.14
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	13	0.14
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	19	0.14
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	19	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1198)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:H	9	0.14
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	17	0.14
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	18	0.14
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG21	1:157:A:SER:H	17	0.14
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG22	1:157:A:SER:H	17	0.14
(1,1181)	1:171:A:ILE:HG23	1:157:A:SER:H	17	0.14
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	10	0.14
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	15	0.14
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	18	0.14
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	5	0.14
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	1	0.14
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	5	0.14
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	6	0.14
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	10	0.14
(1,1129)	1:18:A:ILE:HA	1:20:A:ASN:H	13	0.14
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	1	0.14
(1,1058)	1:56:A:ALA:H	1:58:A:GLU:HG3	13	0.14
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	15	0.14
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	18	0.14
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	18	0.14
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	18	0.14
(1,1022)	1:143:A:ASN:HA	1:143:A:ASN:HD22	3	0.14
(1,1022)	1:143:A:ASN:HA	1:143:A:ASN:HD22	8	0.14
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	6	0.14
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	6	0.14
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	6	0.14
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG21	1:125:A:ILE:H	18	0.14
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG22	1:125:A:ILE:H	18	0.14
(1,1005)	1:125:A:ILE:HG23	1:125:A:ILE:H	18	0.14
(1,990)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HA	17	0.14
(1,978)	1:42:A:PRO:HG2	1:45:A:GLN:H	19	0.14
(1,978)	1:42:A:PRO:HG3	1:45:A:GLN:H	19	0.14
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	19	0.14
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	20	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	7	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	7	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	7	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	12	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	12	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	12	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	19	0.14
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	19	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	19	0.14
(1,940)	1:32:A:TYR:HD1	1:33:A:ASP:H	15	0.14
(1,940)	1:32:A:TYR:HD2	1:33:A:ASP:H	15	0.14
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	20	0.14
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	20	0.14
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	20	0.14
(1,908)	1:199:A:ILE:HD11	1:199:A:ILE:H	1	0.14
(1,908)	1:199:A:ILE:HD12	1:199:A:ILE:H	1	0.14
(1,908)	1:199:A:ILE:HD13	1:199:A:ILE:H	1	0.14
(1,908)	1:199:A:ILE:HD11	1:199:A:ILE:H	4	0.14
(1,908)	1:199:A:ILE:HD12	1:199:A:ILE:H	4	0.14
(1,908)	1:199:A:ILE:HD13	1:199:A:ILE:H	4	0.14
(1,895)	1:18:A:ILE:HG21	1:19:A:SER:H	14	0.14
(1,895)	1:18:A:ILE:HG22	1:19:A:SER:H	14	0.14
(1,895)	1:18:A:ILE:HG23	1:19:A:SER:H	14	0.14
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	11	0.14
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	11	0.14
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	11	0.14
(1,824)	1:71:A:VAL:HG21	1:159:A:SER:H	15	0.14
(1,824)	1:71:A:VAL:HG22	1:159:A:SER:H	15	0.14
(1,824)	1:71:A:VAL:HG23	1:159:A:SER:H	15	0.14
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	18	0.14
(1,776)	1:48:A:ALA:H	1:47:A:TYR:HB2	16	0.14
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	2	0.14
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	4	0.14
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	13	0.14
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	20	0.14
(1,733)	1:84:A:ASN:HB3	1:107:A:TYR:H	9	0.14
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	16	0.14
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	2	0.14
(1,675)	1:92:A:ALA:HA	1:95:A:VAL:H	17	0.14
(1,662)	1:243:A:ARG:HG2	1:243:A:ARG:H	18	0.14
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	2	0.14
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	3	0.14
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	4	0.14
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	10	0.14
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	12	0.14
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	18	0.14
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	3	0.14
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	6	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	6	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	6	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	6	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	9	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	9	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	9	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	19	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	19	0.14
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	19	0.14
(1,591)	1:209:A:PHE:HB2	1:211:A:THR:H	16	0.14
(1,576)	1:53:A:THR:HG21	1:58:A:GLU:H	8	0.14
(1,576)	1:53:A:THR:HG22	1:58:A:GLU:H	8	0.14
(1,576)	1:53:A:THR:HG23	1:58:A:GLU:H	8	0.14
(1,517)	1:51:A:HIS:H	1:4:A:PHE:H	11	0.14
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	6	0.14
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	6	0.14
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	20	0.14
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	11	0.14
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	19	0.14
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD11	3	0.14
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD12	3	0.14
(1,416)	1:53:A:THR:H	1:52:A:LEU:HD13	3	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	5	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	5	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	5	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	6	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	6	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	6	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	7	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	7	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	7	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	9	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	9	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	9	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	10	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	10	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	10	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	15	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	15	0.14
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	15	0.14
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB1	8	0.14
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB2	8	0.14
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB3	8	0.14
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	5	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	5	0.14
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	12	0.14
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	13	0.14
(1,328)	1:3:A:SER:H	1:2:A:VAL:HB	11	0.14
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	20	0.14
(1,267)	1:13:A:SER:HA	1:17:A:PHE:H	20	0.14
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	17	0.14
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	17	0.14
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	17	0.14
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE2	6	0.14
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE3	6	0.14
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	18	0.14
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	19	0.14
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	9	0.14
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	9	0.14
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	9	0.14
(1,221)	1:30:A:LYS:HB2	1:30:A:LYS:H	12	0.14
(1,217)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD3	9	0.14
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	13	0.14
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	13	0.14
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	13	0.14
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	5	0.14
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	5	0.14
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	12	0.14
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	12	0.14
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	15	0.14
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	15	0.14
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	16	0.14
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG21	20	0.14
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG22	20	0.14
(1,154)	1:209:A:PHE:H	1:226:A:THR:HG23	20	0.14
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	3	0.14
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	3	0.14
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD1	5	0.14
(1,140)	1:6:A:LEU:H	1:55:A:TYR:HD2	5	0.14
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	4	0.14
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	13	0.14
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	13	0.14
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	13	0.14
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	14	0.14
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	6	0.14
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	7	0.14

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	10	0.14
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	11	0.14
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	7	0.14
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	17	0.14
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	9	0.14
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	19	0.14
(1,64)	1:64:A:ILE:H	1:65:A:ASP:H	6	0.14
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	11	0.14
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	11	0.14
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	11	0.14
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	7	0.14
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	9	0.14
(1,49)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:HB2	16	0.14
(4,324)	1:174:A:ARG:HA	1:177:A:LYS:HG3	8	0.13
(4,322)	1:59:A:THR:H	1:140:A:PHE:HE1	14	0.13
(4,322)	1:59:A:THR:H	1:140:A:PHE:HE2	14	0.13
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD2	8	0.13
(4,310)	1:216:A:ILE:HD11	1:222:A:ARG:HD3	8	0.13
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD2	8	0.13
(4,310)	1:216:A:ILE:HD12	1:222:A:ARG:HD3	8	0.13
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD2	8	0.13
(4,310)	1:216:A:ILE:HD13	1:222:A:ARG:HD3	8	0.13
(4,263)	1:185:A:ILE:H	1:182:A:SER:HB2	1	0.13
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	2	0.13
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	2	0.13
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	2	0.13
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	20	0.13
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	20	0.13
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	17	0.13
(4,120)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:H	9	0.13
(4,120)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:H	9	0.13
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	13	0.13
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE2	11	0.13
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE3	11	0.13
(4,88)	1:113:A:ARG:HB2	1:109:A:GLY:H	7	0.13
(4,88)	1:113:A:ARG:HB3	1:109:A:GLY:H	7	0.13
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	12	0.13
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	12	0.13
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	12	0.13
(4,74)	1:150:A:ALA:HB1	1:138:A:THR:H	20	0.13
(4,74)	1:150:A:ALA:HB2	1:138:A:THR:H	20	0.13
(4,74)	1:150:A:ALA:HB3	1:138:A:THR:H	20	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	11	0.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	11	0.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	11	0.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	11	0.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	11	0.13
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	11	0.13
(4,52)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HA	13	0.13
(4,39)	1:38:A:ARG:HB2	1:41:A:LEU:H	19	0.13
(4,39)	1:38:A:ARG:HB3	1:41:A:LEU:H	19	0.13
(4,26)	1:173:A:LYS:H	1:170:A:GLN:H	9	0.13
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	10	0.13
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	10	0.13
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	10	0.13
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	10	0.13
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	10	0.13
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	10	0.13
(3,97)	1:191:A:SER:H	1:188:A:LEU:O	10	0.13
(3,94)	1:188:A:LEU:H	1:185:A:ILE:O	16	0.13
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	4	0.13
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	12	0.13
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	3	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	1	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	1	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	1	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	5	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	5	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	5	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	11	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	11	0.13
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	11	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	5	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	5	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	5	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	5	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	5	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	5	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	6	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	6	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	6	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	6	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	6	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	6	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	11	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	11	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	11	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	11	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	11	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	11	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	17	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	17	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	17	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	17	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	17	0.13
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	17	0.13
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	17	0.13
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	13	0.13
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	20	0.13
(1,3050)	1:108:A:SER:HA	1:83:A:PHE:HB2	3	0.13
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	2	0.13
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	2	0.13
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD1	1:102:A:LYS:HG2	16	0.13
(1,3031)	1:82:A:PHE:HD2	1:102:A:LYS:HG2	16	0.13
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	7	0.13
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	7	0.13
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	7	0.13
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	11	0.13
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	11	0.13
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	11	0.13
(1,2965)	1:68:A:ASN:H	1:69:A:VAL:HA	7	0.13
(1,2965)	1:68:A:ASN:H	1:69:A:VAL:HA	8	0.13
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	9	0.13
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	9	0.13
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	9	0.13
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	12	0.13
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	12	0.13
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	12	0.13
(1,2843)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD2	7	0.13
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	20	0.13
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	4	0.13
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	4	0.13
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	4	0.13
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD11	1:158:A:THR:HB	17	0.13
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD12	1:158:A:THR:HB	17	0.13
(1,2805)	1:18:A:ILE:HD13	1:158:A:THR:HB	17	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	2	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	2	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	2	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	2	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	2	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	2	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	6	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	6	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	6	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	6	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	6	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	6	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	9	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	9	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	9	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	9	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	9	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	9	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	16	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	16	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	16	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	16	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	16	0.13
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	16	0.13
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD21	1:55:A:TYR:H	3	0.13
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD22	1:55:A:TYR:H	3	0.13
(1,2783)	1:6:A:LEU:HD23	1:55:A:TYR:H	3	0.13
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	15	0.13
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD21	1:220:A:ASN:HB2	19	0.13
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD22	1:220:A:ASN:HB2	19	0.13
(1,2748)	1:183:A:LEU:HD23	1:220:A:ASN:HB2	19	0.13
(1,2738)	1:26:A:PRO:HD2	1:66:A:VAL:HG11	17	0.13
(1,2738)	1:26:A:PRO:HD2	1:66:A:VAL:HG12	17	0.13
(1,2738)	1:26:A:PRO:HD2	1:66:A:VAL:HG13	17	0.13
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	2	0.13
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	2	0.13
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	2	0.13
(1,2677)	1:19:A:SER:HB2	1:16:A:VAL:HA	14	0.13
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	19	0.13
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	19	0.13
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	19	0.13
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	4	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	4	0.13
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	4	0.13
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	16	0.13
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	16	0.13
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	16	0.13
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG2	1:26:A:PRO:HA	2	0.13
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG3	1:26:A:PRO:HA	2	0.13
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG21	1:47:A:TYR:HA	18	0.13
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG22	1:47:A:TYR:HA	18	0.13
(1,2590)	1:66:A:VAL:HG23	1:47:A:TYR:HA	18	0.13
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	8	0.13
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	19	0.13
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	19	0.13
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	19	0.13
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	1	0.13
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	1	0.13
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	1	0.13
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	15	0.13
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	15	0.13
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	15	0.13
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	6	0.13
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	6	0.13
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	6	0.13
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	7	0.13
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	7	0.13
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	7	0.13
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	18	0.13
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	18	0.13
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	18	0.13
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	4	0.13
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	10	0.13
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	13	0.13
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	17	0.13
(1,2484)	1:203:A:SER:HB3	1:31:A:LEU:HD21	13	0.13
(1,2484)	1:203:A:SER:HB3	1:31:A:LEU:HD22	13	0.13
(1,2484)	1:203:A:SER:HB3	1:31:A:LEU:HD23	13	0.13
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	10	0.13
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	10	0.13
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	10	0.13
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	10	0.13
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	10	0.13
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	10	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	10	0.13
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	10	0.13
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	10	0.13
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	20	0.13
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	20	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	9	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	9	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	9	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	15	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	15	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	15	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	16	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	16	0.13
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	16	0.13
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	17	0.13
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	17	0.13
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	17	0.13
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	18	0.13
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	18	0.13
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	18	0.13
(1,2385)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HG3	3	0.13
(1,2385)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HG3	4	0.13
(1,2339)	1:247:A:ALA:H	1:246:A:MET:HA	11	0.13
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	20	0.13
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	20	0.13
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	20	0.13
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG21	8	0.13
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG22	8	0.13
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG23	8	0.13
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	18	0.13
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	18	0.13
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	18	0.13
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	20	0.13
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	20	0.13
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	20	0.13
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	2	0.13
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	2	0.13
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	2	0.13
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG21	1:210:A:GLU:H	19	0.13
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG22	1:210:A:GLU:H	19	0.13
(1,2298)	1:201:A:ILE:HG23	1:210:A:GLU:H	19	0.13
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	20	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	20	0.13
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	20	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	2	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	2	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	2	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	3	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	3	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	3	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	4	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	4	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	4	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	7	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	7	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	7	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	9	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	9	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	9	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	10	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	10	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	10	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	13	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	13	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	13	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	15	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	15	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	15	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	17	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	17	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	17	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	18	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	18	0.13
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	18	0.13
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD11	1:71:A:VAL:HB	5	0.13
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD12	1:71:A:VAL:HB	5	0.13
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD13	1:71:A:VAL:HB	5	0.13
(1,2183)	1:34:A:ILE:HG21	1:239:A:LEU:HA	4	0.13
(1,2183)	1:34:A:ILE:HG22	1:239:A:LEU:HA	4	0.13
(1,2183)	1:34:A:ILE:HG23	1:239:A:LEU:HA	4	0.13
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	8	0.13
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	8	0.13
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	8	0.13
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	12	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	12	0.13
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	12	0.13
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	14	0.13
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	14	0.13
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	14	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB1	1:114:A:LEU:HA	5	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB2	1:114:A:LEU:HA	5	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB3	1:114:A:LEU:HA	5	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB1	1:114:A:LEU:HA	6	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB2	1:114:A:LEU:HA	6	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB3	1:114:A:LEU:HA	6	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB1	1:114:A:LEU:HA	16	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB2	1:114:A:LEU:HA	16	0.13
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB3	1:114:A:LEU:HA	16	0.13
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	19	0.13
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	3	0.13
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	4	0.13
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	14	0.13
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	18	0.13
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	12	0.13
(1,2067)	1:74:A:TYR:H	1:81:A:TYR:HB3	5	0.13
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	7	0.13
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	7	0.13
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	7	0.13
(1,2045)	1:232:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	12	0.13
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB1	1:196:A:SER:H	10	0.13
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB2	1:196:A:SER:H	10	0.13
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB3	1:196:A:SER:H	10	0.13
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	11	0.13
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	11	0.13
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	11	0.13
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	9	0.13
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	11	0.13
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG21	3	0.13
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG22	3	0.13
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG23	3	0.13
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	13	0.13
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	13	0.13
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	13	0.13
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG21	1:21:A:LEU:H	18	0.13
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG22	1:21:A:LEU:H	18	0.13
(1,1944)	1:18:A:ILE:HG23	1:21:A:LEU:H	18	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	14	0.13
(1,1929)	1:199:A:ILE:H	1:199:A:ILE:HG12	18	0.13
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	15	0.13
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	20	0.13
(1,1909)	1:6:A:LEU:HB3	1:6:A:LEU:H	8	0.13
(1,1901)	1:110:A:ASN:HD22	1:112:A:GLU:H	16	0.13
(1,1901)	1:110:A:ASN:HD22	1:112:A:GLU:H	20	0.13
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	1	0.13
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	3	0.13
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	15	0.13
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	16	0.13
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	11	0.13
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	15	0.13
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	19	0.13
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	5	0.13
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	7	0.13
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	14	0.13
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	1	0.13
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	10	0.13
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	19	0.13
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	16	0.13
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	16	0.13
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD1	1:178:A:THR:H	17	0.13
(1,1787)	1:179:A:PHE:HD2	1:178:A:THR:H	17	0.13
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	5	0.13
(1,1745)	1:146:A:SER:HA	1:150:A:ALA:H	19	0.13
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD1	16	0.13
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD2	16	0.13
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD1	17	0.13
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD2	17	0.13
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD1	20	0.13
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD2	20	0.13
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	6	0.13
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	11	0.13
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	12	0.13
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	13	0.13
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	14	0.13
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	15	0.13
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	8	0.13
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	8	0.13
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	8	0.13
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	19	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1687)	1:105:A:LEU:H	1:106:A:PRO:HD2	3	0.13
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	19	0.13
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	19	0.13
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	19	0.13
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	19	0.13
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	19	0.13
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	19	0.13
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD1	9	0.13
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD2	9	0.13
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD1	17	0.13
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD2	17	0.13
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	1	0.13
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	12	0.13
(1,1664)	1:88:A:ALA:H	1:83:A:PHE:HB3	18	0.13
(1,1657)	1:80:A:SER:H	1:100:A:LYS:H	19	0.13
(1,1620)	1:74:A:TYR:HA	1:61:A:SER:H	1	0.13
(1,1620)	1:74:A:TYR:HA	1:61:A:SER:H	3	0.13
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	6	0.13
(1,1612)	1:53:A:THR:HB	1:57:A:ASP:H	14	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	3	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	3	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	3	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	7	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	7	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	7	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	8	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	8	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	8	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	10	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	10	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	10	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	15	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	15	0.13
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	15	0.13
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	13	0.13
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	20	0.13
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	2	0.13
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	3	0.13
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	7	0.13
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	8	0.13
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	12	0.13
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	14	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1497)	1:153:A:VAL:H	1:153:A:VAL:HB	17	0.13
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	9	0.13
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	18	0.13
(1,1478)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HD3	19	0.13
(1,1478)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HD2	19	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG21	1:84:A:ASN:H	5	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG22	1:84:A:ASN:H	5	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG23	1:84:A:ASN:H	5	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG21	1:84:A:ASN:H	7	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG22	1:84:A:ASN:H	7	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG23	1:84:A:ASN:H	7	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG21	1:84:A:ASN:H	10	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG22	1:84:A:ASN:H	10	0.13
(1,1472)	1:104:A:THR:HG23	1:84:A:ASN:H	10	0.13
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	5	0.13
(1,1453)	1:31:A:LEU:H	1:31:A:LEU:HG	18	0.13
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	6	0.13
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	6	0.13
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	7	0.13
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	7	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	1	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	1	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	1	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	3	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	3	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	3	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	10	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	10	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	10	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	12	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	12	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	12	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	15	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	15	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	15	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	19	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	19	0.13
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	19	0.13
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD1	1:20:A:ASN:H	4	0.13
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD2	1:20:A:ASN:H	4	0.13
(1,1414)	1:5:A:ARG:H	1:52:A:LEU:HA	4	0.13
(1,1351)	1:217:A:ASN:H	1:220:A:ASN:H	12	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	12	0.13
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	8	0.13
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	15	0.13
(1,1291)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:H	12	0.13
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	4	0.13
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	4	0.13
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	4	0.13
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	2	0.13
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	2	0.13
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	7	0.13
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	7	0.13
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD11	1:216:A:ILE:H	2	0.13
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD12	1:216:A:ILE:H	2	0.13
(1,1188)	1:216:A:ILE:HD13	1:216:A:ILE:H	2	0.13
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	8	0.13
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	12	0.13
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	9	0.13
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	9	0.13
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	15	0.13
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD1	4	0.13
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD2	4	0.13
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD1	7	0.13
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD2	7	0.13
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	16	0.13
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	6	0.13
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	14	0.13
(1,1087)	1:62:A:VAL:HA	1:73:A:GLY:H	17	0.13
(1,1074)	1:220:A:ASN:H	1:219:A:GLN:HB2	12	0.13
(1,1058)	1:56:A:ALA:H	1:58:A:GLU:HG3	9	0.13
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	1	0.13
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	2	0.13
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	3	0.13
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	8	0.13
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	18	0.13
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	5	0.13
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	5	0.13
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	5	0.13
(1,990)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HA	7	0.13
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	14	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	1	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	1	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	1	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	2	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	2	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	2	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	4	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	4	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	4	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	7	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	7	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	7	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	9	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	9	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	9	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	11	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	11	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	11	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	12	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	12	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	12	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	14	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	14	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	14	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	20	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	20	0.13
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	20	0.13
(1,908)	1:199:A:ILE:HD11	1:199:A:ILE:H	6	0.13
(1,908)	1:199:A:ILE:HD12	1:199:A:ILE:H	6	0.13
(1,908)	1:199:A:ILE:HD13	1:199:A:ILE:H	6	0.13
(1,877)	1:133:A:ASP:HA	1:137:A:THR:H	15	0.13
(1,862)	1:171:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	18	0.13
(1,862)	1:171:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	18	0.13
(1,862)	1:171:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	18	0.13
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	13	0.13
(1,836)	1:243:A:ARG:H	1:246:A:MET:H	17	0.13
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	4	0.13
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	17	0.13
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	1	0.13
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	3	0.13
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	5	0.13
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	12	0.13
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	17	0.13
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	19	0.13
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	20	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	1	0.13
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	1	0.13
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	10	0.13
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	12	0.13
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	15	0.13
(1,729)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HA	5	0.13
(1,729)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HA	10	0.13
(1,729)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HA	12	0.13
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	9	0.13
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	18	0.13
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	15	0.13
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	15	0.13
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	15	0.13
(1,675)	1:92:A:ALA:HA	1:95:A:VAL:H	12	0.13
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	9	0.13
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	11	0.13
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	15	0.13
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	16	0.13
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	19	0.13
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	20	0.13
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	18	0.13
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	7	0.13
(1,591)	1:209:A:PHE:HB2	1:211:A:THR:H	5	0.13
(1,583)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HG2	3	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	1	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	1	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	5	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	5	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	8	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	8	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	9	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	9	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	10	0.13
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	10	0.13
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	9	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	1	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	1	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	1	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	3	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	3	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	3	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	6	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	6	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	6	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	7	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	7	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	7	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	8	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	8	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	8	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	9	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	9	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	9	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	10	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	10	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	10	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	12	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	12	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	12	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	18	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	18	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	18	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	19	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	19	0.13
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	19	0.13
(1,454)	1:9:A:ALA:HB1	1:14:A:TYR:H	6	0.13
(1,454)	1:9:A:ALA:HB2	1:14:A:TYR:H	6	0.13
(1,454)	1:9:A:ALA:HB3	1:14:A:TYR:H	6	0.13
(1,454)	1:9:A:ALA:HB1	1:14:A:TYR:H	8	0.13
(1,454)	1:9:A:ALA:HB2	1:14:A:TYR:H	8	0.13
(1,454)	1:9:A:ALA:HB3	1:14:A:TYR:H	8	0.13
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	13	0.13
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	4	0.13
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	17	0.13
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	17	0.13
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	17	0.13
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	2	0.13
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	2	0.13
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	2	0.13
(1,382)	1:78:A:ASP:HB2	1:79:A:THR:H	14	0.13
(1,382)	1:78:A:ASP:HB3	1:79:A:THR:H	14	0.13
(1,327)	1:175:A:VAL:HG21	1:11:A:SER:H	3	0.13
(1,327)	1:175:A:VAL:HG22	1:11:A:SER:H	3	0.13
(1,327)	1:175:A:VAL:HG23	1:11:A:SER:H	3	0.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	14	0.13
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	14	0.13
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	14	0.13
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE2	3	0.13
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE3	3	0.13
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE2	15	0.13
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE3	15	0.13
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	2	0.13
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	4	0.13
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG21	20	0.13
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG22	20	0.13
(1,214)	1:245:A:ASN:HD21	1:67:A:THR:HG23	20	0.13
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	1	0.13
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	5	0.13
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	9	0.13
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	9	0.13
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	9	0.13
(1,161)	1:5:A:ARG:HB3	1:5:A:ARG:H	8	0.13
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	1	0.13
(1,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HA	8	0.13
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	1	0.13
(1,104)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:HB2	6	0.13
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	8	0.13
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	20	0.13
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	13	0.13
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB2	20	0.13
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB3	20	0.13
(1,26)	1:102:A:LYS:H	1:103:A:VAL:H	3	0.13
(4,283)	1:63:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:H	5	0.12
(4,283)	1:63:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:H	5	0.12
(4,283)	1:63:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:H	5	0.12
(4,252)	1:36:A:LEU:HD21	1:29:A:ARG:HD3	8	0.12
(4,252)	1:36:A:LEU:HD22	1:29:A:ARG:HD3	8	0.12
(4,252)	1:36:A:LEU:HD23	1:29:A:ARG:HD3	8	0.12
(4,207)	1:103:A:VAL:H	1:80:A:SER:HA	14	0.12
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	13	0.12
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	13	0.12
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	10	0.12
(4,122)	1:64:A:ILE:HG13	1:64:A:ILE:HA	20	0.12
(4,120)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:H	11	0.12
(4,120)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:H	11	0.12
(4,120)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:H	15	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,120)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:H	15	0.12
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE2	18	0.12
(4,96)	1:177:A:LYS:H	1:177:A:LYS:HE3	18	0.12
(4,52)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HA	2	0.12
(4,52)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HA	15	0.12
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	13	0.12
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	13	0.12
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	13	0.12
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	14	0.12
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	14	0.12
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	14	0.12
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	6	0.12
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	6	0.12
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	6	0.12
(4,31)	1:178:A:THR:HG21	1:130:A:PRO:HA	14	0.12
(4,31)	1:178:A:THR:HG22	1:130:A:PRO:HA	14	0.12
(4,31)	1:178:A:THR:HG23	1:130:A:PRO:HA	14	0.12
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB1	8	0.12
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB2	8	0.12
(4,22)	1:145:A:ASN:HB2	1:144:A:ALA:HB3	8	0.12
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB1	8	0.12
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB2	8	0.12
(4,22)	1:145:A:ASN:HB3	1:144:A:ALA:HB3	8	0.12
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB1	1:219:A:GLN:HG3	1	0.12
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB2	1:219:A:GLN:HG3	1	0.12
(1,3209)	1:218:A:ALA:HB3	1:219:A:GLN:HG3	1	0.12
(1,3193)	1:208:A:GLN:HE22	1:206:A:ASN:HB2	16	0.12
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	2	0.12
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	2	0.12
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	2	0.12
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	10	0.12
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	10	0.12
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	10	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	2	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	2	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	2	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	2	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	2	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	2	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD11	16	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD12	16	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD1	1:151:A:LEU:HD13	16	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD11	16	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD12	16	0.12
(1,3139)	1:107:A:TYR:HD2	1:151:A:LEU:HD13	16	0.12
(1,3117)	1:140:A:PHE:HB2	1:137:A:THR:HA	18	0.12
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG21	1:153:A:VAL:H	16	0.12
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG22	1:153:A:VAL:H	16	0.12
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG23	1:153:A:VAL:H	16	0.12
(1,3064)	1:114:A:LEU:HG	1:114:A:LEU:HA	1	0.12
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	2	0.12
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	11	0.12
(1,3050)	1:108:A:SER:HA	1:83:A:PHE:HB2	20	0.12
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	6	0.12
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	6	0.12
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	6	0.12
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	12	0.12
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	12	0.12
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	12	0.12
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	6	0.12
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	6	0.12
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	6	0.12
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	7	0.12
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	7	0.12
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	7	0.12
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	17	0.12
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	17	0.12
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	17	0.12
(1,2951)	1:64:A:ILE:HB	1:65:A:ASP:H	10	0.12
(1,2951)	1:64:A:ILE:HB	1:65:A:ASP:H	20	0.12
(1,2948)	1:64:A:ILE:HA	1:72:A:MET:HG3	10	0.12
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD11	1:140:A:PHE:HA	1	0.12
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD12	1:140:A:PHE:HA	1	0.12
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD13	1:140:A:PHE:HA	1	0.12
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD21	1:54:A:ASN:HB2	10	0.12
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD22	1:54:A:ASN:HB2	10	0.12
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD23	1:54:A:ASN:HB2	10	0.12
(1,2880)	1:39:A:SER:HB2	1:242:A:ASN:HB3	20	0.12
(1,2847)	1:30:A:LYS:HA	1:30:A:LYS:HD2	7	0.12
(1,2847)	1:30:A:LYS:HA	1:30:A:LYS:HD2	16	0.12
(1,2843)	1:30:A:LYS:H	1:29:A:ARG:HD2	11	0.12
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	4	0.12
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	12	0.12
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	14	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	15	0.12
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	17	0.12
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	17	0.12
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	17	0.12
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	17	0.12
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	17	0.12
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	17	0.12
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	6	0.12
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG11	1:2:A:VAL:HA	11	0.12
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG12	1:2:A:VAL:HA	11	0.12
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG13	1:2:A:VAL:HA	11	0.12
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	4	0.12
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	4	0.12
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	4	0.12
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	10	0.12
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	10	0.12
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	10	0.12
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HA	6	0.12
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HA	6	0.12
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HA	6	0.12
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HA	7	0.12
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HA	7	0.12
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HA	7	0.12
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG11	5	0.12
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG12	5	0.12
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:HG13	5	0.12
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG11	5	0.12
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG12	5	0.12
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:HG13	5	0.12
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG11	5	0.12
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG12	5	0.12
(1,2704)	1:63:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:HG13	5	0.12
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD11	1:149:A:SER:HB2	3	0.12
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD12	1:149:A:SER:HB2	3	0.12
(1,2690)	1:125:A:ILE:HD13	1:149:A:SER:HB2	3	0.12
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	7	0.12
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	7	0.12
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	7	0.12
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	18	0.12
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	18	0.12
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	18	0.12
(1,2672)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:HD11	11	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2672)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:HD12	11	0.12
(1,2672)	1:186:A:ILE:HG21	1:186:A:ILE:HD13	11	0.12
(1,2672)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:HD11	11	0.12
(1,2672)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:HD12	11	0.12
(1,2672)	1:186:A:ILE:HG22	1:186:A:ILE:HD13	11	0.12
(1,2672)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:HD11	11	0.12
(1,2672)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:HD12	11	0.12
(1,2672)	1:186:A:ILE:HG23	1:186:A:ILE:HD13	11	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE1	1:144:A:ALA:HB1	12	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE1	1:144:A:ALA:HB2	12	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE1	1:144:A:ALA:HB3	12	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE2	1:144:A:ALA:HB1	12	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE2	1:144:A:ALA:HB2	12	0.12
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE2	1:144:A:ALA:HB3	12	0.12
(1,2652)	1:30:A:LYS:HG2	1:30:A:LYS:HE3	16	0.12
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	7	0.12
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	7	0.12
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	7	0.12
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	14	0.12
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	14	0.12
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	14	0.12
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	16	0.12
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	16	0.12
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	16	0.12
(1,2616)	1:20:A:ASN:HA	1:23:A:LYS:HD3	9	0.12
(1,2608)	1:185:A:ILE:HA	1:188:A:LEU:HG	7	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG2	1:26:A:PRO:HA	5	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG3	1:26:A:PRO:HA	5	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG2	1:26:A:PRO:HA	7	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG3	1:26:A:PRO:HA	7	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG2	1:26:A:PRO:HA	8	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG3	1:26:A:PRO:HA	8	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG2	1:26:A:PRO:HA	9	0.12
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG3	1:26:A:PRO:HA	9	0.12
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	7	0.12
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	7	0.12
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	7	0.12
(1,2554)	1:137:A:THR:HG21	1:141:A:TYR:HD1	18	0.12
(1,2554)	1:137:A:THR:HG21	1:141:A:TYR:HD2	18	0.12
(1,2554)	1:137:A:THR:HG22	1:141:A:TYR:HD1	18	0.12
(1,2554)	1:137:A:THR:HG22	1:141:A:TYR:HD2	18	0.12
(1,2554)	1:137:A:THR:HG23	1:141:A:TYR:HD1	18	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2554)	1:137:A:THR:HG23	1:141:A:TYR:HD2	18	0.12
(1,2549)	1:118:A:ALA:HB1	1:149:A:SER:HB3	4	0.12
(1,2549)	1:118:A:ALA:HB2	1:149:A:SER:HB3	4	0.12
(1,2549)	1:118:A:ALA:HB3	1:149:A:SER:HB3	4	0.12
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	3	0.12
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	3	0.12
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	3	0.12
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD21	1:105:A:LEU:H	13	0.12
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD22	1:105:A:LEU:H	13	0.12
(1,2519)	1:105:A:LEU:HD23	1:105:A:LEU:H	13	0.12
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	2	0.12
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	2	0.12
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	2	0.12
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	18	0.12
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	18	0.12
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	18	0.12
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD21	8	0.12
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD22	8	0.12
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD1	1:132:A:LEU:HD23	8	0.12
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD21	8	0.12
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD22	8	0.12
(1,2496)	1:14:A:TYR:HD2	1:132:A:LEU:HD23	8	0.12
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	9	0.12
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	9	0.12
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	9	0.12
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	3	0.12
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	5	0.12
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	6	0.12
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	20	0.12
(1,2476)	1:101:A:ARG:HA	1:101:A:ARG:HB2	14	0.12
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG21	14	0.12
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG22	14	0.12
(1,2453)	1:200:A:GLN:HA	1:199:A:ILE:HG23	14	0.12
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	1	0.12
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	1	0.12
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	1	0.12
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	10	0.12
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	10	0.12
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	10	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	1	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	2	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	4	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	5	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	6	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	7	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	8	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	10	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	11	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	13	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	14	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	15	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	16	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	17	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	18	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	19	0.12
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	20	0.12
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	20	0.12
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	20	0.12
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	20	0.12
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE2	20	0.12
(1,2392)	1:94:A:TYR:HA	1:97:A:LYS:HE3	20	0.12
(1,2385)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HG3	8	0.12
(1,2362)	1:224:A:THR:HA	1:224:A:THR:HG21	6	0.12
(1,2362)	1:224:A:THR:HA	1:224:A:THR:HG22	6	0.12
(1,2362)	1:224:A:THR:HA	1:224:A:THR:HG23	6	0.12
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	5	0.12
(1,2332)	1:129:A:LEU:HA	1:129:A:LEU:HG	10	0.12
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	3	0.12
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	3	0.12
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	3	0.12
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	7	0.12
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	7	0.12
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	7	0.12
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	7	0.12
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	7	0.12
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	7	0.12
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	8	0.12
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	8	0.12
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	8	0.12
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	10	0.12
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	10	0.12
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	10	0.12
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB1	2	0.12
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB2	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2200)	1:21:A:LEU:HA	1:24:A:ALA:HB3	2	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE1	12	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE2	12	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE1	12	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE2	12	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE1	12	0.12
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE2	12	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	1	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	1	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	1	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	6	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	6	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	6	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	11	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	11	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	11	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	16	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	16	0.12
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	16	0.12
(1,2136)	1:39:A:SER:HA	1:242:A:ASN:H	2	0.12
(1,2131)	1:209:A:PHE:H	1:227:A:ASN:H	11	0.12
(1,2126)	1:233:A:VAL:HA	1:236:A:ASN:H	12	0.12
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	2	0.12
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	11	0.12
(1,2105)	1:234:A:THR:HG21	1:229:A:ASP:H	14	0.12
(1,2105)	1:234:A:THR:HG22	1:229:A:ASP:H	14	0.12
(1,2105)	1:234:A:THR:HG23	1:229:A:ASP:H	14	0.12
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	5	0.12
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	8	0.12
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	9	0.12
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	10	0.12
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	14	0.12
(1,2097)	1:61:A:SER:H	1:76:A:ALA:HB1	17	0.12
(1,2097)	1:61:A:SER:H	1:76:A:ALA:HB2	17	0.12
(1,2097)	1:61:A:SER:H	1:76:A:ALA:HB3	17	0.12
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	13	0.12
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	13	0.12
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	13	0.12
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	17	0.12
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	17	0.12
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	17	0.12
(1,2061)	1:13:A:SER:H	1:12:A:SER:HB2	7	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2061)	1:13:A:SER:H	1:12:A:SER:HB3	7	0.12
(1,2012)	1:169:A:GLN:HB2	1:166:A:PHE:H	4	0.12
(1,2004)	1:238:A:ALA:H	1:192:A:TRP:HE1	1	0.12
(1,2004)	1:238:A:ALA:H	1:192:A:TRP:HE1	6	0.12
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB1	1:196:A:SER:H	18	0.12
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB2	1:196:A:SER:H	18	0.12
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB3	1:196:A:SER:H	18	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	13	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	13	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	13	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	15	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	15	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	15	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	17	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	17	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	17	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	18	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	18	0.12
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	18	0.12
(1,1978)	1:164:A:TYR:H	1:166:A:PHE:H	5	0.12
(1,1978)	1:164:A:TYR:H	1:166:A:PHE:H	20	0.12
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	9	0.12
(1,1950)	1:30:A:LYS:H	1:33:A:ASP:HA	5	0.12
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	8	0.12
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	20	0.12
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG21	7	0.12
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG22	7	0.12
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG23	7	0.12
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	6	0.12
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	17	0.12
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	2	0.12
(1,1930)	1:200:A:GLN:H	1:200:A:GLN:HG2	8	0.12
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	2	0.12
(1,1911)	1:30:A:LYS:H	1:30:A:LYS:HE3	12	0.12
(1,1891)	1:205:A:ASN:H	1:205:A:ASN:HD21	4	0.12
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	4	0.12
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	9	0.12
(1,1862)	1:29:A:ARG:HB3	1:29:A:ARG:H	12	0.12
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	10	0.12
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	11	0.12
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	20	0.12
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG11	1:194:A:ALA:H	17	0.12
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG12	1:194:A:ALA:H	17	0.12
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG13	1:194:A:ALA:H	17	0.12
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG21	1:194:A:ALA:H	17	0.12
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG22	1:194:A:ALA:H	17	0.12
(1,1849)	1:213:A:VAL:HG23	1:194:A:ALA:H	17	0.12
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG21	1:189:A:GLU:H	17	0.12
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG22	1:189:A:GLU:H	17	0.12
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG23	1:189:A:GLU:H	17	0.12
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	4	0.12
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	13	0.12
(1,1788)	1:179:A:PHE:H	1:128:A:GLY:HA2	1	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	9	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	9	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	9	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	10	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	10	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	10	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	15	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	15	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	15	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	20	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	20	0.12
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	20	0.12
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	1	0.12
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	3	0.12
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	5	0.12
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	7	0.12
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	16	0.12
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	19	0.12
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	2	0.12
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	2	0.12
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	2	0.12
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	9	0.12
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	9	0.12
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	9	0.12
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	10	0.12
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	10	0.12
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	10	0.12
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	1	0.12
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	7	0.12
(1,1702)	1:119:A:GLY:H	1:120:A:LYS:HB2	18	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD11	1:108:A:SER:H	16	0.12
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD12	1:108:A:SER:H	16	0.12
(1,1692)	1:114:A:LEU:HD13	1:108:A:SER:H	16	0.12
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	13	0.12
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	13	0.12
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	13	0.12
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	13	0.12
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	13	0.12
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	13	0.12
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD1	6	0.12
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD2	6	0.12
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD1	16	0.12
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD2	16	0.12
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:H	4	0.12
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:H	4	0.12
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:H	4	0.12
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:H	9	0.12
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:H	9	0.12
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:H	9	0.12
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	5	0.12
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	16	0.12
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	16	0.12
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	16	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	1	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	1	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	1	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	4	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	4	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	4	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	5	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	5	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	5	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	9	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	9	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	9	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	20	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	20	0.12
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	20	0.12
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	7	0.12
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	10	0.12
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	10	0.12
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE2	6	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1536)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HE3	6	0.12
(1,1510)	1:109:A:GLY:H	1:85:A:GLU:HB2	18	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	1	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	2	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	3	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	4	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	6	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	7	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	8	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	10	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	12	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	13	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	14	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	15	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	17	0.12
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	19	0.12
(1,1454)	1:27:A:TYR:H	1:38:A:ARG:H	5	0.12
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	10	0.12
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	10	0.12
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	13	0.12
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	13	0.12
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	19	0.12
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	19	0.12
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	16	0.12
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	16	0.12
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	16	0.12
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	17	0.12
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	17	0.12
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	17	0.12
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	4	0.12
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	4	0.12
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	4	0.12
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	13	0.12
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	13	0.12
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	13	0.12
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD1	1:20:A:ASN:H	10	0.12
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD2	1:20:A:ASN:H	10	0.12
(1,1413)	1:51:A:HIS:HB3	1:4:A:PHE:H	19	0.12
(1,1351)	1:217:A:ASN:H	1:220:A:ASN:H	8	0.12
(1,1339)	1:209:A:PHE:HD1	1:211:A:THR:H	13	0.12
(1,1339)	1:209:A:PHE:HD2	1:211:A:THR:H	13	0.12
(1,1332)	1:53:A:THR:H	1:54:A:ASN:H	9	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1332)	1:53:A:THR:H	1:54:A:ASN:H	16	0.12
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG21	1:163:A:ARG:H	1	0.12
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG22	1:163:A:ARG:H	1	0.12
(1,1278)	1:18:A:ILE:HG23	1:163:A:ARG:H	1	0.12
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	2	0.12
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	5	0.12
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	6	0.12
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	8	0.12
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	11	0.12
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	16	0.12
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	18	0.12
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	20	0.12
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	10	0.12
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	10	0.12
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	20	0.12
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	2	0.12
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	13	0.12
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	20	0.12
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD1	1:92:A:ALA:H	3	0.12
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD2	1:92:A:ALA:H	3	0.12
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD1	1:92:A:ALA:H	9	0.12
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD2	1:92:A:ALA:H	9	0.12
(1,1130)	1:20:A:ASN:H	1:20:A:ASN:HB3	14	0.12
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD11	1:50:A:ILE:H	14	0.12
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD12	1:50:A:ILE:H	14	0.12
(1,1118)	1:49:A:LEU:HD13	1:50:A:ILE:H	14	0.12
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	8	0.12
(1,1087)	1:62:A:VAL:HA	1:73:A:GLY:H	6	0.12
(1,1087)	1:62:A:VAL:HA	1:73:A:GLY:H	14	0.12
(1,1087)	1:62:A:VAL:HA	1:73:A:GLY:H	15	0.12
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	11	0.12
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	11	0.12
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	11	0.12
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	15	0.12
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	15	0.12
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	15	0.12
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	12	0.12
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	12	0.12
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	12	0.12
(1,1057)	1:54:A:ASN:HB3	1:56:A:ALA:H	5	0.12
(1,1057)	1:54:A:ASN:HB3	1:56:A:ALA:H	8	0.12
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	4	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	5	0.12
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	6	0.12
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	7	0.12
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	13	0.12
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	16	0.12
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	17	0.12
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	19	0.12
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	20	0.12
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	5	0.12
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	5	0.12
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	5	0.12
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD11	1:171:A:ILE:H	12	0.12
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD12	1:171:A:ILE:H	12	0.12
(1,1013)	1:171:A:ILE:HD13	1:171:A:ILE:H	12	0.12
(1,990)	1:9:A:ALA:H	1:6:A:LEU:HA	4	0.12
(1,961)	1:171:A:ILE:HG21	1:174:A:ARG:H	14	0.12
(1,961)	1:171:A:ILE:HG22	1:174:A:ARG:H	14	0.12
(1,961)	1:171:A:ILE:HG23	1:174:A:ARG:H	14	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	5	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	5	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	5	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	6	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	6	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	6	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	8	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	8	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	8	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	10	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	10	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	10	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	15	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	15	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	15	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	16	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	16	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	16	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	17	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	17	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	17	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	18	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	18	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	18	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	19	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	19	0.12
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	19	0.12
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	16	0.12
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	16	0.12
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	16	0.12
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	18	0.12
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	18	0.12
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	18	0.12
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	8	0.12
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	8	0.12
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	8	0.12
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	10	0.12
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	10	0.12
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	10	0.12
(1,908)	1:199:A:ILE:HD11	1:199:A:ILE:H	11	0.12
(1,908)	1:199:A:ILE:HD12	1:199:A:ILE:H	11	0.12
(1,908)	1:199:A:ILE:HD13	1:199:A:ILE:H	11	0.12
(1,861)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:H	2	0.12
(1,861)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:H	2	0.12
(1,861)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:H	2	0.12
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD21	2	0.12
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD22	2	0.12
(1,846)	1:200:A:GLN:H	1:31:A:LEU:HD23	2	0.12
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	1	0.12
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	2	0.12
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	6	0.12
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	10	0.12
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD1	9	0.12
(1,768)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:HD2	9	0.12
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	4	0.12
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	6	0.12
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	20	0.12
(1,707)	1:108:A:SER:HB2	1:109:A:GLY:H	11	0.12
(1,707)	1:108:A:SER:HB2	1:109:A:GLY:H	20	0.12
(1,698)	1:125:A:ILE:HD11	1:123:A:GLU:H	20	0.12
(1,698)	1:125:A:ILE:HD12	1:123:A:GLU:H	20	0.12
(1,698)	1:125:A:ILE:HD13	1:123:A:GLU:H	20	0.12
(1,675)	1:92:A:ALA:HA	1:95:A:VAL:H	7	0.12
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	6	0.12
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	6	0.12
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	6	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	1	0.12
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	7	0.12
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	8	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	6	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	6	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	6	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD21	1:132:A:LEU:H	6	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD22	1:132:A:LEU:H	6	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD23	1:132:A:LEU:H	6	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	17	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	17	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	17	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD21	1:132:A:LEU:H	17	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD22	1:132:A:LEU:H	17	0.12
(1,638)	1:6:A:LEU:HD23	1:132:A:LEU:H	17	0.12
(1,627)	1:16:A:VAL:HB	1:15:A:GLY:H	10	0.12
(1,620)	1:46:A:ARG:H	1:46:A:ARG:HG3	20	0.12
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	11	0.12
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	16	0.12
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	12	0.12
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	12	0.12
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	12	0.12
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	5	0.12
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	5	0.12
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	5	0.12
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	16	0.12
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	16	0.12
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	16	0.12
(1,583)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HG2	5	0.12
(1,583)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HG2	16	0.12
(1,576)	1:53:A:THR:HG21	1:58:A:GLU:H	2	0.12
(1,576)	1:53:A:THR:HG22	1:58:A:GLU:H	2	0.12
(1,576)	1:53:A:THR:HG23	1:58:A:GLU:H	2	0.12
(1,576)	1:53:A:THR:HG21	1:58:A:GLU:H	3	0.12
(1,576)	1:53:A:THR:HG22	1:58:A:GLU:H	3	0.12
(1,576)	1:53:A:THR:HG23	1:58:A:GLU:H	3	0.12
(1,529)	1:136:A:ILE:HG21	1:136:A:ILE:H	8	0.12
(1,529)	1:136:A:ILE:HG22	1:136:A:ILE:H	8	0.12
(1,529)	1:136:A:ILE:HG23	1:136:A:ILE:H	8	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	11	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	11	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	12	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	12	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	14	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	14	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	15	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	15	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	17	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	17	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	18	0.12
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	18	0.12
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	1	0.12
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	3	0.12
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	10	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	2	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	2	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	2	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	4	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	4	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	4	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	11	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	11	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	11	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	13	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	13	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	13	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	14	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	14	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	14	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	15	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	15	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	15	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	16	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	16	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	16	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	17	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	17	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	17	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	20	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	20	0.12
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	20	0.12
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	17	0.12
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	14	0.12
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	14	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	14	0.12
(1,419)	1:24:A:ALA:H	1:20:A:ASN:HA	8	0.12
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	4	0.12
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	4	0.12
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	4	0.12
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	12	0.12
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	12	0.12
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	12	0.12
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	4	0.12
(1,383)	1:76:A:ALA:HB1	1:79:A:THR:H	19	0.12
(1,383)	1:76:A:ALA:HB2	1:79:A:THR:H	19	0.12
(1,383)	1:76:A:ALA:HB3	1:79:A:THR:H	19	0.12
(1,352)	1:12:A:SER:HA	1:13:A:SER:H	20	0.12
(1,328)	1:3:A:SER:H	1:2:A:VAL:HB	9	0.12
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	6	0.12
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	6	0.12
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	6	0.12
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD11	7	0.12
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD12	7	0.12
(1,264)	1:129:A:LEU:H	1:129:A:LEU:HD13	7	0.12
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE2	12	0.12
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE3	12	0.12
(1,237)	1:209:A:PHE:HD1	1:210:A:GLU:H	2	0.12
(1,237)	1:209:A:PHE:HD2	1:210:A:GLU:H	2	0.12
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	1	0.12
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	10	0.12
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	15	0.12
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	13	0.12
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	5	0.12
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	5	0.12
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	5	0.12
(1,179)	1:196:A:SER:H	1:195:A:LEU:HG	2	0.12
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	4	0.12
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	4	0.12
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	4	0.12
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	13	0.12
(1,159)	1:53:A:THR:HB	1:5:A:ARG:H	1	0.12
(1,159)	1:53:A:THR:HB	1:5:A:ARG:H	3	0.12
(1,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HA	10	0.12
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	18	0.12
(1,107)	1:110:A:ASN:H	1:114:A:LEU:H	1	0.12
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	2	0.12

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	2	0.12
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	5	0.12
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	12	0.12
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	1	0.12
(1,98)	1:34:A:ILE:H	1:30:A:LYS:HA	5	0.12
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB2	14	0.12
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB3	14	0.12
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	5	0.12
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD11	16	0.12
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD12	16	0.12
(1,60)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HD13	16	0.12
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	4	0.12
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	10	0.12
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	11	0.12
(1,40)	1:44:A:SER:H	1:42:A:PRO:HG2	16	0.12
(1,40)	1:44:A:SER:H	1:42:A:PRO:HG3	16	0.12
(1,26)	1:102:A:LYS:H	1:103:A:VAL:H	8	0.12
(1,3)	1:192:A:TRP:H	1:191:A:SER:HB2	19	0.12
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	10	0.11
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	10	0.11
(4,197)	1:226:A:THR:HG21	1:212:A:PRO:HA	1	0.11
(4,197)	1:226:A:THR:HG22	1:212:A:PRO:HA	1	0.11
(4,197)	1:226:A:THR:HG23	1:212:A:PRO:HA	1	0.11
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	4	0.11
(4,171)	1:82:A:PHE:HB2	1:92:A:ALA:H	8	0.11
(4,136)	1:187:A:SER:HB2	1:184:A:ALA:H	10	0.11
(4,136)	1:187:A:SER:HB3	1:184:A:ALA:H	10	0.11
(4,130)	1:42:A:PRO:HB2	1:42:A:PRO:HD3	4	0.11
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	5	0.11
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	7	0.11
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	17	0.11
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE2	14	0.11
(4,68)	1:201:A:ILE:HD11	1:197:A:LYS:HE3	14	0.11
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE2	14	0.11
(4,68)	1:201:A:ILE:HD12	1:197:A:LYS:HE3	14	0.11
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE2	14	0.11
(4,68)	1:201:A:ILE:HD13	1:197:A:LYS:HE3	14	0.11
(4,52)	1:215:A:LEU:HB2	1:215:A:LEU:HA	19	0.11
(4,33)	1:228:A:VAL:HG21	1:230:A:ALA:H	4	0.11
(4,33)	1:228:A:VAL:HG22	1:230:A:ALA:H	4	0.11
(4,33)	1:228:A:VAL:HG23	1:230:A:ALA:H	4	0.11
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG12	18	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(4,14)	1:140:A:PHE:H	1:60:A:ILE:HG13	18	0.11
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	4	0.11
(4,12)	1:208:A:GLN:HE21	1:206:A:ASN:HA	15	0.11
(3,97)	1:191:A:SER:H	1:188:A:LEU:O	7	0.11
(3,97)	1:191:A:SER:H	1:188:A:LEU:O	11	0.11
(3,97)	1:191:A:SER:H	1:188:A:LEU:O	15	0.11
(3,97)	1:191:A:SER:H	1:188:A:LEU:O	19	0.11
(1,3232)	1:151:A:LEU:H	1:139:A:LEU:HG	7	0.11
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	13	0.11
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	13	0.11
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	13	0.11
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	20	0.11
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	20	0.11
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	20	0.11
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG21	1:153:A:VAL:H	17	0.11
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG22	1:153:A:VAL:H	17	0.11
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG23	1:153:A:VAL:H	17	0.11
(1,3065)	1:151:A:LEU:HB2	1:114:A:LEU:HB3	15	0.11
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	8	0.11
(1,3051)	1:108:A:SER:HA	1:109:A:GLY:HA2	1	0.11
(1,3051)	1:108:A:SER:HA	1:109:A:GLY:HA2	2	0.11
(1,3051)	1:108:A:SER:HA	1:109:A:GLY:HA2	4	0.11
(1,3051)	1:108:A:SER:HA	1:109:A:GLY:HA2	9	0.11
(1,3051)	1:108:A:SER:HA	1:109:A:GLY:HA2	20	0.11
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD21	1:106:A:PRO:HD2	4	0.11
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD22	1:106:A:PRO:HD2	4	0.11
(1,3042)	1:105:A:LEU:HD23	1:106:A:PRO:HD2	4	0.11
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	3	0.11
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	3	0.11
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	3	0.11
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG21	1:70:A:TYR:HA	10	0.11
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG22	1:70:A:TYR:HA	10	0.11
(1,2967)	1:71:A:VAL:HG23	1:70:A:TYR:HA	10	0.11
(1,2965)	1:68:A:ASN:H	1:69:A:VAL:HA	5	0.11
(1,2965)	1:68:A:ASN:H	1:69:A:VAL:HA	12	0.11
(1,2965)	1:68:A:ASN:H	1:69:A:VAL:HA	16	0.11
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	10	0.11
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	10	0.11
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	10	0.11
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	13	0.11
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	13	0.11
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	13	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2945)	1:60:A:ILE:HD11	1:136:A:ILE:H	8	0.11
(1,2945)	1:60:A:ILE:HD12	1:136:A:ILE:H	8	0.11
(1,2945)	1:60:A:ILE:HD13	1:136:A:ILE:H	8	0.11
(1,2847)	1:30:A:LYS:HA	1:30:A:LYS:HD2	17	0.11
(1,2847)	1:30:A:LYS:HA	1:30:A:LYS:HD2	19	0.11
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	11	0.11
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	14	0.11
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	2	0.11
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	7	0.11
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	8	0.11
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	11	0.11
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	19	0.11
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD11	1:133:A:ASP:HA	13	0.11
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD12	1:133:A:ASP:HA	13	0.11
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD13	1:133:A:ASP:HA	13	0.11
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD21	1:133:A:ASP:HA	13	0.11
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD22	1:133:A:ASP:HA	13	0.11
(1,2784)	1:6:A:LEU:HD23	1:133:A:ASP:HA	13	0.11
(1,2778)	1:9:A:ALA:HA	1:6:A:LEU:HA	19	0.11
(1,2767)	1:5:A:ARG:HA	1:5:A:ARG:HG2	2	0.11
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG11	1:2:A:VAL:HA	17	0.11
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG12	1:2:A:VAL:HA	17	0.11
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG13	1:2:A:VAL:HA	17	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG21	1:117:A:ALA:H	3	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG22	1:117:A:ALA:H	3	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG23	1:117:A:ALA:H	3	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG21	1:117:A:ALA:H	6	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG22	1:117:A:ALA:H	6	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG23	1:117:A:ALA:H	6	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG21	1:117:A:ALA:H	9	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG22	1:117:A:ALA:H	9	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG23	1:117:A:ALA:H	9	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG21	1:117:A:ALA:H	10	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG22	1:117:A:ALA:H	10	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG23	1:117:A:ALA:H	10	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG21	1:117:A:ALA:H	11	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG22	1:117:A:ALA:H	11	0.11
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG23	1:117:A:ALA:H	11	0.11
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	13	0.11
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	13	0.11
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	13	0.11
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HA	13	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HA	13	0.11
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HA	13	0.11
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB1	1:72:A:MET:HA	19	0.11
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB2	1:72:A:MET:HA	19	0.11
(1,2717)	1:88:A:ALA:HB3	1:72:A:MET:HA	19	0.11
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD11	1:161:A:ALA:HA	14	0.11
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD12	1:161:A:ALA:HA	14	0.11
(1,2678)	1:167:A:ILE:HD13	1:161:A:ALA:HA	14	0.11
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE1	1:144:A:ALA:HB1	6	0.11
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE1	1:144:A:ALA:HB2	6	0.11
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE1	1:144:A:ALA:HB3	6	0.11
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE2	1:144:A:ALA:HB1	6	0.11
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE2	1:144:A:ALA:HB2	6	0.11
(1,2656)	1:142:A:TYR:HE2	1:144:A:ALA:HB3	6	0.11
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	2	0.11
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	2	0.11
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	2	0.11
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	17	0.11
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	17	0.11
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	17	0.11
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD11	18	0.11
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD12	18	0.11
(1,2630)	1:64:A:ILE:H	1:49:A:LEU:HD13	18	0.11
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG2	1:26:A:PRO:HA	3	0.11
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG3	1:26:A:PRO:HA	3	0.11
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG2	1:26:A:PRO:HA	15	0.11
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG3	1:26:A:PRO:HA	15	0.11
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG2	1:26:A:PRO:HA	19	0.11
(1,2605)	1:26:A:PRO:HG3	1:26:A:PRO:HA	19	0.11
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD11	12	0.11
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD12	12	0.11
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD11	1:188:A:LEU:HD13	12	0.11
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD11	12	0.11
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD12	12	0.11
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD12	1:188:A:LEU:HD13	12	0.11
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD11	12	0.11
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD12	12	0.11
(1,2576)	1:167:A:ILE:HD13	1:188:A:LEU:HD13	12	0.11
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG21	20	0.11
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG22	20	0.11
(1,2564)	1:10:A:THR:HA	1:175:A:VAL:HG23	20	0.11
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	5	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	6	0.11
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	8	0.11
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	10	0.11
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	11	0.11
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	12	0.11
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	17	0.11
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	19	0.11
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	4	0.11
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	4	0.11
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	4	0.11
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	6	0.11
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	6	0.11
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	6	0.11
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	11	0.11
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	11	0.11
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	11	0.11
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE2	10	0.11
(1,2513)	1:149:A:SER:HB2	1:120:A:LYS:HE3	10	0.11
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE2	10	0.11
(1,2513)	1:149:A:SER:HB3	1:120:A:LYS:HE3	10	0.11
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG21	10	0.11
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG22	10	0.11
(1,2500)	1:10:A:THR:HA	1:10:A:THR:HG23	10	0.11
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	19	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	3	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	4	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	5	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	6	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	8	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	9	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	10	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	11	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	12	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	13	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	14	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	15	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	16	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	17	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	18	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	19	0.11
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	20	0.11
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	6	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	6	0.11
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	6	0.11
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	14	0.11
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	14	0.11
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	14	0.11
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	3	0.11
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	9	0.11
(1,2441)	1:225:A:ILE:HB	1:225:A:ILE:HA	12	0.11
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE2	4	0.11
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE2	4	0.11
(1,2425)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE2	4	0.11
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG21	1:2:A:VAL:HA	11	0.11
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG22	1:2:A:VAL:HA	11	0.11
(1,2407)	1:2:A:VAL:HG23	1:2:A:VAL:HA	11	0.11
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	1	0.11
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	1	0.11
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	1	0.11
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	6	0.11
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	6	0.11
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	6	0.11
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	8	0.11
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	8	0.11
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	8	0.11
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG21	19	0.11
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG22	19	0.11
(1,2318)	1:161:A:ALA:HA	1:167:A:ILE:HG23	19	0.11
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB1	1:102:A:LYS:HE3	11	0.11
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB2	1:102:A:LYS:HE3	11	0.11
(1,2302)	1:92:A:ALA:HB3	1:102:A:LYS:HE3	11	0.11
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	11	0.11
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	11	0.11
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	11	0.11
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	11	0.11
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	11	0.11
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	11	0.11
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	11	0.11
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	11	0.11
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	11	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD1	1:202:A:ALA:HB1	2	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD1	1:202:A:ALA:HB2	2	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD1	1:202:A:ALA:HB3	2	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD2	1:202:A:ALA:HB1	2	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD2	1:202:A:ALA:HB2	2	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD2	1:202:A:ALA:HB3	2	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD1	1:202:A:ALA:HB1	9	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD1	1:202:A:ALA:HB2	9	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD1	1:202:A:ALA:HB3	9	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD2	1:202:A:ALA:HB1	9	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD2	1:202:A:ALA:HB2	9	0.11
(1,2233)	1:209:A:PHE:HD2	1:202:A:ALA:HB3	9	0.11
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG21	2	0.11
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG22	2	0.11
(1,2205)	1:94:A:TYR:HB2	1:95:A:VAL:HG23	2	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE1	14	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE2	14	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE1	14	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE2	14	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE1	14	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE2	14	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE1	20	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE2	20	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE1	20	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE2	20	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE1	20	0.11
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE2	20	0.11
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD11	19	0.11
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD12	19	0.11
(1,2195)	1:155:A:ILE:HB	1:155:A:ILE:HD13	19	0.11
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	1	0.11
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	1	0.11
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	1	0.11
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	11	0.11
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	11	0.11
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	11	0.11
(1,2182)	1:226:A:THR:HG21	1:226:A:THR:H	20	0.11
(1,2182)	1:226:A:THR:HG22	1:226:A:THR:H	20	0.11
(1,2182)	1:226:A:THR:HG23	1:226:A:THR:H	20	0.11
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB1	1:114:A:LEU:HA	7	0.11
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB2	1:114:A:LEU:HA	7	0.11
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB3	1:114:A:LEU:HA	7	0.11
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB1	1:114:A:LEU:HA	18	0.11
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB2	1:114:A:LEU:HA	18	0.11
(1,2169)	1:117:A:ALA:HB3	1:114:A:LEU:HA	18	0.11
(1,2162)	1:50:A:ILE:HG21	1:2:A:VAL:HB	20	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2162)	1:50:A:ILE:HG22	1:2:A:VAL:HB	20	0.11
(1,2162)	1:50:A:ILE:HG23	1:2:A:VAL:HB	20	0.11
(1,2124)	1:133:A:ASP:HB2	1:132:A:LEU:H	13	0.11
(1,2122)	1:64:A:ILE:H	1:72:A:MET:HG2	7	0.11
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	1	0.11
(1,2107)	1:96:A:PHE:H	1:75:A:ARG:HD3	17	0.11
(1,2103)	1:234:A:THR:H	1:235:A:SER:HB2	3	0.11
(1,2103)	1:234:A:THR:H	1:235:A:SER:HB2	4	0.11
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	1	0.11
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	19	0.11
(1,2067)	1:74:A:TYR:H	1:81:A:TYR:HB3	6	0.11
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD11	1:52:A:LEU:H	6	0.11
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD12	1:52:A:LEU:H	6	0.11
(1,2066)	1:60:A:ILE:HD13	1:52:A:LEU:H	6	0.11
(1,2012)	1:169:A:GLN:HB2	1:166:A:PHE:H	19	0.11
(1,1992)	1:200:A:GLN:HB3	1:203:A:SER:H	1	0.11
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB1	1:196:A:SER:H	11	0.11
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB2	1:196:A:SER:H	11	0.11
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB3	1:196:A:SER:H	11	0.11
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	3	0.11
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	3	0.11
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	3	0.11
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG21	1:169:A:GLN:H	10	0.11
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG22	1:169:A:GLN:H	10	0.11
(1,1983)	1:18:A:ILE:HG23	1:169:A:GLN:H	10	0.11
(1,1980)	1:167:A:ILE:HB	1:164:A:TYR:H	15	0.11
(1,1978)	1:164:A:TYR:H	1:166:A:PHE:H	8	0.11
(1,1969)	1:139:A:LEU:HG	1:138:A:THR:H	20	0.11
(1,1954)	1:57:A:ASP:H	1:58:A:GLU:HB3	20	0.11
(1,1949)	1:29:A:ARG:H	1:37:A:LEU:HA	4	0.11
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG21	17	0.11
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG22	17	0.11
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG23	17	0.11
(1,1941)	1:7:A:SER:H	1:5:A:ARG:HD2	1	0.11
(1,1941)	1:7:A:SER:H	1:5:A:ARG:HD3	1	0.11
(1,1939)	1:50:A:ILE:HG13	1:2:A:VAL:H	18	0.11
(1,1929)	1:199:A:ILE:H	1:199:A:ILE:HG12	3	0.11
(1,1929)	1:199:A:ILE:H	1:199:A:ILE:HG12	17	0.11
(1,1901)	1:110:A:ASN:HD22	1:112:A:GLU:H	1	0.11
(1,1901)	1:110:A:ASN:HD22	1:112:A:GLU:H	5	0.11
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	3	0.11
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	6	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	13	0.11
(1,1856)	1:39:A:SER:HA	1:245:A:ASN:H	16	0.11
(1,1834)	1:221:A:GLN:H	1:221:A:GLN:HE22	2	0.11
(1,1813)	1:205:A:ASN:HB2	1:203:A:SER:H	4	0.11
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG21	1:189:A:GLU:H	11	0.11
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG22	1:189:A:GLU:H	11	0.11
(1,1798)	1:185:A:ILE:HG23	1:189:A:GLU:H	11	0.11
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	6	0.11
(1,1788)	1:179:A:PHE:H	1:128:A:GLY:HA2	17	0.11
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	5	0.11
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	5	0.11
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	5	0.11
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG21	1:160:A:GLU:H	6	0.11
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG22	1:160:A:GLU:H	6	0.11
(1,1763)	1:155:A:ILE:HG23	1:160:A:GLU:H	6	0.11
(1,1745)	1:146:A:SER:HA	1:150:A:ALA:H	3	0.11
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD1	8	0.11
(1,1737)	1:141:A:TYR:H	1:141:A:TYR:HD2	8	0.11
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	17	0.11
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	17	0.11
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	17	0.11
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	17	0.11
(1,1697)	1:110:A:ASN:HB3	1:112:A:GLU:H	14	0.11
(1,1691)	1:84:A:ASN:HB2	1:108:A:SER:H	16	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	2	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	2	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	2	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	2	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	2	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	2	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	5	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	5	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	5	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	5	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	5	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	5	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	7	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	7	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	7	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	7	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	7	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	7	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	10	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	10	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	10	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	10	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	10	0.11
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	10	0.11
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD1	2	0.11
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD2	2	0.11
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB1	1:95:A:VAL:H	1	0.11
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB2	1:95:A:VAL:H	1	0.11
(1,1677)	1:91:A:ALA:HB3	1:95:A:VAL:H	1	0.11
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	17	0.11
(1,1675)	1:94:A:TYR:H	1:93:A:LYS:HB3	20	0.11
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	6	0.11
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	6	0.11
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	6	0.11
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD11	7	0.11
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD12	7	0.11
(1,1581)	1:39:A:SER:H	1:41:A:LEU:HD13	7	0.11
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	12	0.11
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	12	0.11
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	12	0.11
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD11	2	0.11
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD12	2	0.11
(1,1543)	1:3:A:SER:H	1:21:A:LEU:HD13	2	0.11
(1,1542)	1:2:A:VAL:H	1:50:A:ILE:H	11	0.11
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD2	3	0.11
(1,1537)	1:173:A:LYS:H	1:173:A:LYS:HD3	3	0.11
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	11	0.11
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	16	0.11
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	20	0.11
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	17	0.11
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	17	0.11
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	17	0.11
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD1	1	0.11
(1,1451)	1:34:A:ILE:H	1:32:A:TYR:HD2	1	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	7	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	7	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	7	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	10	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	10	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	10	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	18	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	18	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	18	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	20	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	20	0.11
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	20	0.11
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD11	16	0.11
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD12	16	0.11
(1,1436)	1:17:A:PHE:H	1:18:A:ILE:HD13	16	0.11
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD1	1:20:A:ASN:H	11	0.11
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD2	1:20:A:ASN:H	11	0.11
(1,1414)	1:5:A:ARG:H	1:52:A:LEU:HA	5	0.11
(1,1344)	1:223:A:VAL:H	1:224:A:THR:H	13	0.11
(1,1332)	1:53:A:THR:H	1:54:A:ASN:H	7	0.11
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	4	0.11
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	6	0.11
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	7	0.11
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	11	0.11
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	17	0.11
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD11	1:164:A:TYR:H	11	0.11
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD12	1:164:A:TYR:H	11	0.11
(1,1268)	1:167:A:ILE:HD13	1:164:A:TYR:H	11	0.11
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB1	1:152:A:MET:H	2	0.11
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB2	1:152:A:MET:H	2	0.11
(1,1245)	1:150:A:ALA:HB3	1:152:A:MET:H	2	0.11
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	1	0.11
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	4	0.11
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	7	0.11
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	9	0.11
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	12	0.11
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	15	0.11
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	8	0.11
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	8	0.11
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	14	0.11
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	14	0.11
(1,1198)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:H	13	0.11
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	1	0.11
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	7	0.11
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	14	0.11
(1,1172)	1:169:A:GLN:HA	1:173:A:LYS:H	20	0.11
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	12	0.11
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	17	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD1	1:92:A:ALA:H	13	0.11
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD2	1:92:A:ALA:H	13	0.11
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	12	0.11
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	13	0.11
(1,1135)	1:206:A:ASN:HA	1:205:A:ASN:H	15	0.11
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD1	12	0.11
(1,1124)	1:84:A:ASN:H	1:107:A:TYR:HD2	12	0.11
(1,1116)	1:50:A:ILE:HG12	1:50:A:ILE:H	10	0.11
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	3	0.11
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	10	0.11
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	11	0.11
(1,1093)	1:73:A:GLY:H	1:64:A:ILE:HA	12	0.11
(1,1087)	1:62:A:VAL:HA	1:73:A:GLY:H	3	0.11
(1,1087)	1:62:A:VAL:HA	1:73:A:GLY:H	10	0.11
(1,1087)	1:62:A:VAL:HA	1:73:A:GLY:H	19	0.11
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	16	0.11
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	16	0.11
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	16	0.11
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB1	1:220:A:ASN:H	8	0.11
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB2	1:220:A:ASN:H	8	0.11
(1,1075)	1:218:A:ALA:HB3	1:220:A:ASN:H	8	0.11
(1,1057)	1:54:A:ASN:HB3	1:56:A:ALA:H	15	0.11
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	9	0.11
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	10	0.11
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	11	0.11
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	14	0.11
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	12	0.11
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	12	0.11
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	12	0.11
(1,1035)	1:22:A:ARG:H	1:162:A:ALA:HB1	16	0.11
(1,1035)	1:22:A:ARG:H	1:162:A:ALA:HB2	16	0.11
(1,1035)	1:22:A:ARG:H	1:162:A:ALA:HB3	16	0.11
(1,975)	1:42:A:PRO:HA	1:45:A:GLN:H	18	0.11
(1,961)	1:171:A:ILE:HG21	1:174:A:ARG:H	5	0.11
(1,961)	1:171:A:ILE:HG22	1:174:A:ARG:H	5	0.11
(1,961)	1:171:A:ILE:HG23	1:174:A:ARG:H	5	0.11
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	13	0.11
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	13	0.11
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	13	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	5	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	5	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	5	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	8	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	8	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	8	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	10	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	10	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	10	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG21	20	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG22	20	0.11
(1,944)	1:138:A:THR:H	1:137:A:THR:HG23	20	0.11
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	9	0.11
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	9	0.11
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	9	0.11
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	3	0.11
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	5	0.11
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	17	0.11
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	19	0.11
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	20	0.11
(1,836)	1:243:A:ARG:H	1:246:A:MET:H	3	0.11
(1,827)	1:78:A:ASP:HB2	1:100:A:LYS:H	17	0.11
(1,827)	1:78:A:ASP:HB2	1:100:A:LYS:H	20	0.11
(1,777)	1:64:A:ILE:HG12	1:48:A:ALA:H	9	0.11
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	8	0.11
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	15	0.11
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	6	0.11
(1,753)	1:147:A:ALA:H	1:145:A:ASN:HA	7	0.11
(1,732)	1:107:A:TYR:HB2	1:107:A:TYR:H	10	0.11
(1,732)	1:107:A:TYR:HB3	1:107:A:TYR:H	10	0.11
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	7	0.11
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	14	0.11
(1,729)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HA	8	0.11
(1,729)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HA	14	0.11
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	6	0.11
(1,707)	1:108:A:SER:HB2	1:109:A:GLY:H	19	0.11
(1,675)	1:92:A:ALA:HA	1:95:A:VAL:H	13	0.11
(1,675)	1:92:A:ALA:HA	1:95:A:VAL:H	14	0.11
(1,675)	1:92:A:ALA:HA	1:95:A:VAL:H	15	0.11
(1,653)	1:194:A:ALA:HB1	1:214:A:VAL:H	2	0.11
(1,653)	1:194:A:ALA:HB2	1:214:A:VAL:H	2	0.11
(1,653)	1:194:A:ALA:HB3	1:214:A:VAL:H	2	0.11
(1,646)	1:158:A:THR:H	1:157:A:SER:HA	13	0.11
(1,638)	1:6:A:LEU:HD11	1:132:A:LEU:H	4	0.11
(1,638)	1:6:A:LEU:HD12	1:132:A:LEU:H	4	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,638)	1:6:A:LEU:HD13	1:132:A:LEU:H	4	0.11
(1,638)	1:6:A:LEU:HD21	1:132:A:LEU:H	4	0.11
(1,638)	1:6:A:LEU:HD22	1:132:A:LEU:H	4	0.11
(1,638)	1:6:A:LEU:HD23	1:132:A:LEU:H	4	0.11
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	1	0.11
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	14	0.11
(1,598)	1:124:A:ASN:H	1:122:A:ARG:HA	7	0.11
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	4	0.11
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	4	0.11
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	4	0.11
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	18	0.11
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	18	0.11
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	18	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	4	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	4	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	4	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	8	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	8	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	8	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	9	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	9	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	9	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	12	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	12	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	12	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	15	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	15	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	15	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	18	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	18	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	18	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	19	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	19	0.11
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	19	0.11
(1,583)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HG2	1	0.11
(1,583)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HG2	14	0.11
(1,583)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HG2	17	0.11
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	7	0.11
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	7	0.11
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	19	0.11
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	19	0.11
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG2	20	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,509)	1:197:A:LYS:H	1:197:A:LYS:HG3	20	0.11
(1,492)	1:208:A:GLN:HE22	1:208:A:GLN:HA	3	0.11
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG21	5	0.11
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG22	5	0.11
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG23	5	0.11
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG21	11	0.11
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG22	11	0.11
(1,489)	1:239:A:LEU:H	1:34:A:ILE:HG23	11	0.11
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	2	0.11
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	7	0.11
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	11	0.11
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	13	0.11
(1,470)	1:162:A:ALA:H	1:160:A:GLU:H	18	0.11
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	10	0.11
(1,460)	1:60:A:ILE:HD11	1:60:A:ILE:H	5	0.11
(1,460)	1:60:A:ILE:HD12	1:60:A:ILE:H	5	0.11
(1,460)	1:60:A:ILE:HD13	1:60:A:ILE:H	5	0.11
(1,454)	1:9:A:ALA:HB1	1:14:A:TYR:H	7	0.11
(1,454)	1:9:A:ALA:HB2	1:14:A:TYR:H	7	0.11
(1,454)	1:9:A:ALA:HB3	1:14:A:TYR:H	7	0.11
(1,454)	1:9:A:ALA:HB1	1:14:A:TYR:H	17	0.11
(1,454)	1:9:A:ALA:HB2	1:14:A:TYR:H	17	0.11
(1,454)	1:9:A:ALA:HB3	1:14:A:TYR:H	17	0.11
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	12	0.11
(1,442)	1:62:A:VAL:H	1:52:A:LEU:H	13	0.11
(1,424)	1:25:A:LEU:HD21	1:24:A:ALA:H	17	0.11
(1,424)	1:25:A:LEU:HD22	1:24:A:ALA:H	17	0.11
(1,424)	1:25:A:LEU:HD23	1:24:A:ALA:H	17	0.11
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	20	0.11
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	20	0.11
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	20	0.11
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	6	0.11
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	6	0.11
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	6	0.11
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	11	0.11
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	11	0.11
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	11	0.11
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	13	0.11
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	13	0.11
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	13	0.11
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	6	0.11
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	7	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	11	0.11
(1,394)	1:2:A:VAL:H	1:49:A:LEU:H	15	0.11
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB1	11	0.11
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB2	11	0.11
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB3	11	0.11
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB1	15	0.11
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB2	15	0.11
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB3	15	0.11
(1,366)	1:55:A:TYR:HE1	1:55:A:TYR:H	3	0.11
(1,366)	1:55:A:TYR:HE2	1:55:A:TYR:H	3	0.11
(1,350)	1:10:A:THR:HA	1:13:A:SER:H	10	0.11
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	16	0.11
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	19	0.11
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	3	0.11
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	3	0.11
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	3	0.11
(1,242)	1:125:A:ILE:HD11	1:120:A:LYS:H	7	0.11
(1,242)	1:125:A:ILE:HD12	1:120:A:LYS:H	7	0.11
(1,242)	1:125:A:ILE:HD13	1:120:A:LYS:H	7	0.11
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD11	12	0.11
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD12	12	0.11
(1,222)	1:30:A:LYS:H	1:31:A:LEU:HD13	12	0.11
(1,221)	1:30:A:LYS:HB2	1:30:A:LYS:H	2	0.11
(1,221)	1:30:A:LYS:HB2	1:30:A:LYS:H	7	0.11
(1,221)	1:30:A:LYS:HB2	1:30:A:LYS:H	11	0.11
(1,221)	1:30:A:LYS:HB2	1:30:A:LYS:H	13	0.11
(1,221)	1:30:A:LYS:HB2	1:30:A:LYS:H	17	0.11
(1,194)	1:89:A:THR:HG21	1:88:A:ALA:H	18	0.11
(1,194)	1:89:A:THR:HG22	1:88:A:ALA:H	18	0.11
(1,194)	1:89:A:THR:HG23	1:88:A:ALA:H	18	0.11
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	4	0.11
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	17	0.11
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	17	0.11
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	17	0.11
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	7	0.11
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	14	0.11
(1,159)	1:53:A:THR:HB	1:5:A:ARG:H	6	0.11
(1,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HA	11	0.11
(1,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HA	17	0.11
(1,144)	1:141:A:TYR:H	1:137:A:THR:HA	20	0.11
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	9	0.11
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	17	0.11

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	19	0.11
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD11	12	0.11
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD12	12	0.11
(1,115)	1:2:A:VAL:H	1:21:A:LEU:HD13	12	0.11
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	9	0.11
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	13	0.11
(1,103)	1:110:A:ASN:H	1:109:A:GLY:HA3	16	0.11
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	8	0.11
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	11	0.11
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	14	0.11
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	16	0.11
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	19	0.11
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB2	17	0.11
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB3	17	0.11
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB2	18	0.11
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB3	18	0.11
(1,72)	1:25:A:LEU:H	1:26:A:PRO:HD2	8	0.11
(1,53)	1:51:A:HIS:H	1:3:A:SER:H	19	0.11
(1,24)	1:102:A:LYS:H	1:101:A:ARG:H	3	0.11
(1,24)	1:102:A:LYS:H	1:101:A:ARG:H	10	0.11
(1,3)	1:192:A:TRP:H	1:191:A:SER:HB2	14	0.11
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD1	7	0.1
(4,254)	1:74:A:TYR:H	1:82:A:PHE:HD2	7	0.1
(4,214)	1:14:A:TYR:HE1	1:169:A:GLN:H	3	0.1
(4,214)	1:14:A:TYR:HE2	1:169:A:GLN:H	3	0.1
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE1	18	0.1
(4,189)	1:93:A:LYS:H	1:94:A:TYR:HE2	18	0.1
(4,130)	1:42:A:PRO:HB2	1:42:A:PRO:HD3	16	0.1
(4,105)	1:3:A:SER:HB3	1:3:A:SER:H	19	0.1
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD21	20	0.1
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD22	20	0.1
(1,3210)	1:220:A:ASN:HA	1:183:A:LEU:HD23	20	0.1
(1,3167)	1:174:A:ARG:HB3	1:175:A:VAL:H	12	0.1
(1,3167)	1:174:A:ARG:HB3	1:175:A:VAL:H	18	0.1
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	8	0.1
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	8	0.1
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	8	0.1
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	14	0.1
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	14	0.1
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	14	0.1
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD11	17	0.1
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD12	17	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,3140)	1:151:A:LEU:H	1:151:A:LEU:HD13	17	0.1
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD11	4	0.1
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD12	4	0.1
(1,3091)	1:14:A:TYR:H	1:129:A:LEU:HD13	4	0.1
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG21	1:153:A:VAL:H	20	0.1
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG22	1:153:A:VAL:H	20	0.1
(1,3083)	1:125:A:ILE:HG23	1:153:A:VAL:H	20	0.1
(1,3053)	1:110:A:ASN:HA	1:114:A:LEU:HG	19	0.1
(1,3051)	1:108:A:SER:HA	1:109:A:GLY:HA2	5	0.1
(1,3051)	1:108:A:SER:HA	1:109:A:GLY:HA2	12	0.1
(1,2994)	1:83:A:PHE:H	1:82:A:PHE:HB2	2	0.1
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	3	0.1
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	3	0.1
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	3	0.1
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG21	1:47:A:TYR:HA	8	0.1
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG22	1:47:A:TYR:HA	8	0.1
(1,2960)	1:64:A:ILE:HG23	1:47:A:TYR:HA	8	0.1
(1,2951)	1:64:A:ILE:HB	1:65:A:ASP:H	3	0.1
(1,2951)	1:64:A:ILE:HB	1:65:A:ASP:H	6	0.1
(1,2951)	1:64:A:ILE:HB	1:65:A:ASP:H	8	0.1
(1,2951)	1:64:A:ILE:HB	1:65:A:ASP:H	11	0.1
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD11	1:140:A:PHE:HA	7	0.1
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD12	1:140:A:PHE:HA	7	0.1
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD13	1:140:A:PHE:HA	7	0.1
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD11	1:140:A:PHE:HA	12	0.1
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD12	1:140:A:PHE:HA	12	0.1
(1,2944)	1:60:A:ILE:HD13	1:140:A:PHE:HA	12	0.1
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD21	1:54:A:ASN:HB2	5	0.1
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD22	1:54:A:ASN:HB2	5	0.1
(1,2936)	1:6:A:LEU:HD23	1:54:A:ASN:HB2	5	0.1
(1,2896)	1:45:A:GLN:H	1:45:A:GLN:HG2	17	0.1
(1,2884)	1:40:A:THR:HG21	1:39:A:SER:H	6	0.1
(1,2884)	1:40:A:THR:HG22	1:39:A:SER:H	6	0.1
(1,2884)	1:40:A:THR:HG23	1:39:A:SER:H	6	0.1
(1,2841)	1:29:A:ARG:HA	1:28:A:GLU:HG3	19	0.1
(1,2818)	1:23:A:LYS:HG3	1:23:A:LYS:HA	10	0.1
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD1	3	0.1
(1,2782)	1:6:A:LEU:HA	1:4:A:PHE:HD2	3	0.1
(1,2778)	1:9:A:ALA:HA	1:6:A:LEU:HA	20	0.1
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG11	1:2:A:VAL:HA	1	0.1
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG12	1:2:A:VAL:HA	1	0.1
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG13	1:2:A:VAL:HA	1	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG11	1:2:A:VAL:HA	12	0.1
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG12	1:2:A:VAL:HA	12	0.1
(1,2754)	1:2:A:VAL:HG13	1:2:A:VAL:HA	12	0.1
(1,2739)	1:238:A:ALA:HB1	1:239:A:LEU:HG	4	0.1
(1,2739)	1:238:A:ALA:HB2	1:239:A:LEU:HG	4	0.1
(1,2739)	1:238:A:ALA:HB3	1:239:A:LEU:HG	4	0.1
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG21	1:117:A:ALA:H	12	0.1
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG22	1:117:A:ALA:H	12	0.1
(1,2737)	1:116:A:ILE:HG23	1:117:A:ALA:H	12	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	5	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	5	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	5	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	11	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	11	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	11	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	15	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	15	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	15	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD11	1:31:A:LEU:HA	18	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD12	1:31:A:LEU:HA	18	0.1
(1,2728)	1:31:A:LEU:HD13	1:31:A:LEU:HA	18	0.1
(1,2706)	1:63:A:ALA:HB1	1:73:A:GLY:H	4	0.1
(1,2706)	1:63:A:ALA:HB2	1:73:A:GLY:H	4	0.1
(1,2706)	1:63:A:ALA:HB3	1:73:A:GLY:H	4	0.1
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG21	16	0.1
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG22	16	0.1
(1,2675)	1:187:A:SER:H	1:186:A:ILE:HG23	16	0.1
(1,2652)	1:30:A:LYS:HG2	1:30:A:LYS:HE3	11	0.1
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG11	1:21:A:LEU:HA	1	0.1
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG12	1:21:A:LEU:HA	1	0.1
(1,2640)	1:2:A:VAL:HG13	1:21:A:LEU:HA	1	0.1
(1,2563)	1:194:A:ALA:HA	1:197:A:LYS:HE3	9	0.1
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	2	0.1
(1,2522)	1:39:A:SER:HA	1:39:A:SER:HB3	15	0.1
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG21	17	0.1
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG22	17	0.1
(1,2516)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:HG23	17	0.1
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD11	1:186:A:ILE:H	20	0.1
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD12	1:186:A:ILE:H	20	0.1
(1,2490)	1:186:A:ILE:HD13	1:186:A:ILE:H	20	0.1
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	9	0.1
(1,2486)	1:89:A:THR:HB	1:89:A:THR:H	18	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	1	0.1
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	2	0.1
(1,2485)	1:203:A:SER:HA	1:203:A:SER:HB3	7	0.1
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG21	2	0.1
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG22	2	0.1
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD11	1:69:A:VAL:HG23	2	0.1
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG21	2	0.1
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG22	2	0.1
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD12	1:69:A:VAL:HG23	2	0.1
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG21	2	0.1
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG22	2	0.1
(1,2468)	1:25:A:LEU:HD13	1:69:A:VAL:HG23	2	0.1
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE2	1	0.1
(1,2462)	1:100:A:LYS:HA	1:100:A:LYS:HE3	1	0.1
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB1	12	0.1
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB2	12	0.1
(1,2451)	1:60:A:ILE:HB	1:76:A:ALA:HB3	12	0.1
(1,2436)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:HA	10	0.1
(1,2436)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:HA	10	0.1
(1,2436)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:HA	10	0.1
(1,2385)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HG3	2	0.1
(1,2385)	1:45:A:GLN:HA	1:45:A:GLN:HG3	6	0.1
(1,2362)	1:224:A:THR:HA	1:224:A:THR:HG21	20	0.1
(1,2362)	1:224:A:THR:HA	1:224:A:THR:HG22	20	0.1
(1,2362)	1:224:A:THR:HA	1:224:A:THR:HG23	20	0.1
(1,2333)	1:129:A:LEU:HG	1:175:A:VAL:HA	16	0.1
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG21	1:181:A:PRO:HA	18	0.1
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG22	1:181:A:PRO:HA	18	0.1
(1,2330)	1:185:A:ILE:HG23	1:181:A:PRO:HA	18	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	5	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	5	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	5	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	5	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	5	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	5	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	5	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	5	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	5	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB1	15	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB2	15	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG21	1:230:A:ALA:HB3	15	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB1	15	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB2	15	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG22	1:230:A:ALA:HB3	15	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB1	15	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB2	15	0.1
(1,2252)	1:225:A:ILE:HG23	1:230:A:ALA:HB3	15	0.1
(1,2211)	1:223:A:VAL:HG11	1:223:A:VAL:HA	5	0.1
(1,2211)	1:223:A:VAL:HG12	1:223:A:VAL:HA	5	0.1
(1,2211)	1:223:A:VAL:HG13	1:223:A:VAL:HA	5	0.1
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG21	4	0.1
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG22	4	0.1
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD11	1:95:A:VAL:HG23	4	0.1
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG21	4	0.1
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG22	4	0.1
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD12	1:95:A:VAL:HG23	4	0.1
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG21	4	0.1
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG22	4	0.1
(1,2208)	1:49:A:LEU:HD13	1:95:A:VAL:HG23	4	0.1
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE1	2	0.1
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD11	1:83:A:PHE:HE2	2	0.1
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE1	2	0.1
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD12	1:83:A:PHE:HE2	2	0.1
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE1	2	0.1
(1,2197)	1:155:A:ILE:HD13	1:83:A:PHE:HE2	2	0.1
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD11	1:71:A:VAL:HB	8	0.1
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD12	1:71:A:VAL:HB	8	0.1
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD13	1:71:A:VAL:HB	8	0.1
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD11	1:71:A:VAL:HB	13	0.1
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD12	1:71:A:VAL:HB	13	0.1
(1,2194)	1:155:A:ILE:HD13	1:71:A:VAL:HB	13	0.1
(1,2185)	1:34:A:ILE:HG21	1:240:A:LEU:H	3	0.1
(1,2185)	1:34:A:ILE:HG22	1:240:A:LEU:H	3	0.1
(1,2185)	1:34:A:ILE:HG23	1:240:A:LEU:H	3	0.1
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	2	0.1
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	18	0.1
(1,2098)	1:21:A:LEU:HB3	1:19:A:SER:H	20	0.1
(1,2067)	1:74:A:TYR:H	1:81:A:TYR:HB3	20	0.1
(1,1998)	1:192:A:TRP:HA	1:192:A:TRP:HE1	15	0.1
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB1	1:196:A:SER:H	17	0.1
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB2	1:196:A:SER:H	17	0.1
(1,1989)	1:194:A:ALA:HB3	1:196:A:SER:H	17	0.1
(1,1987)	1:190:A:ASN:H	1:188:A:LEU:HB3	19	0.1
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG21	4	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG22	4	0.1
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG23	4	0.1
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG21	8	0.1
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG22	8	0.1
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG23	8	0.1
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG21	19	0.1
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG22	19	0.1
(1,1947)	1:23:A:LYS:H	1:18:A:ILE:HG23	19	0.1
(1,1917)	1:93:A:LYS:H	1:93:A:LYS:HE3	20	0.1
(1,1901)	1:110:A:ASN:HD22	1:112:A:GLU:H	18	0.1
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	5	0.1
(1,1889)	1:208:A:GLN:HE21	1:208:A:GLN:HA	10	0.1
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	17	0.1
(1,1859)	1:7:A:SER:HB3	1:8:A:GLY:H	19	0.1
(1,1799)	1:189:A:GLU:H	1:188:A:LEU:HG	7	0.1
(1,1796)	1:189:A:GLU:H	1:190:A:ASN:HA	10	0.1
(1,1757)	1:156:A:GLN:H	1:157:A:SER:HA	2	0.1
(1,1742)	1:146:A:SER:H	1:144:A:ALA:HA	17	0.1
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	9	0.1
(1,1735)	1:140:A:PHE:H	1:141:A:TYR:HA	20	0.1
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE1	1:133:A:ASP:H	10	0.1
(1,1723)	1:55:A:TYR:HE2	1:133:A:ASP:H	10	0.1
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG21	14	0.1
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG22	14	0.1
(1,1722)	1:131:A:ALA:H	1:171:A:ILE:HG23	14	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	4	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	4	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	4	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	4	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	4	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	4	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	6	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	6	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	6	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	6	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	6	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	6	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG21	1:97:A:LYS:H	12	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG22	1:97:A:LYS:H	12	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG23	1:97:A:LYS:H	12	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG11	1:97:A:LYS:H	12	0.1
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG12	1:97:A:LYS:H	12	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1681)	1:95:A:VAL:HG13	1:97:A:LYS:H	12	0.1
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD1	12	0.1
(1,1678)	1:95:A:VAL:H	1:94:A:TYR:HD2	12	0.1
(1,1634)	1:65:A:ASP:H	1:69:A:VAL:H	10	0.1
(1,1620)	1:74:A:TYR:HA	1:61:A:SER:H	16	0.1
(1,1601)	1:3:A:SER:HA	1:53:A:THR:H	18	0.1
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD11	16	0.1
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD12	16	0.1
(1,1553)	1:20:A:ASN:H	1:18:A:ILE:HD13	16	0.1
(1,1546)	1:17:A:PHE:HB2	1:5:A:ARG:H	17	0.1
(1,1506)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HB3	5	0.1
(1,1490)	1:60:A:ILE:HB	1:60:A:ILE:H	5	0.1
(1,1478)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HD3	1	0.1
(1,1478)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HD2	1	0.1
(1,1478)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HD3	18	0.1
(1,1478)	1:75:A:ARG:H	1:75:A:ARG:HD2	18	0.1
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB1	1:13:A:SER:H	14	0.1
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB2	1:13:A:SER:H	14	0.1
(1,1467)	1:9:A:ALA:HB3	1:13:A:SER:H	14	0.1
(1,1454)	1:27:A:TYR:H	1:38:A:ARG:H	11	0.1
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD11	9	0.1
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD12	9	0.1
(1,1441)	1:24:A:ALA:H	1:21:A:LEU:HD13	9	0.1
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD1	1:20:A:ASN:H	7	0.1
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD2	1:20:A:ASN:H	7	0.1
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD1	1:20:A:ASN:H	20	0.1
(1,1430)	1:17:A:PHE:HD2	1:20:A:ASN:H	20	0.1
(1,1332)	1:53:A:THR:H	1:54:A:ASN:H	6	0.1
(1,1315)	1:215:A:LEU:H	1:214:A:VAL:H	1	0.1
(1,1230)	1:99:A:ALA:H	1:98:A:ASP:HA	10	0.1
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE2	18	0.1
(1,1210)	1:97:A:LYS:H	1:97:A:LYS:HE3	18	0.1
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB2	9	0.1
(1,1202)	1:39:A:SER:H	1:38:A:ARG:HB3	9	0.1
(1,1198)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:H	7	0.1
(1,1198)	1:34:A:ILE:H	1:31:A:LEU:H	10	0.1
(1,1193)	1:35:A:PRO:HA	1:31:A:LEU:H	15	0.1
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	15	0.1
(1,1168)	1:139:A:LEU:HB3	1:142:A:TYR:H	16	0.1
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD1	1:92:A:ALA:H	16	0.1
(1,1151)	1:82:A:PHE:HD2	1:92:A:ALA:H	16	0.1
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	3	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	3	0.1
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	3	0.1
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG21	1:205:A:ASN:H	13	0.1
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG22	1:205:A:ASN:H	13	0.1
(1,1140)	1:201:A:ILE:HG23	1:205:A:ASN:H	13	0.1
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	6	0.1
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	6	0.1
(1,1085)	1:92:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	6	0.1
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB1	1:89:A:THR:H	10	0.1
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB2	1:89:A:THR:H	10	0.1
(1,1084)	1:91:A:ALA:HB3	1:89:A:THR:H	10	0.1
(1,1055)	1:55:A:TYR:HA	1:56:A:ALA:H	12	0.1
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD11	1:172:A:GLY:H	17	0.1
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD12	1:172:A:GLY:H	17	0.1
(1,1051)	1:171:A:ILE:HD13	1:172:A:GLY:H	17	0.1
(1,987)	1:240:A:LEU:H	1:240:A:LEU:HB2	4	0.1
(1,945)	1:138:A:THR:HG21	1:138:A:THR:H	3	0.1
(1,945)	1:138:A:THR:HG22	1:138:A:THR:H	3	0.1
(1,945)	1:138:A:THR:HG23	1:138:A:THR:H	3	0.1
(1,917)	1:64:A:ILE:HG21	1:70:A:TYR:H	4	0.1
(1,917)	1:64:A:ILE:HG22	1:70:A:TYR:H	4	0.1
(1,917)	1:64:A:ILE:HG23	1:70:A:TYR:H	4	0.1
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	10	0.1
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	16	0.1
(1,851)	1:223:A:VAL:H	1:223:A:VAL:HB	18	0.1
(1,836)	1:243:A:ARG:H	1:246:A:MET:H	20	0.1
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	4	0.1
(1,769)	1:108:A:SER:H	1:107:A:TYR:H	14	0.1
(1,733)	1:84:A:ASN:HB3	1:107:A:TYR:H	6	0.1
(1,730)	1:105:A:LEU:HA	1:107:A:TYR:H	5	0.1
(1,729)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HA	15	0.1
(1,729)	1:107:A:TYR:H	1:106:A:PRO:HA	19	0.1
(1,711)	1:182:A:SER:H	1:185:A:ILE:HG12	13	0.1
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB2	12	0.1
(1,667)	1:245:A:ASN:HD22	1:245:A:ASN:HB3	12	0.1
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	12	0.1
(1,618)	1:43:A:GLY:HA3	1:46:A:ARG:H	13	0.1
(1,593)	1:201:A:ILE:HD11	1:211:A:THR:H	16	0.1
(1,593)	1:201:A:ILE:HD12	1:211:A:THR:H	16	0.1
(1,593)	1:201:A:ILE:HD13	1:211:A:THR:H	16	0.1
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	2	0.1
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	2	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	2	0.1
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	14	0.1
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	14	0.1
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	14	0.1
(1,592)	1:211:A:THR:HG21	1:211:A:THR:H	17	0.1
(1,592)	1:211:A:THR:HG22	1:211:A:THR:H	17	0.1
(1,592)	1:211:A:THR:HG23	1:211:A:THR:H	17	0.1
(1,583)	1:169:A:GLN:H	1:169:A:GLN:HG2	20	0.1
(1,540)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:HG21	18	0.1
(1,540)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:HG22	18	0.1
(1,540)	1:140:A:PHE:H	1:136:A:ILE:HG23	18	0.1
(1,481)	1:6:A:LEU:HD21	1:54:A:ASN:H	6	0.1
(1,481)	1:6:A:LEU:HD22	1:54:A:ASN:H	6	0.1
(1,481)	1:6:A:LEU:HD23	1:54:A:ASN:H	6	0.1
(1,481)	1:6:A:LEU:HD21	1:54:A:ASN:H	10	0.1
(1,481)	1:6:A:LEU:HD22	1:54:A:ASN:H	10	0.1
(1,481)	1:6:A:LEU:HD23	1:54:A:ASN:H	10	0.1
(1,462)	1:113:A:ARG:H	1:115:A:GLN:H	5	0.1
(1,452)	1:14:A:TYR:H	1:11:A:SER:HA	11	0.1
(1,413)	1:201:A:ILE:HD11	1:202:A:ALA:H	19	0.1
(1,413)	1:201:A:ILE:HD12	1:202:A:ALA:H	19	0.1
(1,413)	1:201:A:ILE:HD13	1:202:A:ALA:H	19	0.1
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD11	16	0.1
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD12	16	0.1
(1,399)	1:128:A:GLY:H	1:171:A:ILE:HD13	16	0.1
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB1	20	0.1
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB2	20	0.1
(1,389)	1:49:A:LEU:H	1:48:A:ALA:HB3	20	0.1
(1,328)	1:3:A:SER:H	1:2:A:VAL:HB	13	0.1
(1,312)	1:184:A:ALA:H	1:182:A:SER:HA	4	0.1
(1,280)	1:146:A:SER:H	1:145:A:ASN:HB2	13	0.1
(1,280)	1:146:A:SER:H	1:145:A:ASN:HB3	13	0.1
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE2	14	0.1
(1,240)	1:120:A:LYS:H	1:120:A:LYS:HE3	14	0.1
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	17	0.1
(1,230)	1:101:A:ARG:H	1:79:A:THR:HA	20	0.1
(1,221)	1:30:A:LYS:HB2	1:30:A:LYS:H	16	0.1
(1,211)	1:245:A:ASN:HD21	1:39:A:SER:HA	6	0.1
(1,205)	1:50:A:ILE:HD11	1:62:A:VAL:H	5	0.1
(1,205)	1:50:A:ILE:HD12	1:62:A:VAL:H	5	0.1
(1,205)	1:50:A:ILE:HD13	1:62:A:VAL:H	5	0.1
(1,177)	1:194:A:ALA:HA	1:196:A:SER:H	6	0.1

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Model ID	Violation (Å)
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG21	1	0.1
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG22	1	0.1
(1,173)	1:201:A:ILE:H	1:204:A:THR:HG23	1	0.1
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	3	0.1
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	3	0.1
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD1	18	0.1
(1,162)	1:5:A:ARG:H	1:4:A:PHE:HD2	18	0.1
(1,160)	1:5:A:ARG:H	1:5:A:ARG:HD2	10	0.1
(1,137)	1:7:A:SER:HB3	1:6:A:LEU:H	3	0.1
(1,104)	1:110:A:ASN:H	1:113:A:ARG:HB2	8	0.1
(1,99)	1:16:A:VAL:H	1:14:A:TYR:H	15	0.1
(1,93)	1:16:A:VAL:H	1:13:A:SER:HA	2	0.1
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB2	1	0.1
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB3	1	0.1
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB2	9	0.1
(1,84)	1:139:A:LEU:H	1:140:A:PHE:HB3	9	0.1

10 Dihedral-angle violation analysis

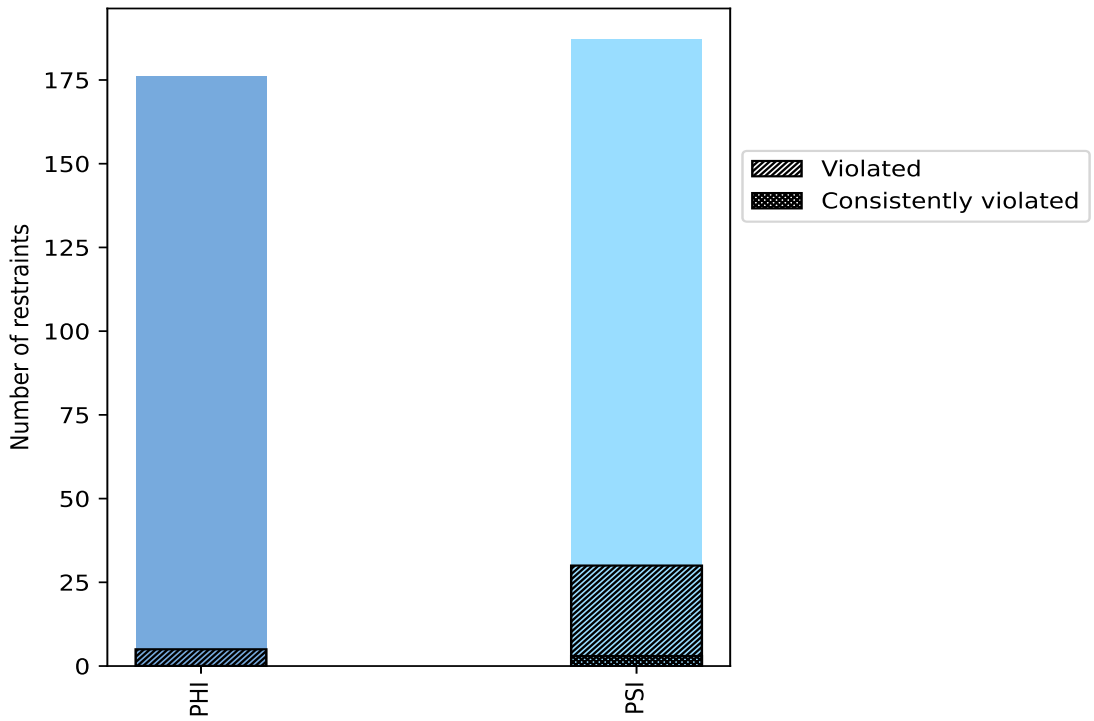
10.1 Summary of dihedral-angle violations

The following table provides the summary of dihedral-angle violations in different dihedral-angle types. Violations less than 1° are not included in the calculation.

Angle type	Count	%[1]	Violated[3]			Consistently Violated[4]		
			Count	%[2]	%[1]	Count	%[2]	%[1]
PHI	176	48.5	5	2.8	1.4	0	0.0	0.0
PSI	187	51.5	30	16.0	8.3	3	1.6	0.8
Total	363	100.0	35	9.6	9.6	3	0.8	0.8

[1] percentage calculated with respect to total number of dihedral-angle restraints, [2] percentage calculated with respect to number of restraints in a particular dihedral-angle type, [3] violated in at least one model, [4] violated in all the models

10.1.1 Bar chart : Distribution of dihedral-angles and violations



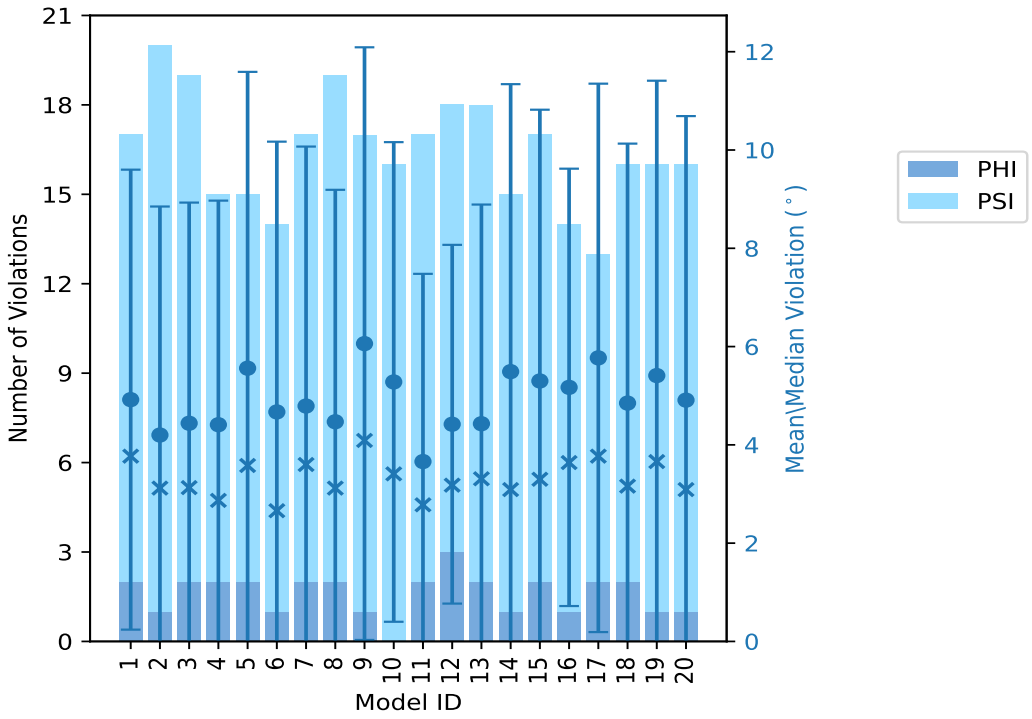
Violated and consistently violated restraints are shown using different hatch patterns in their respective categories

10.2 Dihedral-angle violation statistics for each model (i)

The following table provides the dihedral-angle violation statistics for each model in the ensemble. Violations less than 1° are not included in the statistics.

Model ID	Number of violations			Mean (°)	Max (°)	SD (°)	Median (°)
	PHI	PSI	Total				
1	2	15	17	4.92	21.05	4.68	3.77
2	1	19	20	4.2	18.02	4.65	3.12
3	2	17	19	4.44	22.01	4.49	3.13
4	2	13	15	4.41	16.52	4.56	2.87
5	2	13	15	5.56	21.14	6.03	3.58
6	1	13	14	4.67	21.12	5.5	2.66
7	2	15	17	4.79	20.65	5.28	3.6
8	2	17	19	4.47	23.16	4.72	3.12
9	1	16	17	6.06	23.66	6.03	4.09
10	0	16	16	5.28	21.81	4.88	3.41
11	2	15	17	3.66	17.82	3.82	2.78
12	3	15	18	4.42	18.11	3.65	3.18
13	2	16	18	4.43	20.9	4.46	3.31
14	1	14	15	5.49	21.11	5.85	3.09
15	2	15	17	5.3	21.63	5.52	3.3
16	1	13	14	5.17	18.47	4.45	3.64
17	2	11	13	5.77	22.0	5.58	3.77
18	2	14	16	4.85	21.31	5.28	3.16
19	1	15	16	5.41	22.85	6.0	3.66
20	1	15	16	4.91	23.98	5.78	3.09

10.2.1 Bar graph : Dihedral violation statistics for each model



The mean(dot),median(x) and the standard deviation are shown in blue with respect to the y axis on the right

10.3 Dihedral-angle violation statistics for the ensemble

Violation analysis may find that some restraints are violated in very few models and some are violated in most of models. The following table provides this information as number of violated restraints for a given fraction of ensemble.

Number of violated restraints			Fraction of the ensemble	
PHI	PSI	Total	Count[1]	%
1	5	6	1	5.0
0	3	3	2	10.0
0	2	2	3	15.0
2	2	4	4	20.0
0	0	0	5	25.0
0	3	3	6	30.0
0	0	0	7	35.0
0	0	0	8	40.0
1	1	2	9	45.0
0	0	0	10	50.0
0	0	0	11	55.0

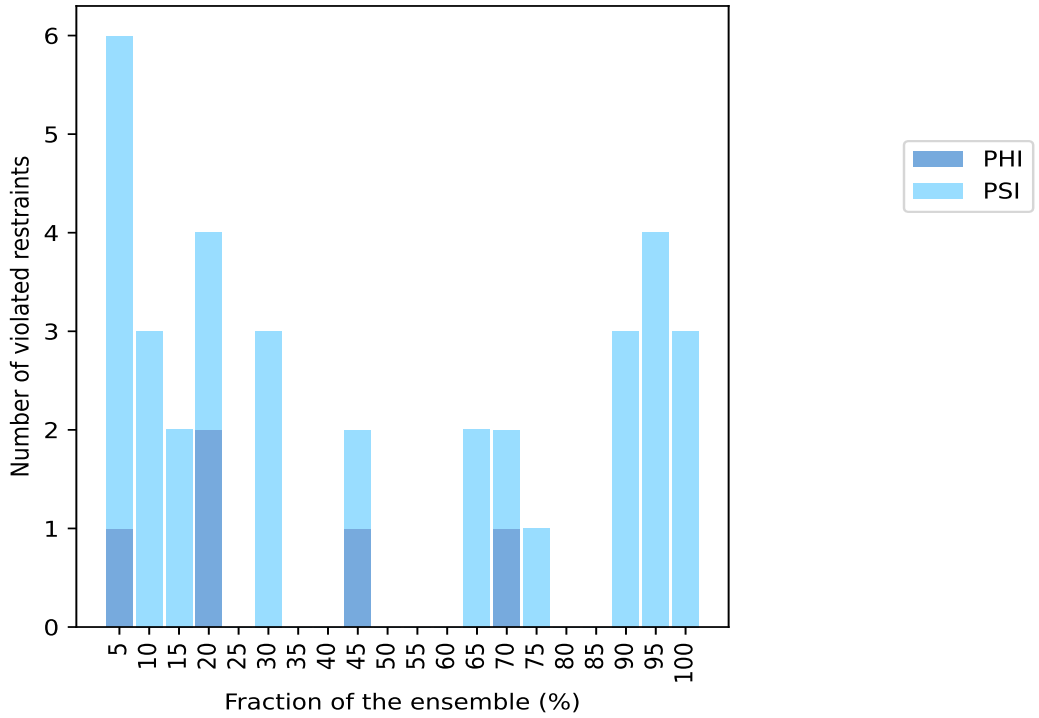
Continued on next page...

Continued from previous page...

Number of violated restraints			Fraction of the ensemble	
PHI	PSI	Total	Count[1]	%
0	0	0	12	60.0
0	2	2	13	65.0
1	1	2	14	70.0
0	1	1	15	75.0
0	0	0	16	80.0
0	0	0	17	85.0
0	3	3	18	90.0
0	4	4	19	95.0
0	3	3	20	100.0

[1] Number of models with violations

10.3.1 Bar graph : Dihedral-angle Violation statistics for the ensemble

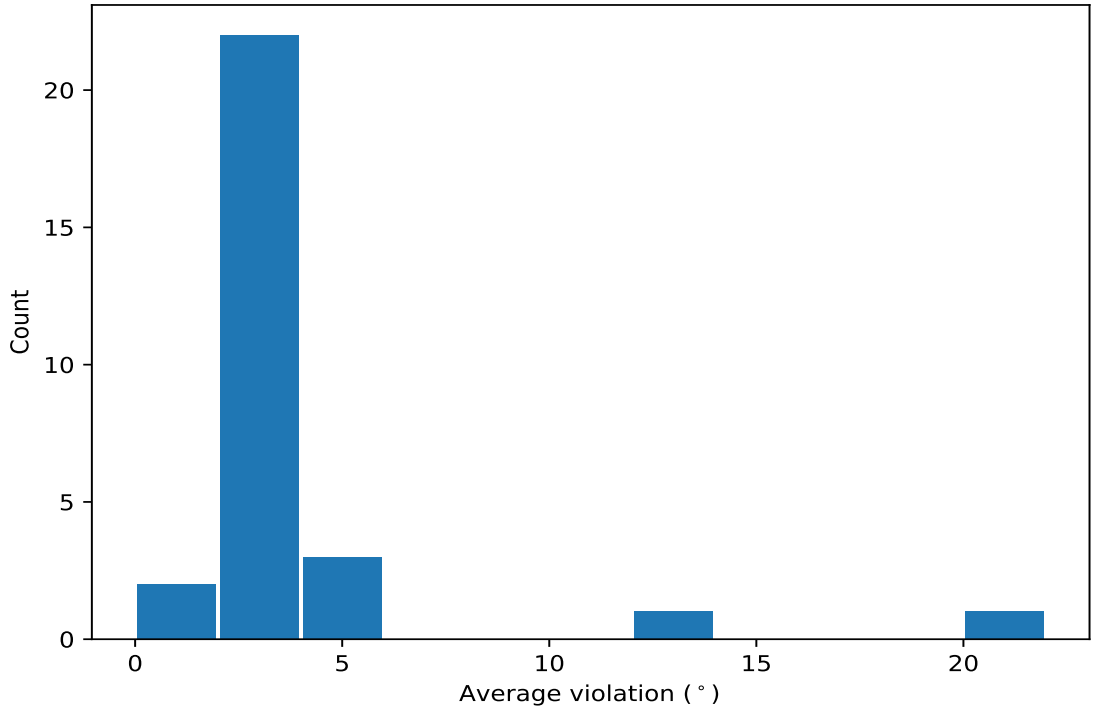


10.4 Most violated dihedral-angle restraints in the ensemble

10.4.1 Histogram : Distribution of mean dihedral-angle violations

The following histogram shows the distribution of the average value of the violation. The average is calculated for each restraint that is violated in more than one model over all the violated models

in the ensemble



10.4.2 Table: Most violated dihedral-angle restraints

The following table provides the mean and the standard deviation of the violation for each restraint sorted by number of violated models and the mean value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	20	20.87	2.01	21.13
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	20	13.36	5.08	14.24
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	20	4.74	1.08	4.62
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	19	4.11	1.11	4.09
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	19	3.99	1.85	3.51
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	19	3.69	0.79	3.57
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	19	3.57	1.24	3.64
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	18	3.51	1.79	3.44
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	18	3.03	1.32	3.22
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	18	2.97	1.09	3.18
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	15	2.84	1.33	2.61
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	14	2.78	0.81	2.8
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	14	2.27	0.86	2.26
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	13	3.18	1.56	2.56
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	13	1.97	0.65	1.73
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	9	3.11	1.1	2.38
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	9	2.1	0.79	1.82
(1,47)	1:26:A:PRO:N	1:26:A:PRO:CA	1:26:A:PRO:C	1:27:A:TYR:N	6	2.74	0.94	2.84
(1,328)	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	1:221:A:GLN:N	6	2.52	1.11	2.42
(1,178)	1:126:A:PRO:N	1:126:A:PRO:CA	1:126:A:PRO:C	1:127:A:LEU:N	6	2.28	0.98	2.13

Continued on next page...

Continued from previous page...

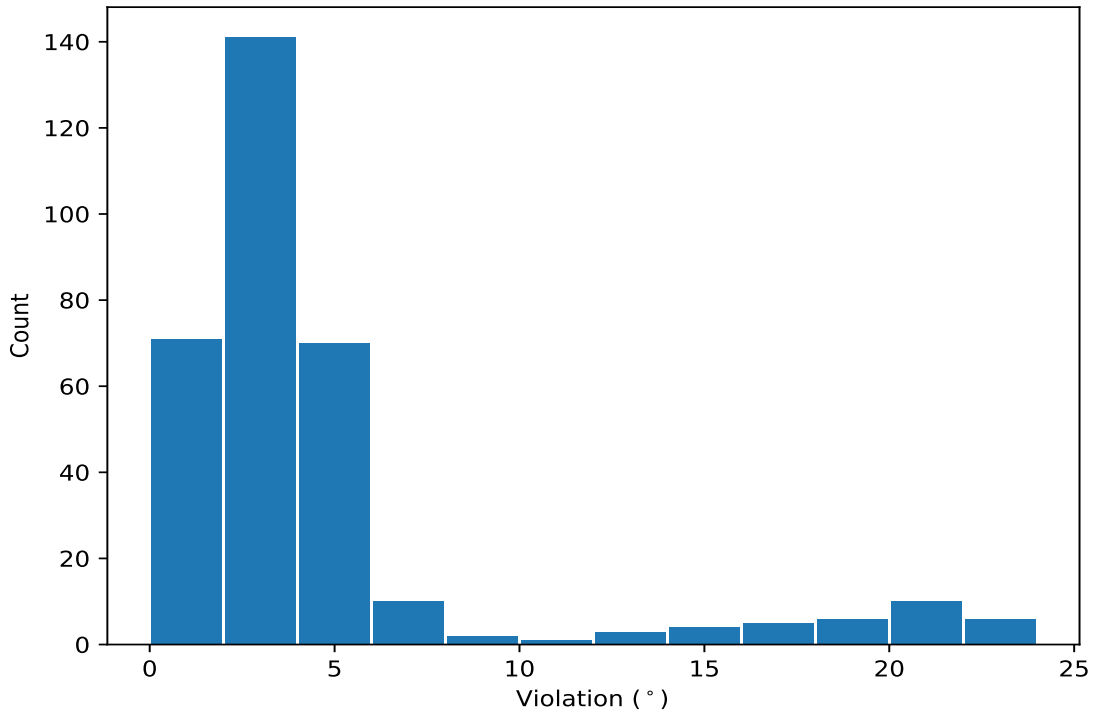
Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Models[1]	Mean	SD[2]	Median
(1,326)	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	4	4.84	2.17	5.38
(1,305)	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	4	2.12	1.11	1.64
(1,307)	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	1:208:A:GLN:N	4	2.04	0.69	2.02
(1,144)	1:103:A:VAL:N	1:103:A:VAL:CA	1:103:A:VAL:C	1:104:A:THR:N	4	1.44	0.44	1.33
(1,78)	1:50:A:ILE:N	1:50:A:ILE:CA	1:50:A:ILE:C	1:51:A:HIS:N	3	3.63	0.81	3.38
(1,331)	1:222:A:ARG:N	1:222:A:ARG:CA	1:222:A:ARG:C	1:223:A:VAL:N	3	3.39	1.59	2.7
(1,62)	1:36:A:LEU:N	1:36:A:LEU:CA	1:36:A:LEU:C	1:37:A:LEU:N	2	3.18	0.05	3.18
(1,76)	1:48:A:ALA:N	1:48:A:ALA:CA	1:48:A:ALA:C	1:49:A:LEU:N	2	2.74	0.35	2.74
(1,141)	1:101:A:ARG:N	1:101:A:ARG:CA	1:101:A:ARG:C	1:102:A:LYS:N	2	2.48	1.26	2.48

[1] Number of violated models, [2]Standard deviation, All angle values are in degree (°)

10.5 All violated dihedral-angle restraints

10.5.1 Histogram : Distribution of violations

The following histogram shows the distribution of the absolute value of the violation for all violated restraints in the ensemble.



10.5.2 Table: All violated dihedral-angle restraints

The following table lists the absolute value of the violation for each restraint in the ensemble sorted by its value. The Key (restraint list ID, restraint ID) is the unique identifier for a given restraint.

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	20	23.98
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	9	23.66
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	8	23.16
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	19	22.85
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	3	22.01
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	17	22.0
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	10	21.81
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	15	21.63
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	18	21.31
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	5	21.14
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	6	21.12
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	14	21.11
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	1	21.05
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	13	20.9
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	7	20.65
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	5	20.01
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	9	19.9
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	19	18.83
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	16	18.47
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	15	18.36
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	12	18.11
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	2	18.02
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	11	17.82
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	14	17.79
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	2	17.24
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	7	16.87
(1,58)	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	1:34:A:ILE:N	4	16.52
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	4	15.19
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	18	15.01
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	17	14.3
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	20	14.19
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	6	13.71
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	1	12.49
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	10	12.1
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	16	11.84
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	13	9.63
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	14	8.32
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	3	7.97
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	12	7.56
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	8	7.31
(1,326)	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	11	7.28
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	9	7.05
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	9	6.84
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	3	6.61
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	9	6.12
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	15	6.08
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	14	6.07
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	16	5.92
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	8	5.91
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	20	5.87
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	10	5.83
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	5	5.76

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	3	5.72
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	9	5.7
(1,326)	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	12	5.63
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	8	5.6
(1,331)	1:222:A:ARG:N	1:222:A:ARG:CA	1:222:A:ARG:C	1:223:A:VAL:N	2	5.59
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	16	5.59
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	10	5.55
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	1	5.53
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	10	5.5
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	13	5.45
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	13	5.41
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	17	5.3
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	19	5.28
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	12	5.24
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	19	5.22
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	7	5.21
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	18	5.16
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	14	5.14
(1,326)	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	8	5.12
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	17	5.08
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	12	5.05
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	9	5.02
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	8	5.0
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	5	4.99
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	3	4.98
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	15	4.96
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	6	4.94
(1,328)	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	1:221:A:GLN:N	9	4.79
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	2	4.79
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	12	4.73
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	16	4.72
(1,78)	1:50:A:ILE:N	1:50:A:ILE:CA	1:50:A:ILE:C	1:51:A:HIS:N	10	4.72
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	14	4.64
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	8	4.57
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	20	4.55
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	20	4.55
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	15	4.53
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	7	4.52
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	18	4.49
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	11	4.45
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	18	4.44
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	13	4.42
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	6	4.39
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	13	4.38
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	1	4.35
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	19	4.33
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	13	4.3
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	1	4.28
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	15	4.27
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	16	4.26
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	1	4.24

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	4	4.23
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	2	4.22
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	12	4.22
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	19	4.21
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	3	4.19
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	5	4.19
(1,47)	1:26:A:PRO:N	1:26:A:PRO:CA	1:26:A:PRO:C	1:27:A:TYR:N	11	4.15
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	9	4.09
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	7	4.09
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	1	4.06
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	17	4.03
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	17	4.02
(1,305)	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	7	4.01
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	16	4.0
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	18	3.96
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	7	3.95
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	5	3.92
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	12	3.91
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	20	3.9
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	19	3.86
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	1	3.83
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	18	3.79
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	17	3.77
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	7	3.77
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	1	3.77
(1,141)	1:101:A:ARG:N	1:101:A:ARG:CA	1:101:A:ARG:C	1:102:A:LYS:N	14	3.73
(1,260)	1:180:A:LEU:N	1:180:A:LEU:CA	1:180:A:LEU:C	1:181:A:PRO:N	15	3.69
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	19	3.69
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	3	3.68
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	2	3.68
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	17	3.66
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	9	3.65
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	6	3.64
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	19	3.64
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	4	3.61
(1,178)	1:126:A:PRO:N	1:126:A:PRO:CA	1:126:A:PRO:C	1:127:A:LEU:N	13	3.6
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	7	3.6
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	8	3.59
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	5	3.58
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	5	3.58
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	15	3.57
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	9	3.57
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	10	3.53
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	17	3.51
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	8	3.5
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	10	3.48
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	2	3.45
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	19	3.44
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	20	3.44
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	3	3.44
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	4	3.43

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	13	3.42
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	5	3.42
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	20	3.4
(1,78)	1:50:A:ILE:N	1:50:A:ILE:CA	1:50:A:ILE:C	1:51:A:HIS:N	5	3.38
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	18	3.36
(1,178)	1:126:A:PRO:N	1:126:A:PRO:CA	1:126:A:PRO:C	1:127:A:LEU:N	10	3.34
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	2	3.33
(1,47)	1:26:A:PRO:N	1:26:A:PRO:CA	1:26:A:PRO:C	1:27:A:TYR:N	2	3.33
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	1	3.31
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	10	3.31
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	15	3.3
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	16	3.29
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	3	3.25
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	16	3.24
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	15	3.24
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	4	3.22
(1,62)	1:36:A:LEU:N	1:36:A:LEU:CA	1:36:A:LEU:C	1:37:A:LEU:N	12	3.22
(1,47)	1:26:A:PRO:N	1:26:A:PRO:CA	1:26:A:PRO:C	1:27:A:TYR:N	10	3.21
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	13	3.2
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	15	3.19
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	16	3.14
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	12	3.13
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	3	3.13
(1,62)	1:36:A:LEU:N	1:36:A:LEU:CA	1:36:A:LEU:C	1:37:A:LEU:N	2	3.13
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	8	3.12
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	1	3.12
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	11	3.11
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	2	3.1
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	12	3.09
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	14	3.09
(1,76)	1:48:A:ALA:N	1:48:A:ALA:CA	1:48:A:ALA:C	1:49:A:LEU:N	5	3.09
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	11	3.07
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	13	3.06
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	11	3.05
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	10	3.04
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	4	3.03
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	19	3.02
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	1	3.02
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	11	2.98
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	14	2.97
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	18	2.95
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	17	2.93
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	15	2.93
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	4	2.87
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	6	2.85
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	3	2.85
(1,9)	1:7:A:SER:N	1:7:A:SER:CA	1:7:A:SER:C	1:8:A:GLY:N	6	2.84
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	8	2.83
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	1	2.81
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	15	2.81
(1,307)	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	1:208:A:GLN:N	17	2.79

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,78)	1:50:A:ILE:N	1:50:A:ILE:CA	1:50:A:ILE:C	1:51:A:HIS:N	8	2.79
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	11	2.78
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	20	2.78
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	9	2.76
(1,178)	1:126:A:PRO:N	1:126:A:PRO:CA	1:126:A:PRO:C	1:127:A:LEU:N	18	2.73
(1,331)	1:222:A:ARG:N	1:222:A:ARG:CA	1:222:A:ARG:C	1:223:A:VAL:N	9	2.7
(1,325)	1:219:A:GLN:N	1:219:A:GLN:CA	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	12	2.7
(1,307)	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	1:208:A:GLN:N	20	2.68
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	7	2.68
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	12	2.68
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	7	2.67
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	1	2.66
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	4	2.66
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	5	2.61
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	3	2.59
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	7	2.56
(1,328)	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	1:221:A:GLN:N	12	2.56
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	13	2.55
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	3	2.54
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	10	2.51
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	4	2.49
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	20	2.49
(1,328)	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	1:221:A:GLN:N	8	2.48
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	2	2.47
(1,47)	1:26:A:PRO:N	1:26:A:PRO:CA	1:26:A:PRO:C	1:27:A:TYR:N	6	2.47
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	3	2.45
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	15	2.43
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	12	2.42
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	9	2.4
(1,76)	1:48:A:ALA:N	1:48:A:ALA:CA	1:48:A:ALA:C	1:49:A:LEU:N	8	2.39
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	9	2.38
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	3	2.37
(1,328)	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	1:221:A:GLN:N	14	2.36
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	10	2.36
(1,97)	1:63:A:ALA:N	1:63:A:ALA:CA	1:63:A:ALA:C	1:64:A:ILE:N	11	2.3
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	16	2.28
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	15	2.27
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	10	2.27
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	14	2.24
(1,88)	1:57:A:ASP:N	1:57:A:ASP:CA	1:57:A:ASP:C	1:58:A:GLU:N	2	2.22
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	13	2.19
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	18	2.18
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	1	2.17
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	6	2.13
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	8	2.11
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	3	2.1
(1,144)	1:103:A:VAL:N	1:103:A:VAL:CA	1:103:A:VAL:C	1:104:A:THR:N	19	2.08
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	4	2.06
(1,47)	1:26:A:PRO:N	1:26:A:PRO:CA	1:26:A:PRO:C	1:27:A:TYR:N	3	2.06
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	18	2.05
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	19	2.05

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,309)	1:208:A:GLN:N	1:208:A:GLN:CA	1:208:A:GLN:C	1:209:A:PHE:N	16	2.02
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	13	2.0
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	7	1.99
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	11	1.97
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	4	1.92
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	19	1.91
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	20	1.91
(1,331)	1:222:A:ARG:N	1:222:A:ARG:CA	1:222:A:ARG:C	1:223:A:VAL:N	15	1.87
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	12	1.87
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	17	1.85
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	10	1.85
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	6	1.82
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	16	1.82
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	12	1.81
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	11	1.79
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	17	1.78
(1,312)	1:211:A:THR:N	1:211:A:THR:CA	1:211:A:THR:C	1:212:A:PRO:N	2	1.76
(1,306)	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	18	1.76
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	16	1.76
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	8	1.74
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	6	1.73
(1,305)	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	18	1.69
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	2	1.67
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	11	1.66
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	12	1.65
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	4	1.64
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	11	1.64
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	4	1.63
(1,328)	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	1:221:A:GLN:N	11	1.61
(1,144)	1:103:A:VAL:N	1:103:A:VAL:CA	1:103:A:VAL:C	1:104:A:THR:N	4	1.61
(1,305)	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	1	1.59
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	14	1.56
(1,178)	1:126:A:PRO:N	1:126:A:PRO:CA	1:126:A:PRO:C	1:127:A:LEU:N	2	1.53
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	18	1.51
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	13	1.5
(1,345)	1:230:A:ALA:N	1:230:A:ALA:CA	1:230:A:ALA:C	1:231:A:GLY:N	8	1.49
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	6	1.45
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	7	1.41
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	1	1.41
(1,307)	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	1:208:A:GLN:N	13	1.36
(1,328)	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	1:221:A:GLN:N	13	1.34
(1,326)	1:219:A:GLN:C	1:220:A:ASN:N	1:220:A:ASN:CA	1:220:A:ASN:C	9	1.34
(1,307)	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	1:208:A:GLN:N	3	1.34
(1,115)	1:79:A:THR:N	1:79:A:THR:CA	1:79:A:THR:C	1:80:A:SER:N	20	1.32
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	11	1.31
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	2	1.29
(1,178)	1:126:A:PRO:N	1:126:A:PRO:CA	1:126:A:PRO:C	1:127:A:LEU:N	20	1.29
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	5	1.26
(1,47)	1:26:A:PRO:N	1:26:A:PRO:CA	1:26:A:PRO:C	1:27:A:TYR:N	5	1.25
(1,178)	1:126:A:PRO:N	1:126:A:PRO:CA	1:126:A:PRO:C	1:127:A:LEU:N	11	1.22
(1,141)	1:101:A:ARG:N	1:101:A:ARG:CA	1:101:A:ARG:C	1:102:A:LYS:N	7	1.22

Continued on next page...

Continued from previous page...

Key	Atom-1	Atom-2	Atom-3	Atom-4	Model ID	Violation (°)
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	14	1.21
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	18	1.21
(1,56)	1:32:A:TYR:C	1:33:A:ASP:N	1:33:A:ASP:CA	1:33:A:ASP:C	20	1.2
(1,305)	1:206:A:ASN:C	1:207:A:GLY:N	1:207:A:GLY:CA	1:207:A:GLY:C	6	1.19
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	5	1.19
(1,10)	1:8:A:GLY:N	1:8:A:GLY:CA	1:8:A:GLY:C	1:9:A:ALA:N	7	1.19
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	2	1.12
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	6	1.12
(1,337)	1:225:A:ILE:N	1:225:A:ILE:CA	1:225:A:ILE:C	1:226:A:THR:N	7	1.11
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	8	1.11
(1,226)	1:157:A:SER:N	1:157:A:SER:CA	1:157:A:SER:C	1:158:A:THR:N	14	1.11
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	2	1.1
(1,168)	1:120:A:LYS:N	1:120:A:LYS:CA	1:120:A:LYS:C	1:121:A:ILE:N	19	1.1
(1,109)	1:74:A:TYR:N	1:74:A:TYR:CA	1:74:A:TYR:C	1:75:A:ARG:N	19	1.08
(1,304)	1:205:A:ASN:C	1:206:A:ASN:N	1:206:A:ASN:CA	1:206:A:ASN:C	8	1.07
(1,52)	1:30:A:LYS:N	1:30:A:LYS:CA	1:30:A:LYS:C	1:31:A:LEU:N	20	1.07
(1,341)	1:228:A:VAL:N	1:228:A:VAL:CA	1:228:A:VAL:C	1:229:A:ASP:N	13	1.06
(1,144)	1:103:A:VAL:N	1:103:A:VAL:CA	1:103:A:VAL:C	1:104:A:THR:N	3	1.05
(1,55)	1:31:A:LEU:C	1:32:A:TYR:N	1:32:A:TYR:CA	1:32:A:TYR:C	14	1.02
(1,144)	1:103:A:VAL:N	1:103:A:VAL:CA	1:103:A:VAL:C	1:104:A:THR:N	2	1.01
(1,317)	1:214:A:VAL:N	1:214:A:VAL:CA	1:214:A:VAL:C	1:215:A:LEU:N	15	1.0
(1,142)	1:102:A:LYS:N	1:102:A:LYS:CA	1:102:A:LYS:C	1:103:A:VAL:N	9	1.0